PCT

世界知的所有権機関

国際 事務局



特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(51) 国際特許分類6 C12N 15/11, C12Q 1/68 // G01N 33/566 (11) 国際公開番号 WO 95/14772 (43) 国際公開日 1995年6月1日 (01.06.95)

(21) 国際出願番号

PCT/JP94/01916

(22) 国際出願日 1994年11月11日(11.11.94)

(30) 優先権データ

特願平5/355504

1993年11月12日(12.11.93)

JР

(71) 出願人;および

(72) 発明者

松原謙一(MATSUBARA, Kenichi)[JP/JP] 〒565 大阪府吹田市山田東3-18-1-804 Osaka, (JP) 大久保公策(OKUBO, Kousaku)[JP/JP] 〒562 大阪府箕面市瀬川2-11-26 Osaka, (JP) (74) 代理人

弁理士 吉田研二,外(YOSHIDA, Kenji et al.)〒180 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 Tokyo, (JP)

(81) 指定国

AM, AU, BB, BG, BR, BY, CA, CN, CZ, EE, FI, GE, HU, JP, KG, KR, KZ, LK, LR, LT, LV, MD, MG, MN, NO, NZ, PL, RO, RU, SI, SK, TJ, TT, UA, US, UZ, VN, 欧州特許(AT, BE, CH, DE, DK, ES, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE). OAPI特許(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, ML, MR, NE, SN, TD, TG), ARIPO特許(KE, MW, SD, SZ).

添付公開書類

国際調査報告書

補正書

(54) Title: GENE SIGNATURE

(54) 発明の名称 ジーン・シグナチャー

(57) Abstract

A 3'-directed cDNA library which accurately reflects the abundance ratio of mRNA in a cell has been prepared from various human tissues, and sequencing of the cDNAs contained in the library has been conducted to examine the incidence of each cDNA in each tissue. As each cDNA has expression information with each tissue corresponding to the mRNA concentration, these cDNAs are usable as a probe or primer for detecting cell anomaly or discriminating cells. The cloned gene can produce proteins utilizable as a medicine or the like.

(57) 要約

種々のヒト組織から、mRNAの細胞内の存在割合を忠実に反映する3'指向 c DNAライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれる c DNAを配列決 定し、組織毎の各 c DNAの出現頻度を調べた。各 c DNAにはmRNA濃度に対応する組織毎の発現情報が付加されているので、該 c DNAは、細胞の異常を検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。またクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質を産生可能である。

情報としての用途のみ

PCTに基づいて公開される国際出願をパンフレット第一頁にPCT加盟国を同定するために使用されるコード

明細書

発明の名称

ジーン・シグナチャー

技術分野

本願発明は、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAもしくはヒトmRNAの特定の部位と特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖または該一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。本願発明のDNAは、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができる。本願発明はさらに医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされた遺伝子を含むものである。

背景技術

本願発明者らは「細胞の性質は遺伝子の発現パターンの違いによって決定される」というmRNAの最も基本的な属性に着目し、独自のアプローチである「ボディーマッピング(body mapping)」を提唱した。これはヒト体内に約200あるとされている細胞、臓器の「遺伝子の発現情報」を作成、ある遺伝子がいつ、どこで、どの程度発現しているかを明らかにし、遺伝子をそれぞれの発現臓器にマップするという全く新しい試みである。

生体の種々の細胞はその役割に応じて様々なタンパク質を発現しているが、細胞内に存在するタンパク質の濃度は、同一個体内の細胞でも、細胞の種類、発生及び分化の状態、環境等によって異なる。

ところで、遺伝子は、一般に「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺

伝子」と「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」とに分類される。このうち、「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺伝子」は、一般にあらゆる種類の細胞で定常的に発現しており、これらの遺伝子は「ハウスキーピング遺伝子(housekeeping genes)」と呼ばれている。一方、「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」は、特定の種類の細胞または特定のグループに属する細胞において特異的に発現していることが多く、また、発生、分化の特定のステージで特異的に発現することもある。また、細胞の置かれた環境によって発現量が変化する「誘発可能な遺伝子(inducible genes)」であることが多い。これを逆に言えば、「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺伝子」が発現することによって細胞が生育し、「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」発現することによって細胞固有の機能が現出されているといえる。

ところが、疾病、感染等により細胞が異常な状態になると、各細胞内の遺伝子の発現の状態が正常時と比べて変化する。特にウイルスの感染時においては、ウイルス固有のタンパク質をコードするRNAが細胞内で大量に合成され、該蛋白が大量に生産される。これを逆に言えば、細胞内の遺伝子の発現レベルの変化、とりわけ細胞内のmRNAの濃度の変化が、細胞を疾病等の異常な状態に導くといえる。

このように、生体内の各細胞の機能と細胞内の遺伝子の発現の状態とは表裏一体の関係にある。従って、分子レベルで各細胞の機能を解明したり疾病の原因を究明したりする際には、細胞内の遺伝子の発現の状態、特に細胞内の各mRNAの濃度を把握することが重要である。

このための1つのアプローチとして、細胞内の全タンパク質を抽出して、その発現の状態を解析することが原理的には考えられる。しかし、特定のタンパク質については単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のタンパク質が発現しているため、これらのタンパク質を完全に分離し、その発現量を直接測定することは殆ど不可能である。

また、別のアプローチとして、細胞内のタンパク質濃度に対応する細胞内のm RNA濃度を直接測定することが考えられる。しかし、特定のmRNAについては、単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のmRN Aが合成されているうえ、mRNAは抽出の際に酵素による分解をうけやすいなど不安定なものであるため、これらのmRNAを完全に分離し、その合成量を直接測定することはほとんど不可能である。

本願発明は、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためのプライマーもしはプローブなどに用いることができるDNAを提供することを目的とする。さらには医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたDNAを提供することを目的とする。

発明の開示

一般に、遺伝情報の流れはDNA→mRNA→タンパク質の順である(セントラルドグマ、1958年、F. H. C. クリックが提唱)。即ち、DNA上の「タンパク質のアミノ酸配列情報」は、mRNAに一旦転写されてからタンパク質に翻訳される。

更に詳細に述べると、哺乳動物の遺伝子には通常、タンパク質をコードする領域と、遺伝子の発現を制御する領域とが含まれている。遺伝子中のタンパク質をコードする領域は(「エクソン」と呼ばれる)、介在配列(「イントロン」と呼ばれる)によって分断されていることが多い。遺伝子がRNAに転写される際に、前駆体RNA(pre-mRNA)中のイントロンが除去され、エクソンは特定のタンパク質をコードする一連のものとしてタンデムに接続される(これを「スプライシング」という)。一方遺伝子の発現を制御する領域としては、転写領域上流に存在するプロモーター、オペレーターなどの転写を直接制御する領域の他に、転写

される領域内のコード領域の上流(5'側)および下流(3'側)に位置する非翻訳領域があげられる。特に、3'側の非翻訳領域(3'UTR)は、mRNAの輸送および安定性などに寄与しており発現の制御に重要である。pre-mRNAのプロセッシングの過程で、5'側末端にはキャップ付加が行われ、3'側の非翻訳領域は特異的な切断を受け、切断部位に通常100~200個のアデニル酸が付加し、ポリ(A)テイルが形成され、またコード領域がスプライシングによって接続されて、mRNAが合成される。合成されたmRNAにリボソームが付加し、タンパク質の合成が行われる。

本願発明者らは、一般に、細胞内の特定のmRNAの存在割合が高いときは、それに対応するタンパク質の発現量も多くなるので、細胞内の各mRNAの存在割合を検出することによって、細胞内の各タンパク質の存在割合を検出することが可能であることを明らかにしている (DNA sequence 2 p. 137-144 (1991)、Nature genetics 2 p. 173-179 (1992))。

本願発明においても、基本的には常法の如く、逆転写酵素(reverse transcriptase)を用いて、特定の細胞から抽出したmRNAに相 補的なcDNAを合成するものであるが、本願発明においては本願発明者らが開発した方法、すなわちmRNAの存在割合が対応するcDNAの存在割合に反映するようにcDNAを合成し、cDNAライブラリーを作成することによって、全mRNAに対応したcDNA群をクローニングし、該ライブラリーを配列決定するという方法を用いる。

なお、本願発明者らのアプローチと一見類似するが、全く異質のアプローチとして、ベンターらのランダムプライミングによって取得した c DNAライブラリーのクローニングが挙げられる。

ベンターらのグループは、市販の脳細胞由来の c D N A ライブラリー (米国カリフォルニア州ストラテジーン社、カタログ番号936206、936205又は935) から、ランダムに c D N A をクローニングし、塩基配列を決定してい

5 (Science <u>252</u> p. 1651-1656 (1991), Nature 355 p. 632-634 (1992)).

ベンターらの方法は、ランダムプライミングによって得られた c DNAを無作 為に配列決定しているが、この方法によれば、

①1本のmRNAの様々な領域をランダムにクローニングするので、1本のmRNAから重複する部分がない多くのcDNA断片が生じ、これらのcDNA断片が同一のmRNAに由来するのか、異なるmRNAに由来するのか区別できない。②mRNAが長いほどそのmRNA由来のcDNAが合成される確率が上がる。③ランダムプライマーに含まれる各プライマーの塩基配列によってプライマーとして使用される頻度が異なり、cDNAの合成頻度にばらつきが生じる。

等の理由から、各cDNAの出現頻度は、各mRNAの存在割合に対応しないものとなってしまう。従って、ベンターらの方法によっては、仮に無作為のクローニングの際の各cDNAの出現頻度をとったとしても細胞内の各mRNAの存在割合を検出することは不可能であり、細胞内のタンパク質の存在状態を知ることは不可能である。

しかし、本願発明者らの開発した方法によりDNAライブラリーを作成すれば、上記問題点が全て解決され、mRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリーが作成可能である。本願発明においては、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成している。cDNAの3'末端には「ポリAテイル(poly Atail)」と呼ばれる、Aが連続した構造が存在するので、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成すれば、必ず3'末端からcDNAの合成が開始され、3'末端側のcDNAが合成される。また、mRNAの3'末端の大半がそのmRNA独自のものであり、他の種類のmRNAには存在しないものであるので、(Birnstiel et al., Cell. 41. 349-359(1985))、3'末端側のcDNAはほとんどが特定のmRNAのみにハイブリダイズするものとなる。cDNAを合成後、制限酵素Mbol(4塩基を認識し切断する)でcDNAを切断すれば、3'側から最初のMbol部位までのcDNAが作成される。

なお、本願明細書中においては、このようにしてクローニングした「細胞内のm RNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリー」に含まれる各々のcDNAを「ジーンシグナチャー(gene signature)(以下GSと略称する)と称する。ただし、GSには二本鎖DNAばかりでなく、それぞれの一本鎖も含まれる。

本願発明は、配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖、または該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA、もしくはヒトmRNAの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖またはこれらの一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。また、本願発明は、該一本鎖DNAからなるプローブ、プライマーに関する。更に本願発明は、「配列番号1から7837に記載された塩基配列(ただしてをひと読み変える)のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3.側に含むヒトmRNA」に相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖、または該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA、若しくはヒトmRNAの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはこれらの一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。また、本願発明は一本鎖DNAからなるプローブ、プライマーに関する。

以下、本願発明をより詳細に説明する。

本願発明のDNAは、配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖ばかりではなく、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA又はヒトmRNAとハイブリダイズすれば配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を「含む」一本鎖DNAであってもよい。

さらに、本願発明のDNAは、「配列番号1から7837に記載された塩基配列 (ただしTをUと読み替える) のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側

に含むヒトmRNA」に相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖ばかりではなく、該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒト、RNAとハイブリダイズする一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含む一本鎖DNAであってもよい。

さらに、それらのDNAは一本鎖のものばかりではなく、その相補鎖または、 該一本鎖DNAとその相補鎖からなる二本鎖DNAも含まれる。

なお、ここでいう「含む」とは①「各配列番号に記載されている塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」または②「各配列番号に記載された塩基配列(ただしTをUと読み替える)のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側に含むヒトmRNAに相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」が、本願発明のDNAに「連続して含まれている」場所が一ヶ所であることのみを表わすものでないことは明白である。すなわち、「含む」とは、本願発明のDNAに存在する前記①の塩基配列または前記②の塩基配列の間に、他の塩基の挿入が存在する場合等も該当することは明らかである。

なお、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とのハイブリダイズの条件は、通常行われている条件を適用することができる(例えば、Molecular Cloning: A Laboratory Manual、Sambrookら、Cold Spring Habor Labratory Press、1989)。

次に、各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映するcDNAライブラリーの作成方法および全mRNAに対応したcDNA群のクローニング方法、ならびに各cDNAの塩基配列の決定方法についての一例を下記に記載する。

まず、特定の組織に由来する細胞、例えば臓器由来の細胞、例えば、ヒト肝臓 由来細胞(HepG2)を培養し、常法に従って、全mRNAを単離する。次い で、得られたmRNAをcDNAライブラリー作成のためのベクターに挿入する。 例えばpUC19(クローニング部位側にM13の配列を有する)には、下記

の方法で挿入する。

すなわち、pUC19をHincllおよびPstlで開裂し、Pstl切断末端に20bpから30のbp程度のポリTを付加し、そこにmRNAの3'側のポリAをハイブリダイズさせる(図1a)。そして、常法により逆転写酵素を用いてDNA鎖を伸長させた後、例えばDNAポリメラーゼにより二本鎖DNAを合成する(図1b)。得られた二本鎖DNAを4塩基を認識する制限酵素Mbolで切断する(図1c)。

Mbolは4塩基認識の制限酵素であるから、挿入cDNAのポリAテールから数百塩基程度離れた位置でDNAを切断すると考えられる。そしてMbolは、本願発明者らがGenBankのデータベースから無作為に抽出した約300のヒトcDNAを例外無く切断することを確認したことから、MbolはクローニングされるcDNAのいずれかの部位を切断すると考えられる。なお、<math>pUC19は dam^+ の大腸菌、例えばE.coliJM109から調製するので、 $Mbol認識部位のアデニンがメチル化されており(<math>G^mATC$ となっており)、Mbolによっては切断されない。

次に、pUC19に導入されたMbol切断部位を有する二本鎖DNAをベクター内に組み込むために、ベクター側にMbolと同じ粘着末端を生ずるBamHlを作用させる。この場合に、BamHl(GGATCC)は、Mbol(GATC)の認識塩基配列を含むため(GGATCC)、伸長された二本鎖DNAが、更に当該BamHlによって切断されることはない。

その後、常法により上記二本鎖DNAをライゲーションし、組み換え体プラスミドを大腸菌例えばE.coli DH5へ導入してcDNAライブラリーを作成する。

この方法によれば、mRNAの3'側ポリA上流の配列のみを含むクローンを 取得することができる。

また、得られる c DN A断片の長さが平均270 b p と短いため、 c DN A断片が長すぎることから生ずる c DN A合成効率の差や形質転換時の効率の差から

生ずるバイアスは回避できる。さらには、繰り返し配列等による不安定性も除かれるため、本 c D N A ライブラリーは各細胞内のm R N A の存在割合を忠実に反映できることとなる。

さらに、ベクターに挿入される c D N A が短い場合、 c D N A 断片に接する両端のベクター配列をプライマーとすることで c D N A 断片の部分を確実に増幅することができ、しかも、 P C R 法により直接配列決定する際には、配列決定の精度を下げるといわれている 3'側のポリA に妨げられずに、 c D N A の 5'側末端から配列決定することが可能となる。

ベクターに含まれる c D N A 断片すなわち前に説明した G S の増幅は次のようにして行うことができる。

c DNAライブラリーを導入した上記大腸菌を常法により増殖させ、溶菌する。 その後、溶菌物に含まれる夾雑物を取り除き、遠心によりベクターDNAを含む 上清を回収し、得られたベクターDNAを鋳型DNAとしてPCR法による増幅 反応に供することができる(図1d, PCR primer1及びPCR pr imer2による増幅)。

一方、プライマーとしては、GSに接する両端のベクター配列を適宜選択し、 通常の条件下でPCR法を行う。得られたPCR産物をGSの5'側に接するベクター内の配列に対する蛍光プライマーを用いて伸長反応を行い、オートシークエンサーにかけ、塩基配列決定を行う(図1d, dye primerによるシークエンス)。

次いで、各GSの配列決定の結果に基づいて、各臓器細胞ごとのGSの種類およびそれらの出現頻度を検討した。

各臓器細胞としては、正常細胞ばかりでなく病的状態下での細胞(ガン由来細胞、ウィルス感染細胞など)を使用でき、何等制限されるものではない。例えば、肝細胞(胎児、新生児、成人由来など)、各造血球系細胞(好中球、単球など)、肺細胞、脂肪組織細胞、血管内皮細胞、骨芽細胞、結腸粘膜細胞、網膜細胞および肝細胞癌由来細胞(HepG2など)、前骨髄性白血病由来細胞(HL60な

ど)を対象とすることができる。各細胞ごとの各GSの出現頻度について、それ を表1から表219に記述した。なお表中、patent numberは各G Sの対応する配列番号を、sizeは各GSの長さを、Fは各細胞における出現 頻度を合計した値を表す。また、hepG2は「hepG2(肝臓細胞癌株)」、 HL60は「HL60 promyelocytic cell line(前骨髄球性白血病細胞株)」、gr anulo は「granulocytoid (顆粒球様細胞、HL60をDMSOで刺激したもの) 」、monoは「monocyloids (単球様細胞、HL60をTPAで刺激)」、40wl iverは「4 Owliver(新生児肝臓)」、19wliverは「19wliver(胎生19週 胎児肝臓)」、adult liver は「adult liver (成人肝臓)」、lungは「lung (成人肺) 」、adipose は「subcutaneous adipose tissue (皮下脂肪)」、en dothelは「primary cultured aortic endothel (大動脈内皮初代培養)」、oste oblastは「osteoblast (骨芽細胞初代培養)」、colon mucosaは「colon mucosa (大腸粘膜組織)」、small cell carci. は「small cell carcinoma of lung (肺小細胞癌)」、retinaは「retina(網膜)」、cerebral cortex は「cerebr al cortex (大脳皮質)」、adenocarci(lung)は「adenocarcinoma of lung (肺 腺癌)」、squamous cell ca(lung)は「squamous cell carcinoma of lung (肺 偏平上皮癌)」、keratinocyteは「primary cultured keratinocyte (皮膚角化 上皮初代培養細胞)」、fibroblastは「primary cultured fibroblast (繊維芽 細胞初代培養)」、Altzheimerは「Altzheimer temporal lobe(アルツハイマー 病側頭葉)」、cerebellumは「cerebellum(小脳)」、visceral fatは「viscer al fat (内臓脂質) 」、corneal epitheliumは「corneal epithelium (角膜の上 皮腫)」、peripheral granulocyteは「peripheral granulocyte (末梢顆粒球)」 、neuroblastoma は「neuroblastoma (神経芽腫)」、taste bud of tongue は 「taste bud of tongue (舌の味覚芽)」を表わす。

また、「Accession number of target mRNA」は配列を含むGenBank Release79内の各GSとホモロジーを有するエントリーのアクセッション番号を、「match%」は該ホモロジーを有する配列とGSとのホモロジー

の値を、「match size」はホモロジーを計算した領域の長さを、「match starts at (GS)」はGS内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5'側からの位置を、「match starts at (GenBank)」は、GenBankのGSに対応する配列内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5'側からの位置を、「GenBank target size」はGenBankのGSに対応する配列の全長を示す。なお、表1~表219のカラムは、表1の対応カラムと同一の項目で分類されている。

また、表1から表219より、各GSを種々分類することが可能である。すなわち、特定の細胞あるいは細胞の性質が類似している細胞群(例えば「前骨髄性白血病細胞、顆粒球細胞、単球様細胞」群)で出現頻度が高く、そして他の細胞(群)では全く出現しないか、あるいはごくわずかしか出現しないGSは、「特定細胞に固有の機能を担うタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる(例えばGS0001553、GS0002047、GS0004895等)。また、あらゆる種類の細胞で共通して発現するGSは、「細胞の生存に必須なタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる(例えばGS000019、GS000155、GS0000861等)。更に、発現頻度が低いGSも見出すことができる(例えばGS000013、GS0002399、GS0003155等)。

上記のように配列決定したGSは、特定の細胞で発現されるmRNAの存在割合に忠実に反映していると考えられることから、特定細胞のcDNAライブラリー中の各GSの出現頻度を調べれば、各細胞のmRNAの存在割合を知ることができるはずである。

そこで、cDNAライブラリー中の各GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することを確認するために、取得したGSを常法により³²P標識し、以下に述べるハイブリダイゼーションのプローブとして用いた。すなわち、特定の細胞から単離したmRNAに対し、上記³²P標識プローブを通常の条件下でハイブリダイズさせる。このノーザンハイブリダイゼーションの結果、cDN

Aライブラリーで出現する頻度が高いGSのプローブを用いると、特定の細胞から単離したmRNAに対し濃いバンドを形成し、GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することが確認した(実施例5参照)。

また、同様に、上記で作成した³² P 標識プローブを用いて通常の条件下で前述のごとく作成した c DNA ライブラリーに対してコロニーハイブリダイゼーションを行うと、G S の出現頻度と該G S にハイブリダイズするコロニー数は強い相対関係が認められること(実施例6参照)から、各G S の出現頻度と c DNA ライブラリー中のG S の存在割合が対応することを確認した。

以上のことから、各GSが各種細胞由来のcDNAライブラリーにおいて出現 する頻度を調べることによって、各GSに対応する遺伝子 (mRNA) の各細胞 における発現の状態を知ることが可能となった。逆に言えば、各GSは対応する 遺伝子(mRNA)の各細胞における発現状態に関する情報(以下発現情報と称 する) が既に付加している特異的なプローブ、プライマーとして、産業上有用で あるといえる。例えば、「あるGSは組織A由来のcDNAライブラリーのみで 出現頻度が高い。即ち、該GSに対応する遺伝子は組織Aのみで特異的に発現し ている。」ことが判明している場合は、該GSをプローブ、プライマーとして用 いて対応する全長 c D N A を常法によってクローニングすることによって、組織 特異的に発現している遺伝子全長をクローニングすることができる。また例えば、 「あるGSは組織B由来のcDNAライブラリーでは出現頻度が低い。即ち、該 GSに対応する遺伝子は組織Bでは発現頻度が低い。」ことが判明している場合 において、該GSをプローブ、プライマーとして用いて患者由来の被験組織Bの 該GSに対応する遺伝子の発現レベルを調べた際、該遺伝子の発現レベルが非常 に高くなっていた場合、疾病の原因遺伝子は該GSが対応する遺伝子であると強 く推定されることになり、疾病原因適伝子を見いだすことができる。そして、該 GSをプローブ、プライマーとして用いて対応する全長 c DNAを常法によって クローニングし、疾病原因遺伝子を取得し、その全貌を解明することができる。

即ち、本願発明のDNAは、疾病を診断するためのプローブ・プライマー、疾

病の原因遺伝子・関連遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、 ウイルス遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、細胞を同定・ 識別するためのプローブ・プライマー、種特異的なプロモーターをクローニング するためのプローブ・プライマー、遺伝子のマッピングをするためのプローブ・ プライマーなどとして用いることができる。

なお、1つのGSは1つのmRNAに対応するものであるが、各mRNAに相補的なcDNAのいずれの部分でも対応する各GSと同じ「発現情報」が付加されているものであることは明らかである。従って、本願発明のDNAは「GS自体もしくはその一部を含むDNA」に限定されるものではなく、たとえば、「各mRNAに相補的なcDNAにおいてGSを含まない部分もしくはその一部」等もGSと同じ「発現情報」を有するプローブ、プライマーなどとして、GSと全く同様に利用できるものであり、本願発明に包含される。なお、GSまたはその一部をプローブ、プライマーとして用いれば、たとえば、「各mRNAに相補的なcDNAの全長」「各mRNAに相補的なcDNAにおいてGSを含まない部分もしくはその一部」を当業者が容易に取得できることは明らかである。例えば、後で述べる「5'RACE」「ネスティング」「インバースPCR」などの周知の技術が利用できる。

本願発明のGSを用いて疾病を検出する方法の一例を説明する。表1~表219に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。また、様々な組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSや、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSも識別することができる。これらのGSを変性したものを適当なフィルター、例えばナイロンフィルター又はニトロセルロースフィルターに固定する。1枚のフィルターに多数のGSを固定したフィルターを用いると簡便である。なお、1枚のフィルターに多数の変性したDNAを固定したフィルターは周知であり、例えば、大腸菌のジェノミックDNAのコスミドコンティグを1枚のナイロンフィ

ルターに固定させた「The Escherichia coli Gene Mapping Membrane 宝酒造 C ode No.9035 」などが知られている。特定の組織に特異的なGSを組織毎にまと めたフィルター、種々の組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSをまと めたフィルター、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルタ 一などを作成することができる。これらのフィルターに固定した一本鎖GSに対 して、被験組織から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識 したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合 成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNAを直接標識したもの をハイブリダイズすることも可能である。)また、別に、正常組織から抽出した mRNAを鋳型に同様の方法で合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。 (mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。) 予め、 各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイ ズのパターンを比較して、各パターンの強度の度合いの相違を類型化しておけば、 被験組織のハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンと を比較し、前記のどの類型に属するかを解析することによって、被験組織がどの ような疾病の状態にあるか判定することができる。また、ウイルスの感染も、疾 病の検出と同様に検出することができる。

次に、本願発明のGSを用いて、疾病の原因遺伝子または関連遺伝子などの遺伝子をクローニングする方法の一例を述べる。前述のごとく、GSを変性したものを固定したフィルターに対する、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較する。その結果、正常組織におけるハイブリダイズシグナルの強度と疾病時の組織におけるハイブリダイズシグナルの強度とが大きく相違している場合、そのGSが病原遺伝子に対応するものであると考えられる。なお、特定の組織に特異的なGSのみをまとめたフィルターをその組織由来の被験組織に用いれば、ハイブリダイズシグナルの強度が大きく相違しているGSが見出される可能性が上昇するはずである。また、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルターを用いれば、本来

はこれらのGSに対するハイブリダイズシグナルのレベルは低いはずであるので、強いシグナルを検出することで、病原遺伝子に対応するGSを容易に見出すことができるはずである。病原遺伝子に対応するGSを見出せば、該GSをプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する病原遺伝子をクローニングすることができる。

更に、GSをプローブ・プラーマーとして遺伝子全長をクローニングする方法を具体的に説明する。なお本願発明のクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質の産生に好適である。常法に従い、組織からmRNAを抽出し、cDNAライブラリーを作成する(Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, Section 8(New York: Cold Spring Harbor Laboratory)参照)。その際、目的遺伝子が高発現している組織からmRNAを抽出することが望ましい。作成したcDNAライブラリーから目的遺伝子を選別するには、例えば、GSの全部または一部をプローブとしてハイブリダイゼーションを行い、ポシティブクローンを選択する方法がある。一般に、GSは特定のmRNAに特異的なものであるから、ハイブリダイゼーションはストリンジェントな条件で行うことができる。プローブは少なくとも25塩基以上、好ましくは50塩基以上、より好ましくは100塩基以上の長さを有していることが望ましい。

なお、目的遺伝子に対応する c D N A が 濃縮された c D N A ライブラリーを作成すれば、目的遺伝子の選別に好適である。一つの方法として、目的遺伝子に対応する変性した G S を樹脂などに固定したアフィニティーカラムを作成し、組織から抽出した m R N A を該カラムに通すことによって目的遺伝子に対応する m R N A を該カラムに特異的に捕捉し、捕捉された該 m R N A を溶出することによって該 m R N A を 濃縮し、濃縮された該 m R N A を 鋳型に c D N A ライブラリーを作成する方法があげられる。また、別の方法として、P C R 法によって目的遺伝子に対応する c D N A を 特異的に増幅する方法があげられる。目的遺伝子の特異的な増幅は、例えば以下のように行う。目的遺伝子の3、側に位置する G S の一

部からなるプライマーを用いて、「逆転写酵素」「4種のヌクレオチド」などに よってmRNAからcDNAを合成する。得られた一本鎖cDNAの3′側に、 「ターミナルデオキシリボヌクレオチドトランスフェラーゼ(TdT)」の作用 でポリTなどのホモポリマーを付加する。更に「ホモポリマーと相補的なプライ マー」および「先の逆転写反応に用いたプライマー、または該プライマーと同一 のGSに含まれ該プライマーよりもGSの5'側に位置するプライマー」を用い てPCRによる増幅を行い、目的遺伝子に対応するcDNAを特異的に増幅する ことができる (5'RACE(5' Rapid Amplification of cDNA ends): PNAS, Vol. 85, pp .8998-9002(1988)、Nucleic Acids Res., Vol.17, pp.2919-2932(1989) 参照)。 なお、ホモポリマーを付加する代りに、「T4DNAライゲース」を用いて一本 鎖DNAからなるアンカーDNAを一本鎖cDNAの3' 末端に接続し、該アン カーDNAに相補的なプライマーを用いてPCR法によりDNAを増幅する方法 もある (Nucleic Acids Res.. Vol.19.pp.5227-5232(1991))。 プライマーは少な くとも13塩基以上、好ましくは15塩基以上、更に好ましくは18塩基以上の 長さを有していることが望ましい。また、サイクリング反応における熱変性の効 率を高めるため、好ましくは50塩基以下更に好ましくは30塩基以下の長さで あることが望ましい。増幅されたDNAをベクターに接続すれば「目的遺伝子が **凝縮されたcDNAライブラリー」が作成される。**

なお、上記PCR産物から直接に目的遺伝子に対応する c DNAをクローニングすることも可能である。即ち、上記PCR産物をゲル電気泳動等で分離し、変性したGSをプローブとしたサザンプロティングを行い、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在するかどうか確認する。ハイブリダイズするバンドが存在すれば、該バンドを切り出しDNAを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応する c DNAがクローニングされている可能性が高い。

前述の如くPCR法によって増幅した目的遺伝子を更に特異的に増幅するために、はじめのPCR産物に対して、どちらか一方のプライマーまたは両方のプライマーを先に使用したプライマーの内側のプライマーに変えて、第2回目のPC

R(ネスティング:nesting)を行ってもよい(Journal of Virology, Vol.64.P.864(1990))。その際、第1回目のPCR反応産物全体に対してネスティングを行ってもよいし、第1回目のPCR反応産物に対するGSをプローブとしたサザンプロティングによって、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出し、抽出したDNA断片に対しネスティングを行ってもよい。ネスティングによる産物に対する変性したGSをプローブとしたサザンプロティングを行い、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出しDNAを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応するcDNAがクローニングされている可能性が高い。

ここで、前述の如くクローニングされた目的遺伝子に対応する c D N A は、m RNAの全長に対応するcDNAであることもあるが、5'側の欠失したcDN Aであることもありうる。5'側が欠失している場合は、必要に応じて常法によ り容易に全長 c DNAをクローニングすることができる。例えば、「クローニン グしたcDNAの5.側に位置する塩基配列からなるプローブ」を用いてcDN Aライブラリーをスクリーニングすれば、GSをプローブとしたときよりもプロ ープの位置が全長 c DNAの5'側にずれているので、より長い c DNAのみを ポシティブクローンとして選択することができる。また、「クローニングした c DNAの5'側に位置する塩基配列からなるプライマー」を用いてmRNAを鋳 型にcDNAを合成した後に、前述の5'RACE法で説明した如く、「該プラ イマーまたは該プライマーの内側のプライマー」と「ホモポリマーまたはアンカ ーと相補的なプライマー」とを用いて「5'側にホモポリマーまたはアンカーを 有する一本鎖cDNA」に対してPCR増幅を行えば、GSをプライマーとした ときよりもプライマーの位置が全長cDNAの5'側にずれているので、cDN Aの5'側のみを選択的に増幅できる。もし、取得したcDNAがなお5'が欠 失していた場合でも、この操作を繰り返せば長大な c D N A の全長をカバーする c DNA断片群が取得できる。なお、オーバーラップ部分を有する c DNA群を 接続して全長CDNAを取得することは、当業者が容易に実施できる。

また、インバースPCR(Inverse PCR: Genetics, Vol.120, p.621(1988)、Mo lecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, 14.12-14.13(New York; Cold Spring Harbo r Laboratory))を行えば、GSの外側に延びるcDNA、ジェノミックDNA の領域をクローニングすることができる。即ち、標的DNA(ジェノミックDN AまたはcDNA)を約2~3kb以下の長さに制限酵素等で切断し、切断部位をライゲーションして環化する。該DNAに対し、「GS自体またはGSをプローブ、プライマーとしてクローニングしたcDNAに相補的で、DNA合成が相手側のプライマーが存在する方向とは反対方向に(外向きに)進行するようなプライマーのセット」を用いてPCR反応を行うことによって、GSの外側に延びるDNAの領域を増幅することができる。この方法を繰り返すことによって、目的遺伝子の全長ゲノムDNAをクローニングする方法(Nucleic Acids Res., Vol.1.16, p.8186(1988))も知られている。

なお、上記PCR反応においては通常「Taqポリメラーゼ」が使用されるが、「LAPCR (long and accurate PCR)」技術 (Nature Genet., Vol.7.p350-351(1994)、Nature、Vol.369,684-685(1994))を用いることによって、より効率よくクローニングを行うことができる。

なお、得られた全長遺伝子を適当な発現ベクターに接続して、適当な宿主中で発現させれば、対応する遺伝子産物が得られることはいうまでもない (Molecula r Cloning, 2nd ed.)。

次に、本願発明のGSを用いて、細胞を同定・識別する方法の一例について述べる。表1~表219に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。これらの「組織特異的GS」をフィルターに固定する。各組織に特異的なGSをまとめてブロック化して固定すれば便利である(例えば、肝細胞特異的なGSのブロック、大脳皮質細胞特異的なGSのブロックなど。)。このフィルターに対して、前述の如く、被験組織・細胞から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマ

ー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる(mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。)。組織・細胞の種類に応じて、該組織・細胞で特異的なGS群のみ強いハイブリダイズシグナルが検出されるはずである。なお、組織特異的なプロモーターは「組織特異的GS」をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する組織特異的に発現する遺伝子をクローニングし、5'上流側を構造解析することによりクローニングすることができる。

ここで得られる組織特異的プロモーターは将来の遺伝子治療に有用なものである。

すなわち、狭義の遺伝子治療では、患者で欠損している蛋白質を外から遺伝子工学的に補充することを目的とするが、この際、外来遺伝子を希望する組織で、希望する強度で発現させてやることが肝要である。そのためには、特定の組織で、所望の強度で(大半は強い強度が要求される)発現することが判っているプロモーターは、極めて有用である。現在は、しばしばウイルスのプロモーターが用いられるが、これは体内で早期にメチル化等の修飾を受けて不活化される。GSが提供する組織特異的プロモーターは、これらに代わる理想的な材料となる。

次に上記のごとく得たGSに基づくプローブを利用して、本願発明のGSに対応するDNAを染色体にマップする方法について説明する。

初めに、サザンプロッティングによる方法について説明する。

この方法によれば、ヒトの正常な核型を有するリンパ芽球系の細胞(例えばG M0130b)から染色体を分離し、個々のヒト染色体をヒト以外の細胞、例えば齧歯類の動物細胞に導入し、単染色体のハイブリッドセル(monochromosomal hybrid cell)を作成し、常法により大量培養する。次いで該ハイブリッドセルからDNAを抽出し、これらのDNAを各種制限酵素で切断したのち、アガロースゲル中で電気泳動にかける。次に上述のごとく作成

した³²Pで標識したGSをプローブとして用いて、通常の条件下で電気泳動した DNAとハイブリダイズさせる。そして該プローブがどのハイブリッドセルのD NAにハイブリダイズするかを確認することによって、本願発明のGSに対応するDNAが存在する染色体の位置を見出すことができる。各々のGSをラベルしたプローブを用いてヒト全ゲノムDNAを対象にサザンハイブリダイゼーションを行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明らかである。

また、同様に、PCR法を用いることにより、本願発明のGSがどの染色体に存在するか確認する方法について説明する。

すなわち、GSの塩基配列の中から、通常の方法、例えばコンピューターソフトウェア OLIGO4. O (National Biosciences社製)により、プライマーとして最も適した塩基配列を選び、常法によりオリゴヌクレオチド (20~24mer) を合成し、プライマーとする。これらのプライマーを用いてPCR法で増幅される部分の長さは50merから100mer程度が望ましい。

次いで、上記単染色体のハイブリッドセルから染色体DNAを抽出したDNAをそのまま鋳型として、先に述べたプライマーを適用し、常法のPCR法により増幅する。PCR産物をアクリルアミド非変性ゲルで電気泳動した後、エチジウムブロマイドによって染色し、蛍光を検出することで該PCR産物の長さの確認を行う。

これらの操作で、それぞれのハイブリッドセル由来のゲノムDNAを鋳型として正しい長さを有するPCR産物が増幅されるか否かにより、プライマーが由来するGSがどの染色体に存在するかを確かめることができる。

以上の操作から、本願発明の各GSに対応するDNAが、どの染色体に存在す

るかを確認できることが判明した。各々のGSを増幅するプライマーを用いたPCR法をヒト全ゲノムDNAを対象に行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプライマーとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明白である。

図面の簡単な説明

図1は、3'MbolcDNAライブラリーの作成を示す図である。

図2は、プライマーの試験を示した図である。図中、Aは試験に用いたプライマーのベクター上の位置を、Bはプライマーにより増幅したDNA断片のゲル電気泳動のパターンを示す。用いたプライマーは以下の通りである。

 ν - ν 1; FW (-40) /RV (-14)

 $\nu - \nu 2$; FW (-40) /RV (-36)

 $\nu - \nu 3$; FW (-40) /RV (-71)

 $\nu - \nu 4$; FW (-40) /RV (-29)

 $\nu - \nu 5$; FW (-47) /RV (-48)

アーティファクトは、矢印で示してある。

図3は、SW (-40) 及びRV (-14) を用いたPCRを示した図である。 図中、最も右側のレーンはサイズマーカーを、他のレーンはSW (-40) /R V (-14) を用いたPCR産物を電気泳動したパターンを示す。

図4は、cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映を示す図である。特に、図4A~図4Dは結果を示し、図4Fはその要約である。 図4Eはコロニーの写真である。

図5は、3' 領域HepG2cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の検索頻度を示す図である。

図6は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図7は、PCRを用いた各GS(gs)のマッピングを示す図である。

図8は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図9は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図10は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図11は、GSO01418 (gs001418) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

図12は、GS001457 (gs001457) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

図13は、GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティング を示す図である。

図14は、GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

図15は、サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリッドセルを示す図 である。

図16は、GS000152 (クローンs14g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図17は、GS000041 (クローンs650) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンプロッティングを示す図である。

図18は、GS000181 (クローンhm01e01) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図19は、GS000055 (クローンc13a18) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図20は、GS000180 (クローンs 479) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図21は、GS000094 (クローンs173) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

·図22は、junk (クローンhm01g02) をプロープとしたハイブリッ

ドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図23は、サザンプロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、 EはEcoRI を、BaはBamHI を、BgはBglilを示す。E/BはEcoRI とBamHI の二重切断を示す。

図24は、サザンプロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、 EはEcoRiを、BaはBamHiを、BgはBglilを示す。E/BはEcoRiとBamHiの二重切断を示す。

図25は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、 E は E c o R | を、B a は B a m H | を、B g は B g l | l を示す。 E / B は E c o R | と B a m H | の二重切断を示す。

図26は、サザンプロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoR!を、BaはBamH!を、BgはBgl]を示す。E/BはEcoR!とBamH!の二重切断を示す。

発明を実施するための最良の形態

以下、本願発明の好適な実施例について説明する。なお、本願発明は、この実施例に拘束されるものではない。

[実施例1]

mRNAの標品調製

標準的な手法 (Sambrook et al., Molecular Cloning, 2nd ed. (New York: Co ld Spring Harbor Laboratory), vol 1, pp.7.3-7.36, 1989) により、肝臓癌細胞系HepG2 (Aden et al., Nature 282, 615-617, 1979) から、細胞質RNAを抽出した。すなわち、10%のFCSを添加したダルベッコの変法イーグル培地で培養したHepG2細胞を、RNA抽出緩衝液 [0.14MNaCl、1.5mMMgCl2、10mMTris-HCl(pH8.6)、0.5%NP-40、1mMDTT、1000単位/mlRNase阻害剤 (Pharmacia)]中で、ボルテックスミキサーを30秒間使用して溶解させ、その後5

分間氷冷した。核及びその他の細胞破壊物を、90秒間、12,000gの遠心分離により沈殿させ、上清をプロテイナーゼKで除蛋白した後、フェノール抽出を行った。次いでRNAは、イソプロバノールを使用して沈殿させ、70%のエタノールで洗浄した。最後にオリゴ d Tカラム分別法(Aviv et al., Proc. Nat 1. Acad. Sci. USA $\underline{69}$, 1408-1412, 1972)を用いてポリA $^+$ 画分を収集した。[実施例2]

ベクタープライマーDNAの調製とcDNAライブラリーの構築

ベクタープライマーの調製に際しては、JM109細胞(Yanisch-Perron et al., Gene 33, 103-119, 1985)内で増幅したpUC19DNAをPstlで完全に消化し、ターミナルトランスフェラーゼ(Pharmacia)によってポリエテールを添加して、その平均の長さを26にした。このプロセスは、 3 Hデオキシチミジン三リン酸(Okayama et al., Methods in Engymology (San Diego: Academic Press), vol. 154, pp.3-28.1987)の取り込みにより調べられた。生成物はHinclicよって消化し、その際生じた短いフラグメントを、セファロースS-300のクロマトグラフィーによって除去した。次に、エテールを有するプラスミドをオリゴdAカラムによって精製し、 $1\mu g/\mu 1$ の濃度で、50%エタノール中に保存した。

図1は、c DNAライブラリーの作成の概要を示している。各 2μ gの細胞質ポリA $^+$ RNA及びベクタープライマーDNAを、0. 3M酢酸ナトリウムを含有する70%エタノール中で共沈させ、沈殿物を 12μ 1の蒸溜水中で溶解した。第1鎖合成のため10分間76℃で加熱変性した後、 $5\times$ 反応緩衝液を 4μ 1 [250mMTris-HCl (pH8.3), 375mMKCl、15mMMgCl $_2$]、0. 1MDTTを 2μ 1、並びに、それぞれ10mMのdATP、dCTP、dGTP及びdTTPを 1μ 1ずつ、37℃に加温したサンプル中に加えた。反応は、200単位の逆転写酵案MMLV-H-RT (BRL)を添加し、37℃で30分間インキュベートした後、反応チューブを氷上に移すことで停止した。次に、第2鎖の合成では、この反応液に 92μ 1の蒸溜水、 32μ 1の $5\times$ E. col

[実施例3]

cDNAインサートのPCRによる増幅

プラスミドを有する E. coliコロニーを、125μ1のLB培地 (Davis et al., Advanced Bacterial Genetics. Cold Spring Harbour (New York:Labor atory), 1980) が入った96穴のプレートに接種し、37℃のチャンバー内で24時間培養した。96穴用ピン式レプリカ培養装置(Sigma)を使用して各プレート毎にレプリカ培養を行い、後日利用できるようマスター・プレートを作製し−80℃で保存した。一晩37℃で培養した後、これらレプリカの各ウエルから50μ1の培養菌液を、ポリカーボネート96穴プレート(Techne)に移した。細菌は、Omnispin H4211ローター(Sorvall)により、1500rpmの回転速度で5分間遠心分離することによって回収した。次に、菌体を50μ1の水にもう一度懸濁させ、ミネラルオイル層で覆い、金属バス中、95℃、30分間で溶解させた。細胞破壊物は、前記ローターを360

Orpmの回転速度で30分間運転して、遠心分離をすることにより取り除いた。 5μ1の上清を20μ1の蒸溜水に添加し、ミネラルオイル層下で10分間、95℃で保温した。次に、変性された分離物は、70℃で各プライマー5pmo 1、それぞれ5nmolのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、並びに 1.25単位のTaqDNAポリメラーゼ(Cetus)を含む、25μ1の2×反応混合物 [40mMTris-HCL(23℃でpH8.9)、3mMMgC12、50mMKC1、200μgゼラチン/m1]を70℃で加えて、PCRに供した。この反応混合物を加えた直後に、温度サイクル反応が実行された。このとき、マイクロフュージ・チューブ(PJ1000、Perkin Elmer Cetus)か96穴プレート(PHC-3、Techne)のサーモサイクラーを使用し、最後の伸張プロセスを行わずに、それぞれ96℃で30秒、55℃で1分間、72℃で2分間を35サイクル繰り返した。

なお、この方法では、PCR反応に適したプライマーを選択することが、非常に重要である。そのため、適当なプライマーを選択するために、それぞれ予測Tmが60℃を超える次の組の被験プライマーを用いて予備実験を行った。

即ち、市販されている $24 \, \mathrm{mer} \, r$ プライマーと同じプライマーである FW (-47) 及び RV (-48) のプライマーの組;塩基配列決定用プライマーの中でも長いプライマー ($21 \, \mathrm{mer} \, r$) である FW (-40) と RV (-29) のプライマーの組;さらに 3' 末端における トリプレットの配列が FW (-40) の配列と同じであるが、方向が異なるプライマーである RV (-71) 及び RV (-14) プライマーが試験された(図 2A)。

前記各種プライマーを組み合わせて行った試験の多くのサンプルで、期待された主要生成物の他に、短いアーティファクト生成物が出現した(図2B, アーティファクト生成物は矢印で示した)。これらのアーティファクトは、プライマー 濃度もしくは基質濃度を低下させたり、アニーリング温度を上昇させると減少するが、いずれの場合も、主生成物の収率が不十分なため、濃縮を行わないと、塩 基配列決定反応の鋳型として供給することはできなかった。

しかし、SW (-40) 及びRV (-14) の組からは、アーティファクトが生成されなかった(図3)。この組を用いて、更に試験を行ったところ、再現可能な結果が得られることが判明した。任意に抽出した c DNA / Dローンでも同様の結果が得られた。本実施例においては、プライマーとして全て SW (-40) 及びRV (-14) の組を用いた。

[実施例4]

DNA塩基配列決定

PCR反応生成物を、撹拌しながら、ミリポアフィルター (VSO. 025μ m)により、TE (10mMTris・HCl(pH8.0)、1mMEDTA)に対 して90分間滴下透析した。直径150mmのフィルター1個で、48個のサン プルを容易に処理できる。それ以上の精製をせずに、色素で標識したプライマー を使用して、サイクルシークエンスプロトコール(Applied Biosy s t e m s 、1991) に従ってサンプルの塩基配列を決定した。ジデオキシシ チジン塩基配列決定反応では、2μlの透析後のPCR反応生成物(約0.2p molの鋳型DNA) を、0.4pmolのFAM M13 (-21) プライマ — (Applied Biosystems) Tris-HCl (160mM, pH8. 9) 溶液に、40mM (NH $_4$) $_2$ SO $_4$ 、10mMMgCl $_2$ 、50 $\mu MdATP$, 12. $5\mu MdCTP$, $75\mu M7-deaza-dGTP$ (B oehringer Mannheim Biochemicals), 50μ MdTTP、25μMddCTP及び0. 8単位のTaqポリメラーゼ (Per kin Elmer $Cetus)を含む<math>3\mu$ lの反応混合物に加え、サーモサ イクラー (PHC-3、Techne) を使用して、15+15 (95℃30秒、 60℃1秒、70℃1分及び95℃30秒、70℃1分)の反応サイクルを行っ た。他の3種類、即ちジデオキシグアノシン、ジデオキシアデノシン及びジデオ キシチミジンに関する配列決定反応を、ジデオキシグアノシンとジデオキシチミ ジンの両反応については全成分を倍量使用したこと以外は、基本的に同じやり方 で並行して行った(TMRA、JOEおよびROXの各プライマーは、それぞれ

c DNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映

3'領域 c D N A ライブラリーが、HepG2細胞中のmRNA集団の偏った分布をとっているのではないことを確認するため、無作為の c D N A の選別によって重複してクローニングされたクラスから4つの c D N A クローン(EP-1 a、a-1-rンチトリプシン、hnRNPコアタンパク質 A 1 及びインターーa-hリプシンインヒビター)のインサートを放射標識し、これらをHepG2細胞からのポリ A^+ mRNAのノザン解析におけるプローブとして使用した(結果は、図4 A - D に示され、F に要約されている。)。4つのmRNA種のバンドの相対的強度から、それらの相対的比率が夫々52、24、1 及び1.2(F のレーン i i i) であることが判明した。次に、同一のプローブセットを用い、8、800クローンから成る同じ c D N A ライブラリーで各プローブとハイブリダイズするコロニーの数を測定した(図4 E)。

クローンの頻度は、307、128、7及び9で、即ち、相対比率は、それぞれ、44、17、1及び1.3であった(f内のレーンiv)。これら2種類の推定値は一致し、このcDNAライブラリーがmRNA集団の分布に偏りのない標品であることが実証された。この比率は、同じ細胞から作成したmRNAの別の標品を試験したときにも、実際的には変わらなかった。

なお図4は、3'指向 c D N A ライブラリー中の c D N A クローンの出現頻度 と m R N A の組成の一致を示す図である。そのうち図4 A は H e p G 2 細胞から 得られた 2μ g のポリ A $^+$ R N A を、エチジウムプロマイド(5μ g / m 1)を 含有するホルムアミドアガロースゲルのレーン 1-4 で電気泳動にかけたものに

UV照射し写真撮影した図である。レーン5は、サイズマーカー (Kb) として 使用したRNAラダー (BRL) を示したものである。図4 Bは以下の³² P標識 の3'特異的cDNAプローブを使用して、ノザンブロットを行った結果である。 各レーンには $EF-1\alpha$ (レーン1)、 $\alpha1-r$ ンチトリプシン (レーン2)、 $\operatorname{Hn} \operatorname{RNP}$ $\operatorname{Im} \operatorname{RNP}$ $\operatorname{Im} \operatorname{RNP}$ $\operatorname{Im} \operatorname{RNP}$ $\operatorname{Im} \operatorname{Im}$ $\operatorname{Im} \operatorname{Im}$ Im $\operatorname{Im$ ヒビター (レーン4) がロードされている。また図4 C は2%アガロースゲル中 で、非標識の c D N A 断片、即ち、延長因子 -1α (レーン1)、 α 1-アンチ トリプシン (レーン2)、HnRNPコアプロテインA1 (レーン3)、インタ ーーαートリプシンインヒビター(レーン4)をそれぞれ1pmolずつ電気泳 動させ、写真撮影した図である。図4 Dは同じ放射活性プローブセットを使用し た、図4Cからプロットしたフィルターのサザン解析である。レーン5は、基準 1kbラダー(BRL)の移動パターンを表している。これらスクリーン像の普 通記録を、Bに関しては8時間、Dに関しては1時間の時点で作成した。各バン ドにおける放射能は、シンチスキャナー (β -603; Betagen) で直 接測定し、Fの第1行と第2行に記載した。観察されたバンドの強度は、図4D のバンドの強度(F の第2行の値)を基準として補正し、さらにプローブ3(H nRNPコアA1, レーン3) の値を1としてノーマライズした (Fの第3行の 値)。これらの値は、mRNAの元の標品の各mRNA種の相対的含有量を表し ている。図4 Eは4つの放射性プローブから成る同じセットを使用し、3'指向 cDNAライブラリーの8、800コロニーが含まれている膜を用いたコロニー ハイブリダイゼーションである。正のコロニー数がFの第4行に記載され、その 値はプローブ3 (HnRNPコアA1、レーン3) の値を1としてノーマライズ した(Fの第5行の値)。なお図4のB、D及びE中の各数字は、(F)内の各 プローブ番号を表している。図4Fにおいて、第3行の値と第5行の値すなわち (iii)と(v)の間に顕著な一致が見られることがわかる。

[実施例6]

cDNAライブラリーの構成比

c D N A ライブラリーの組成を更に解析するため、無作為の c D N A の選別に よって重複してクーロニングされた配列グループ (グループ I) と1回だけクロ ーニングされた配列グループ(グループ II)から、それぞれ7個と10個のク ローンを選択し、これらのインサートをコロニー。ハイブリダイゼーション用の 放射標識プローブとして使用した(図6)。各々のグループ I プローブとハイブ リダイズしたコロニーの出現頻度は、無作為にクローニングをした時に各プロー ブを含む c D N A がクローニングされる頻度とよい相関を示した。その頻度は約 3. 5%~約0. 1%であった。このことから、ライブラリー集団のほぼ52% が173種からなる重複してクローニングされた配列グループで構成されている と推定された。一方、グループIIの中からの8プローブを試験した結果、スク リーニングされた26,400中に18のポジティブ・コロニーが識別され、ハ イブリダイズしたコロニーの全コロニーに占める割合の平均値は0.007%で あった。2つのプロープは、26、400個のコロニー中のいずれに対してもハ イブリダイズせず、平均頻度は0.004%未満となった。従って、グループ I Iの10プロープとハイブリダイズするコロニーの平均出現頻度は、グループI の最低頻度より数析低い結果となった。

結果を図5にまとめた。3¹ 領域HepG2cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の出現頻度を示すものである。この図5において、7個のcDNAプローブ(a 15からtb042)は重複してクローニングされたグループ(グループI)中の162のcDNAから、また、10個のcDNAプローブ(s 155からs 632)は一回だけクローニングされたグループ(グループII)中のcDNAから無作為に選ばれた。カラムA、BまたはCについて、各cDNAは放射標識し、982個(A)、8、800個(B)あるいは26、400個(C)のコロニーのコロニー・ハイブリダイゼーションテストのプローブとして用いた。なお、NTは検査しなかったことを示す。また、この図に挙げられている17個のクローンのDDBJエントリー名は、HUM000A15、HUM000C321、HUM00TB038、HUMHM01B02、HUM0C

13A04、HUMHM02D02、HUM00TB042、HUM000S1 55、HUM000S159、HUM000S639、HUM000S635、 HUM000S170、HUM000S154、HUM000S167、HUM 000S645、HUM000S647、HUM000S632である。

[実施例7]

塩基配列決定の確度の解析

本明細書中の配列データはすべて、プラスミドインサートをPCR法により増幅し、次いでTagポリメラーゼを使用してサイクルシークエンス法を行うことによって得られたものである。これらの配列データのうち、データベース中に極めて類似した配列が見つかったもののうち60のクローンの配列におけるデータベース中の配列との相違を調べた。その結果、クローニング部位から1~100 bpにおける確度は98.7%であり、この部分でプライマー又はプローブを設計した場合、ほどんど誤りを含まない完全に近いものが得られること、また万が一誤りを含んだとしてもプライマーやプローブとして使用する場合には機能的に問題がないものが得られることが判明した。

[実施例8]

PCRを用いた各GSのマッピング

< c DNA配列>

cDNAライブラリーは、DMSO処理されたHL60細胞のmRNAから作製された。3、領域cDNAライブラリーの作り方や、その配列の決定の方法は実施例1~4に示した方法と同じである。

<PCRプライマー>

プライマーの設計は、コンピュータソフトウェアOLIGO4. O (ナショナルバイオサイエンス) で行われ、分子間もしくは分子内の2次構造の形成はできるかぎり除去されている。プライマーの設計に加えて、オリゴヌクレオチド配列のローカルデータベースや合成機への転送は、ネットワークとリンクしているマッキントッシュコンピュータを使って半ば自動化されている。DNAオリゴマー

は、40nmolxケールで自動DNA合成機(モデル394、Applied Biosystems)によって合成した。合成されたオリゴマーは、これ以上の精製をしないでPCRプライマーとして使用した。

<ゲノムDNAの調整>

ヒトゲノムDNAは正常な核型を有するリンパ芽球様細胞系GM0130bから採取した。

マウス及びチャイニーズハムスターのゲノムDNAは、Clontechから 購入した。マッピングパネルに使用される単一染色体ハイブリッド細胞は、通常 使用されている公知のものを用いた。即ち、第3,4,9,11,12,13,15及び22染色体並びにY染色体はヒト・チャイニーズハムスター単一染色体 ハイブリッド細胞に含まれていて、第1,2,5,6,7,8,10,11,12,14,15,16,17,18,19,20及び21染色体並びにX染色体 はヒトーマウス単一染色体ハイブリッド細胞A9シリーズの中に含まれている。ハイブリッド細胞の確認は、in situハイブリダイゼーションによって行った。

<PCRによる増幅>

PCRは、標準的なプロトコール (Saiki et al., Science 230,1350-1354, 1985) に従って行った。全量を20µ1とし各10pmolのプライマーを用い、Perkin-Elmer9600サーマルサイクラーにより、94℃で30秒、アニーリング温度で60秒、72℃で90秒、を35サイクル行った。アニーリング温度はプログラムOLIGOによって算出された "optional an nealing temperature" によって決定した。

<PCR産物の分析>

PCR産物は300Vで1時間、非変性8%ポリアクリルアミドゲル(アクリルアミド: ピスーアクリルアミド=19:1, 厚さ1mm)で泳動し、続いて、0. 25μ g/mlエチジウムプロマイドを含んだ90mM Trisーホウ酸、2mM EDTA緩衝液に15分浸漬して染色した。増幅した産物の大きさは、

10bpのDNAラダー(BRL)と比較して決定した。蛍光の検出は、レーザー蛍光画像分析機(FM-BIO, HITACHI Software Engineering)を使用して行った。この画像データは、分析のためにコンピュータに転送した。

< PCR産物の分析結果>

顆粒球様細胞から得られた3'領域DNA中のGSののうち、GenBank Release76にエントリーされている配列とマッチしなかったGS19 5個を選び、次いでPCR用のプライマーを設計した。

この195セットのプライマーセットを用いてヒトの全ゲノムDNAを鋳型としてPCR増幅を行った。195個のプライマーセットの中で、191個(98%)は、予想したサイズと5ヌクレオチド以内しか相違しない産物を生成した。結果を図6~図10にまとめた。なお、図中の記号は次の通りである。即ち、

GS; ジーン・シグナチャー

CN;クローン名

Chromosomal position; 各GSがマップされた染色体番号

Sequence of primers;プライマーの配列(Sence; センス鎖、Anti-sence;アンチセンス鎖)

AT;アニーリング温度

H〇;全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の実際の塩基長

HE;全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の予想塩基長

M〇;マウスゲノムDNA(ヌクレオチド)を持つPCR産物の塩基長

CO: チャイニーズハムスター・ゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR 産物の塩基長

T ; DMS OあるいはTPAによる誘導の有る無しのHL60細胞の3つの

WO 95/14772

cDNAライブラリーから得られた全3000個のクローン分析後のG Sの総ヒット数

疑問符号("?")は、PCR産物が明白なバンドを生じないことを表す。

"M"及び "C" は、それぞれマウス又はチャイニーズハムスターのDNAを 鋳型として反応を行った場合と区別出来ないバンドが生じたことを示す。

c DNA配列から無差別にPCRの鋳型となるサンプルを選んでも、PCRの全般的成功率は191/195 (98%) であったことから、この実験で使用したcDNAライブラリーは質的に信頼できるものであり、また、塩基配列分析及びプライマー設計が適切に行われていたことが判明した。一方、cDNA配列中のイントロンの存在によって生じるPCR失敗の可能性は、GSを用いて実験する場合は無視し得ると考えられる。イントロンは脊椎動物の遺伝子のpolyAに近い3、領域にはほとんど存在しないからである(Wilcox et al., Nucleic. Acids Res.19, 1837-1843, 1991)。このことは、ランダムプライマーによるcDNAライブラリー(Adams et al., Science, 252, 1651-1656, 1991)あるいは5、領域cDNAライブラリーから得られた断片的なcDNA塩基配列の利用と比較しても、非常に有利である。

<GSの染色体へのマッピング>

ヒトの全DNAからのPCR産物を生成した191個のプライマー対は、単一染色体ハイブリッド細胞パネルを使ってcDNAの部分配列がいずれの染色体に存在するかを知るために用いられた。少なくとも119個は1つの染色体にマップされることが判明した。一例として、図11に示されているGSOO1418は第3番染色体にマップされた。いくつかのクローンについては、余分な産物が得られ、それらのうち幾つかは同じ染色体に、一方、他のものは別の染色体に割り当てられた。一例としてGSOO1457のパターンが図12に示されている。62個(33%)のクローンが2つ以上の異なった染色体で期待通りのPCR産物を生成した。35例(18%)では、バックグラウンドの齧歯類のゲノムDNAと区別がつかない大きさのPCR産物を生成した。これらのうち21のクロー

ンは、マウスやチャイニーズハムスターのDNAと区別のつかない産物を生成した。10のGSは、ヒトの全ゲノムDNAからの予期されたPCR産物が観察されたが、単一染色体細胞パネルDNAによる期待のPCR産物は生成しなかった。この10のケースについては、ハイブリッドセル内で小さな欠失が生じていたと考えられる。HepG2cDNAライブラリーから得られた5つのクローンについては、サザンブロット分析でも解析された。5つのクローンのうち4つはPCRの結果と一致した(GS00053、GS000120、GS000271、GS000279)。サザンブロット法で弱いシグナルによって不確実ながらY染色体に割り当てられた1つのクローン(GS000228)は、PCRによって第11染色体にマップされた。

[実施例9]

サザンプロッティング法を用いた各GSのマッピング

<細胞株>

全ヒトゲノムDNAはヒトの正常の核型のリンパ芽球状細胞株GM0130b より単離した。マッピングパネルに用いた単一染色体を持つハイブリッド細胞は図15に示した。Koiら(Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989)により記述されたようにハイブリッドA9(neo-x)-y は鳥取大医学部のM.Oshimura博士により名付けられ、3世代継代した後凍結した。染色体の欠落や再編成が細胞の集団中のこの時期に起こる可能性がある。GMシリーズは国立医科学研究所(NIGMS)の変異体細胞貯蔵センター(Camden, NJ)より得た。液体窒素中で保存後にハイブリッド細胞中で染色体が元通り保持されているかを確かめるために分裂中期にあるハイブリッド細胞をビオチン化したヒト全DNAをプローブにしたinsituハイブリダイゼーション(Durnam, D. M. et al., Somatic. cell Mol. Geneta.11,571-577,1985)により調べた。元通りの、あるいは転座したり断片化したヒト染色体はこの方法により容易に検出された。ハイブリッド細胞マッピングパネルにおいては、第11.12.15染色体は各細胞株A9(neo-11)-1.A9(neo-12)-4,A9(neo-15)-2のもので、それらの染色体は各々ハイブリッド細胞株GM10927A,GMI

0868.GM11418によるものもある。

<ゲノムDNAの単離とサザンブロッティング>

高分子量DNAは細胞よりドデシル硫酸ナトリウム(SDS) とプロテネースKを用いて抽出し、続いてフェノールクロロホルムより抽出し、エタノール沈澱を行った。DNAは制限酵素EcoRI,BamHI,BgIII の内の2つを組み合わせて一晩切断し、そのうちの約5 μ gを0.8%アガロスゲル中で電気泳動し、ハイボンドN+メンプレン(Amersham)に0.4N水酸化ナトリウムでトランスファーした。メンブレンは2xSSC中で濯ぎ、4 Cで保存した。

150塩基対以上の長さを持つ新しい配列のクローンをプローブとして選んだ。 それらのクローンのcDNAの挿入部分をPCRで増幅した。PCR産物は2%低融点 アガロース(ヌーシブ:シープラーク、3:1)中の電気泳動により分離した後 切り出した。アガロースはゲルを65℃で溶かして、ベーターアガラーゼI(Bio La bs)を用い40℃1時間で消化して除いた。プローブは市販のキット(Amersham)を 用いたランダムプライミングにより[α - 32 P]dCTPで標識した。ハイブリダイゼ ーションは65℃で6xSSC.1x デンハルト溶液、0.5%SDS.超音波破砕をかけて変性さ せた0.1mg/m1のサケ精子DNAを含む高塩濃度緩衝液中で行った。メンブレンは 2xSSC.0.1%SDS 中で65℃で30分間洗った後、0.1xSSC.0.1%SDS 中で65℃で30分間 洗い、フジBAS-2000イメージアナライザーを用いて解析した。

<ゲノムDNAを用いた解析>

実施例1、実施例2に記載した3、末端を持つHepG2 由来のcDNAライブラリーから公知でないGS160クローンを選別しサザンブロットのプローブとして用いた。

ヒトの全ゲノムDNAは正常の核型を持つGM0130b 細胞株より単離し、制限酵素EcoRI.BamHI.BgIII 単独あるいはその組合せで切断した。プローブとして用いたGSクローンは3'末端を持つcDNAであった。これらの各cDNAはポリ(A)と最も近いMbol部位(GATC)の領域を含み(Okubo. K. et al.. Nature Genetics. 2.173-179、1992)、BamHI.BgIII 部位を持たない。加えて、平均の長さは270 塩

基対なのでcDNA部分にEcoRI 部位を持つ可能性は高くない。事実、解析した160 クローンのうち 7クローンしかEcoRI 部位を持っていなかった。

切断したヒトのゲノムDNAをトランスファーしたメンプレンを、放射標識し たGSプローブでハイブリダイズし、厳しい条件で洗った。タンパク質をコード する領域はモチーフを持つ傾向があるのに対し、cDNAの3'末端領域は一般に固 有の配列を持つので、無関係のcDNA配列によるクロスハイブリダイゼーションは そのような厳しい条件下では起こりにくい。ハイブリダイゼーションの結果の例 は図13から図14に示してある。クローンs503とs632 (図13のa, b;ju nk) は固有の一本のバンドを生じたものの例である。以下に示すように、67ク ローンがこのクラスに属していた。バンドのパターンから、GS配列の制限酵素 部位に対する相対的な位置を推定した。クローンs311(図13の ć :GS000 092) はEcoR! 単独およびEcoR!+BanH! の切断DNAに対して単一のバンドを 示したが、他の二つの制限酵素による同時切断においては2本の異なった大きさ のバンドがみられた。従って、このような同時切断によって多重に存在するGS の解析が可能になった。同様の結果はクローンcl3a08(図13のd:GSOOO 055) で得られた。このクローンではEcoRI 単独およびEcoRI+BamHI の切断D NAでは2本のバンド、EcoRI+Bg111.BamHI+Bg111 では4本のバンドがみられた。 一方、クローンs479ではEcoRl 単独では4本のバンドがみられたが、EcoRl+Bgll 1.BamHI+BgIII ではバンドの数が減少した (図14のe; GS000180)。 これらの結果はハイブリダイズする断片の最大の数を明らかにするためには、い ろいろな方法でDNAを切断すべきであることを示している。我々の解析から41 .10.7.19個のクローンが各々2.3.4.5 本以上のバンドを含むことが示された。ク ローンsl4f0lとtvl-46 (図14のf, g;GS000407とjunk) は各レ ーンに少なくとも10本以上のバンドを含んでいた。EcoRI 部位は2つのGS配列 に存在していないので、バンドが何本も出ることはこれらの遺伝子が重複して存 在することを表していると考えられる。クローンkmb07 は厳しい条件でよく洗っ た後でもスメアーのパターンを示しており(図14のh;junk)、このプロ

ーブはこれまでに同定されていない反復配列を持っていることを示唆している。<<
染色体へのマッピング>

齧歯類の染色体に加えて単一のヒト染色体を持っている単一染色体ハイブリッド細胞のセットを集めた(図15)。13の細胞株はKoi ら(Koi, M. et al., Jp n. J. Cancer Res. <u>80</u>, 413-418, 1989)によって確立されたミクロセルハイブリッドでそのほかはNIGMS より得た。ビオチン化した全ヒトDNAを用いたin situ ハイブリダイゼーションによってこれらの細胞株でのヒト染色体を調べた結果も図15に示してある。

GSはハイブリッド細胞マッピングパネルを用いて染色体へマップした。3種類のメンブレンを調製した。各々のメンブレンはハイブリッド細胞より調製したDNAを持っており、EcoRI 単独、EcoRI+BamHI.BamHI+BgIII で切断してある。これら3種類のメンブレンの中で、全ゲノムのサザンブロットの結果にしたがって最大の数のバンドを生じたメンブレンを各GSプローブに用いた。ハイブリダイゼーションの結果の例は図16から図22に示してある。各レーン上の数字は各ハイブリッドセルが保持するヒト染色体の番号を、Hはヒト全染色体を示す。クローンs14g02(GS000152;図16)はEcoRI で切断した全ヒトDNAで一本のハイブリダイゼーションのバンドを示すが(lane H)、それに対応するバンドはヒトの第4染色体を含むハイブリッド細胞株についてのみ見られた。従ってこのGSは第4染色体上に位置する。

クローンs650 (GS000041;図17) は、EcoRI+BanHI で切断したメンブレン上で特有の7.5kb のバンドを示し、12番染色体上に割り当てられた。しかしながら、EcoRI 単独で切断したDNAではヒト特異的断片とげっし類とのクロスハイブリダイズした断片が重なったために、レーン3.4.9.13.22 にみられる単一ではあるが短い断片(1.3kb) は、チャイニーズハムスター中の相同なDNA配列を表し、他のレーンの3.3kb のバンドはマウス中の相同なDNAを表す。

クローンhm01e01(GS000181;図18) はEcoRI 単独で切断した全ヒト DNAで2本のバンドを示し、それに対応するバンドはレーン1と2で見られた。

従って、この遺伝子ファミリーの二つのメンバーがこの2本の染色体上に位置している。

図19はクローンc13a08 (GS000055) がBamHi+BgIII あるいはEcoRi+BgIII で切断した全DNAに対して4本のバンドを含むことを示している。一方、EcoRi 単独あるいはEcoRi+BamHi で切断したヒトDNAでは2本しかバンドはみられない。従って、BamHi とBgIII とで切断したDNAのパネルをこのクローンに用いた。2本のバンド(12.3kb.7.5kb)がレーン7 に見られ、5.2kb のバンドはレーン2、3.2kb のバンドはレーン17に見られた。チャイニィーズハムスターDNAとクロスハイブリダイズする2 本のバンド(6.0kb.3.8kb) はレーン3.4.9.13、22 にみられ、マウスのDNAとクロスハイブリダイズする単一のバンド(3.5kb) は他のレーンに見られた。

クローンs479 (GSOOO180;図20) はEcoRI で切断した全ヒトDNA に対し4本のバンドを示した。EcoRI で切断したDNAのパネルを用いたハイブリダイゼーションの結果、10.5kbのバンドがレーン7.19に、8.5kb のバンドがレーン8 に、7.8kb のバンドがレーン11.12 に、3.5kb のバンドがレーン11に見られた。従って、ヒト特異的遺伝子は第7.8.11.12.19染色体中に分散している。この中で、10.5kbと7.8kb のバンドは2 つの大きさの重なったDNA断片よりなる。レーンHにみられるように、これらの重複した断片のバンドは通常のバンドよりも濃い。レーンH中及びレーン11中の3.5kb のバンドも濃いことから、このバンドも重複した断片からなることを示唆している。

クローンs173 (GSO00094) はEcoRI で切断した全DNAで5本のバンドを示す(図21)。 4本のそれに対応した断片は4.5kb のバンドの一つをレーン1 に含んでいた。もう一つの4.5kb のバンドはレーン4 でみられ、レーンH中のバンドが重復していることを示している。さらに、濃い3.1kb のバンドがレーン17でみられた。

クローンhm01g02(junk;図22)は全DNAと単一染色体とのハイブリッドで多数のバンドがみられた。このクローンは多重関連遺伝子ファミリーを表し

ているに違いない。また、このクローンは齧歯類の相同遺伝子と保存された配列をもち多数のバンドを生じる。大部分のヒト特異的及び齧歯類のバンドは重複するので、染色体のマップはできなかった。制限酵素の組合せを変えても重複した断片の解析はできなかった。

160 種類のGSについての全ゲノムDNA解析及び染色体へのマッピングの結果を図23~26に要約した。4種類の異なった切断を行ったヒトDNAを用いた全ゲノムDNA解析から、67クローンが1本のバンドのグループに、41クローンが2本のバンドのグループに、10クローンが3本のバンドのグループに、7 クローンが4本のバンドのグループに、19クローンが5本以上のバンドのグループに分類された。9クローンは今回のハイブリダイゼーションの条件ではバンドがみられなかった。

2本のバンドのグループ中のクローンの割当から、そのうち15クローンにおいて2つの遺伝子が異なった染色体上に位置しており、クローンs 317を含む遺伝子は同一染色体上に位置することが示された。3本のバンドのグループのクローンs 308 (GS000412) とs401 (GS000224) は、2本の断片が同一染色体上に位置しており、クローンhm05g02 (GS000209) とs17a10 (GS000294) は異なった染色体上に位置することを示した。4本以上のバンドがみられるクローンは染色体中で比較的分散した分布を示した。なお、実施例9において「junk」とは、GSと同じ方法でクローニングされたDNA断片であるが、GS番号が付与されなかったものである。

[実施例10:GSを用いた遺伝子のクローニング]

[実施例10A. 酵母リボソームタンパク質S28 (yeast ribosomal protain S28) のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAのクローニング -GSの一部からなるプライマーを用いたPCR法による完全長 c DNAのクローニング (1) -]

「HUMGS00500の相補鎖と実質的に同一なDNAの一部からなるプライマー」

(5'-TGAAAATTTATTACTACACTCTTTTCACCA-3'(配列番号: 7839)) と「c DNAの5'末端側に位置するベクター (p S P O R T) 配列に相補的なプライマー」 (5'-TAATACGACTCACTATACGG-3'(配列番号: 7840)) とで、HepG2 c DNAライブラリーに対してP C R 増幅を行い、酵母リボソームタンパク質 S 2 8 (yeast ribo somal protain S 2 8) のヒトにおけるホモログをコードする完全長の c DNA をクローニングした (Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4394, 1993)。

【実施例10B. ラットリボソームタンパク質L9 (rat ribosomal protain L9) のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAのクローニング -GSの一部からなるプライマーを用いたPCR法による完全長 c DNAのクローニング (2) -]

「HUMCS00418の相補鎖と実質的に同一なDNAの一部からなるプライマー」(5'-CTTCTTTCTGTACCCAGGTAACTCT-3'(配列番号:7841))と「c DNAの5'末端側に位置するベクター(p S P O R T)配列に相補的なプライマー」(5'-TAA TACGACTCACTATAGGG-3'(配列番号:7840))とで、HepG2 c DNAライブラリー(前出)に対してP C R 増幅を行い、ラットリボソームタンパク質L9(rat ri bosomal protain L9)のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAをクローニングした(Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4395, 1993)。

[実施例10C. ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質 (phosphatidylethanolamine-binding protain) のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAのクローニング

-GSの一部からなるプローブを用いたハイブリダイゼーション法による完全長 cDNAのクローニング-]

「HUMGS00421の一部からなるプローブ」(5.-GATCCTTCTTCATGCGGGTAAGAAAACCT GCTCTGGACTTGCTGAATGTTGCATTAATTGTCCTGTTTGCTTGTAGTTGAATAAAAATAGAAACCTGAATG AAGGAAA-3 (配列番号:7838))を用い、ハイブリダイゼーション法によって、

ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質 (phosphatidylethanola mine-binding protain) のヒトにおけるホモログをコードする完全長のcDNA をクローニングした (Hori et al., Gene 140:293, 1994)。

[実施例10D. ヒトのMplリガンド

-GSを用いたヒトMpl-リガンドcDNAのクローニング-1

本実施例は、5 RACEの改良法である5 SLIC (single ligation to single stranded cDNA) 法を用いている。5 SLIC法については「Nucleic Acids Res..19. Vol.19. p.5227-5232(1991)」に記載されている。

①cDNAの逆転写とアンカーの付加

鋳型は、5'-AmpliFinderTMキット(東洋紡績株式会社)の試薬を用い、添付さ れているプロトコールに従って作製された。即ち、 2μg のヒト胎児肝臓 polyA * RNA(CLONTECH Laboratories. Inc. 社より購入) に、遺伝子情報配列(GS)HUMG S02342の最も3'側に対応する配列 5'-TTTTCGCCGCTCCCATTTATTCCTT-3'(配列番号: 7842) からなるプライマーであるPA-6プライマーを10pmol加えて混合し、65℃で 5分間加温し変性させた。AMV 逆転写酵素、RNaseインヒビター、dNTP混合 物、反応緩衝液、及び熱変性した試料を混合し、52℃で30分加温することにより c DNAの合成を行った。次いで、EDTAを混合物に加えることにより反応を停止 させた。NaOHを反応混合物に加え、65℃で30分加温することにより混在するRNA を加水分解し、酢酸で反応液を中和した。この中和溶液にガラスビーズ(GENO-BI $\mathtt{ND}^{\mathsf{TM}}$) \mathtt{cNal} を加えて、溶液中の \mathtt{cDNA} をガラスビーズに吸着させた。ビーズ に吸着させた c D N A は、80% エタノール水溶液で洗浄した後、蒸留水50 μ1 中 に溶出した。精製 c D N A 溶液にグリコーゲンを加え、 c D N A をエタノールで 沈殿し、蒸留水6 μΙ に再懸濁した。この懸濁液2.5 μΙをキットに添付されて いるAmpliFINDER アンカー (5'-CACGAATTCACTATCGATTCTGGAACCTTCAGAGG-NH₂-3 (配列番号: 7843)) 4pmol、T4RNAリガーゼ、及びligation緩衝液を含む

- 42 -

溶液に加えた。反応混合物を室温で一晩反応させることにより、反応混合物中のAmpliFINDER アンカープライマーは、cDNAの3 末端に連結された。連結された生成物は、次いで、以後のPCRの鋳型として使用された。

②PCR(Polymerase Chain Reaction) による増幅

一次PCRは、前記①に記載の操作により作製された鋳型、アンカープライマ - (5'-CTGCTTCCGCCCACCTCTGAAGCTTCCAGAATCGATAG-3'(配列番号:7846))、及 び、配列5 -CTCGCTCGCCCATCCTTATACAGGCTCAGTTTTGTCT-3 (配列番号:7844) か らなるPA-5プライマーを用いて行われた。即ち、鋳型 1μ \mid を、Taq DNA ポリメ ラーゼ(宝酒造株式会社、Code No. ROOLA)、dNTP混合物、PCR緩衝液、PA-5 プライマー、及びアンカープライマーを各10 pmol と混合した。その反応混合物 を蒸留水で、最終容量50μl に希釈し、PCRはDNA Thermal Cycler 480 (Perk in Elmer Cetus Corp.) を用いて行った。反応混合物を94℃1分間、63℃1分間、 72℃3分と連続して加温するサイクル40回のPCRにかけ、最後のPCRでは、 72℃で更に8分間加温した。PCRの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行 ったところ、PCRの生成物に相当する長さ約800 bp対の幅広いバンドが検出 された。検出されたバンドはアガロースゲルから切出し、そこに含まれるDNA は、Sephaglas Bandprep KitTM(Pharmacia Corp.) を用い、キットに添付されて いるプロトコールに従って回収された。即ち、ゲルをNal 溶液に溶解し、その混 合物を60℃で10分間加温した。ゲル混合物にSephaglas TM BP を加え、DNAを そこに含まれるガラスビーズに吸着させた。次いで、吸着されたDNAを含むガ ラスビーズは、キットに添付されているWash緩衝液で3回洗浄し、TE緩衝液(10 mM Tris-HCl pH 8.0, 1 mM EDTA) 30 μl に溶出させた。

溶出したDNAの1 μ1を2次PCRの鋳型として用いた。2次PCRでは特異性を高めるため、5'-CTCGCTCGCCCATGTATAGGGACAGCATTTCTGAGAG-3'(配列番号: 7845)の配列からなり、鋳型配列内でPA-5プライマーの内側に位置するPA-4プライマーとアンカープライマーを用いて反応を行った。即ち、1 μ1 の鋳型を、Ta

q DNA ポリメラーゼ (宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A) 2.5 ユニット、dNTP混合物、PCR緩衝液、及び、PA-4プライマー、アンカープライマーを各々 10 pmol と混合した。その反応混合物を蒸留水で稀釈して最終容量50μ!とし、94℃ 6分前加温した後、前記①に記載の一次PCRと同じ条件下で二次PCRを行った。二次PCRの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行ったところ、再び長さ約800 塩基対の幅広いバンドが検出された。検出されたバンドは、アガロースゲルから切出し、それに含まれるDNAを前記①に記載の一次PCRと同じ条件下で精製した。

③プラスミドベクターへのサブクローニング

二次PCRの精製DNAは、SureClone TM Ligation Kit (ファルマシア社よ り購入)を用い、キットに添付されているプロトコールに従い、プラスミッドベ クター pUC18 (ファルマシア社より購入) にサブクローニングされた。即ち、精 製したDNAを、Klenow ポリメラーゼ、ポリヌクレオチドキナーゼ、及び反応 緩衝液を含む溶液に加え、混合し、37℃で30分加温して、反応混合物に含まれる DNA分子の平滑末端化と5 末端のリン酸化を行った。この平滑末端化とリン酸 化をされたDNAを、Ligationキットに添付されている、脱リン酸化され、Sma 」で切断されたpUC 18ベクターの50 ng 、T4 DNA リガーゼ、DTT 及び ligatio n 緩衝液を含む溶液に加え、この混合物 16 ℃で、3 時間保温した。反応溶液の 1/6容によって、常法により、コンピテント細胞化した大腸菌(E. coli) を形質 転換した。即ち、凍結したコンピテント細胞化した大腸菌(和光純薬工業より購 入)を融解し、連結されたDNAと混合した。その混合物を氷上に20分放置し、 42℃で45秒熱処理してから、氷上で2 分放置した。培養液[Hi-Competence Broth (和光純薬工業より購入)]を、形質転換された大腸菌を含む混合物に加えた。 この混合物を、37℃で1 時間インキュベートし、100 μg/mlのアンピシリン、40 μ g/mlOX-Gal (6-bromo-4-chloro-3-indolyl- β -D-galactoside) ~ 0.1 mMOIP TG (isopropyl-β-D-thiogalactopyranoside) を含むアガープレートに撒き、37

でで一晩培養した。その結果、アガープレート上に現れたコロニーの中から、白いコロニーを選び、PCRによりDNA挿入断片の有無を検定した。即ち、選択したコロニーを、1ユニットのTaq DNAポリメラーゼ、dNTP混合物、PCR緩衝液、及び、それぞれ、200 μMの5、-CCAGGGTTTTCCCAGTCACGAC-3、の配列(配列番号:7847)からなるM13 P4-22 プライマーと5、-TCACACAGGAAACAGCTATGAC-3、の配列(配列番号:7848)からなるM13 P5-22 プライマーを含む反応液50μ1に加え、PCRを行った。ここで、両プライマーは、pUC 18 ベクターに相補的な配列からなっている。この混合物を94℃で6分加温してから、試料を連続して94℃で1分、55℃で1分、及び72℃で2分インキュベートすることからなるサイクル30回のPCRにかけた。増幅された挿入断片は、アガロースゲル電気泳動により検出され、挿入断片を含むクローンpR02342-2が選択された。

④c DNAの配列決定

プラスミドDNAは、QIAPrep-Spinキット(フナコシより購入)を用い、キットに添付されている一般的なアルカリ-SDSプロトコールに従って調製された。即ち、クローンpR02342-2 のDNAで形質転換された大腸菌細胞を、100 μg/mlのアンピシリンを含むLuria Broth 培地で、一晩培養した。次いで、培養細胞は遠心分離してペレットにし、キットに添付のPI溶液に再懸濁した。この菌懸濁液にキットのアルカリ溶液であるP2溶液を加え、室温で5分インキュベートしてキットのN3溶液で中和し、氷上でさらに5分インキュベートしてから遠心した。遠心された溶液から得られた上清をQIAPrep-Spinカラムにかけた。次いで、Spinカラムを先ず、キットのPB溶液、次いPE溶液で洗浄し、DNAはTE緩衝液によりカラムから溶出された。次いで、溶出されたDNAの配列決定は、配列決定キット、PRISM TM Terminator Mix (Applied Biosystem Corp.)を用いて行った。約1 μg の精製DNAを3.3 pmolのM13 P4-22 プライマー、或いはM13 P5-22 プライマーと9.5 μl のPRISM TM Terminator Mix を含む溶液と混合した。M13 P4-22 及びM13 P5-22 プライマーは、クローンpR02342-2 のDNA挿入断片の両端の鎖の

配列を決定するため用いられた。この反応混合物は、蒸留水で最終容量20μ1 に稀釈し、各サイクルが、試料を96℃で30秒、50℃で15秒及び60℃で4 分の連続インキュベーションである P C Rを25回行った。反応混合物中に存在する過剰のプライマー及び蛍光色素を、MicoSpinTM S-200 HR カラム(ファルマシア社より購入)を用いたゲル濾過により除去し、D N AをEtOH沈澱により回収した。このD N Aを自動シークエンサー "モデル373A" (Applied Biosystem Corp.) を用いて解析し、ヌクレオチド配列を決定した。

ヌクレオチド配列の分析により、クローンpR02342-2 の挿入断片は、PA-4を含んで 608塩基対の長さであることが判明した。この挿入断片の配列は、Gen Bank データベースでホモロジー検索を行ったところ、ヒトのmpl-リガンドをコードする c D N A (アクセッション番号 L33410 、Nature 369, 533-538, 1994)の配列と、100%一致することが見いだされた。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片を、ヒトのmpl-ligandの c D N A配列と比較した結果、クローン化された挿入断片は、Open Reading Frameの3 末端の81塩基対を含むことが判明した。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片の3 末端側には、Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl ーリガンドの c D N A配列には存在しない配列が見出だされた。このことは、GS HUMGS02342 を用いて、Gen Bank アクセッション番号L33410で登録されているヒトmpl ーリガンドの c D N A とは異なり、且つ、さらに望ましい性質を持つ可能性のある c D N A、クローンpR02342-2 のクローニングに成功したことを示唆するものである。

⑤完全長のヒトupl-リガンドをコードする c D N A のクローニング

好適なPCRプライマーを見つけるために、適切なコンピユータプログラムを用いて、クローンpR02342-2 の配列を探索し、プライマーPA-7を設計し、合成する。前記②に記載のPCRと同様のPCRを、前記①に記載の操作に基づいて作製する鋳型、アンカープライマー、及びPA-7プライマーを用いて行う。即ち、1μ1の鋳型を、2.5 ユニットのTaq DNAポリメラーゼ(宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A)、dNTP混合物、PCR緩衝液、及びPA-7プライマーとアンカー

プライマー各10 pmol と混合する。この反応混合物を、蒸留水で稀釈して最終容量50μl とし、DNA Thermal Cycler 480 (Perkin Elmer Cetus Corp.)を用い、前記②に記載の条件と同様の条件下でPCRを行う。次いで、PCR生成物を、1%アガロースゲルで電気泳動し、PCRの産物に相当する長さ1300塩基対よりも大きなバンドが回収され、前記③に記載されたのと同様の方法で、適当なベクターにクローンニングされる。クローン化されたDNAは、前記④に記載されたのと同様の方法で配列が決定される。次いで、この配列は、Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl-リガンド c DNAの配列と比較され、完全長のOpen Reading Frameの存在を確認する。

一方、Takara La PCR キット (宝酒造株式会社、 Code No. RR011)を用いて、キットに添付のプロトコールに従い、前記②と同様のプライマーを使用した5' RACE法を行ったところ、ヒトロローリガンドに相当する長さ約2Kb の c DNA が単離できた。

以下、本願発明に係る発現頻度の表とGSの配列を記した配列表を示すが、この配列表において、クローン名「HUMGS....」は、GSナンバーを表わす。なお、配列表に記載された塩基配列中のNは「A又はC又はG又はT若しくはU」を表す。但し配列表に記載された核酸はDNAであるので「T若しくはU」はTを意味する。

本願発明によって、種々の細胞における「発現情報」が付加され、細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができるDNA及び医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたDNAが提供された。

뿄	GenBank target size	2691	1013	1 :	2345	:		1397	• :			;	874	1696	651
8	match starts at (GenBank)	2003	10	5	1737	;	; ;	784	- ;	:	:	•	346	153	10
H	match starts at (GS)	न	- 1-		=	- -	!	न	 -		<u>:</u>		<u> </u>	<u> </u>	1+4
BG	match size	150	629	3 :	613		<u>-</u>	697					9	დ	14
BF	match %	بم:	ıα		91-			100	÷	_			1 53		9 334
		ક	10		:	•		8		:		•	93.	8	97
H	ANSm tegret for tearget mossessook	M77349	105749		2875			98856		:	: :		4711	6989	M31469
80	taste bud of tongue	0	0 0	10	<u> </u>	0	010		010	910	10	010	:∞:	<u>-1:</u>	300
BA	neuroblastoma	,		,	•										
A	peripheral granulocyte														
AW	corneal epithelium	20	010	1010	9 6	0	010	10	010	·	0	00	:0:	nie	9 6
AU	yisceral Fat	0	0 0	1010	<u> </u>	10	00	10:	00	اهاد	0	010	0	His	910
AS	cerebellum	9	00	1010	s i e	10	4.0	ioi	0 0	0	0	010	:0:	H16	olo
¥	aspazib namiadzíA														
¥	tibroblast														
3	keratinocyte														
₹	squamous cell carcinoma of lung														
B	adenocarcinoma of lung														
퇿	cerebral cortex														
AA ACABAGAIJAKAWACIAGASAUAWAYBABC	small cell carcinoma of lung	0	0 0	010	910	10	<u> </u>	0	0 0	0	<u> </u>	0 0	د ر	110	0
डो	icojou uncosa														
X	osteoblast					į.		;							- 1
≆	dortic endothel														
5	subcutaneous adipose		٠,	•			•	. :	i i	:					
S	ճun լ (•													
0	navií flubajo	- 1						•		:					
0	Pavif Welic														
Σ	nevil wobje	•	. ;	•	1 1		. :								10
포	AqT+03 JHqm. e			•	: '	•				١.			H . 0		
1	» і рлин С60+0M20	:			:								2 2	10	0
ပ	. 69.JHmmi a	Pig	oi Øi	0:0	01	<u> </u>	, (8)	910	0	Ø i e	2:0		V: 00	:0:	6
ω	Z)deh[:-	11-	1	7 . H	e-4	; 	्न	ان د ن	17	7.7	<u>ः</u> गुल	11-11-	71 N	.ता	7
S	7 ; č	<u>}</u> 1⊷	limii	ni el	17	7 im		m	7	m·r	-	्तः,	128	: +-1 1	3
20	Sequence No.	00002	00003	00000	90000	90008	60000	20010 20011	20012	20013 20013	2001	30016	90018	600019	0000
∢	59.55														
	- N	3	4	9	_	0 61		-21		4 S	9		96	Q2	7 17

48

|数

_	1
~	u
m	×

Name		431	99		2:2:2:	160
A	8	14	8		11.8	
Name	m	520	16		,4T (M) (D).	1N
Name	BH		• स्व	:		18
A A A A A A A A A A	BG	1 (0)	: 17		222	12
A A A A A A A A A A	Ĭ,	1	4		141010	14
No.	Щ		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		9.9.	
No.	器	3225			951 970	100
No. 10 N	0	၂ မို	34		191912	in the second
Name	8					
No. 10 N	8					
No. 10 10 10 10 10 10 10 10	۷					
A	7					
Name		010101010	910 HI 0 0 0 0 0) O N H O H O	01010101010	1010101010101010101010
Name	O	1				
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	ס	0:0:0:0:0:0	00000000000	1010:010	ololololo	000000000000000
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	Ž					
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AK					
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A		0.010101010		10000000	NO HIOMO	000000000000
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	Ř			1 . :		
A Memory 2000 A Memor						
A A S S S S S S S S S S S S S S S S S S	বা					
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	_					
A	≥					
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	_					
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C						
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C						
A B C E C E C E C C E C C E C C E C C E C C E C						
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C						
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	_			000141010	0:00000	01010101010101010
A B C C E C C C C C C C C C C C C C C C C		୦:୦:୦·ଲ ୍ଡ :୦		•	•	
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	9	0.0:0:0:0	101010101010	@1010:01H10	0000000	ଡାଡ:ଡାଡାଡାଡାଡାଡ:ଡାଡ
A B B C00023 000022 0000022 000022 0000022 0000022 000022 000022 000022 000022 000022 000022 000022 000022 000022	الد	ਜ਼-ਜ਼-ਚ- <u>ਲ</u> -ਜ			·ਜ ਨ ਾਜਾਜਾਜ;ਜ.	नःसंसंसारांनानःतानःतान
A	ان	ਜ ਨਾਜਾਨਾਨਾਜ	HISHHH HINIS	M:010-H:N:W	w 8 - 1 9 - 1 4 ·	ส.ส.ส เตเ พเพเสเพเสเลเพเช
A	4.					
A	2	2000 2000 2000 2000 2000 2000 2000 200	00022 00026 00030 00031 00032	00035 00035 00036 00038	98841 98842 98843 98844 98845	00046 00047 00048 00050 00051 00052 00053 00054 00055
NEW TOTAL TO	V S	60026 60026 60028 60029 60039	00033 00034 00036 00036 00039 00039	20041 20042 20043 20045 20046	98647 98649 98649 98651 98651	20056 20056 20057 20057 20057
2555 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5	+			- - - - - - - - - - 	 	919:9191919191918
	-	23 24 26 27	28 30 33 33 34	2 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	4444343	5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5

BI

BG BH 344 1 1 नन

	Ţ	4		! <	ŧ				io	nio	A . J	-100	119	,	_	im	i	- -		÷	'n				-				÷) P			100	· m	
12	5	92.4		10	<u>.</u>				16		94.0						9			:	. 46		18		•						9			٠.	9:1	
#		M34664		15061	1000				023660	2020	104953	8246	0218			3195	184334			: - :	7206		4326			-		-		1446	211793	565756	3	1921	72000	
1		Σ Σ (δ		3			_		2 6	≺:נ	<:=		ıi≻<			KØ3.					X		18€				•			į	12	295		8	ig	
ĕ	1			٠				;	•		:		.0										0			•	.0	1	: 6	. 6	0:0	0	0	0	0	:0
BA									•	-		•						•					0				0	٠ 0	io	10	0	0	:0	12	10	0
A	•	916	10	0 . 6	16	016	010	0	٥) i G	0	17	0	10	10	io	0	10	10	10	0	10	0	Ö	10	0	10	0	10	10	:0	0	: 0	0	10	10
MA	17	916	0	PIG	PIG	is	016	is	» i «	ی ا	0	10	10	10	10	12	im	10	169	10	. –	6	10	9	<u>.</u>	· •	10	: 60	10	10	<u>.</u>	.0	0		10	10
P	1	916	0:0	016	ی زو	: 6	0	ie	-	· -	110	10	10	0	:0	10		10	10	10	.	10	10	: 	. 0	0	9	~	:0	:	.	0	0		10	0
AS	†-	1 0	16	210	10	: 6	0.0	10	: G) i G	10	-	6	0	. 60	:	0	10	:0	0	0	10	0		:0	0	0	·	10	10	10	_	: 69	<u> </u>	:0	0
A	4) · G	9:6	010	16	1 6	0	10	. 6	116	010	10	:0	.0	0	.0	0	100	:0	0	<u>~</u>	100	10	160		_	-		-		• •	_	_	_		-
Ю	6	016	. 6	10	10	10	0		10	1	110	10	· (0)	10	10	10	0	· ·	<u>. 0</u>	0	<u>~</u>			_	0		_	_		100		~	:0)	-	- 0	-
X	10	2:0	165	20:0	:	10	. 0		:			:	:	_	-	-			_			_		:						-	10	_	_			0
13	J.		•	:	:					1	•	1	•	•	2	1			•			60	10	10	.0	_	· ~	· M	: ! ©	1 © :	:0	0	.0	4	0	0
I₹	1		<u>:</u>	_					!	1	0	<u>:</u>	<u> </u>			<u>:</u>	-	. 60	10	10	4	; 00	1 0 1	(O)	0	-	0	·M	. 0	6	0		.0	. 	0	0
GAI	1	110			. i.			10	1	!-		0	0	9	10	in	7	0	0	0	н	0	7	0	0	0	0	·M	0	0	171	0	0	Н	0	0
	L	910					:0	-0	10	·-		: ©	9	0	10	10	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	· v	0	0	10	0	0	-	0	0
Ž	┸	010	•			:0	10	10	1	10	10	0	0	0	:0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	· - 1	0	10	0	0	0	0	0	ਜ
AACABA	ı	. 0			i	.0	:0	9	. –	; (0)	:0		: ©	: :	0	.0	~	16	0	0	7	0	0	0	0	0	0		0	0	· न्न	0	:0	00	0	0
₹	G	. 0		10	0	0	10	10	न	0	0	<u>.</u>	0	0	0	0	0	0	6	-	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	10	0	0	7	(S)	0
>	0	0	: 60	:0	0	10	0	0	ਜ	10	0	0	0	0	0	6	~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	_	0	0	10	0	.0		0	0
3	9	10	न	· 6	0	: 0	9	_	0	0	10	0	0	0	:0	0	0	10	0	0	S	0	0	0	0	7	0	Ŋ	0	0	10	ਜ	. 0	7	0	0
5	0	io	0	10	io	0	:0	0	7	0	0	0	0	0	10	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	нi	0	۰	0	0		0	0	ဖ	0	0
S	0	0	.0	0	0	0	0	6	~	:	न	6	0	0	0	0	7	-	0	0	₩,	0	0	0	0.	© :	0	7	0	0	0	0	0:	ᠽ.	0	0
0	0	:0	0	10	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	: 	0	0	0	0	-	0	-	7	0	0:		0:	0
0	0	:0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7		0			0	0	0	0	01	0	0	0	m	0	0	0	₩;	71	0
Σ	0	10	0	10	0	0	:0	0	-	0	0	0	0	0				0	6	0	0	0	0	0	0	<u>.</u>	01	0	0	7	0	0	0	0	0.	ᇹ
¥	0	0	0	0	0	0	:0	6	· vo	न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u>ا</u>	0	0	0	0	ला	0	~	0	0	0	0	0	 ;	0:	0
	0	0	m	Ö	0	0	0	0	~	н	0	0	01	0	0	.0.	٦,	0	0	0	7	01	01	ا 0	© :	41	0	4	0	0	0.	0	01	01	0	히
9	0	: 0	0	0	0	0	0	0	m	: 0	0	© :	0	0	0	0	m:	0	0	0	m.	0:	0	o .	6 .	O i	9	S.	0	0	0	0	<u>o.</u>	₹:	0	
E	7	ਜ	~	ਜ	+1	T	π.	H	-	-		ਜ:	₩.	+	п	-	N.		<u>-</u>	 -	ᠳ,	-		7	7	 -	ᆏ.	9	7		7	-		2	7	ᅱ
	4	· 	~	ਜ	-	-	-	7	34	17	171	4	न ,		स:	N.	<u>5</u> e	4	+ 1	7	m·		41	~	21	<u></u>	7	25:	7	~	6	m:	7:	<u>=</u> -	4	7
ပ			•						•	•	•	•					٠,			•								┛.						4		
8	057	99958	98659	09000	90061	29000	99963	96	99965	990	29000	890	69000	929	99971	2000	88873	90004	90075	9002	226	378	90079	30080	381	282	8083	84	8	98000	87	88	<u>و</u>	9600	6:6	26
			_						_	_		_ ;						-	:		800	٠.	8	8	88	8000	8.	90084	8	8	8.	88088	6808	8	8	8
∢	69000	0000	00071	2000	99973	00074	90075	9000	2000	8000	62000	98000	99081	99982	8000	90084	99985	98000	28008	88000	68000	8 8 8	0001	8092	8003	90004	36000	96000	2600	86008	6600	99199	20101	00102	9103	18
ll	_	-			_	_	•	_			.	، بي	.	.	: ري	. w	؛ بري	ω .	0):	Ø ·	٠. ن	Q :	6	0	© :(S 3 : (0	Ø:	o	0	Ø	Ø	ଷ:	5	8	5

-
#15
148

BK	532	255	1918	1200			479		4586	518		2543	723	1078	2029	
面	154	:	1551	840	:		144	!	4238	ıw		2202	416	267	869	
H	-		न न	्ति	-i :		ान	: ;	·			ं स्व	н.	<u>.</u>	1	
BG	384	27.2	- 100	362		· ·	336		100	348	<u> </u>	339	20	313	33	:
u_	100		1 7	ıω		;	100	:	8	Ψ.	- 	ं ल	~;	:4	14: IW:	-
B	1.99	·	95	. 18	! , <u>:</u>			<u>:</u>		9		181	ිති ·	:8 	18	
H	63237	Kai 396	X04098	14630			55954		 (54326	55923		16660	119	D00763	03445	
BC	@10:01W		000	<u>:Σ</u>	ioio	; <u> </u>	· · ×	00			o. ⊢. ⊘				1010	1010
াব	010:0:0	000	اماهام	01010	loio	नाठ	; 1017	0:0	ioio	HIC	9 9 9	:0 H	<u> </u>	· N: Ø		100 m
AKAMAOAGASAUAWAYB	0101010	00-	00	000	100	লাত	100	410	1010		<u>बाळां</u> ळ	10 0	010	10:0	100	oio
A	01010141	000	oloi	000	100	00	1010	110	100	710	مأطأه	000	<u> </u>	0:0	io:w	991
M	Ø Ø Ø H			• •			1010	4:0	10 न	नां	0 0	10 m	410	0:0	100	1010
₹	0:0:0			:	•					:	:	् जाता		٠,		
K	0.4:0.4I			000		•	•		•						•	1010
X	0 0 2		:							٠.		<u> </u>				1010
\$	00:00	•	: : :	:			: 1		: .		i	; . i			1014	
AA	@1@1@1m1	:	i	000	1 :	•	:	: :						: :		
9	00000		1_:::	000								(O) (O)	:	• *		: : 1
ABAG	0000	010:0	•		•		:	•	•	<u> </u>		10 · -1		<u>: : : : : : : : : : : : : : : : : : : </u>	:	
AC	@1@1@1@1	0000	ां छाना	01410	1010	1010	जिल्ल	00	00	010	91010	1014	लां	110	10.4	1012
¥	0 2 0 0	01010	्राक ला	010:0	اهزه	00	1 71 =	010	00	0 0	000	1010	नाठ	0:0	. ~ ! @	
7	0 - 10 m	01010	lo m	<u>oloio</u>	100	00	00	<u></u>	छ न	0	هاهاه	1014	4 0	00	1010	10 H
*	01010:0	0.010	<u>।</u>	0000	न: ७	olo	00	00	00	~ 0	ololo	 0 	00		नाठ	00
n	01010	000	100	01010	00	0:0	00	00	0:0	010	<u>oioio</u>	00	N 0	नाठ	1010	00
S	00000		: .	•		: .	•				•	:				- 1
0	0 0 0 0					:		• :	, ,		; !		:			
0	01010:01	i		01010		1	: :		: 1		•		:	: •		.
Σ	Ø:010; H	:		, :	!	! !	i i	: :		j	1 :	: :	: :	١ ١		: :
Y	0 0 -10	N.H.H	10101	0 -10	100	010	1012	010	010	HI6	000	1014	4.0	010	1417	00
-	Ø:4:0:01	0:0:0	1010	Ø 4 Ø	1010	-HIO	1010	010	00	010	01010	10.01	010	0:0	(O	00
၅	@ H @ m	0.0.0	10 H	Ø:4:0	00	014	0.0	4'0	010	010	01010	00	4.0	न:0	-i-0	00
Ш	4 2 4 2			<u>~;~</u>	410	. ਨ ਾਜ	-4.2	7.7	٦.٧٠	٠,٠		ਜ ਜ.	<u>м</u> . н.	7 -		·
၁	H-8-12-E	<u>₩</u> :ν·ν	નાજા	7. C. w	7:7	.N14	4:4	७ त	.नां ७	ੜ:-	गंजन	2 4	2	9	13.8	. п :6
8	88893 88894 88895	2009 2009 2009 2009 2009 2009	20100	80102 80103 80104	20105 20105	90107 70108	Ø109 Ø110	20111 20112	Ø113 Ø114	9115	9117	0119	0121	Ø123 Ø124	Ø125 Ø126	Ø127 Ø128
			<u></u>	2 9 2	18 6		216	2.0			32.33		0:0:		6.0	
٨	90105 90106 90107 90108		9011	8011 8011		9912	9812	9012	9812	9012	0013 0013	0013 0013		9013 9013	9013	9014
	94 96 97	860 860	101 102		106 107	108 109	110	112	114 115	116	118	120	123	124 125	126 127	128

L	1	ľ	1
ł	ĺ	k	

뽔		1618	771	425	5943	802	512	· :	1187	4 :21:e:51
B		1245	452	110	5189	519	210	• • •	879	31 1269 36 1001
표		i e		ानान		i	ਜ਼ਿਜ਼		ाना	
BG	: :	329	828	17.7	23	283	312		599	N. HIWIN
1		00	i4:	iwiw iwiw	0	19	~ ~			
8		86	8	818	18	180	98:58		86	8 6 1
E		305682 	5607	M11948 M23613	1982	M3Ø496	7887		2623	6658 3000 9739 6323
6			X	Z Z	<u>\$</u>	E 1010	[불]불 :	000000	· [모]	X K K K K K K K K K K K K K K K K K K K
뭄		. :		. :	•	•	:		: ' !	<u> </u>
묏	L i					1	,	• • • •		010101010
X			: : : : :	1 1	: :				: :	919:H:NIN19
ALIAN			•							0 0 0 0 0 0 0
S	0101010	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	10000			i	<u> </u>			91919191919
AGA	010:010	01010	m 010101	000	000	0:010	HIN101	ତ:ଡାଡାଡାଡ	10:010:	9 ਜਾਂ•ਾਜਾਂ•ਾ
AQ	00000	01010	10101010	91718	000	10·H10	V.410	00000	1000	HI0:010-HI0
3	ଡାଡ:ଡାଲ	000		9 6	00	<u>। ७ ता ७</u>	141010	6 1-16 6 6	000	000000
AKAM	NIOIOIO	000	0000	0 4 0	000	000	N 4 0	00000	0-10	<u> </u>
F	0000	000	0000	<u> </u>	00	000	N-110	000000	00 4	<u> </u>
BAG	00000	000	4000	<u>s n l o</u>	00	000	01010	00000	1010101	0000000
I					00	<u>। जानां ज</u>	७ ना	00000	ioloimi	ভাতাতালাত
AC	0:0:0:0		14000	2144	00	1000	1010	000000	<u>lololni</u>	01010:010
\$	0.0 H.H	010:0	0000	9 W H	0.0	01-10	41410	00000	O O -1	HI010:01010
≻	0000	000	0000	240	00	00:0	क नाठा	00000	101010	<u> </u>
≥	0 0 0 0	000	0000	1 m 0	00	নভাত	1010101	<u>। । । । । । । । । । । । । । । । । । । </u>	000	0 0 0 0 0 0
n	0 0 0 0	000	0000	91/16	00	000	N 0 0	000000	0.0.0	<u> </u>
S	0 0 1	0000	4000	9 10 6	00	0 40	लिल	00000	000	0 0 0 0 0 0
0		! :	. ! ! ! .	; ·	1 :					9 9 9 9 1 9
0			1 1 1 1 1	1 1	. :		•	! : :		0 0 0 0 0 0
Σ	0:0:0	000	0.0000	000	000	01010	i 	000000	<u>। छ। छ। स।</u>	010.01010
¥	0 0 0 0	0000	0000	D 00 H	0.0	41010	N-H 0	ତାମାତ ମାତ	0.00	<u> </u>
	0 0 0 0	0:0:0	00000	o mile	1010	41010	miolo:	00000	10:0:0	0 0 0 0 0 0
9	0:0:0:0	01010	0000	<u> ज्ञान</u>	1010	<u>। जानां ज</u>	4.00	0.0.000	10.0:01	@ @ @ @ N @
E	र्यः स्त्रास्त्रासः	न न न	ਅਜ ਜਜਨ	منطنه	1717	नांनान	न न ।	m-HH-H	जि.मान	নান ন ন নান
ပ	v. सः थः ळः	न;नःन	<u>त्र</u> नानाना	0:18:0 20:00	# 2	<u>चंकान</u>	7:00 m	m m H I O H	·u·u/4	m:m:m:\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;\;
Ш			:	, !				, :	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
8	90126 90130 90131	00133 00134 00135	88135 88133 88139	80141 80142	00143 00144	00145 00146 00147	00148 00149	00151 00152 00153 00154	00156 00157 00158	80159 80160 80161 80162 80163
1 1							•	•		90173 90175 90176 90176 90177
	&:&:&:&i	81818	8 8 8 8	8:818	l8:8 —	8 8 8	8:8:8:	 8 8 8 8	888	8 8 8 8 8 8
	332	35 35 36	339	1372	45	446	€0-2	25.47.0	/ 80 G	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
\sqcup		-F-E		FE	F F		FFF		FFF	FFFFF

(ء
ŧ	R

	671		38 63	462	:4	10 1
W W	-	•	-			1529
圖	1575		19	193	4989	1135
8H	H		- ਜ	· 4 ·⊢	iel	
BG	97		275	273	253	384
18	i6		יט,	:01:00	96	4 100
F			<u></u>	1919.		186. 16
器	1671	177	6961	1000	188 188	612
6	X X X X X X X X X X	15	3: 15	X12	[1]	<u>8</u>
AB(•	<u> </u>
AYB,						0:010101010:H1010
AWA				-		0101010.4:0 VIO 0
AUA	·		•			010101010101010
ASK					00000000	
À	0.010.01010	1010-11016	0101010	<u> </u>	<u> </u>	0000040000
Ad			•			0101010101010
W						<u>୭ ମାଡାମ ମାଡାଡ ଡାଡ</u>
AK		: : : :		: .		@ @ H N 4-H @ @
GAI						10011710000
ABAG			. :			@ @ @ @ @ \\ @ @ @
वि						0 0 0 0 0 0 0
र्दे		1			: i	@ @ @ W -H :@ @ @
 	0.010101010	00101010	00000	0000	<u>୭ ୭ ୭ ୭ ୭ ମ</u>	©:0 0 ++ 0 0 + 0
3	Ø:010:410.010	00:0:0	00000	00000	<u> </u>	@ N O O O O O O O O O
Э		1 ; 1 ; 1				41000000000000000000000000000000000000
S		• • • • • • •				0 0 0 0 0 0 0 0 0
0						0 0 0 0 N 0 0 0 0
의	0.0.0.0.0.0	00000	10.0.0.0.	elti elei	01010101010	H 0 0 0 0 0 0 0
				•		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
						ଡାଡାଚାଚ ଗ୍ରାଚ କାଡାଡ
듸	: 0:0:0:0:0	0040	14.010.01	01010101	alolololo!	010 0 H N 0 H 10 0
• 4.	G.O. G. G. G. H.	 	10-410101	0:010101	0:010101010	0:00004-4:0:00
ш	0.5.0.5.0.			N. HIHIHI		N·संसिःसंळिन्सः निस्ति
ပ		•		•	_	12. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1.
8	90166 90167 90168 90170 90170	98172 98173 98174 98175	00177 00178 00179 00180	00181 00182 00183	00187 00187 00189 00189 00190	88193 88193 88193 88195 88196 88199 88199
٧	00180 00181 00182 00183 00183	00186 00188 00189 00190	00191 00192 00193 00194	00195 00196 00197	90202 90202 90202 90203 90204 90205	902.07 902.07 902.09 902.10 902.12 902.13
-	`					200 200 200 200 200 200 200 200 200

表7	

_						_					_																						
뿄		1435	:			:					934	:	:			:		:	976	:	:	89		1412	1761	:	:			2828			
8	:	1716		!		:	-			-	733	i	:	į			:	:	739	:		258	. !	~	1100			:	:	2607		-	
BH		1-	:	!			: -				3					•		-	•	: ;	:	iH	_	ਜ	<u>-</u>		: -	: -	:· :	· ;		·	
BG		220				-	•	•	-		202	:	;			-	:		234	-	-	348		25	100	-	:		:	222			
		11/		! 		+	:	:	-	<u>:</u>	'n		:		-	-	: -	•	بعز		ļ	ī-		0	'n	_		<u>. </u>		ਜ਼			.
BF		18	<u>; </u>			Ĺ	:		:		98	!	:	:	•		:	:	8	•	•	ا ا		٦	ይ			:		8			
BE		338			:		:		•	;	17206	:	:		:		:	:	302888			X59357		3326	(00351			:		4636		•	
5	01	2:0		0	016	9 0	10	:	10	:	ıχ	•	<u> </u>	0		100	· 		100	6	_	X					_			3			:
AUAWAYBABC		<u> </u>		:		i			•	•	!																			:			
V B/	<u> </u>	<u>olo</u>	:	<u>. </u>		i			;			:		: ,	:									•						:			
MA		<u> </u>	1	! .		•		:	:	•	•	٠.	:	•	•					. ;			- 1			•	٠.		, ,				ŧ
4	<u> </u>	9 0	!	:			•	ł	:			i				: :				٠ :				:					!		•		
SA		<u> </u>	<u>: </u>	•		•	:		•	:	i	:							-	•		: :											
Ad AS	1	9 0	1	1		÷	:		•	:	:	1	!							! :		•	i										
O		<u> </u>		:								•				•							- :										
W	.	9 0	:	!- ::		- 1			:	:	ı	i	•		:			-		. ;		:	:	:	Π:	:						•	
AKAMAG		0	<u>!</u>	i i	0 0	i	1	: 1	ŀ	į	•	•	i :						. 1	ii		i	- (i	;	i						:	
AIP	0	र्वा ठ	0	<u>1 1 </u>	_ !	!	١.,	<u> </u>	<u></u>	:	L_:	<u> </u>	, 1						. :	1		0	- 1	-1		i	;		:	:	010		
ģ	0	9 0	0	0	0 0	10	6	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	6	6	m	0	0	0	0	<u>.</u>	0	ی اه	0
ABAG		<u>oje</u>	•	•	•	•		: :	1	i		:	• ;							: :			:	:				- 1		•	0		,
AC	0	910	10	0	<u>oie</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0		6	-1 1	<u>ा</u>	Ø i	9 6	117
\$	010	9 ~	0	01	010	10	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0		0	6	0	0	0	0	ᆔ	m	0	<u>o</u>	0	0	0	0	9 6	12
>	0	0 0	0	0	o je	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	+1	0	0	0	н	0	0	~	0	- i	6	<u>ा</u>	01	010	916	io
≯	0	9 6	0	101	0 0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	7	H	0	0	0	0	Ø!	0	न	0	m	0	0	0	o i o	2 6	ije
n	<u> —і</u>	<u>ज</u>	:	1 :		1		· i	i		. 1	i	l i					: :			i	i	:			:		:			:		: 1
S	<u> </u>	0 0	1.	! :	•	1		: 1	1	1			li		١ ١	ı		į		1		. !	- 1			- 1		- 1	i	:	:		i
Q		0 0				1	•	, ,		: 1			• :	,						. 1			í	- 1	- 4		ı	•				:	
0	010	910	0	91	© ©	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	T	-	0	0	0	0	9	0	0	0	न	0	ਜ	01	0	9 6	्न
М	0	<u>@</u>	0	01	0 0	0	0	0	0	0	0	0	-	01	0	0	0	0	-	0	0	0	0	नi	0	ा	0	<u>ब</u>	⊣ :	0	010	9 6	0
¥	010	9 0	0	Ħi.	0 0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	9	0	7	0	0	7	0	- i	9	0	0	010	9 : 6	0
_	010	0 0	0	0:0	0 0	10	0	0	0	7	0	0	0	01	0	<u>ा</u>	ढां	0	0	नां	0	0	6	ां	걸	<u></u>	0	0	0	w i	o ie) : M	17
9	010	٠,٦	0	010	010	न	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	-i	01	0	9	0	<u>0</u>	9	0	0	0	N.	0	9 i	01	o i e	9 6	,,,
ш	п ;-	117	+-1		 	1	-1	н.		7	ਜ-	н,		ਜ.	T	ਜ	-	7	ਜ	-1	ना	ना	7	ना	7	ਜ:	m	ਜ	н:			٠.	17
၂	<u>د</u> د	111	-	4.	तांन	œ	4	, -1	ਜ:	<u></u>	न	9	mi	ᆏ.	नां	~	#	ਜ਼	71	~	↔;	7	N 11	7	<u>ය i</u>	m	9:	7	~	<u>:</u>	710		16
_		·				!	<u>.</u>								· 								· ·		_:	:	:						·
æ	00201	80503	9020	90205	90207	00208	99209	00216	00211	00212	90213	00214	80215	99216	00217	90218	99219	02200	00221	00222	00223	99224	99225	92200	90227	00228	90229	00230	00231	00232	88233	00235	00236
	217	9:61	20	77	77.	24	25	97	72	82	30	딦	32	33	4	33	36	37	8	9	8	4	2	43	4	5	9	4	8	6	8:5	112	S.
۷	818	90219	8	8:8	8:8	8	995	8	8	8	8	8	8	805	8	8	8	98	805	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8 8	8 8	8
	20	204	25	9	38	60	0		2	2	4	5	9	\geq	<u>∞</u>	<u></u>	2	_	2	2	4.	2	9	5	χį.	2)	ğΪ		2	<u> </u>	4 F	260	区
	7	12	~	Ν̈́	úΚ	7	7	7	~	~	~	7	7	7	7	7	7	7	7	2	7	7	ij.	ij	٧	Ž	Ż	7	7	7	V.	Ţ,	2
																																	-

BK	1365		_		2077			1889	1097	:		_		2150		1267	3088	301	1148	819				424	:		6597	$\overline{\mathbf{v}}$:	,-		2222	<u> </u>		
18	1152				857			209	888						:	152	887	6	931	929		:		234	:	. !	389	2036	:			000	3	- <u>i</u>	_
표	=				im	<u>i</u>		17	-	-	-		-	83			~	. 			_		_	, , ,			4	—	-	-			١	: <u>:</u>	
88	214	:		-	217		: -	8	H				-	107	_	16	6	210	26	22			-	71	:		9	<u>&</u> '	<u>:</u> :	- :		: 0	•	: :	_
	1-	:	·	_	4.			8	19		-	:-	_	ਜ ਜ	: 		.2		90			_		100 19			21	6	1	-	:	- 12	<u>. </u>	;	_
8	8	:		:	95		<u> </u>		186	<u>.</u>	:			8	:	ıω	9		¥ 	4	ļ	!		16		 	8	97	:	:		18		• :	
BE	124096	! :		:	X04588			X65460	117885	:	;			55330		63679	04526	X75683	05262	64899				29882		ĺ	64228	9 <u>7</u> 3	:	•		11284		• !	
120	ō	10	0			0	0			0	0	0	0	ŏ	0	6	0	8	0	m	0	0	0	0	0		<u>×</u>		01	0	0;	1:6	10	0	0
AYBABC	0	10	0	io	0	10	10	7	9	0	0	0	0	m	0	0	0	4	-	121	0	0	0	0	0	0	0	,	0	o i	010	010	0	0	ਜ
F	92	0	60	0	 	0	П	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	9	6 i	0 0	91-	110	0	0
M	m	9	0	0	0	0	0	7	4	0	0	0	0	0	0	0	0	7	-	m!	0	0	0	0	0	0	9	0	9	0	انه	416	jo	0	0
14		<u>:</u>	<u>: </u>	:		i		Į.	•	-	:	:									:	٠,				:			•		0 10	nie	0	101	0
AS	<u> </u>				<u> </u>											•		<u>:</u>		0	0 i	0	0	0	01	0	0	त्न ः	9	0	4.	-11 G	10	010	0
AMAGAG					<u>. </u>	10				:	<u>. </u>		0					0	0	0	0	0				:	_:	0		0	919	410	16	101	9
¥	Į				•	-		: .	. :	:	:									601								91		91	O:•	716		0	-
S	<u>. </u>	·		:	<u> </u>	: :			!	i		i	0		į			1	<u> </u>	-						. :	:	i		_ :	i_	U: 4		<u></u>	
AIA	乚	0	_	<u> </u>	L		-	п		<u> </u>		<u> </u>	0		_	_	1	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	i		0			;	_;	<u>6</u>	_!	0	<u> </u>		10	<u> </u>	0
	L_					0	0	⊣		:	'	<u>.</u>	i :			<u>. </u>			· 	60		:	: ;			:	:	:	_!	:	916	916		0	9
ABAG	0	0	0	0	0	. 	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	m	0	0	9	0	0	ਜ			0	_	. !		oi.	_:_	0 0	10	6	5
AC	7	0	0	0	6	0	0	-	m	0	0	0	0	0	0	0	0	S	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	e j	o i	910	nie	16	101	9
\$	0	0	0	60	-	0	0	0	-	0	0	0	-	0	0	0	Ä	0	न	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	9 4	nie	10	0	9
7	ਜ	0	0	0	0	0	-		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	mi	0	0	9	9	ed i n	nio	10	اھا	9
₹	0	0	0	0	8	0	0	6	9	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	41	0	0	0	0	0	7	0	<u> </u>	9	0!	014	1:0	0	0	9
5	-	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	7	0	0	~	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0:4	+ 0	10	0	0
S	2	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	~	न	<u>o</u> i	0	6	0	0	0	ᆔ	0	9	0	0 . +	-Ti-G	10	0	0
0																															014	1 0	10	0	0
0	0	: 1 @	6		0		0		7	0	0	0	0	0	0	0	0	<u></u>	0	=	© i	0	0	7	0	0	0	0	910	0	9	nio	0	0	0
Σ	0	0	9	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	8	0	0	0	01	9	9	0	916	10	0	0
¥	7	0	0	0	0	0	0	=	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	13	0	01	0	0	0	नां	0	-11	9	0	0 ; 0	010	0	101	0
F	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0		H	0	4:	<u>0</u>	0	0	0	0	-	ना	01	91	01	0 -	110	10	101	0
9	0	0	0	0	0	0	0	-	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	01	0	0	0	0	<u> </u>	0	Ø i	910	0	012	1:0	10	0	0
ш	1	· 	<u> </u>			:	· - 1	7	7	-	-	-	-		7	-		~	н.	0.	~	н,		m	ਜ	7	٦.	m·	- -	 1:	: U	٥٠٨		· - 4 i e	7
ပ	38	-1		н	Φ	7	4	17	S	7	ਜ	<u>ਜ</u>	m	9	<u>10</u>	नः	σ,	24	0	119	7:	-	w!	99	ਜ ਼	9	mi	03 ; :	д ; ;	a.	4 : 6	. 4		iej	4
8	26299	86298	90239	00240	00241	00242	00243	90244	89245	99246	00247	99248	99249	99259	00251	99252	00253	00254	80255	99256	99257	89258	99259	09700	99261	29700	80263	90264	98765	99766	20267	90790	99270	00271	27200
A																				60273														00288	
Ш	_	_	_	_			-	:	_	-	_;	-	_	-	_		_	_			:		_	-	_;	_;	<u>_</u>	_	.;	i	·			:	
	238	239	240	241	242	243	244	245	246	247	248	249	250	251	252	253	254	255	256	257	258	259	260	261	262	263	264	262	202	107	250	270	271	2/2	213

\mathbf{a}	
~:	
шх	
иw	

																			_														
BK	15	24 24	23.1	-		2839	;			471		;	1322	2309				723	·	1717			829	243	505	3043	:	:		-	505		
8	1	103	358	:		641	:		-	294	:		1141	988	:		:	542	: 1	634			767	378	345	126	,	:		-	328		
王	╬	- !	 	- i-	<u> </u>	17	:	:		•	-	.	-	17	-	-	-	i		<u>ਜ</u>	•				_;	디		;	:			- -	=
BGB	t	01:	12	-! -		183	 	<u>:</u>	-	5		<u>: </u>	19	75	:	:	: -	83	:	82			: :@:	8	<u>.</u>	<u></u>	:		•	÷	169		
	Ī	n:	1 8	+	<u>:</u>	18		:	:	3 17	-		96 17			<u>: </u>	i	17		-			00	<u>-1:</u>	-1	8		<u> </u>	· :		4	<u>·</u>	÷
8F	8	ָּאַ מי	.ਜ ਼	:	:	Ä	<u>:</u>			180	:			8	;	i	:	186	: :	86	:	i	8	8	gj	96		:	: :-	:	96		:
BE	00333/	66000	160854	:		M86737				137104	:		09260	126889	:			90052		M72709	:		Y00472	06617	06498	63912	•	:			X03342	:	:
8	ė	0	1011	nie	916		10	0	io	0	9	اة	17	6	100	0	0	6	0	 !	0	0	0	210	5		<u>oie</u>	9 6	10	10	010	sia	010
BAB	۲	਼ੁਜ	0;	110	916	0	0	0	0	0	0	6	7	-	0	0	0	0	0	ला	0	-	0:	0	7	0	010	010	ंन	10	ना	21-	110
X	٩	-	0) C	٦	0	0	0	9	0	0	0	7	m	7	0	0	0	0	01	0	0	7	7	9	0	<u>ा व</u>	910	io	0	010	516	910
M	1	11		į	:	!	•	:		:	•	Ĺ	. ;	•	•	•	: .		, ,	i		•				•	:	•			010		
l₹	1		0 -			:	:				!			:			•								•	:		•					
AS			بار ة		•				i															- :	- :	:							
AIJAKJAMAGAG			010			:	•				•	•			:			:						•									
X	•	:		:		:			:	•	:	•					:			÷				•	:	- :		:					
\ <u>₹</u>	1_		410		1	<u>i </u>	i :		:	1	1	1 1		!	:		i	- 1	i ;		ī	- 1	:	•	1				:				
	L		N G	_:_	_i	<u>i </u>	<u>L</u> :		<u>i</u>	i	į	•		•				. ;	٠,		:	•		İ	1		_i_	!	1	:	010	:	: .
णि	1		000	:	:		i i		t	i	1	i		:	:			i		•		•	•	1	- 1		:		:		0:0		
MAG			0 4		i				:	ł	•	١.			: '	,		: 1			•	•		i				:		:		<u>:</u>	0 6
ACA	4	10	710	9 6	0 0	:0	0	0	0	m	0	0	0		7	0	0	0	0	0	01	0		ᆏ	ا د	<u> </u>	200	0	0	0	7 !0	916	910
\$	-	10	0 -	1 6	गंड	0	0	0	9	0	0	0	0	m	7	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	नं	0	9 6	0	0	0	0	<u> </u>	गंड
7	4	10	0010	9	ه اه	6	0	0	0	7	0	0	0	7	4	0	0	0	0	0	6	0	0	0	اه	<u>o</u> i.	HIG	9	0	0	0:0	916	9 0
*	┢	-17	411	٦! -	10	0	0	0	0	-	0	0	7	~	4	0	0	-	0	नां	0	0	<u></u>		7	olo	916	<u> </u>	0	0	010	216	, , ,
Э	-	114	910	116	10	<u>io</u>	0	0	0	=	0	0	0	m	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i.		'n	<u> </u>	916	0	0	0	o i o	<u>s į s</u>	10
S	F	10	. ;	۰ i	110	ે ન્ન :	0	0	0	0		0	0	-	7	0	6	0	0	9	6	0	rii i	<u>~ </u>	-1 -	si	<u>ज्</u> रेट	10	9	0	0:0	216	গভ
O	٦	10	-1 0	16	9	9	0	0	0	0	0	-	-	-	न	0	0	0	0	<u>o</u> į	0	0	6	a j e	910	0	عأِد	10	10	10	N :0	9 6	10
0	ľ	10	i-4	٥	9	0	0	0	0		0	1	0	0	m	0	0	-	0	0	0	0	0	H F	ना	9	916	10	0	0	Hic	<u>ء آھ</u>	10
Σ	4	0	7:0	10	0	0	0	0	0	0		0	0	7	7	0	0	0	0	<u>0 i</u>	0	0	ना	5 6	اد	9	nie	10	0	100	0.0	9 6	10
X	×	i Ø	014	2	10	0	0	0	0	~	0	0	0	7	7	0	0	0	01	0	o i	0	0	mie	ا د	9	2 0	0	9	0	010	914	1 m
	"	10		(is	10	Ø	0	0	0	0	0	ਜ	0	7	0	0	0	0	0	71	o i	<u>o</u> į	न	nj.	410	o je	9 6	10	0	0		<u> </u>	717
G	σ	0	7.5	10	010	4	0	0	0	-	0	0	7	-1	9	-4 i	0	0	01	91	o i	<u> </u>	00	W i z	Fļ	910	916	10	10	0	m c	9 6	10
E	5	· 	4 · Œ	· -	:	-	F	7	-	~	-	-	7	7	П	~ :	4	++;			d ;	H;	ल : ,	7	7	Hj.	٦.	iæ	-	<u>-</u>		٦.	11-
ပ	85	100	6 7		ım	œ	ન	7	ਜ	24	ना	4	17	8	46	41	4	10	संग	91	7:1	7!	12	4 5	1:	HIÇ.	3			न	8.	J:M	1 002
В			90275																														
٧	99290	00291	98292	90294	99295	96200	00297	86700	66200	00300	00301	00302	00303	88384	99395	99396	00307	80308	883	00310	00311	00312	99313	90314	316	80316	90320	00322	80323	00325	90327	90320	88338
	274	275	276	278	279	280	281	282	283	284	285	286	287	288	289	290	291	262	293	434	202	00.7	767	299	200		302	303	304	305	306	30k	309

-
-
実

BK	1818	J								:					3112			1792					:							 :	1751	400	999	_
18	1657	n:				-				:		!			977			299											:			4 11		
I			: . :			-	_		<u></u> -	:	_		_	_	17		-	1			-					:	-:			-		न ः,	_	
<u>G</u> B	-H:C	<u>, </u>				_!	_			-		:					:	9	<u></u>		•		<u> </u>		:			_ :			00 '	<u></u>		-
8	919	4			;	-	_				:				===		: '	12	_	_			_			:					118			<u>:</u>
BF	86.8	· ·	: ;									:	:		97.8			100		· · :	:				• ·	:	:				9: 0::	4 1	٠.	
BE	131627	ì	: !	•	:	-									304031			1932			:						:	•		:	~:	452	<u>ව</u> .	:
J	Σ,-	<u>. i.</u>	0	<u>0 i</u>	01	9	0	-0	0	0		1	· •	. 0	9	6	0	믘	0	0	0:	0	0	0	0	91	0	8	0	:	2	-113	<u> </u>	:0
AB	<u> </u>		·_!		:	. i	:						:		1		1	:		i			:		: :							:	910	
¥Β							:		. :		٠,						. :	: :	٠.													_	مارو	
X	L		: :		-							i			: :		; ;	' :				-						•	•				V :	:
4												!	:		:			٠.						1	1 :		-	:					nio	٠
SAI	<u> </u>					_ :			:						; :			نِــــا			:		i	:	:		:	:	:			_:	110	:
AS		110				i	_												_ :		:		i		:				:		` •	:	0.0	:
¥		9 0		٠			•									- 1							•	- 1	١.			- :	•				910	
AO			•				•	;	•				: .	:	٠.			٠.;					:	:			:	- :	- }				9 0	
Ā	0 0	9 0	0	01	01	0	ᄀ	0	0	0	н	-1	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	0	0	Hj.	110	io
AK	0 0	9	0	H.	7	7	4	0	0	0	ਜ	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	اه	ब	0	0	0.0	715	10	0
हे	mle	ojo	0	o i	0	7	ᆔ	0	6	0	m	0	0		7	0	7	0	0	0	0	0	0	6	0	0	히	0	0	0	<u> </u>	9 0	ज्ञांत	0
ष्ट्र	010	ंन	0	ां	0	0	0	0	0	ा	ਜ	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	~	0	0	0	0	न	0	9	010	910	0 0	0
¥	0 0	10	0	01	o i	0	0	ठ	0	ठ	m	н	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	नं	ढां	0	0	0	910	وأح	sim	0
Q	010	10	01	91.	ਜ:	ना	<u></u>	0	0	0	ન	0	0	m	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	Ø i	0 i	0	0	01	0:0	Nic	ऽ .न	0
डे	010	10	<u>oi</u>	9	0	6	ᆔ	0	0	0	0	9	0	+	0	0	0	0	6	0	6	0	0	0	0	0	01	6	<u> </u>	<u>oi</u>	6	710	9 0	6
7					•	- ;			i	- 3	- (· i	1	:		:	÷		:		i			:					<u>;</u> ⊢	:
×			!			<u> i </u>		. :	!							j		i		•				•			į					ï	ः प्रान्त	:
_	00	<u> </u>		_:		_!	:	0							<u>. :</u>				i	;	į		i	i	i	. !	į	•	- 1				0 0	į .
긔		لــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ		_ i	_ :	l_		i		i					1				. ;	į	į	i	i			i	- :	- :	:	:		•		
S	_ :_	1 :	į		i	:	- 1	ı					•	l	•	' 1	l i		:	:	:		i	Ì	1	i		- 1	_	. !		4	∃∵©	_
의	0 0	1 :			•	- !	•	- 1	- 1		1			ı	1 .		1		i		:	i	i	- 1			·	- 1	1	•		•	9	
<u>이</u>		: :	1	_ :		_ į	- !	_ :	_ :	ļ				:	Ι,	.	1	!	•	į	•	•	- 1	- 1	i	i	į	j	1	:		:	0	:
Σ	716	101	91	9	Θ∵	7	-1	9	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	<u>।</u>	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u>©i</u>	0	0	710	110	10
노	010	اهار	91	50.0	0.0	m	0	0	0	0	ਜ	9	0	m	0	0	0	0	0	ना	0	0	0	0	0	© !	0	0	0	0:	0:0	20.0	1:0	0
	010	10	0	910	0:0	0	0	<u>ां</u>	0	0	0	7	0	m	0			0	01	01	01	0	0	0	0	01	01	<u>0</u> 1	0	0:	0:0	S C	9144	10
ᆼ	9.6	10	(S)	9;,		mia	<u>.</u>	डी	<u> </u>	0	7	0	0	+	0	6	0	6	9	01	91	9	اھ	01	6	9	: 	0		0	0:4	016	910	:
\dashv						711	7	 ;	~						-			,	_	<u>m</u>	<u> </u>			_	<u>~</u>	، : ب	ا -	<u> </u>		<u></u>			- : • • • • • • • • • • • • • • • • • •	
Ш			:			`				i							•	:	!	••••		• • • •		ا ب	-41		<u>~</u> !	_	!					:
ပ	ਸ਼ [ਾ] ″	· /-	- -1∫1	7!	9:¦	ڊا ا	77	7	Mi	-	4	22	4	28	19	4	9	νį	7	4	ਜ਼ :	2	m i	7	7	- 1.	न ा	7				918	21.	
8	00345	9347	0348	5	0320	0351	9352	9353	9354	9355	9356	9357	3358	9359	9360	3361	3362	3363	3364	3365	9366	2367	3368	3369	9370	3371	3372	3373	3374	3375	3376	770	379	380
	© ©	0	010 010	5) i c	<u>4 . 1</u>	vii e	9	<u>~</u>	<u>∞</u>	<u></u>	<u>ত।</u>	ا ا	8	8	8	<u>101</u>	<u>اه</u>	اھ اھ	<u>න</u>	න් ත	<u>త</u> :	<u>ত।</u>	<u>ন্</u>	<u>ল</u>	8	w:	<u>ه</u> اه	<u>रः</u>	<u>8</u>	& i	8 8	5 8	<u>3:∞</u>	8
∢	80368	9937	6037	2003	8837	0037	6037	837	9037	9037	8838	8038	8038	0038	86938	9938	88	8038	9038	9038	6839	883	9039	803	9039	9039	9039	8839	8039	883	8040	9 6	8 8	8
	46	348	49		<u>ئ</u> د	75	2	54	55	26	22	28	59	9	19	29	63	49	65	99	2	80	69	2		2	2	4	2	9	\ \ \	000	380	8
	mm	m	<u>س</u> اد	r	٥ķ	n k	7	7	<u> </u>	~	က	3	က	က	m	m	~	3	<u>س</u>	~	mk	7	<u>س</u>	m[~	mk	7	7	7	m k	nk	o þr	ıω	m

2
•
裘

	1043	2175	i	. :	6111	<u></u>	34	35				959	: 1	15.7			827		
展	L						:4	: 23 ·							:				
噩	755	589		: {	6883	0 0 1	1334	1462	:		;	756		46	:	:	727		
표	ा ल	. ननः	·			7	:न	· —	;		. ;	न	;- ;	ਜ:		i	ंस	-	
BG	111	117		ļ	813	791	101	105				157	: ;	104	:		101		
BF	93.9	100	•	i	97.2	Ċ	100	91.4				99.4		100		;	8		
BE	655	1946			8	100	6111	9890	; .	:	<u> </u>	979	<u>: </u>	2 :	:		626		
0	0 0 0 0	8	0.0.0		2 2	5 i ;	ାଅ	Ξ:		<u> </u>	! !	<u>.</u>		ξ.		:	15		:
BA	0000		: .		:	: :					1				: :				
8	0.01010			: ; .	1.			: :		:	: .		: :		•		1		
¥	-1000	•											:						
4	0101010			! ! !	,	· I		. :			1		i i				:		
\ S	01010											:			!				. *
V	0.0.00			: :						•	:		. :				. :	-	
ý	0101010	01010	0000	بعاوا	010	9 6	010	नाट	اهاه	0 4	<u></u>	010	101	010	101	9 6	1016	010	010
AM AM	-101010	0 0 0	000	1010	0	9 69	010	010	101	<u>о</u> н	0	00	0	<u> </u>	-	9 0	1010	0.0	00
¥	0000	000	000	00	8	0 0	<u> </u>	6	0	00	0	00	0	م اه	-	00	010	<u>ः न</u>	0 0
₹	0000	000	000	00	ा -	10	नोन	-10	اهاه	00	0	00	0	-10	0	ब्रांट	0	0	00
Þ٧	00000			! . 1			ì	i 1	! .	i	1 1			1	: 1	!		. ,	
AE	01010			:	•		•						: .		: .		1		
AC	0101010		1 1 1		!	ii	•	; ;		- 1	: !			•	i i	i	1 .	: :	:
AA	0 0 0 0		<u> </u>	<u>: i i</u>	!_	; ;		: ,	4 .		1 1	i	٠.	1	:	:	· .	i	i i
Y	0:0:0:0		•	•	:		:		:		• :		. :			;	i		
8	00000																		
n	0000		.iii	!!!	1`.	'1 1	- 1]	1 1	ì	ıi	i i	i I	i	: 1	- i	1 .	: :	!
S	0 0 0 0		! ! :	<u> </u>	1_	- 1	:_	! !	1 :	- !	i į	i	: :	- 1	į i	İ	1 :	: j	i
0	0101010	•	i i		•				: .	i	1 :			1			i		
0	0.0000	• • • •		1 : :	i			; !	1 :	- 1	: :			į	;	i	1 :	: i	:
Σ	0.000	<u>oioio</u>	101010	1010	01-	10	⊘ ;⊘		اهاد	o i o	0	010	0	0 0	-	0 0	1010	0 0	0 0
¥	0:0:0	Ø1@1@	:01010	0.0	0.5	1 01	0:0	· © i d		0:0	0	N:0	0	0 0	7	0 0	<u>ام: ه</u>	mi	014
-	0.0.0	\$ 	0000	1010	9 -	10	010	010	اها	0 0	0	00	0	<u> </u>	101	0 0		0:0	010
9	0:0:0:0	01010	101010	أهاها	015	1:-	0:0	mie	101	<u>oio</u>	0	<u>oio</u>	ioi	<u>ojo</u>	اوا	010	1410	، جا ز	0:0
E	न-न-न-	न्नन	निन-न	-12	aju); 1	नान		1. 44	नःन	 ;	नान	7	नःन	 -	H . C		4 - 4 - 1	7 7
ပ	ल ःसःसः	Wiwin	नान क		414	1:0	4:0	91-	गन	د : ۳	 	mit	m	4 10	12	ल, ल	4.4	nio	नांच
				· :							: ::		 ;	:	_ :				
8	00381 00382 00383 00384	00385 00386 00387	00388 00389 00390	88391 88392	8333	8395	98396 88397	00398	8	99491 99492	88463	848 8485 8485	99496	8467 888 888	984	88418	98412	8414	88415 88416
	98.2	8:8:1	7:2:2	519	218	191	2:2	210	3:4	9 2	7	<u></u>	8	<u> </u>	4:	وزي		3.00	8 4
۲	8 8 8 8	8 8 8	888	8:81	8	8	\$ \$	8!8	8	8 8	8	: \$!\$	8	8:8	8	: 8 8	8 8	8	8 8
	382 383 384 385	88 88 88 88	900	93	394 204	96	397 398	66	36	03	04	90	6	860	2	-2	<u> </u>	- 10	9
	യയയ്	ախա	www	mm	W K	دياد	ကက	W 4	4	44	4	44	4	44	4	14	44	4	4 4

က
-
表

																																				_
품			510			926		:	:	÷.	:						695			1661	2998	2587	i							3464						i
8		!	410	-		841	:		:	:	:	i	! !	:	:		395	:	:	S	2925	2513	:							3387	•				:	1
H	T	<u></u>	H	1		-	•		İ	:	:		<u>:</u>	; 	-		i	<u> </u>			_	H	:							-	-	-	_		Ť	1
88		:	8	_		86	•	 	!	: -	:	<u></u> ;	. !	.			12	<u> </u>		76	7	3	 :							7						1
\vdash			6	1		N.	1	İ		:	\vdash	_	<u>!</u>	<u>:</u>		•	in	_			ω	96	<u>:</u> !	-	_	:				8		_	-		-	1
8			8.	-		96	!		<u>:</u>		:	: 	· -				97			2	8			_ :						-			•		;	
BE			1727	:		69391			İ	!		:	•	: I	:	:	07493		. !	2152	3630	X17644		!	i					6354						1
O	0		8	ा		×		0	6	0	10	10	0	:	0			0	6	× 0	2	등	0	0	0	0:	01	0	- 1	Z	101	01	0	<u> </u>	916	اۃ
뫈		:		:	:			<u>i</u>		•	1	ī	1	;	:	:		•				. :		1	:		•							010	:	-1
AYB	1 :	: :		- :	•		:	:	į	:	1	i	:									٠.	. '						- 3					010	:	1
æ	L.			_				<u>!</u>]	!	<u> </u>	!			<u> </u>	:			: ;		1		;		•		;	•			:	:	<u> </u>	1	╣
AUAV		: ;	:						<u>. </u>		:				•	•	•				: :			!	:		. :		•		• :		:	<u> </u>	ţ	,
AS/	0	0	0	9 :	0		. 7	0	0	0	; —	· ~	-	0	0	0	0	0	0	-		0	0	0	0	0	0	0	0	0	S	0	<u></u>	oio	عإد	4
Αq	0	0	wi	<u>ज</u> ्	0	0	 	10	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	न	0	0	0	0	0	01	0	0	<u>6</u>	0	0	0	0	010	916	4
О	0	0	50!	<u>0</u>	0	∺	10	н	0	0	0	0	-	0	0	7	0	0	0	m	~	0	0	Ø	0	01	ठ	0	0	0	0	0	ह्न ह	010	ج زو	╡
AMA	0	0	ωi	0	0	П	7	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	~	7	0	0	6	0	9	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	9 6	3
AIJAK	0	0	4	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	7	7	нI	0	0	0	ᆏ	<u></u>	0	'n	0	0	0	0	नां	9 1	┪
7	0	0	न	0	0	m		7	0	0	6	<u>, –</u>	0	0	0	=	0	0	0	7	0	0	0	0	0	ां	<u>ा</u>	=	=	0	0	0	0	010	وأو	키
AEAG				_!	_:		<u>. </u>			<u>. </u>	-					<u> </u>		. !				:		i	ì	1		•			٠.	ı		010		犭
AE					•		•	•			1	•	: :		i !		:				٠.			- 1							: :			6 :0	:	1
AC			_ !	i	i	•	i	<u>L</u> _	:	i	!	ţ	!!		! !	1	.		. !		•			i	- 1	:	ļ	:			;	i		010	i	1
AA	نـــــا		i	ا.			<u>!</u>				!	<u>.</u>		Ĺ				:	:	. ;		i		· 1	i		;	:		:		i		<u> </u>	i	ł
λ,				i	:		<u>.</u>	!			L	1	i			i	. ;	:				:		- 1	i		:	:	i	١,				0	i	ı
M	<u></u> ;	:	_ !	i	i						<u> </u>				<u> </u>						<u> </u>		ļ	į	i	. :		١			- 1		:	<u> </u>	i	1
n		i	91:	<u>i</u>	i		i				<u> </u>	<u>i</u>					i				ļ			ı	1	•	i	1	- 1	:			:	0	1	1
S			i	_ !	_!		_		<u>_</u>		<u> </u>	<u> </u>		L		_	<u></u>		:			j	i		ļ	į	į	:	i	Ĺ	:	i		0	<u>.</u>	1
٥	:		4	i	_!					Ĺ	<u> </u>	<u>. </u>					1		i	<u>.</u>		0		. [:	1	- 4	i	1	-	:			0 0	i	ı
0			2		_ ;		0		_						-	-				3		9	0	9		9	9		9	9	9	9	91	0	2 0	_
Σ			-						0		0	<u> </u>	6	0	0	-	100	~	0	-	-		0	9	9	9	91	9	91	9	0	9	<u> </u>	010	21-	1
¥	91	9	41	2	0	_	-	7	0	9	-	0	0				: ;			•		:		_ !			_ :	<u>ا</u>	0	0	0	0 i	0	010	<u> </u>	'n
-	0	<u> </u>	-	S	o	-	-	7	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	9	0	0	- 1∶	o :	7	न	0	0	0:	0	0:0	9 6	1
ß	0	0	2	si.	0:	9	0	7	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	7	ला	0	0	6	6	ना	01	0	0	0	01	0	<u>6</u>	010	<u>ءاء</u>	1
Ε	н	4	910	7!!	7	~	-	m	-	-	-	7	Н	–	-	-		-	न	7	न	ਜ	-	4	-		٠.	ਜ:	=	ਜ	7	-	ਜ,	नः :		1
ပ	 	~	2		4	38	17	30	7	4	7	10	18	m	-	80	. 	mi	7	56	97	7	न	4:	ਜ ਼ਾਂ	10	mi	∞ !	10	m:	7	ਜ	m	71+	7 7	1
$\vdash \vdash$	17	8	<u>ai</u>	9:	77	22	23	24	25	56	27	28	53	30	31	32	33	34	33	36	37	38	39	9	4:	45	æ:	4:	5	9	47	8	9	20:1	315	1
	8	8	8	Š	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8.	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8458	\$ 8	
A	99442	99443	41	5	98446	88447	00448	99459	00451	99453	99454	88455	00456	99457	99458	00459	00460	88461	88462	88463	200	99465	99466	99467	89468	8	8	827	8473	90474	99475			62.5		
	∞	တန	<u>ə</u> F	-	Ų	7	4	آڏ	စ္	7	8.	6	0		اي	m	4	2	ဖြ		ω	<u></u>	وا	-	Ņ	<u>س</u> اري	4	ن	او		ဆ	وأو	o.	<u>_</u>	<u>.</u>	,
	4	419	4	ř	₹	4,4	42	42	42	42	428	42	43	43	43	43	43	4	43	43	43	43	4	44	4	4	4	4	44	44	44	4	45	₹ ₹	枈	:

4	
聚	

8K	Γ	2858					2593	1		:		_			1330	488	1213	1755	647						119	11				:	-			8	2/9
18	╁	808		<u> </u>	-		905		,	<u>:</u> i	:		:		566	438	31	98	66	: : :					201	31.		_						312	~
노	╀	12	1	<u>.</u>		:	<u>ਜ</u>	Ц_	Ļ	į.	<u>. </u>	<u> </u>	!	·		 	1-	٠,	:		-	: 	<u>.</u>		17					_		:			
<u>GB</u>	ŀ	51	1	:	-	:	· [19	<u> </u>	<u>.</u>	1	i	i	<u> </u>	-		İ	ĺ	1	:		-		:	<u>:</u>		•	. •		<u>:</u>	_	: 			· .	
ě	╀	·		<u> </u>	: !	: -	21	: -	_	1	<u>:</u>	<u>.</u>	<u>!</u>	:		1 51	<u>:-</u> -		_	:		<u> </u>	: :	<u>:</u>		321	_		<u>:</u>	<u> </u>	_		_	503	
BF		198		<u>.</u>		!	8	. :	:		!	-		:	16	94.1	98.	8	8	!		:	:		92.1	: •			! 	: : :	:	•		<u>8</u>	• :
BE		305272		:	•	:	02493	:	:			!	:	:	:ഇ	014530	57346	14328	16785		:		:		1	1 1	 : i ·						1	025304	75691
Ö	0			10	0	10	: -	1	10	10	<u>.</u>	10	10	10	ı×	10	:×	10	9	10	. 0	60	: 0	: (0)	2	0 021	0	0	0	0	100	<u> </u>	010	0	<u>₹:</u>
문	1.	_			!	i	:	:		:	÷		:		:					i												•			v:0
쀳	4		1	•	<u>: </u>			i .		6	:	1	!	:		<u>. </u>		1	!	L			i	ł	:		: :			•		. ,	010		•
AWA	0	10	0	0	0	0	6	0	0	0	0	1~	!			į :		13	<u> </u>	_			•	0		!	<u>:</u>					:	:	•	70
F	0	10	0	0	0	6	10	0	0	10	0	6	0	0	0	-			0	0		0	6	10	0		0	0	0	0	0	0	010	5 	10
BAS	0	0	0	0	0		6	0	0	6	0	0	0	0	0	-	0	7	0	0	7	0	0	6	m	0	0	0	0	0	ø	0	0	<u>,</u>	
¥	0	0	0	0	0	6	0	H	6	0	9	0	0	10	0	ਜ	0	m	6	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	010	s	ब्रोड
8	0	i 65	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	न	0	~	0	m	0	0	0	0	ਜ	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	2 .	10
1	-	0	0	0	0	0	10	0	0	i	0	6	0	0	0	-	0	7	-1		0	0	7	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	ء ا د	ماھ
¥	7	=	0	0	0	0	0	0	0	0	-	1	0	6	0	œ	0	9	0	0	0	0	0	0	4	-	0	0	6	0	0	0	0	5	7 6
₹	-	0	0	0	0	im	0	0	0	0	0	0	0	0	0	٣	0	-	-1	0	7	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	ᆔ	0	9	9 ~
M		•			!	1	:	:	:	0	•	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	7	0	7	0	0	0	0	0	-	0	<u>oj</u>	Sic	9 0
Ä	1 .	i. :	1 3	i	į	ı	1	:	ı	-	i	0	1 1			1	- 1			١,	0	•	1	. !			:						0		.1
AC					l	1	1 '	1	:	1		!	1	. :			- 1	,			:	i	i i	i		i i	i ;		!				0	i	•
\$	_					_	1.		<u>L</u>	<u>i_</u> _		ŀ					- 1		1	١ ١		- 1	1	1 3		- 1	: :	i	i			i	<u>ां</u>		i i
≥	1		 		i	į	•	1 .	1	:	+			: 1			- 1							: :		: 1		i	:	:		- :	:	:	0 0
≥		•	!		•	1			•		!	:		i !		1	- 1	1 1		- 1						0	0	0	0	0	0	0	<u>ब</u> ा	2	10
2			-			<u>. </u>	<u>i_</u>			0	!		į l	1	1	1	i	0	0	0		0	0	0	7	0	6	ना	0	0	0	6	0	۱ء	10
S			į				:	L	Ĺ	0	ı		: ;	: :		:	i	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© 1	o i o	जा द !	9 0
0			_ :		ļ .	:		, '		0	1	•	1	: :	. !			,								1 1	i					•		i	110
0						1	•	! !		1	ł,	;	1				i	1			i	- 1	li	i	1		i	i	1	•		• •	:	- !	7 0
Σ	. 1		:			ı	• !	!		!		l	;			۱ ۱	١		1	1	:	- 1	ì		ı į	;	i	- 1	- 1	į	:	:			0 0
K	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	٦.	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9 14	0 0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	-1	0	ना	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0</u> i	<u>۰</u>	715	1 0
G	0	0	0	6	0	0	6	0	0	0	0	~	0	41	0	4	~	ν.	٦,	0	ᆏ	<u></u>	7	, - і	급		-	ਜ ਼	न ः	-	+4	 -	ᆏ,	-i c	<u>~i~</u>
E	7	7	ન :	ਜ ਼	9	-	न	ਜ	ਜ		-	н	-1	 -	, 	<u>0</u>	-1	-1	~	ਜ:	ਜ	٦,	ਜ			.		-	-	-	-			-	-
၁	~	5	2	7	9	=	· - 1	~	н.	4	4	12	-1	ਜ	ਜ	8	<u>∞</u> i	26	~	m i	<u>6</u>	7	~	7!	4	mı	71	4		नं	m i	₹		7 8	8 0
	53	154	52	9	157	8	8	8	19	62	8	2	8	9	29	8	8	8	7	2	2	74	8	92	22	28	213	8	<u>8</u> 1	82	83	4:		9 6	
8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	818	\$ 8	00488
V	99482	98483	86484	88485	98486	99487	00488	00489	00491	00493	98434	99495	96496	00497	88498	99500	80503	90504	98505	90200	00507	88510	99511	99532	80533	00534	00535	00236	88537	00538	80239	00540	90541	200	90544
	45	Ş	56	زز	28	59	091	9	29	463	64	.65	99	29	468	69	2	5	27	2	4	থ	9/		8	2	480	١	78	83	484	285 K	400	X	489
\Box	4	4	4	7	4	4	7	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4 6	F	4

Ŋ	
_	
44X	

8	556			497					-		1653			:					929	549	-						1099				869			1272	
18	2			24	:				_,		395			:	-				519	332	-	-					736	:			6			900	
BH	-	-		: ~				-		-	1			:				<u>-</u>	-	162		_		:			4	: :			F			:	:
86	439	-	_	478	:			÷			481	_		!		:	_			100	:	:		: -			370	-	<u> </u>		342			378	·
	4	-		14	i	•	-	+	 :		ī'n	!	:	T	:	! :			14	jo,	•	!	:	-			'n				'n			100	
BF	93	-		18	: 		•	<u>;</u>	:		9	:	:	<u>:</u>	:	<u>:</u>		:	18	- 91	i —		:	:			93			.	96			19	: :
器	M94314		:	64716			:	;	:		14662		:		:	:		•	30684	36432	!	ı ;	:		•		104564			.	2317			3460	: :
힏		9	10	(0)	10		: G	S : C	S	0	<u>a</u> .		<u>.</u>		10	10	:0	10	. Z	10	0	0	0	0	:				0	0	8	0:0	5 6	<u> </u>	0.0
AWAYBABC	<u>L</u>				•	ı		:	_:			·		:	:	:			0	į				:	<u>:</u>									٠	Ioio
1	0	10	0	0	10	10	IS	1	9	0	0	10	0	0	0	0	10	10	123	10	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	010	0:0	0:0	100
3							•		- :		÷	1		1			1		1				1 .	ė .					- 1						00
IZ	-	0	0	0	0	10	S	i	۱ د	0	0	0	ि	: 0	0	10	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	916	217	1010
AS	7	0	0	0	0	10		i	او	0	0	0	0	0	0	0	10	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	øji	9 6	٠,٠	lolo
¥	0	10	H	0	0	0	10	o i c	91	0	0	10	10	0	0	0	10	:0	1-1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9 6	010	1010
KANAGAGAS	i				•	•		:						!		į	•				•		:	;						:					100
Æ	,			•	i		!	1			:				:	1		!		i	•		. ;				. ,	: :	i	,					00
AK			•		ļ	•	÷	ţ	- 1		;	:	i	ı	!	į	1	•	i	:	!	!	1	•						! !				•	00
₹				•	<u> </u>							:	:	<u>.</u>	Ι.	!	:			:	1		. :	:			- 1								iolo
AEAG				<u>. </u>	:	1		_:_	i		!	1	1	1	•	•	:	•	:	•	•	i	•								:			:	1010
믕	ш					:			_			1		1	:				न्न • स्न									:		<u>!</u>				٠	1010
AAC					:	:	:	i	:			:	:	<u>i</u>	:			:	: 10		,		: 1				_	:							00
X							:	Ĺ				:		:																					010
<u>×</u>	L						;	i	Í		ì	į.	i	i	:	•	:		÷	;	:	:	i i	. ,	1					. :	:	ना		iim	1010
듬		:			:	:	i	<u>.:</u> _			<u>. </u>			i		i		÷	į.	:		:	. 1			. ;	; !	:							1010
S	ᆵ	0	0	0	.0	10	16	1	9	0	0	0	0	0	10	10	:0	10			-		0	0	0	0	-	0	0	0	0	0:0	910	im	100
0	7	0	0	0	10	10	G	10	91	0	0	10	0	0	10	0	10	0	<u>.</u> ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	011	0:0	· > स्न	1010
6	0	10	0	0	0	10	10	10	<u>s i</u>	0	0	0	0	0	0	0	10	10	· e-1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	916	0:0	00
-	0	0	0	0	0	10	16	١١٥	<u> </u>	0	0	6	100	0	16	6	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	S · G	010	10:0
Y	7	0	0	0	न	10	<u>:</u>	ile	9 j	0	0	<u></u>	60	0	0	0	10	10	S	0	0			0		0	0	0	0	0	0	<u>:</u>	5 : 6	· oim	0.0
	0	0	0	0	0	10	:	ije	<u>.</u>	0	0	10	0	i @	0	0	9	0	. 7	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	© :(S : G		00
9	3		н.	+	H			i i -	- -		-		-		:				. 4							-	-		-	-			-1	117	.सःस
E	-								-			-	-	·			-	-		_					_										1
ပ	36	सः	m	-			4	:	-	=	4	7	2		; =	—	·	7	70	-	m	10		7	7	न	7	m	1 :	7	m;	7		.	<u>।नःन</u>
В	99489	00490	00491	00492	00493	994	00495	20106	2	99497	86498	99499	99599	00501	00502	00503	90504	80505	90500	00507	80200	90509	00510	00511	00512	80513	90514	00515	80516	00517	90518	90519	92599	00522	00523
A	00545	00546	00547	99548	00549	00551	99552	23000	2000	99554	00555	00556	88557	00558	00560	00561	00562	99564	80565	00567	99568	90569	00571	00572	00573	00574	00575	99576	90577	80578	00579	00580	00581	90583 833	99584 99585
	490	491	492	493	494	495	496	497		498	499	200	501	205	503	504	505	206	207	508	509	510	511	212	513	514	515	216	517	518	519	250	125	523	524 525

_	16														
器	1.5	1401 506	475	2509				9669	1640		2106			1441	÷
8	2559	1045	136	1968		:		6800	878		1735	· · ·	•	1145	:
H	-	नःन	· - 1 i	ਜ				, , ,			<u>i</u>			i et	
8	396	331	341	4				e :	7		:81	- : :	·	298	·
	N.	7.7	1~1	<u>ω</u> :	 .			3 19			5 31			100	
18	95	96	16	8 :				:8:	<u>6</u>	-	96.			. 61 	
出	674	M96954 M84643	M14199	282	•		•	619	999		688			127	
	X0767	₹ 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	M14	<u>&</u> !	_ : :	· ·		100	Z11		9			. 43	
BC	01010	0000	910	000	0000	01010	0.016	101	0:0:0	0:0:0	000	0.01	<u>sioio</u>	10:01	00
A B	0000	0.410	~		000-	100	0.016	10	0.010	0.010	01010	Ø н (<u>oioio</u>	· ল Ø	0 н
AKAMAGAGASAUAWAYBAB	000	0 46	اواد	000	10101	1:0:0	0000	اهزه	010.	100	000	000	000	1010	0:0
3	0:010	Ø	114	<u>७।० स</u>	00:0): O: H	0.0:0	10:	0 0 0	91010	@ N @	0 010	01010	00	010
B	000	000	أهاه	01010	000	010	0 0 0	910:	01010	91010	0 H 0	0101	91010	10101	Ø 1 Ø
ि	010:0	0:0	1 6:0	<u> </u>	0:0:0	0:0:0	000	اجاز	0.0.0	0.0	Ø HIØ	0:0:0	01 Ø LØ	100:	010
डि	0100	000	101	000	01010	oioio	0 0 0	10	H:010	0000	0000	0:010	91010	10:01	Oio
9	01010	01010	91-11	000	000	0:0:0	0010	910	H-010	0:0:0	01010	01010	0000	0:0:	0 0
3	01010	000	-	000	000	oioio	000	101	<u>0:01</u>	01010	ਜ-ਜਾਣ	01010	9 9 9	10:0	Ø10
字		. !		: ;	: : ,	;		٠.	:	: :	000		. :	:	
A			. :	•	; ; ;	: :		. '		: *	000	• • •	, .		i
ष्ट्रि											000				
ABAG	1										<u> </u>		:		
BA	01010	O HIG	ग्राम्	<u> </u>	olole	01010	000	गना	01010	01010	000	01010	000	<u>। ७ न्ता</u>	010
\$	H:00	<u>oloic</u>	101	000	000	0:010	000	0:0:	0:01	9:010	000	0:0:-	100	<u>िन</u>	010
X	000	0 0	اهاد	000	000	0 0	000	101	0 0 0	000	000	01010	9 69 69	10:01	00
3	000	01010	स्	0:0:0	010-	100	000	9101	0 0 0 0	91010	000	000	9.00.0	10:0:	0:0
5	000	000	<u>ы</u>	01010	000	000	0:0	101	: © © C	: 	<u>ानः</u>	01010	9:00	10:0	0:0
S	L		i			: : :					000				
0	1 : !	: :			• :						; <u>© © </u>				
6			:	•		: 1	!	. :	. :	: • •	<u> </u>		, ,		
₩											010101		•		1
Σ	L	:	. !			1 . :	:	, .	. :	: .	; ;			•	
×	0.5.5	5 6			<u> </u>	•		<u> </u>			01010				0:0
上	0:0:0:	ઝ·લ: હ	, , , , ,	m: Ø· el:	01010	v:@:@:	Ø · 416	. 0	H:0;0	9:0:0	0 0 0	0:0:0	0:00	: Ø Ø	H 10
9	A.A.A:		1·M :	ار جار جا	4121	र ल ले	सन्द	4++4-1	Ω · ₹4 · ₹	4· 	न-न-न-	नः नः	न न न	· N· H	नःन
ш			:	:										-	
	@:H:m:	नांधाक	<u> </u>	414170	w 4:0	1-11-7-	H 4 -	iim;	7	<u>य-साकः</u>	⊘i∞ :⊣	41017	रानां स	:w.4	W 14
ပ									-						
\vdash	25 26 27	8 6 8	. E.	2.E. 4.	2 9 2	: : ::::::::::::::::::::::::::::::::::	8 4 5	<u></u>	4 12:0	2 : 2 : 2 : 2	₹ 8:4	7 m: 5	<u> </u>	<u>√</u> 80:	တ္ လွ
B	90525 90526 90527	8 8 8	8	8 8 8	88 88	888	805.5	88	88.8	882	00550 00550 00551	885	8 8 8	2055 2055	2055 2056
-															
٧	90586 90589 90599	9055 9059	88.5	86.59	9059	8868	99693 99694	8	8898	8861 8861	90614 90615 90616	861	7 (2) (2) (3) (3) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4	9962	9862
\vdash			ŢΪ	1.1		· 1.1.1	1-1-	1 1		1 1 7	111	1	i.	7 7 1	
	526 527 528 528		32	32 W	3 3 3 3 4	669	424	4	\$ 1	486	550 551 552	253 253	36 37	238	9
	rs rs rs	ռԽԽ			ռԽև	بالمالية	ռԽռ	17	սեսե	المالمار	vkk	NN	بالماد	M	NΩ

		144		· N ·	· et 165	1010	1016
BK		494		2602	1234	549	2175
Ві		171		2311 760	929	280	1018
ВН	;	.स -		न न	न न	निन	नान
86	· :	283		289	285	265	266
BF		.0.			w 14	1416	:017:
8	· !	18	·	8	26	97.	: Silo:
BE		119961		M55621 X13482	(71491	06432 20688	54942
BC	0 0 0 0 0 0	<u> </u>	00000		<u>ंडिंडिंड</u>	00000	
V	0:0 0 0 0 0 0	- O O -	1000	0004	واهاها	10 4:010	10 0 0 H 0 0 H 0 0
d Y	o:4:0 0 0 0 0	<u>olololo</u>	م ام ام ام	0000	1000-	۱:هاجازماه	1010 0 0 0 0 0
Ŋ,	0.0.0.0.0.0	4000	00000	000	10000	0 0 0 0	O:H O O O:O H O O
ð	0.0.00.000	0000	0000	0000	0000	01010	00000000
AIJAKAMAQAQASJAUAWAYB	0.0000000	0000	<u>्राठानाठाठ</u>	0000	1000-	10000	4 0 0 0:0:4 0 0
À	0:0000000	<u>ानां ठांड</u>	00000	0000	10000	00000	1-100000 HIO
Ş	Ø1010:0:010:01	0000	NIGIOIO	<u>ojojoj</u>	10000	9 9 10 10 10	10:00000000000000000000000000000000000
3	Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø	- نهاهاه	10000	0000	1000	ग्राह्म नान	H0000000000
Ž	ତାତ ତାତାତ	0000	0000		0000	-1000	
7	@ @ @ @ @	000-	4 -1000	-1000	0000	00000	
EAG.	0 0 0 - 0 0 0	olololo	0000	0000	000	0000	14 0 0 0 0 M 0 0 0
¥	0.010101010	<u>बाबाबा</u>	100014	000	1000	1-1000	000100000
AC	0.00000000	<u>ाठा ना</u> ड	100014	HIGIGIE		o o moio	1410 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
₹	0:0001-0:00	0000	00000		وأهاهاها	<u>ठाठावाठा</u>	0000000000
Ž	Ø:010'0 H!0	0000	0000	400	اه اه اه	<u> </u>	:ଡାଡାଡାଡାଡ:ଡାଡ:नାଡ
≩	4.010.0101010	<u>oloiole</u>	0:00010	010:01m	1000	10 71-10	<u> </u>
5	0000000	0000	0000		0000	00100	ਜ ਼
S	0.0000000	0000	00000	0000	0100010	90 0	000000000000
0	0.000000	0000	00000	! : ! ! .	10000	00000	00000000000
0	000000000	0000	00000	000-	10000	001010	0000000000000
				0000	10000		
2	0.0000000	<u>-</u>	1 1 1				
×			<u> </u>	1 . 1 1		1 1	0.0.0.0.0.0.0.0
	S'E: S'S'S'E'	G G G F			10.01016		
9	N	नाः नाः नाः न 	HieraiaiN 	101 H H	· N -	1 1 4 4	PHI HIN HIN NIN HIE
£		:	:		: :		
၁	4 0.4 W.W.O.N		, wiwi-Hi8	814:214	. संसीका ० !: ! . !		<u>:: ਜ਼ੵ੶ੑੑਸ਼ੑ੶ਜ਼੶ਜ਼੶ਜ਼੶ਜ਼੶ਜ਼੶ਜ਼੶</u>
	561 564 565 565 565 565	57.0	573	577	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0:8:8:8:8 0:8:8:8	00598 00591 00591 00593 00593 00595
					•	. :	•
A	00626 00628 00639 00631 00631	98633 98635 98635	00637 00638 00639 00649	98641 98642 98643	98645 98647	00649 00650 00651	98653 98657 98657 98658 98659 98661
	5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5	\$69 \$70 \$71	573 574 575 575	577 578 579 580	582 582 583 583	7885 7885 7887 887	25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 2

Φ
~
屖
щч

器	Γ	269			851	. ;	319	69	-	230					739	43	422	52	_	1741			_					. 00	20	
B	l	35					, m	~				. -			7															
18	·	133	:		99		2915	272	. !	291	: 				2484	130	Š	1728		1494	!				•				Š	
H		! ~ :	:	. '	_		•	-	. !	-	:	·		•	Ţ	-	-			• ←								1 🕶	4	
86	1	248			249	;	241	240		237	:	:			238	S	יתחי	S CO		246		;			:			. 0	277	
BF	i ,	98.4	:		98.4		97.9			100	·			•	100	o	اضا	'n		14	•	:	:			:		10		. :
F		<u> </u>			:		:			_	<u> </u>	-					· ത			10	<u>. </u>			·				10		
BE	·	65867		•	160857		X66975	57500		01124		:			101457	53912	13238	21065		80927	!	:		:		٠		0000	70001	
80	0:0	8	010		æ.,	0	8	š			010	16	916) ; (0	0	0	8	0	oie	: -		0	0	91	01	<u>0</u>	010	<u>: à</u>	<u>:</u>	10:0
াব	A10	~!	00	0	-1	0	0	0	0	9	010	16	216	010	0	0	7	0	010	गंड	17	0	0	-	0	01	010	2010	910	.010
AYB,	00	0	00	10	0	9	0	0	0	0	<u>oie</u>	16	216	110	0	0	0	0	410	010	0	0	0	0	0	01	010	S ; 6	010	ioio
ALLAW	010	0	00	0	0	-	0	0	0	ਜ	010) G	916	10	0	0	0	0	<u> </u>	10	-	0	0		0	<u> </u>	010	D : 0	٠, ٦	100
P			:				•	•			•				: '	٠.				•				•	:					100
AS					:															:		0	0	01	01	0	ø.	916	0	1010
JAG	0 0									i			- :								•									1010
AKAMAO					į,								•		•				•	:	:	3	:							0.0
A		- 1	:	: .				•					;							,										0 0
AIA	:		· j	<u>:</u> •	•		- 1				i	:	•		1	,	!	- 1	•	į		: :	:	!	i		- 1			010
ष्ट्रि																														1010
ABAG			_ :	: :	- 1	:	,	. ;	. i			•			• :			- 1			•		: :		:					1010
Q	010	Hi:	010	101	0	0	0		0	7	<u>ojo</u>	16	916	10	10		0	0	010	io	17	0	0	0	<u>oi</u>	01	010	916	010	lo io
\$	0 0	0 1	0:0	0	0	<u>6</u>	ना	0	ठां	0	918	10	916	0	6	0		0	0:0	10	m	0	0	0		6	<u> </u>	910	0	1010
Y	0 0	:		٠.	:	:		Í	i								:		ı	i	i :					:	:			000
W	:									:															:					1010
U			i_	<u> </u>			:	_i		:		i	:		١.		٠ :		:		i									910
S					•		•					:								:					:	:				10:0
0						•	:	•			i	ļ	÷	•		٠ :		:			: :	. 1			i		•		•	1010
0			:	! !	:	i	- 1	į	i		÷	i.	:					:		1	: ;	i		;	- :	i	•		•	100
Σ				1		:			;	;								!		•	• :	:				•	!			00
×				<u> </u>	<u> </u>	:				:								_						01	0	-1 10	016	<u> </u>	1:0	1010
	0 0			<u> </u>							@·@								. :		:			© :	© ;	© Τ	⊘ ⊹0	S · W	 	1010
9	न ना <u>ं</u>	٠٠.	H : N	نجا	⊣ i	7	m	н і	-Ti	4	ਜ∙ਜ	-	11-	ास	न	ਜ-	ਜ	ਜ	7.6	· ল		-		7:		~!:		1 6	٠. ٢	·
ш								<u></u>				:				_														
ပ	w . W !	Ω∵	H100	17	27	M_∏	~	ΜĪ	יא	33	ਜ਼	11.	1151	न	~	w.i	20	4	87 -	16	\$.		m i	9	41	M i i		1 1	· m	ierier
8	86588 80598	8299	8661	20900	8693	8	2002	98	2000	889	8689	111	2612	9613	9614	8615	9616	8617	9618	0290	9621	8622	0623	9624	0625	9626	0627	0200	0630	00631
																					•									
∢	00664 00665	986	80.00	906	80 1	900	8	986	900	986	8867 8867	0067	6067	. 0068	9068	8900	8900	898	88685 86685	8988	8968	6900	6900	6900	6900	690	6900	0000	698	66900
	598 599	009	602	603	904	605	909	200	809	609	919	612	613	614	615	616	617	618	620	621	622	623	624	625	979	726	879	220	631	632 633

ادها	98.3 172 1 466 635	217 1 506	209 1 887 109	7 84 3 135			531 732	15	1 2444			;		753			1964								
BC BE BF BGBH	98.3 172 1	217	ਂਜ: :ਗ:	8		: :	23	įσ						100			101								
BC BE BF BG	98.3 172	217	· .	-ix:					223			:		509	! :		932							•	•
BC BE BF B	98.3		209	10			-	•	1				:	1	:		1	:						:	:
BC BE		100		127		:	202	_	198	•	,	:	:	202			133			٠				:	
ည္ကြ			92.3	98.4	:		6	94	97.5	:			:		:		92.5						:	:	:
ည္ကြ			-4	100		:	0	100	112	<u>: :</u>				įω	<u>. </u>		i s	:					:	.	.
lmol	25899	M7379	(24194	X75690		1	(17620	5699	19067		:	:		1037		•	17702	!							:
বিভি	000) (O) +	$\overline{}$	010	0	6	<u>= = = = = = = = = = = = = = = = = = = </u>	16	0	0	0	0.0	10	0	0:0	, ,	01	<u> </u>	9 ' 6	10	101	0	110	10
YBA BA	9:0	-1:0:C	9:0	10	00	0	9:0	8 ~	110	0	0	© :	0:0	0	0	0.0	0	0:	0:0	9 : 6	0:0	0	0.0	0	न
IVI	1000			·	- ;		: :		:			:	:	<u>. </u>	<u> </u>		1	:	·					<u></u>	<u>:</u>
⋖	10101		: :	1 !	: :			<u> </u>	<u> </u>			!	:	!		::_			_:	:					:
<u>کار</u> و	10:41		<u> </u>		. !	1	<u> </u>		•	:		ì		<u>i</u>	·		┸				<u>.</u>			•	
	10.01			:	<u>:</u>	•	:	:		<u>: :</u>		t					!			:	•		:		:
Q	9:01H		 :							: :		•	i	•	<u>:</u>		•				:		•		
₹.	<u>ाळाचा</u>					:								•											
	10010		11	:		1			<u>.</u>			1	<u> </u>	<u>; </u>			:	<u> 1</u> i		!	i	•	:		1
A AK	010101	01016) , , , 	9 0	010	0	0	<u>ه ا ح</u>	10		0	<u>:</u>	910	:	7	010	1	ना	010	210	10	10:	H16	0:0	
ञ्ची	000	:	<u> </u>	ii		1 1		i	<u> </u>				:_	1	1		:	:			:				
AEAG	000	N 00 10	واهاه	اهاه	00	0	71	0 -	ه ا	0	+1	9!	o jo	10	-	Oie	مأه	101	010	<u>, i e</u>	110	10:	o i o	9 6	10
	10101	m:00	9 69 6	اهات	0 0	0	01	<u>oim</u>	ोंन	10	0	01	oio	010	0	016	910	101	<u> </u>	שופ	0:0	٠+١١	Ø i ø	0 1 6	iel
	000	710-	100	9 8	0 0	न	0	-	10	10	0	91	0 0	्न	-	0) न	(0)	0	<u> </u>	1.0	:0:	0:0	۶ ، د	0
	1010	नाठाड	e mir	गंना	00	0	0	0 0	i e	10	0	ठ	<u>oj c</u>	0	=	0	ماد	ि	o i o	<u> </u>	0	101	o i o	910	0
≥ 8	0 0	<u> </u>	91010	กเอ	0 0	0	0	<u></u>	m	0	0	01	010	6		0	्रा <u>ठ</u>	101	<u>oi</u> o	5.5	1:0	:0:	ri o	0:0	0
=	0.00	HI016	91011	20	0 0	10	न	<u>o</u> -	10	0	0	0	0 0	10	0	010	0	10	010	914	116	10:	010	0:0	10
N _e	0:0:0	Hioie	9	nio	· · · ·	0	0	010	: : ©	:0	01	0	010	o i o	· -	010	0	101	<u>60 i e</u>	9 . 4	116	(O)	© i ©	010	10
\square	0101		: :	<u>.</u>		1	<u>; ;</u>		<u>i</u> _	: :	<u> </u>	. :		:			<u>i</u> _	:		·					
0 6): Ø! Ø!	i@i@	9:09: 1	⊣ (⊘)	010	10	(O)	@ G	9	10	0	© !) N	: 1	(S): (-	1001	0 1 *	-1 : F	110	; © ;	Ø ; Ø	916	10
Σ	0.0	000	0 0	0 0		10	0	0 0	0	.0		9	0,0	0	60	010	910	0	<u>oi</u>	9 i G	0	0	0 0	0	10
노	0:0	01016	9 010	<u> </u>	010	10	0	Ø:m	i e	:0	0	01	010	010	0	010	0	0	010	<u> </u>	FIG	0	-1 16	9 6	न
- 6	000	नाक	9 0 0	0:0	0 0	0	01	س اھ	ान	0	0	0	010	010	0	0:0	910	10	0;0	5 : n	110	:0.	H) C	0	10
<u></u> 5	1:10:4:	क . ल . न	4-44			1	m	ч ј г	, 	· —		٦.		1:44	٠	— •	1	7		114	<u>- ا</u>	<u>-</u>	न:-	4:	
ш	- · · · · ·			:		: .		;	!			•		:	:		1								
ပ	17.7	र्भुःसः र	v 8 :	7 7	m·-	: :	E	H 8	<u> </u>	'n	2	гі :		' =	10	; 	ı i		यांत :	7:5	ਜ਼ਿਜ :	m;	#1	u·m	•••
В	00634 00635	88636 88637	80.00	86641 41	00642	4498	89645	00646	8648	99649	09650	00651	99652	00654	89655	00656	86658	000	00000	10000	88663	90664	80665	98667	89900
A 80701	90702	90704 90705	00707	90710	90711	86713	90714	99715	00717	00718	98719	02/00	00721	00723	98725	98726	88728	62200	88738	00732	88733	90734	00735	90737	00738
534	635 636	637 638 638	640	642	643 644	645	646	647 648	649	650	651	652	653 654	655	656	657	629	999	661	200	664	665	666	668	699

器		2742	4	1192	308 477	920	920	1985	5194
		10	<u>im:</u>			'M)	· • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		
8		: 2			1145 320	3182	1516 761	1827	5018
H	<u> </u>		! 		-	ਦਾ∙ਦਾਂ	.स <u>.</u> स	ंत	• स्त
86			170	191	159	164	168	159	161
R		16:	97.1	97.6	97 98.7	93.8	98.8	1881	93.2
\vdash				: 					
開	:	62904	75252	DØ072	3932	4379	1853	6842	3692
D	0.0:0:0:0:0	ι ທ . · ·	101010	-010:	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 U02	0 X021		0:0:0 0 0
₩ M M	@1@1@1@1@1H1@						: :	•	ì
AYB	0.000000		:			:			
N N	@:@ @ m @ @	00000	000	00	0.40	000	न्।	<u> </u>	@1@1@1@
14	@ @ # @ @ N	,	:			;			
AS	@ @ @ H @ H	•	:				· · ·	: .	. 1
M	Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø								
AMAGAG	@:@ @ @ N:@:@	•							
AKA	<u> </u>							•	The state of the s
R	0000000		i i '	1 1		:	1		ľ
AG	0:010101010				. :				
CAB	0101010111010								
AAC	Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø :						•		į.
YA	000000			•					
W	@ @ @ @ @ @	, ,			•		1 1 1		
5	01010 0 HI010								: 1
S	ଡାଡାଡ ଡାଡାଡା	00000	000	00	aloio	. 0 0	000	010101010	0.0:0:0
0	0 0 0 0 H H O		• •			•			
0	0.0.00.0.0		i i				· : i ;	: .	
Σ	0.0.0.0	0 0 0 0 0	000	10101	9:010	101010	1010101	Ø-Ø:Ø-HIØI	0 0.01010
X	0.0001		• :		•		! ' : ;	• •	· i
	0:0 0 0 H 0.N				;		: • ! •	Ø :Ø :Ø : ल i	0:0:0:0
9		नानानानान	win-	rei er	ਜ: ਚਾ ਜ	.स.स.स	लिल्ल	a-a-mia-a-	सन्तन्तन्त
Ш		: :	; 			:		• •	
ပြ		ਜ ਼ ਅ ਜ ਜ ਜ : ਅ	4:0 2	M:W:	25:5	. H. W	10 AIN	M·α:4·₩:Φ	H-W-W-W-M
H	8 2 7 2 E 2 S	9.2.8.2.8	3.25	\$ X:	2:2:8	0 0 T	M.W.4.	N: 0 - 5 : 80 : Q:	8 H N.W.4
8	006670 00671 00671 00672 00673								
	00739 00740 00741 00742 00745	00747 00748 00749 00750	752 753 754	755	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	761 762 763	26.	768 776 771 771	00773 00774 00775 00777
A	8 8 8 8 8 8	8:8:8:8	8:8:8	:8i8i	8:8:8	8.8.8	8 8 8	8:8:8:8	88888
\prod	670 672 673 674 675	× 800 = 1	33 34 34	36	2000	0 1 2 2	£ 4 5	0 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	3633
		တ်တဲ့တဲ့လ	<u>စ်စိစ်</u>	9	စ်စြစ်	တ်တိတ်	တ်ထဲထဲ	10000	KKKK

_
\sim
ntv'
щu

	T _i	::2	_	:	-		ᇁ			:	47	10						12	+ 00	;	.		7	-				;	: m			· ল			
) X	1	3071			:	:	<u></u>	!			:4	<u>.</u>	•	•		•		3892		: .	691		472		:				773			2121			
8	824	2916			:	:	329	:			1310	824		:	•			3761	362	:	545		342						357	•		1953			i
BH	-	i e-i	į i			•	н			-		.=		:							-	. :	ਜ		!	_		-	. 		.				-:
BG	149	152				. •	145	: -			. •	149		•	•	;		133	137		141	•	132	-					134	•		130			
BF	2.6	100		:	i		100			:	īŃ	9		İ	;	-		100	_		m	!	9.5	_			_		'n	;		4	:	-	-;
Ľ	F	-	:	· -	! 	<u></u>				-	<u>;</u>	10		:	<u>:</u>			9			8		ŏ						8			.6	<u>.</u>	•	
BE	X55668	4					7716	! ! .			502	9417				•		754	102984	:	423	1	823				į	i	392	!	:	268			
0	XS	X	•	10	0		£			:	Ξ	12	i		:	ه	-6				X63		8		<u>.</u>	<u>;</u>			8	:	:	V005		:	010
ABC	4-		10	<u>:</u>	0		,												•						:	•				:	:				616 HI6
AYBA	上		. 6				:	<u>. </u>			:												1			:							• :		<u>010</u>
S	6	10	0				•		•		•	:	:	:	1	:							- :		- 1	1			:	:					0 0
ALLAW	6		·		: :		- 1				ı	1	:	:		•	:	: ;	: !				- 1	•	- 1	:	:			!	•	: :			0:0
Adasi	0												10										;		i		:				,	:			0:0
A	0																													•					olo
₽ Q			-			-								:								- 1			:						;		٠.		010
A	_	_	:	i	L !	. :				:						1		• ;	: 1		- 1	:		:							•	: :		:	0:0
AK	1	<u>:</u>	4			:	1	_ :		:		!		<u>!</u>	<u> </u>	<u>.</u>	<u></u>				•	- :	:		•	•							:	. :	10
정	Ь.							•		:	1	:	9	!		i	10	: :	: :			:				:					Ι.				0 0
ABAG	_		·		:	0		. :		!		7	:	<u> </u>	:					:						į								•	00
ठ्ठि	0	0	0	न	0	0	0	-1	0	0	0	0	•	:				. '		,	•				:		- 1								7 0
₹	6	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	·	0	0	0	0	0	-	0	,	0	, i i	0	0	<u> </u>		0	-	0	0	01	0	910	010
>	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	=	0	0	10	7	-	7	0	ਜ	0	0	0	6	<u>oi</u>	0	0	П	н	0	0	0	910	0 0
涿			: 1		:	,	- 1	. !				:	•	ļ	1	:					:	1	i	1	i	:	:			. ,	!				7 0
0				:		. :	- :	i			:	•	•	į			•	: 1	١ :			•	•	i	•							: :			00
S	<u>. </u>		_ :		•			:	i	i i	ı									:		- 1				:									0 0
0			:	_ :	:									•	•		•	•						2	- 1				- :						0 0
0	<u>L</u>		:	:			:	:	,	'		:	ì	•	i							i	:	!	i	- 1	2	į		. !		•			9 0
2	_	<u>. </u>		!		:	•					!	0	i	i	•					•		- [:	i	:		- :			t	_ :	•	•
×	0	0	0	<u>-</u>	:		_1						0	<u>:</u>	!					:			i		_:	·				-					0 0
-	3	· ল		<u>.</u> सः		•	·						-		:	<u>:</u>								:	. !									·	
E G	\vdash								_																		:				_		-:		
	3	m	_	00 :	N.	-1 71	7	4 .		4	m	2	9	.	. m	· 	~	~	<u>.</u>	4:	m :		<u> </u>	ed : 1	<u>.</u>		<u>ر ۲۰</u>	_	••• i		· ·		4+ 1.6		<u> </u>
ပ																	4	~	m	•	Η'			• • • •				'.~;	27		•	ਜਾ	٠.,	~ 10	•;•
	95	9	20	80	8:	<u>a</u> :	<u> </u>	27	133	7	12	9	17	8	5	်လွ	<u>त</u>	2:	<u>m</u> :	4:	<u>بر</u>	9:	<u></u>	∞	<u>ອ</u> າ	<u>s::</u>	<u>ਜ਼</u>	2	<u>m</u> :	4	<u></u>	<u> </u>	<u></u>	0 : 0	D Q
8	99795	8	8	8	8	00710	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	200	8	8	Š	8	8	8	8	200	8	8		00740
								•		80	83	8	8	92	93	. 4	.93	96	97	86	61	818	6	95	9:0	<u>s</u> :	Si	<u>.</u>	20	80	8	9:	=:	2:3	<u> </u>
⋖	8	8	8	8	8	8:	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	88	8	8	8 8	00815 00815
	H	i				1		<u>.</u>	آب						: 		_	_	_		_	т	_	_	÷	-	_	_		<u> </u>		_		_	<u>.</u>
	706	6	80/	3		=[Ľ		7	715	2	717	718	719	720	121	22,	/23	724	57	9	7	22			o E	S F	2	34	35	36	37	ωķ	nk K	\$₽
	Ĺ	ل		<u>'</u>	l	1	1	1									L					1		1	1	1	1	1				1	1	T	لا

		N	.10 :ed	- M
发	1631	%3 83	1395 4181 181	1260
18	1507	716	888 4066	1154 737
ВН	-	H	ਜ ਜ	्स ःस
86	N	N.	116	107
_		H:	8 11	100 1
BF)T	o o	. 4. 12	16
ш	3555	ET.	.0372 .0216	11.
BE	M335	1668	4203	(88)
BC	0.0.0.0.0.0.0.0.0.0	000000000000	0:0:0:0:0:0:0:0:0:0	10:014:010
BA	0 0 m 0 10 0 0 0 H	ଡ:ଡାଡାଡ୍:କାଡ:ଡାଡାଡ	m, H H 0 0 0 0 0 0 0 0	14:0.V.0:0
AYI	0:0:HI0:NI0:0:0:0:0	<u> </u>	00000000000000000	010101010
X X	000000000000	0 0 0 0 0 0 0 0	10 H H 0 0 0 0 0 0 0 0	010101010
\$	@ @ @ @ @ @ @ @ @ @	0 0 0 0 0 0 0 0 0	O O O O O O O O O	0:0:0:0:0
KAMAGAGASAUAW	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	(SISISISISISISISISISISISISISISISISISISI	निकास काक
À	0:01000000000	010-4101010101010	0.0.0.0.0.0.0.0.0.0	0:0:0:0·H:0
A	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	<u>ତାନାଡାଡାଡାଡାଡା</u>	:01010101H10101010	0:01010:0
¥	010101010101010	<u>बाबाबाबाबान नाव</u>		0.00141010
AK	0 0 0 1	M000000040	N 0 0 H H 0 0 0 0 0 0	0:000:00
A	0 0 0 0 0			
AEAG	000000000000000000000000000000000000000			: :
×	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			
AC	0:00010101010001			
¥	004:00000000			, .
≻	1000 T			
*	0:0:0:0:0:0:0:0			
2	0.0.0.0.0.0.0.0.0	_ <u>L</u> + 1		
လ	T 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			
0	0:0:4:0:0:0:0:0:0			
0	0 0 0 0 0 0 0 0 0	~ 	101010101010101010	0:0:0:0:0:0
Σ	0:0:0:0:0:0:0:0	0 0 0:0 0:H 0 0:H	(@:@ @ @ H @ @ @ @ @	0:0:0i0:di0
¥	H. 0: H. 0. 0. 0. H. 0. 0. D. H.	ଡାଡାଡାଡ:ଡାଡାଡାଡ	. नाळाळा <u>नानाळाळाळाळा</u> ळा	0:000000
	N O H O O O O O O O	H:0:0:0:0:0:0	HIO: NIO: HIO: 0: 0: 0: 0: 0	3:0.0id.d 0
9	न नः च ः ल न न न न न न न	नांनायःनांनानानानाना	·e·e·e·eiøie·e·e·e·e·	٠.
E		· i · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		
<u> </u>	4-2-2-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4-4	อีเพ.พiนเพเดเพเนีเพ	::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	<u> </u>
ပ			• • •	
	12.24.44.45.45.12.12.12.12.12.12.12.12.12.12.12.12.12.	N: N: N: N: N: N: N: N: N: N: N: N: N: N	19 8 8 9 8 8 8 8 8 8 8	2.2.2.2.2
В	00741 00742 00744 00744 00746 00750 00750	822	00761 00763 00763 00764 00766 00766 00776	00773 00773 00774 00775
-	16 17 17 17 18 17 17 18 17 18 18 18 18 18 18 18 18 18 18 18 18 18	N. W. W. W. W. W. W. W. W. W. W. W. W. W.	6 5 6 6 4 4 4 4 4 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6	22.5.69
4	00816 00818 00819 00819 00822 00823 00824 00823	8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	00836 00837 00839 00840 00842 00842 00844 00844	8 8 8 8 8
L	·		, , , , , , , , , , , , , , , , , , , 	
	52-10-10-10-10-10-10-10-10-10-10-10-10-10-	500 500 500 500 500 500 500 500 500 500	7700000	12456F
				<u> </u>
			 	

C	Y	7
C	١	J
ŧ	j	Š

	1=							_	_																										•
æ	702									2314	<u>. </u>	L.	1155			:	_																		٠
噩	591	:			:	:	:		529	2002	:		1067	,	:	į	:	; -																	
BH	F			:	:	:	:	-	ī	-		!	न	:		i	:	į	:				-						-	<u>:</u>	•		;		•
88	105		·	.	:	_		-	26	146		-	68	: -			-	<u>: </u>	:		<u>: </u>	: :		:	_;				:	-			-		
	5		:		;	-	<u></u>	<u></u>		16.		<u> </u>	190		<u>!</u>	<u> </u>	_		<u>. </u>	-	<u>. </u>	-	<u>. </u>	<u></u>	_					_			· ·		
8	8	;. 		· •	! :	:			- 63	16	! 		<u> </u>	:	! 	:	:	:				.	i 		:				:		1				
BE.	34082		:	:	:				1520	303490			55409	! ·	:	:				•		. :	:						: !						•
ည္ထ	M	10	10	10	<u> </u>		10	:			10	0	2			0	: 0	! (0)	10	0		0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0.	0:	016	910
ব		•		1	1		;	i	١	•	i		:	•	:	į.	:	į	•			. :	:	i		:	:		i	:				0 0	
100	1		1	•	•			:	•	-	:		i					:	: :		•						:			i .				0 -	
₹	ᆫ	:		<u>:</u>	<u>: </u>	:	:	<u>!</u>				<u> </u>	<u> </u>			: .	:				:			: :		i			,					-16	•
¥	l.,	!		:	•	•		}	£			i	!			:			•					: :					: .					010	
SA	_		_	<u> </u>		<u>: </u>	·	<u>. </u>	<u>. </u>		<u>. </u>		:		<u>:</u>	•		:	- :			٠.				:	•		:	٠ ;					1 6
φþ				<u>;</u>			0	<u>i_</u>	!		:				÷	:		!	!	-	٠.	. :	:	:	i	:	:			•]		•			
AMADAAAAAMAY	L									•		•			:		•	:	. :		. :									: .					110
¥	_							<u>. </u>	:				<u>. </u>		<u>. </u>	<u>i </u>	:	i							:									410	-
Ā		ı	:	1		<u>:</u>	;	: .	;		•	i	:	i	i	: !	!	1	: !			:		i	•	- 1	1							414	•
JAK.		:	!	<u>i</u>	<u> </u>	:	<u>i</u>	<u>!</u>	!		<u> </u>	i	!	Ĺ	i	!		ł	1	:	: i	i :			1	i	ŀ			i			:	;	1
dAI		:		-	•	•	•	•	i		•	•		i	•	;	i		. :			. :			- :	1	•		i :	:				ماد اهاد	
PABA					<u>. </u>			<u>: </u>	:			i	1	١	!	:	•	i	•			• :		,	:	•	;	- 1			٠ :			<u> </u>	
ACA		. <u>.</u>	. :		-	:	•	:		•		:	:	:	:	i ·		•	: :			: ;		: :			i		: :			:		6 1-	
Ø	_		:	:	:	1	:	;		•	!	į	ļ	•	i	1 ;	1	i	:			1	,	ί,	;	:			. '	!			:	016	:
ΥA	_	:		!	į	:	i	1	:	•		Ĺ			i	Ĺ:		•		i			,		- 1	i	:			í.	. '	٠.	:	010	: 1
W	L	:	:	:	<u>i </u>	:		<u> </u>	:	:	:	L	<u> </u>	٠.	•	<u>i. </u>		:	ı i		. :	: :		,	!	;									110
				:		:							i _		<u>:</u>	:		à.	. ;					٠.	:	i			•					010	
n s			<u> </u>	<u>:</u>	i	į	•	<u>:</u>	<u>. </u>	:			<u> </u>	:	<u>. </u>						. :	١.	. :	; ;	i	•	:			. :	:	:	:	6	:
S		:	:	:	•	:	: 0		:	:		<u> </u>	•				:	!	į į			: 1			- 1		•			•					
0			:	:	ì	:	:	:	:	:				•	ı	;	•	ŧ	: 1		: :	: :	: !	! i	÷		i			!.				स्त ार स्तार	116
0	L	:	:	:	1 .	<u> </u>	i	_	<u>:</u>					<u> </u>			!	!	i			; ;	İ				:					: :	1		:
M	L		1	:	!	•		!	!		<u> </u>		i	į			<u> </u>	į .		:	: :	:		:	_ !	_ !	9		0	9	9	0:	9!	9;-	110
K	0					:	10	:								•								0	:	•			Н	· —	н.	<u> </u>	O :	-116	010
-	0	+	iG	10	© :	0	. ©		0	0		0	~	0	9	. 60	0	0	0	0	0	0	m	0	9 i	0	01	0	0	. त	0	0	0	410	010
9	7	⊣	•=	· 	144	न	·ਜ	-	ω		ત	7	თ	. ন	Н	П	ਜ			+	7	ਜ	~	П.	ਜ	н	H :	~	н	<u>-</u>	7	7	~	~ ; ←	ा त
E				•				;						_	:	<u> </u>		:	;		. :		į	·	-	!		-	:						:
၁	77	• 00	-	4	. 7	. 6	· ল	m	4	m	'n	Ŋ	26		00	10	·N	4	· N	7	7		21	σ:	9	m i	<u>س</u>	S	20	S	m	7	m	4.0	7.7
			_		:					**		~	_	-				:			_		_	:		. :					_				
8	77700	86778	90779	98786	00781	99782	80783	90784	80785	90786	99787	82	90789	96200	90791	26200	66293	90794	90795	96/00	76200	86200	96299	90890	90891	90892	00803	90804	80805	90800	00807	80800	60800	90810	00812
A	9853	9854	3855	3856	3857	3858	68889	3860	3861	3862	3863	3864	3865	3866	3867	3868	3869	3870	7871	3872	3873	7874	3875	9876	3877	3878	9879	3880	3882	3883	7884				06890
/	Ø	.⊗ :	්ර්		į			•							:	•		٠. :	: ;	•		•			ಶ¦	8	8	8	8	8	8	&: 	ଞ୍ଚ	8:8	8:8
	7/8	6/	80	18	82	83	784	85	98	187	88	89	90	9.	92	93	94	95	96	97	98	99	00	5	802	803	804	805	806	807	90	8	9		3
	_														Γ			^	/				æ	∞	∞	∞	∞	∞.	æ	8	8	®	<u></u>	∞¤	p

쑮		1596	1250	. ,		10	0 0 0		439 9390
18		528	686	: : :		7.2			332
표			 		i- -		4		: ਨ •ਦਾ ਦ
BGB		6,	23	:	- : : :	18	<u>, </u>		52
\vdash			ιφ'		· · · · · ·	10			
8		160	l8 :	<u>:</u>		10	• .		166 94.2
BE		K@0558	16991	. , .		1001	11601		13773
BC	010:0:0:0:0	000	000	0:01	0.0101	5 6 6	0000	<u> </u>	0 0 0 0 0 N 0
AYBA	010:0:0 0:010	नाठाठ	<u>iololo</u>	10101	010101	910:016	<u>। । । । । । । । । । । । । । । । । । । </u>	<u>ानांकातः</u>	ଡାଡ଼ାଲ:ଡ:ଡାଡାଲ
A	000000-	000	0000	000	<u>ololol</u>	91010.	NOOP	0 0 0 0	<u>। । । । । । । । । । । । । । । । । । । </u>
AW.	0 0 0 0 0 0 0	000	പരി	000	0 0 0	ه نصنو	000	0000:0	<u> </u>
AU		0000	000	000	0000	S-4:016	0000	Ø:410:0	<u> </u>
AS	01010:010:010	N 0 0	0.00	<u>िस्त</u>	<u>ञ्जाञा</u>	S S	0 0 0	0000	© © O H O N O
AKAMAGAGAS	0 0 0 0 0 0 0	ार्थ न	<u> </u>	(O) (-11)	<u>ज्ञाला</u>	214:016	0000	01010141	@IMI0101MI0
A	01410.0101010	410.4	<u>'-11010</u>	00	01010	simies ie	01010	00000	01010:0:0:0
A	000000000	2140	000	00	9 9 9	<u>simiole</u>	919 018	0000	000000
X	000000-0	000	00-	00	0 0	9101016	اهاماها	0000	Ø 110 0 10 10 0
A	010 010 010 N	<u>i_ : </u>	<u> </u>						. :
ABAG	01010101010	1.			: .				@ 4 W Ø Ø Ø Ø
Ĭ	40000000					: !			0 141410 01010
AC	0.00.00.00		<u> </u>	i. i :	- ; - ; - ;	1 : •	- 1 1		
\$	<u> </u>	<u> </u>		<u>: </u>		<u> </u>			01410 0:01010
<u> </u>	0 0:0101010		. ; ;	: .					
[≥	0:01010:0:110								
2	4.000001410	<u>' ' ' </u>	<u> </u>	<u> </u>		: •		1 1 1 1 1	
S	0:0:0:0:0:0	i:_	<u> </u>	<u> </u>		·i		1 , , :	·
0	0101010101010	<u> </u>	<u> </u>						
0		: @:@ @	000	; ; Ø Ø	010101	9 IW IQ -	1000	0000	01014:0:010
Σ	01010101010	0.00	101010	00	010101	010:010	0 0 0	0101010	0 0 0 0 0 0 0
Y	01010:01010:0	000	101010	0	0.0:01	sim:6	0101010	<u>oioioio</u> i	00140101010
	0:0.0:0:0·4:0	0:0:0	0:0:0	नां ७	0 0:0	S-10-	1000	00000	ଡା ଗାଗାର ଗା ହାଡ
७	ਜ਼-ਜ਼-ਜ਼-ਜ਼-ਜ਼			-स्न	ल-ल-ल-	m·m·m·	- ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا ا	न न न न	aidim d Nidid
E			· ·	- ;			; ; ;	i	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
၁	ហៈថៈកៈកា់គ្លី.៣	[N W	imiNim	ישוטי	H-W1/V11	<u>7.₩.ч.</u> г	<u>4:014</u>	नाल न क	다.현:幕:® ૹ!였i®
В	90813 90815 90816 90817 90817	90820 90821 90822	00823 00824 00825	00826	00828 00829 00830	00833 00833	00835 00836 00837	00838 00839 00840	90842 90843 90844 90845 90847 90847
٧	00891 00892 00894 00895 00896 00897 00897	86980 86983 86964	86966 86966 86966	00910 00911	88912 88913 88914	86917 86918 86918	00920 00922 00922	88925 88926 88929	00931 00934 00935 00935 00937 00937
	8818 819 820	821 822 823	824 825 826	827 828	8330 831 831	833 834 834 834	837 838 838	840 841 841 842	88888888888888888888888888888888888888

ſ	7	
`	j	
Ė	ă	

	7	_	_				_		_		_		_		_	_		ı m		_	_							_	-			_						_					_
æ																		181		_		,																					
圖						:						:						1968								-		:		:	i i				•	:	:						
H	I															:		<u>.</u> ਜ												:	:												_
BG	1							_				-	:				_	136	<u>. </u>			_				: -		_	:- -		:	:				:							
\vdash	t			-		_		:			-	:	-		:	i		90		<u>:</u> !	•				_			:	÷	<u>:</u>	:	<u>. </u>	<u>. </u>	<u>. </u>	:	<u>:</u> :				-	_		1
器	l					:		:	٠	į			ļ			į	!	-	:	!		į		:		i	•	•	:		!	:			;		,			·			
	Ī											:	:		_			739			ŧ					:				:			_		:	:				-			_
出					٠					:								2			:					!		:	:	:		:	:			:	:			•			
应	t	9	0	0	. 0	91	0	. 6	016	9	0	: 6	•	0	S	5	0	0	6	6	0 : 0	9:	0	0	0	: 0	:0	0	0	10	10	0	0	. 6	9	6	> (9.0	9.0	0.0	911	<u>ه٠-</u>	•
₹	t	ê	0	0	: 6	5 :	0	6	010	9	0	<u> </u>	<u>.</u>	0	! 6	5	0	0	0	is	oid	2	0	0	0	0	10	10			10	0	10	0	io	ie	<u> </u>	9 (6	010	911	0 10	,
불	t	9:0	0	-	10	١ د	0	S) i (5	0	S	5	0	10) i	0	0	0	S	iid	9 !	0	0	· H	10	0	10	ī	•	10	10	10	0	न	İĠ	916	9 (9''	010	910	010	,
1	ŧ					:						-	:		i	- 1	_			÷	•					:	:					:	:	f	:	:					:	916	1
は	ŧ	9.0	9	0	: 4	D ;	0	S	10	9	0	0	1	0	6	; i c	Ö	0		6	1	: •	0	0	0	10	10	0	ie	.0	10	0	10	0	9	16) i d	910	9:0	910	910	<u> </u>	,
ত্তি	t	9.0	0	0		41	0	S	oie	9	0	S	١	0	S	۱ ۱	0	0	0	16	10	<u>.</u>	0	0	0	0	10	10	-	· w	10	0	10	10	10	į) i e	910	S : 0	910	910	9 ! "	4
AMAGAGASALAWAYBAB	ŀ	9:0	9	0	· u	<u>.</u>	0	. 6	10	91	0	<u> </u>	<u>!</u>	0	S	5 	0	0	0	16	110	<u>.</u>	0	0	0	10	10	0	100	· ল	10	0	10	0	0	is	o i c	9.0	2010	910	510	<u> </u>	1
Ì	ţ.	٠. ۱	9	Ø	10	n i	0	0	1 0	9	0	is	51	0	9	i	Ø	0	0	is) : C	9	0	0	0	0		io	6	0	0	0	0	0	:0	16	910	9 : 0	9:0	9:0	<u>s i</u>	010	1
3	ŀ	o i e	9	0	. 4	2	0	S	ie	S :	0	S	> ;	0	0	5 	0	0	0	S	ic	9	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	6	je	0	9:0	S : (910	9 [e	0 .	1
¥	ŧ	910	9	0	iu	1	0	G	<u> </u>	9	Ö	10	1	0	6	ᆟ	0	0	0	S	١	9	0	0	0	0	0	0	0	1~	0	0	0	0	0	İs	٥١٥	010	<u>s i</u>	910	۱.		╗
١₹	ł	9:0	9	0	ic	5 i	0	-	110	9	~	Ė	4	6	6	ᆟ	0	0	0	6	1	5	0	0	6	0	10	0	+	10	6	0	0	0	6	įs	اه	910	<u>:</u> 910	9 0	9	9 -	1
ABAG	1	9:0	9	0	: 4	51	0	-	110	9	0	is	7	0	5	ग्	0	0	0	is	ار	91	0	0	0	0	0	10	6	im	0	0	0	0	6	İs	o i e	<u> </u>	910	oie	910	0 4	7
A	ľ	S : (9	0	: u	31	0	S	ole	9.	0		11	0	S	ا د :	0	0	0	ie	ie	9 i	0	0	0	0	0	0	į –	-	0	0	0	0	10	İs	516	916	5	aid	910	<u>o i c</u>	ij
R	ľ	9:0	9	0		۱ د :	0	6	10	9	0	:	1	0	S	7	0	0	0	165	1	9 !	0	0	0	0	0	; -	-	9	10		0	0	:0	16	o ; e	5 . c	S : (S) ! C	9 !	0:-	1
₹	19	9:0	0	0	•	4 F I	0	G		so i	0	0	7	Ø	6	ا د ن	0	0	0	ie	1	-i	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	6	16	910	9 (5 : 0	Vic	9	7	1
≻	9	9 ! (9	0	IG	۰ j د	0	0	10	او	0	-	•	0	G	1	0	Ø	0	0	ile	5 i	0	0	0	10	0	Tō	ie e	0	0	0	0	0	0	ls	21.5	110	9 (s i	910	0 1	1
3	ľ	9 :0	9	0	: 6	ه ا د :	0	-	(; 6	9	_	20	۰i	0	6	i e	0	0	0	i G	i e	! 0	0	0	0	0	0	0	10	60	0	0	0	0	10	16	o i e	9.0	9:0	910	9:0	0 6	,
5	ľ	S	S) I	0	16	5 1.	0	0	10	5	0	6	;	0	6	ا د ن	0	0	0	ie	١	91	0	0	0	0	-	0	ंन	-	0	0	0	9	0	is) 	9:0	9:0	9 6	910	61-	1
S	1	9 (9	0	10	> : (0	S	910	ا د <u>د</u>	0	i 6) i	0	S	>	0	0	0	10	i (9 !	0	0	0	0	0	0	10	नि	10	0	0	0	10	is	Pic	S . C	S . (9:0	911	01-	•
0	٩	9 (3 0 .	0	: 6	> (0	G) : 6	5	0	.0	•	0	G	<u> </u>	0	0	0	0	i		0	0	0	6	0	0	0	न	0	0	0	0	0	is	oic	9 (20.0	9:0	9:0	0 6	,
0	ŀ	4 i (9	0	! 6	> 10	9	0	1	9	0	0	1	0	0	7	0	0	0	0	i c	16	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	įS	010	9 : 0	9:0	<u> </u>	9 ! (010	i
Σ	9	> : 0	5	Ö		410	9	6	: 6	9	0	0	Ţ	0	6	1	0			10	10	91		0	0	0	i ©	6	10	[-	0	0	0	0	0	S	910	S : 0	9:0	9:0	9 : 0	0 0	۰
¥	١	1:0	S :	0	: 6) i (9	_	i i c	؛ ا د	0	6	ij	0	S	;	0				ie			0	6	0	:0	10	: =	न	0	0	0	0	0	İG	> d	9 : 6	9 i C	910	910	0 0	,
_	١	5 · •	٦:	⊣	10	J į	=	_		- į	н	10	1	-	-	;	_	н	7	1	li e	- 1:	-	-	-	-	ļH	įH	· · ~	m	<u>;</u> 	न	<u> </u>	<u>-</u>	12	-	11+	4 - 4	٦.,	-1 :4	٦.,	<u> ۱۳</u>	+
9	┢	7.6	S :	0	· 6) . (9	0	110	D I	0	9	1	9	S	, i	0	0	0		10	•	0	0	0	0	:0	10	10	10	0	0	0	. 0	9	iG) i C	9 (9 (9:0	S : C	<u> </u>	┥
E	H		_	_					_	-															-	•	•	<u></u>							-	: :							+
_	3	5 , c	4:	~	: 0	• •	- i	'n		- -	m	7	111		-	;		_	7			<u>,</u>	_	+	. ~	. ~	ım	-2		·m	: : - 1	. ~	. न		im	-	110	7.4	— : •	4:0	711	m [K	,
၁					. u r	•											:												٠,	٦,						:						: ~	
8	00000		90:	851	857		22	854	U	0 !	856	857		828	859		8	861	862	863	770	ţ.	865	998	867	868	869	870	871	872	873	874	875	876	877	878	20.0	0 0	200	1 : C	700	000000000000000000000000000000000000000	:
_	L			_				_								٠.				•											:					<u>.</u>						0:0	4
A	25000		5	88973	90974	: 1	2	9997	000	1	989 7.	38600		88	8600		868	8600	8698	986	0000	000	800	8600	36600	6600	76600	6600	6600	9699	96600	6600	36600	6668	01000	1001	100	2000	60100	5000	POTO	01000	
	105	3	- [22	53		;	55	200	7	2/	58	2	ñ	- 09	ŀ	اۃ	62	63	64	7	3 k	9	29	68	69	6	F	2/	73	874	75	9/	1	8	6	200	200		26	3	884 884	
	α	þ	약	Ø	æ	þ	이	∞ —	×	뱐	×	8	۴	2	∞	۱	p	œ	∞	Ø	×	٦ķ	×	œ	Ø	Ø	po	Ø	8	_∞	Ø	Ø	×	Ø	_∞	×	P	Ď	οĒ	ŌΡ	οĒ	ōα	۰Į

	: 60																	:00:10	
黑	2930	1383	;	:	1807		2776		273	944	284							2699	1
B	2494	681			1353	4716	2250		2006	505	2409		•		_			2345	
표	· -	1			· 🗝 :	-	144		-	1:-1	-							:	•
BGE	438	346			6	<u>6</u> ,	27			4 4	<u>4</u>	<u>-</u>						355	2
\vdash	ंस	100			14		<u>iw</u> 14.			1:4								:0:5	
BF	18.	18.			8	8	18.	· i	9,	18	95.						_	. 76	
BE	305021	13748		:	000022	13635	15395	•	2000	X54304	00345			: .				64229	8 ·
Ы		2:-	0000	1010	0101	<u>ල ල</u>	<u>5</u>	10:0	1010	N S	000	1010	9101	0101	010	010	:0:0	:X:2	E:
B	0:0:0	<u> </u>	0.0.0		0:1	0 0	: : :0:0	: .0 =	. 0 . 6	· ·	~ 6	0:0	0.01	0 0	0 0	00	0:6	- N 6	8
AYBAB	:		01010				: :	_											
₹				<u>:</u>		:	: :	: :						· ·					
A	Ø1 Ø 16	احاد	01010	GO GO :	0101	010	1010	;1·0	1010	9 i 69		. 69 16	9101	0101	0 0	1410	10:0	10:4	416
AdASAU	<u> </u>	101	01010	<u> </u>	010	-116	00	1010	1010	910	6	0:0:0	9101	0101	010	1010	0:00	01010	210
S	010	1001	0:0:0	1010	0.41	0 0	00	10:0	1010	110	000	010	0 0	<u>ojo</u> i	010	0:0	(C) (C)	1010	910
Ì	0101	910:	01010	1010	७ ।ता	00	1010	0 0	100.	410	00	1010	9:0	0 0	010	:0:0	1010	01010	916
	0:0:	2101	01010	10101	00	00	1010	1010	1016	110	0 0	1010	9101	0 0	H:0	1010	1010	1010	016
AMAO	0101	9:0	01010	1010	010	-110	1010	-410	10:0	9 : Q	4 6	0.016	1010	0101	010	·16	:010	01010	010
A	010:	10:	000	0 -	- 0		000	1010	10:0	· -	্তাত	1010	1010	نمنم	010	منم	10:0	1010	00
◩	: 1	1 :	· .	نـنــن				<u>:</u>	1 :	:	<u> </u>	. !	نـنـ		:	i .			
A			01010		<u> </u>			·	<u></u>	<u>; </u>				• •					
AEAG		: :	41010		:			·		·								•	<u></u>
¥			010:0	:	!	_ :	<u>: 1</u>	·					:	_:	<u>.</u>			<u></u> .	
P	(Q) (Q) (0:0	0:00	10101	1001001		1 :		16014	+100		916916	2101	; (0)	@ @	10010	1010	911 (اھ! د
\$	00	0 0	000	00	00	0 0	0.0	0.0	000	0	0'6	اها	0,0:	010	00	0.0	0.4	101	0 0
7	0101	010	N:0:0	10:0	न्स् स	00	000	0.0	01010	<u> ज</u>	न्न	010:0	0101	<u>ाठ</u>	0,0	1010	000	01010	<u>ब्रोड</u>
*	010	010	0 0 0	<u>। ज्</u>	00	HI G	0	iois	9101	10	10.0	إهاد	9 9	00	00	1010	01010	91010	ठांड
Б	0:0		0000		<u>ाठांना</u>		100				0.0	101	<u>ाठ</u>	0 0	00	6	91010	olo l	010
S	0101		000		100						6	1001		00	00	1016	9:01	<u>sioi</u>	916
0	010!	010	नाठाठ	00	<u>.</u>	00	01010	1010	91010	<u>2; 0</u>	100		010	00	00	10:0	1010	sioi e	ठाठ
H-	0 0	0 0	01010	1010	000	010	1010	1010	9101	9 6	1010	101	0101	010	010	10:0	01001	91010	010
으	6 .0i	0.0	0.0:0	1010	00		·	0.6	3 63 16	0:0	6	101	<u> </u>	<u> </u>		10.6	0.001	<u> </u>	اهره
Σ				·		: :						:	:		· :	·			
1	⊚ ∶©:	© 1 © .	0:0:0		10:01	010		010010	9169.4		:@i@			@ @	610	io:e	9:00:0	91010	916
_	2	<u>۲۰۷</u> ,	सं-स-स	.स.स :	ंत!त	ना-	(: 	•	41	717	.N.+	1:-1:	न्न	ਜ ਜ	ल ं ल	 	4	4:40	ᅲ
5	0.01	010	0:0.0	1010	00	000	1016):Oi	91010	910	0:0	9:00	010	010	oio	io:e	0:010	01010	0:0
Ш							1							•					
ပ	7∵सः	m·m·	w.H.H	· 0	m i co	014	· · · · ·	1:W.4	rieli	ກຼາດ	4:4) स्त ः	तः ल	नःत	W: C	ı.w +	4 4 - 4	414 -1	यःस
<u></u>	<u></u>						· .												
8	99885 99886	90887 90888	90889 90890 90891	90892 90893	90894 90895	98896	86898	9000	0000	809 809 809 809 809	90905	800	8898 8898	96916 86911	98	99914	00916	8891 88918	88915 88928
	8:8	7:21	15.13	18:14:	5 6	717	1.4. K	7.0	58.5	9 8	32.0	0 · W	36.55	2 8	စ္ကုန္	च द	λ.Ψ.:	4 :₹:	2 4
4	91969 91919	010	01013 01015 01016	010	919 919	010	1016	010	910	01.0	10	919	919	919	.0.2	100	919	919 919	919 919
	5	ထတ	0-N	W 4	ഹര	<u> </u>	စ်	2 - c	um'	4 N	9	- 00	ည်ဝ	-2	204	5	or k	obik	5 -
		88	890 891 892		89	889 80		992		26	90	190	9	91	<u>6</u> 6		100	918	92
<u> </u>	ш	<u>. </u>				<u> </u>		ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ		_1_	<u>ı.</u> Ł			Ц.,					

r	_
Ċ	V
4	ĸ

	g	<u> </u>	_		<u>-</u>				8	<u>-</u>						-					-	-		-;	~										_
器	1089	}			4221				146	4	:	:			:	i t	:			•	. !	4972	:	į	917				!	:					
8	708	3;			3711	-			1115	1011			İ	:			:	:			.	4591			808	•			i	:					
BH	F	1.	. :		24	:		. ;	-	-	:		 	. .	-	-		! -				-		<u> </u>	69		_			<u> </u>					
BG	282	<u>.</u>			380				347	8	:		<u> </u>	: :	<u> </u>	 !	-	 :				377		i	311	-:			: :	:		-			\dashv
	σ	1			m				m	17		<u> </u>	!		!— :	<u>-</u>		<u> </u>	i			w.	نـــ		66			_	-	<u>-</u>	·				-
8	¥	<u>. </u>	: :		8		j		86	97	:	:	! 		!					:	į	6							:						
BE	9				423	:			782	8	i				: :	:						17		-	SS.	-			:						
8	MR4694				¥92				M747	V005				:		!	:					X63071	:	- 1	0134	:	;								.
BC	8		 	0	0	0	0	0			0	0	0	0	0	10	0		0	0	0	6:	0			ø i	0	0	0	0	6	01	9 -	110	10
AMAYBABC	ı		:				i	ŧ			!		l			:		•						i	ĺ									0:0	. ,
AY	ļ	0	0	1	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	-	; ←1	0	H	F	9	ना	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	01	01	010	im	0
A	L				!	:	i					<u></u>				1	:	•	: ;		١ !	:	- 1	:	- 1	:	:		•	•		•	:	10	- 1
<u>इ</u>		<u>. </u>			:					:						į		:						:	i	0				:) ।	10
KAMAGAGASAU		10						. :					:			!	:		. :	:		:		:	- 1	9				:	٠.		916		0
ğ			: :										i			•		:			٠.			i										010	, I
¥		1	: :								. :	: _			•	:									;	:				: :				10	- 1
X		0	. !		i		'	:					Ц.		L	1	1						:	1	- 1	;				,			:	112	i I
AIA	L	10	<u> </u>	_			:	0				_	Ĺ			į	<u>: </u>	1	0	_ :		_:	_	i		:							:	110	
	┖	10	<u> </u>									i	<u> </u>	<u> </u>	L	<u>. </u>	1	i		•	. !	- 1	i	į	- 1	:			•	: :				010	1
ABAG	0	0	0	0	0		1				L.,			<u> </u>	i .	i .	i	i	1	١,	· i	. !	i	- 1	i				: :	:				0	
AC	0	10	0	0	© i	0	0	0	0		0	0	0	0	0	ि	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-110	oio	0
γ̈	0	10	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 -	10	6
γ	0	0	0	0	0	त्तः	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	~	0	ा	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	916	<u>.</u> गुन्त	0
W	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ਜਂ	0	0	0	0	0	0	9 6	• • •	0
n	0	नि	0	0	0	0!	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-1	91	0	0	0	0	0	0	0	0	9:-	1174	0
S	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	-1	0	0	0:	0	<u>0:0</u>	010	9
0		•	:	:	_ :	- 1							١.	ŀ	ĺ	•			٠ ;	: :	١ ١	:	•	i	;	:	:		. 1	. :			1	0	:
0	l.,			į	:	;	i				!		:		į	į	•		: ,	, :	;		;	i	į	į	•			: :			:	910	: 1
Σ	0	9	0	60	0	01	0	0			0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	-1	0	0	0	01	0	0	0	01	0	916	010	10
X	0	:0	0	0	0	0	0	0	0	٦	0	0	0	0	0	6	0	0		0	0	0	0	0	0	<u>© i</u>	© !	0	0	0	0	0	9.6	110	10
	1	· ~	न	ਜ-	+	-11	-1	н,	ਜ	7	П	П	٦	~	-	ल	न	ਜ		7	٦.	ਜ਼	4	न	ਜ	Н,	44 (ਜ	-		न	7	1:0	1:0	ī
9	_							$\overline{}$				0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0		<u> </u>	01								010	
ш												_	<u></u>		!						÷				_	_									
	2	7	m	m·	-1 :	~	- -	m	ਜ	00	-	+	-	7		<u>-</u>	. 7	. 7	. ~	00	mi	7	8	7	ਜ:	7	,	'n	. ~	-	-	~	910	12:0	im
၁																					•			٠.	•										
	121	322	323	324	325	326	327	328	62(330			33	134	335	336	337	38	33	40	4	342	43	4:	45	946	42	84	6	Š	51	22		55	26
																																		88955	
																																		01087	
٧	916	91	9	8	91	916	8	916	916	916	916	916	916	016	91	016	916	016	016	016	016	916	016	916	3	976	916	916	916	916	916	916	916	100	916
\dashv										_i								П			1	- 1	1	Ť	_,	_	-,	_			_		-	_	\dashv
	122	123	124	22	92	2	82	53	30	31	132	133	134	135	38	137	38	139	6	141	142	43	4	45	5	7	48	49	20	121	25	53	չ դ	956	2
	<u>ان</u>	٢,	23	ر"	33	2,1	٠,١	2,	U)	3)	יי	0)	וט	ນາ	တ	တ	6	0.3	6)	တ	2)	۵,	တ	2)	2)	2)	2)	0)	တ	0	വ	ۍ k	υþ	מי	D

00	
2	
搬	

BK	1926	1391	:	2371	540	1894			1295		1487	;		-:	8240	!					_		1382	
8	1410	i 	. !	1981	477	1513	:		945	11	1142		•	:	7851			:					837	. :
H	н	16		ਜ਼	न	m			· न		H.F	4			-			÷			•		न्न	
BG	367	343		193	149	4	: :		-12	19	4 : 4 0 : 7		• •	•	308	·		<u>-</u> -	<u> </u>	<u>:</u>			32	
	<u>w</u>	180		6		6			9	. •	<u>w 15</u>	<u> </u>			4 36		: ;		<u>:</u>				233	
8	91		1	96	86	8			186		918	: : . :		•	6								92.	
BE	416592	012902		66899X	(52195	223064			(60091		03801	3			20010	,						_	70218	: · :
BC	0.0	0 0 0	010	010	<u>Sig</u>	0	00	101	0.0	.0.	716	010	10	0:0	10	10	ना	010	3 : 6	10	01	0.0	0:0	00
BA	0:01	Ø:Ø.Ø:	<u> </u>	Hic	oie	0	010	:01	<u></u> ਰ	101	<u>o i e</u>	010	(O)	0:0	910	10	0	o i	210	oio	010	010	0:0	00
AY	10:0	000	010	0	0	0	HIG	101	0.0	101	VI G	010	101	010	910	10	0	010	010	10	0	H: 6	0 0	010
M	9,91	000	00	0	9 0	0	00	ioi	0 0	اها	916	010	0	0	0	اها	0	اه	s is	O	01	010	010	00
1	00	000	0:0	010	0 0	0	00	0	0 0	0	9 6	9 ! 6	0	016	0	0	0	0	9 6	0	0:	0:0	0 0	00
AIJAKAMAGAGASAI	0.0	0000	0:0	~!0	0 0	0	010	101	<u>ा ७</u>	101	9 6	010	0	<u>o j c</u>	0	io	0	<u> </u>	<u> </u>	i o	اه	0 0	910	010
V	0:0	010:0:	0.0	<u> </u>	010	0	410	101	010	010	9:0	010	011	0:0	910	0	01	<u>o.</u> ,	116	0	010	9:0	010	00
A	1	0.0101	: :	:	010		. :			. :				:					:		٠.			00
AM		0.0101		•			1		:								: :		÷					
AK		0 0 0	_ : 1	!	- 1	. !	1	1 ;	:	: ;	:	:	:	•		: :			i	: .				
A		01010																						
AEAG		o lo lo l				٠ ,							: .	•	•	. :	:		- :					
CA		010101													•		•							
AA			. 1			:		: 1	. i	į .	1	•	. :	į	:	:	١.			٠,	:		; ;	. ;
⋖	<u> </u>	41010	- 1	•	- : :	. !		: :	i	. į	i	;	: 1	i		; (٠.	:	,	٠.	. ;			
		0.0.0		:				•		. :					•	: :								
3		91010							1 .							•	•							
n		0 0 0 0 i		i			:		i	. :						:	:		:					
S				•			;		i	. :		:	, ,		i				- 1					
0		0 0 0 0 i												- 1	i	٠.	. :	- 1	:			•		
0			- ; ;		- i - i	li	i	1 :		1 1		;	; ;	į	•		. 1	•						
Σ	·	000	i		1 1	i		: i		: :			. :	:	i	;			:					
×	0:0:	010101	@: @ [·	010		S	010	101	<u>.</u>	141	กเอ) स्ताः <u>:</u>	101	ole) (S	10	01	© :(5 i G	10	0.0	S : €	010	0:0
_	ल-लग	M·⊷:⊶·	 1 1 -		⊣·←	٦.	ਜਾਜ		7:7	• 🕶 i •	410	, , ,	101		ं स	· 1 ;			7	· =	+		4 - 6-4	
9	0:0:	010:0	0:01	016	s: Ø:	Ø.	oio	0.0	010	010	9:0	0:0	010	o i o	i e	101	0	0:0	010	10	0:0	0:0	010	010
Ε		:				:	:											-						
ပ	w 0:1	л:स:N:	N:W1	010	ग्ना	7	<u>लान</u> :	•सं(N·m	· 00 · (9:5		711	7:-	: ~	. 7	~	न	7:2	i- 	ना	M - €	1 - 4-4 :	7,4
8	952	889 60 889 61	9 6	20.0 40.0	996	2964	8 8	970	972	973	\$. K	926	226	8/6	80	981	982	6 : 6	985	986	987	80 00	866	991 992
٧	0108	Ø1092 Ø1093	0109 01095	9109	01098	01099	01100	01102	9116	01105	91197	01108	01100	01116	01112	01115	01116	01117	91119	01120	01122	01123	01127	Ø1128 Ø1129
	958 959	296 1965 1967	964	965 966	296	968	969 970	971	973	974	9/6	977	978	97.9	981	982	983	984	986	987	988	200	166	992 993

_		10010	- im	
뽔	2231	2845	4053	1437
8	1980	2517	3730 496	1140
BH	· .	्स्त् ,	ाल । । ल	-
BG	331	1010	308	297
\vdash	100	100100	10 N	99 2
8	186	95.	98.	160
BE	160721	11066	M80613 303191	3197
J	!≥		<u> </u>	<u>∑</u>
문	010:0:0 0:0:0			0101010:0:0101010
AUAWAYBABC				HH000000000
1				0101010 010 1101010
1	* : :			
	<u></u>			H 0 0 0 0 -1 0 0 0
AdAs	01010:01010101010		0:000:400014000	0101010101014101010
		ତାତାତାତାତାତାତାତା		4 0 0 0 0 0 N 0 0 4
AMAO	0:0:0:0:0:0:0:0:	4 @:@:4 @ @ @!@:@!@	010 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10	HI010101HI01010
¥	0000000000		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
AK	0 0 0 0 0 0 0 0	9 H 9 N 9 9 H 9 B	0000000000	00000000000
F	000000000	100000000000	0000000000	00000000
AG	w 0 0 0 0 0 0 0	000000000000000	00000000000	0.0.0.000.0.40000
ABA	00000000	0 0 0 0 0 0 0 0 0		0000000000000
AC	0:010000000	0000000000000	0000000000	@ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @
V	0 0 0 0 0 0 0 0 0	000000000000000	0000000000	O:010 0 0 0 0 0 0 0
۲۱۸	<u>ତାତାତା କାରାତାତା</u>		00000000000	0 0 0 0 0 0 0 0 0
W			<u> </u>	ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ
lΙ	Ø:0 0:0 0:0 0 0			0 0 0 0 0 0 0 0 0
_				0 0 0 0 0 0 0 0 0
S	<u> </u>	<u> </u>		
0				0.0.0.0.0.0.0.0.0
0				0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
Σ	0.0.0.0.0.0	010101010101010		0 0 0 0 0 0 0 0 0
K	0:00000000		010101010101010	HI0:0:000 H000
	नःतःतःतःतःतःतःतः	<u> गलांसाल स्यासामाक सास</u>	ila alala ala a	Nacararara
g	0.0.0.0.0.0.0	0101010101010	010:010:010:010	010:0:0:0:0:0:0
E	: 1			
	tidimidimidididi		11V1014-41W1V1W1V	<u>काराच नः य न्धू राक य</u>
ပ		4 4 4		
3	00993 00994 00995 009996 009998 009999	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	01019 01020 01021 01023 01024 01025 01026
8			and the second s	
	13.00 10.00 10.00	0.00 4 4 4 4 4 4 6 90 00 00 00 00 00 00 00 00 00 00 00 00	2 2 2 2 2 2 2 3 2 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3	52 62 63 63 64 64 65 65 65 65 65 65 65 65 65 65 65 65 65
⋖	01130 01131 01132 01133 01134 01135		011	01157 01158 01160 01161 01162 01163 01164
	994 995 997 998 999 1000	0004 0006 0008 010 010	013 014 016 017 018	020 021 023 023 025 025 027 028
			000000000	0000000000
				

		:21:	<u></u>	349	685	-26	2206
Æ		·4 ·			· +	2397	
8		17.	· ·	1055	1374	1934	1931
H			:	ਜ	; - -	. 4-4	ਜ
BG		275	. :	285	278	290	276
T.		6.86		97.9	196	92.8	. 94
8		100	· · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	10.	:	· 16	10
BE		6717	•	3246	4083	0281	2011
0	0 0 0 0 0 0 0	:	6 0 0 0 0 0		₹	. Ø	.Σ Σ Θ:Θ:Θ:Θ:Θ:Θ
AB(न-नाठ-नाठ ठ।ठ						
AYB.	01010:0101010	• •			<u> </u>	•	•
MA	010 H H 01010	M O O O	: 	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	010101010	<u> </u>	01010.01010
1	<u> </u>	0101014	00000	9 4 8 8 8	S:0:4:0.0:4	Ø:0:4:0:0	0.0.0.01010 :
ASAUAN	010:01010:010	00000	0000000	9 6 6 6 6 6	0:0000i0i	0.01010:0	S:0:0:4:0.0
Ŕ	0:00:00:00	101010	000000	9	000000	000000	0.0101010
О	0 0 0 0 0 0 0	00000	00000	ना छ। छ। ना	H-0101N-0-6	00010101	0:0:0:0:0:0
AMA	@ @:H:@ @:@ @	0000	00000	000000	000000	40000	0:0:0:0:0
AK	00000000	0000	01400	90000	100000	000 00	<u> </u>
M	0000000000	<u> </u>			<u> </u>		
AEAG	0101010101010	<u> </u>	<u> </u>			·	
GA	0.0.0.0.0.0	<u> </u>	<u>: : : : : : : : : : : : : : : : : : : </u>	<u> </u>			
AA	ତାତାତାତାତାତ	1 1 1 .					<u> </u>
YA	ତାରାରାରାର ମାର	: <u> </u>		910101010	000000		9 9 9 9 9 9
W	0000000	0 400	00000	9 9 9 9 9		001-0	000000
1	<u> </u>	0000	00000	9 9 9 9 9		 	: : : : : : : : : : : : : : : : : : :
S	0:0:0:0:0:0	0000	00000	3100 H 01	<u> </u>	<u> </u>	<u>8:0.0 0 0 0</u>
0	01010.01010	-iololo	00000	000000		0001-1010	000000
0	000000000	4 0 0 0	000000	9 9 9 9 9	0000000	00000	0:0:0 0:0 0
Σ	0.0.0 0 0 0	: .		. :			0.0:0
¥	01010 010 010		000000	9 HI 10: N HI	010101010	00000	0000000
_	नानानानानाना					स.स.स.स.	न राज्ञ नामान
9	ଡ:ଡାଡାଡାଡାଡ	:0:0:0:0	10:0:0:0:0	0:0 0:0:0	0:0101010	0.0.0.0	0:0/0/0/0/0
ET		 	!:				
	N:N m:m:m:N:H	14101010	नामःन ान्	1.1C.4:0010	न नाळानानाळ	.w.v.i&:	w. 4 · wi4 · ч·ч
ပ		:		:			
_	01029 01030 01031 01032 01033 01034	037	9 4 4 4 6 4 6 4 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6	1 4 4 4 4	2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	955 957 958	26.00 26.00
8				•			
	01168 01169 01170 01171 01172 01173	175 176 177 178	179 180 181 181	186	193 193 194 195	196 198 198	2 0 1 2 0 2 2 0 3 2 0 3 2 0 4 2 0 5 2 0 5
4	ප්.පු.පු.පු.පු.පු	8.8.8	12 2 2 2	5 5 5 5	ଅଟି ଅଟି ଅଟି ଅଟି	2 2 2 2	8 8 8 8 8 8
	0-0m4-vio	<u> </u>	<u> </u>				2-NW4N
	030 031 032 033 035 035				999333 999333		2000000000000000000000000000000000000

•	
æ	1
14	j
463	J

			į .			1	8			-	- :	_	_	8					- i	20 :					i	<u> </u>						\neg
異		: :	! <u>. </u>				¥:		i		!			176		1		:		4:		:			!	1328						
≅		: :					2900		!					œ		į	:	:	1	182	į	:			i	975						
BH			-		:		-							261		:			į	52	i		<u> </u>		!	₸.						
BG	,	;			:	: :	262	:	<u>;</u>					9	· :		•	:	i	230	:		-			247						\exists
\vdash		: .	 	 -	•	1	w.	-	-	i				4		. :		-:		-	•		-		į	∞.		-			-	┫
8F	<u>'</u>			: - <u>:</u>			6							95		:	:	:		8		:			-i	8						
BE		. :	:				425	•	:		:			8		:		į	į	34	,	;	:	:	;	483						
∞	:	: :	:	į			3	:	į		į			K031			:		İ	X062	:	į			į	M634						1
ABC	010	1010	101	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	<u>0</u>	0	0	© :	0:0	010	0
100	4:0	000	101	010	0	0	7	ना	0	٦:	0	0	0	0	7	0	0	01	0	0	01	0	65:	0	0	0	0	0	011	0.0	• त	0
AY		jojo	<u>:</u>				:	i	I	:									:		ı		÷	:	•	•	•		•			
A		000		:	1		!	i	. !	!						. 1			ĺ	!	į.	· i	i	:	:						<u>:</u>	: 1
¥		1010		<u> </u>	:			:	:	:					;			:	4			•	:									
AKAMAQAQASAUAWAY		:0:0	: <u>.</u>	. :	:		_ ;		:	1					i .		i	:	1				:									
X	<u></u>	1010	i		:		_ :	:				:				1	1	ŧ	:	٠.			:	:							•	
¥		1010	: :		•		:		•	-	:					. :	_ :		;	;		_										
A	-	100	<u> </u>	- 1	1 !	1!	i	i	i							. :	i	i	i	. 1	:	į	_ 1	- 1			- 1	. :			<u>:</u>	ا
¥		1010	<u>. i</u>		1	<u>L</u> i	_ 1	i								i	i		ij		:		i		:					:	:	:
dAI		00	1 :	•	<u>i </u>		i	i	i		i		1			أسا	i	i	i	i		i			•							- e
ABAG	:	1010	<u> </u>		<u>!</u>			i	_ :					<u> </u>	: :	:	_ :		i	i		:			•		: :					10
ACA		1010		:_	i		i	;	i					·			. !	:			:	:	_ :				:					
4	0 0	00	10	<u>.</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	ਜ	0	0	0	0	<u>.</u>	0	0	0	0:	0'	0:0	0 0	10
YA	0 0	1010	10	010	10	0	0	~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	₩.	 . с	010	9
A	010	000	10	010	10	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	7	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	0.0	0	io
П	010	1010	10	0 0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0	्न	0
S	110	0 0	10	0 0	6	0	-		0	0	0	0	0	9	-	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0.0	9:0	io
0	010	00	اھا	010	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-1	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0:	010	9 6	io
0	010	1010	10	010	10	0	0	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	-1	0	0	0	0	0	0	<u></u>	0	0	0	-1 1	010	010	10
Σ	00	1010	اها	0 0		0		0	0	0	0	6			0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0			0 !	<u> </u>	010	10
X	010	100	اها	0		•	;	0	0	0	0	9		. —	0	0	 :	7	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>					0:0	010	.
		- ا		नांन	नंन	-	٠	-	ਜ	~	-	-	H	17	4	·		 i	4	н	-1	ਜ				~	; ;—	7	7	٦٠,	1:7	ī
G	0:0	10:0	10:	<u> </u>	10	10	0	0	0	0	0	0	0	· • ©	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0:	6 : 6	0'0	10
Ē					:								<u>: </u>	-											<u></u>	_	<u></u>					-
F	. 2	.~.	। न ः	त्तः	: ~	N.	<u></u>	7	-	7	-	्त	m		0	स	m	ינט	7	7	7	7	7	 -	<u>ਜ</u>	,	, , ,	7	00 .	7:-	112	-2
ပ		: •	:		!	!	:					:	:		हिन्स । । .	. ,		-	-				:									
П	965	29	8	2.3	22	2	74	375	920	22	2	2	80	181	28	83	84	82	986	87	8	8	8	16	26	93	9	36	တ္ဆို :	6 6	6,6	8
B	916	91967	916	916	916	916	910	916	916	916	9	916	916	916	916	916	916	916	916	916	91	916	916	916	916	916	916	916	916	916	916	120
	200	8 6	H	13.12	14	5	16	17	18	19	20	21	.22	23	24	25	56	22	28	53	Ø	3	32	33	35	36	37	38	ရွ	8 :	1.7	43
A	912	01209	915	912	012	017	017	917	017	912			915	012	917	015	917	915	917	915	91230	912	917	912	015	012	017	917	917	3 6	01242	012
	<u> </u>	m m	اط	-k	Im	स्कि	5	20		.	5	_	F	~		₩	<u> </u>	ای		: ന	<u></u>	<u>.</u>		N	: (1)	4	5	ري	<u> </u>	n la	طد	
	$\begin{array}{c} 066 \\ 067 \end{array}$	068	6		07	0	0	5	6	70	07.	080	.80	082	083	9	8	980	8	380	089	060	,60	092	6	60	095	60	60	200 200 200 200 200 200 200 200 200 200	ğ	10
		F			-					•		_	Ē										_			_		-			- -	F

C	J
C	つ
拍	y.
щ	٧

8K	518							!			•	2865	œ	<u> </u>			5167	-	457	: 6	90 5:	568		898			2222							945
<u>=</u>	254	;	! :		-		•	:	<u></u>		-	1912	8	:	: -		8	:	2288 2	11	<u>.</u>	354		350 2			2037 2			-			:	748
노	Ļ	 .	· · ·					_	<u> </u>			<u> </u>			:		1	_	7					ਜ.			7							11-1
8	7	:		_			· 	: 	<u>!</u>		:	1	<u> </u>		:	-	2		7	•	4	IN	<u>!</u> :				0		<u> </u>				<u>:</u>	
<u>B</u>	5 262	•							: 			2 26	23	<u>. </u>	•	ٰـــــٰ	23		4 17	-:	_	21	; ;	733			23			:				199
BF	93.		i	•		:			:			35	8	! <u>!</u>	!		5.5	• ,	95.4	!		99.5		6		į	6	!						92
BE	X13585	:	:						:			305016	M37712	!	:		013638		M60346	10	55757	X02490		-26953		1	013286			:		·	:	99604
BC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	010	916	5 +	0	0	0	0	0	0	0	0	0 i	010	010	0
ব	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0	sic	910	اها	0	0	0	0	0	0	0	0	ed i G	गुंब	0
ALAWAYB	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	٦.	0:0	5 : 0	S 00	0	0	0	0	0	0	0	01	0	010	0	10
AV.	-	Ó		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9	ब ब	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i e	9	ī
A	~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9 6	9 0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	010	010	F
AS	0	i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i N	0	0	0	0	न्तां	910	वंद	0	0	0	0	~	0	0	0	01	010	0	ि
¥	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	4-11	- i c	0 0	10:	0	0	0	<u>ं</u>	0	0	0	© 1	0:0	010	ठि
AMAG	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	(O)	0	0	0	010	si e	<u>9∙</u> ~i	101	0	0	0	0	0	01	6	0	0 0	010	0
AM	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	io	0	0	0	010	s i e	010	न	0	0	0	0	0	01	0	01	010	0	0
¥	7	.0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S i c	ब्रान	0	0	0	0	0	ा	0	<u>6</u>	0	HIG	ه آه	0
A	L	0			:			L	İ	<u> </u>		<u>. </u>	<u> </u>	i	i	Ĺ		: 1	, ;			2 -	1 .	;			- :	•	:				:	᠇
ABAG	_	.0	: :				<u>!</u>			!	1	!		<u>:</u>	1	<u>! </u>			1	1		0	1 :	i	i	:	:		. !				!	1
Ĭ	_						<u> </u>		:	<u> </u>	:	1	<u>!</u>		<u>: </u>	:						9 0	i :			:		i					;	•
AC	_				<u>: </u>		·			!	i	i	İ٠		<u>i </u>			: '	:	:	į	0 0	;	. 1		,	. !				. :	i	i	!]
\$	_	:0	0	0	0	0	1 (S)	0	0	0	i (S)	0	0	0	0	0	0	0	6	<u>ा</u>	910	<u>्</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	- 1!	<u>ञा</u> ढ	9	0
>	0	0	0	0	100	0	6	0	0	0	0	60	-	0	0	100	0	0	0	01	<u>5 i c</u>	5 -	6	0	0	6	60	0	0	0	6	<u>o l</u> o	9 6	0
≥	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	(O)	0	0	0	0		0	9 0	910	0	0	0	0	0	0	0	0	01	o i o	9	0
Э	7	10	0	0	9	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	s i e	9 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	0	0
S	0	100	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	<u> </u>	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>oj</u>	9	Ø
0	0	10	0	0	0	0	स	0	0	6	0	10	6	0	10	0	0	6	0	Oi	وأح	9 6	0	0	0	0	6	0	0	0	0	<u>oj</u>	0	0
0	0	9	0	0	0	0	0	6	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u> </u>	9 6	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u>oi</u> e	9	0
Σ	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	sic	बांब	10	0	0	0	0	0	0	0	01	<u>oi</u>	0	ि
¥	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9		100	0	0		01	910	0 0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	010	010	Ħ
	┢┯	· ল	-	H	<u> </u>	-	· 	-		-	<u>;</u> —	-	<u>-</u>	<u>:</u>	<u> </u>		· 			н,			ां न	_	_		=	-1	-		न	W ! -	न्त	न
9	0	0	0	0	0	0	:0	0	0	:	0		0	0	10	10	0	10	0		:	210	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	910	:
E		_										:	i		_	-							: .			: :	•	_						
ပ	52	7	7	m		=	. ~	-	-	: ~1	· 1	: N	7	<u>.</u>	im	٦.	न	: ị ←1 :	S	▼	71.1	4.5	4	न	-	. त ।	4	न्न,	. न ः		7	٠. و	4.4	ίω :
\vdash	12	35	83	8	8	8	8	8	8	10	Ħ	:7	<u> </u>	1	:23	<u>. 9</u>	. —		<u>.</u>	8	<u> </u>	2:5	24:	S	56	-23	8	5	8	31	32	<u>@:3</u>	¥ 120	36.
В	911	011	011	911	911	911	911	110	911	911	110	011	8	911	911	911			110	2	3	8:2	12	911	011	011	110	911	011	110	12	2:5	115	011
A	1244	1245	1246	1247	1248	1249	1250	1251	1252	1253	1254	1256	1257	1258	1259	1260	1261	1262	1263	1264	5971	91266	1268	1269	1270	1272	1273	1274	1276	1277	1278	1279	1281	1282
	8	· (O)		_	-		.00	8		: 0	100	:0	0	- 60	. O		.0		9		<u>ب</u>	<u></u>	; (2)	0	60	(0)	91	-	69	0		0010	:	
	02	03	104	105	901	07	108	60	10		112	113	74	\pm	9	1	78	6	120	2	76	25	23	92	121	128	29	30	31	32	33	<u>Հ</u>	36	37
Ш	E	E	-	_		E	E	Ë	Ē	E	E	Ē	E	E	E	E	E	E	E			E	F		Ε								E	E

۲)
۲	7
1	K

	Ţŗ	-								.0										_	-	10														7
뽔	520								!	1670		:									·	1480		:	!	:	•									
≅	022	0		:	:			!	:	1439	:	;	<u>:</u>	:	:		:			•	:	1272	:	1				:	:			:		;	٠	
BH	ŀ	4			:		-	:	:	 	:	:	:	-					:			न	:	:	_				!					÷		٦
86	19	777			:		:	:	!	218	!			:	:		:		1			8			_			<u></u>	÷	: -		 -	<u>:</u>		:	٦
8F	Ÿ	<u>.</u>		<u> </u>				;	,	18	-				-				-			8			_		.			 	:	•	-:	-	!	٦
	8	<u> </u>							<u>:</u>	:		·			—												:	<u>. </u>	:	:	:				:	╝
BE	130440	o T						•	; :	76790		,		; :	:	:		:	•	:		7033					:	•		1	:	· ·				
J	-	_			10	10	10	: 0	0	<u>. – .</u>	0	0	0	10	:	10	0	· 10	0	0		<u>A</u> 3	0	0	0	0	0	0	10	100	I o	0	0	(S)	: (0)	
ABC	1						•		:	•	: ,								•			. :	:				·		:					<u> </u>		ı
SALAWAYB	1.			1	<u>:</u>		:	:	<u>: </u>		: :		•	÷	•	•	•			٠.	. :					: 1	i	•						তা	:	ı
X	L	•		<u>. </u>		·	<u>: </u>	:	·	<u>: </u>					:	<u>. </u>			::				,	١		•		:	i	;		٠.		<u> </u>	ì	- 1
3	ı	010	:	:	!	•		!	!	:	:		١.	i	:	1		•	. :		٠ :						<u>. </u>		i_	<u>: </u>		· 		010	•	_
SA	L.,			<u>:</u>					i	<u>. </u>			<u> </u>	:	:	1							10	0	0	0	0	0	. 7	10	10	0	0	011	910	8
Ż	┝	110	10	6	:0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	6	6	0	0	नां	<u> </u>	910	5
Ò	1.		÷ .					•	:	1							•		•		: ;		•	;				:		i				6		ı
ailaklanjadada	9	9 6	6	oio	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	9	회
X	1	916	10	io	10	10	10	0	0	=	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	0	9 10	ब
	6	o i o	10	10	0	10	0	0	0	0	0	6	0	6	0	न	0	0	0	0	0	-	-	0	0	0	0	0	6	6	.0	0	0	9	5	히
AG	G	010	je	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	नां	<u> </u>	डां	히
AEA(1	1.		I :	:	:	•					:		•	. 1		. :							•	:	i		1 :		ना	- 1	- 1
AC	۲	41 G		:	100	.0	@		0	0	0	0	9		, (O	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	: 0	0	-	0	0	5
¥	٥	9 6	: :	. 0	0	1 0	0	0	0	0	0	0	0	: 60	6	0	0	0	7	0	0	0	0	0	∺	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	9	퀴
Y	L	. —	i	:	!	i	•			:	'		į	:	<u>i_</u>	<u>:</u>	<u>.</u>	i. '	. :	:	: ;							•	:	1	1	:	:	Ø i	- !	9
٨			. i		;	•		i !	<u> </u>	:	.		!	i	i	1		:			. ,	. :	: :		1	i	i				;	:	:	010		٥
n	L				:	: .	•			:	<u>.</u>		i	i		1					1 1		1	١ :					:	i			. :	0		ı
S	ł			:	i	:		i i	;	!	. 1		i	:	:		:	Ι.	; !				i 1	1		i i			•	;	i			ना	:	- 1
Ø	L		!	<u>i </u>		•	<u>:</u>	!	·	<u>. </u>	1			<u>. </u>	:	! • _ '	:	. '			:1		•				!	!	*	•	:			0	•	- 1
0	L		1	<u> </u>	<u>: </u>	:			i						- *	• '	:	<u>. </u>					: 1						:	:	!			<u>o i</u>	- 1	ı
Σ	ľ	210		10	9		. 0	0	9	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	:	0	Ø	0	0	0	•	0	6	0	0	<u>0 i</u>	او	8
ᅩ	٦	110	:0	10	10	10	0	9	0	0	0	0	н	0	0	0	0	0	0	0	0	m	-	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	 !	010	او	s
-	1	٦٠,	-	; 	नि	, 	ਜ	<u>.</u>	=	Т	7	+	П	न	न	H	ਜ	-	~1	ਜ	-	H	7	ਜ	ਜ	П	H	<u>-</u>	17	न	<u></u>	₩.	7	-1 1	- -	ᆌ
9	6	0:0	10	:0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	10	0:	0	0:0	أو	히
E	Γ			:			:	: :	_					:					: :		: :		:			-				:	;		_	-		٦
	σ	, ~	9	~	7	4	П	7	7	7	-	П	m	φ	7	4	~	.	S	ਜ	-	9	28	m	~	न	-	ਜ	9	न	ंत	m	∞ i	<u> </u>	ना	ᆔ
၁										:					:															z					:	
	137	138	39	8	141	142	143	4	145	46	147	148	149	28	51	152	23	154	55	156	22	28	59	8	191	9	63	8	65	99	67	89	8	8::	<u>Z</u> :i	2
8	6	9	9	:2	91	8	9	8	91	ig.	91	01.	91	6	6	8	9	9	8	91;	6	6	0	0	011	011	911	10	110	911	011	9	8	01170	9	6
	783	28.5	.85	386	287	88	289	8	291	292	293	294	395	396	297	98	66	8	2	302	303	304	305	306	307	308	8	10	Ξ	175	113	71,	215	919	17	2
۷	į	16	917	91	017	6	017	6	017	6	017	01	017	917	170	917	917	8	8	01	8	01:	8	10	91:	10	10	913	913	913	013	15	913	013	6	릶
_	L	<u></u>			h.				C		~	<u>~</u>			51						_	<u></u>			~ .	~	-	-	<u>.</u>		<u>.</u>					╝
	133	Ě	7	14	14,	7	144	14	146	147	148	145	15(15.	13,	13	15,	13.	12	15,	158	159	191	161	162	16:	164	191	166	167	168	391	Ĕ	≤ 1	<u> </u>	3
	E	上	E	-	E							-		-		E	_	-				-					E	E		E	E			_[<u>-</u> [_

4	
က	
芙	

BK								999		1743	2493		1969	:		2848			591	•		3391						1813	:			-				
區	Ì	-				:		455		ı	2131		820	:	:	1867		-	400	-	:	3190	:		·			1634	<u>.</u>							
BH	†	:				:	:	1		1-		:		<u>. </u>		F				:				!				-1		-	:	:	-			
BG	t	-			_			203		66	251		146	:		1961	 	<u>:</u>	186			8	<u> </u>	-		:		8	:	,	:	<u>:</u>			<u>-</u>	<u> </u>
٣	t	i	-	_				ıψ	-		.2.	:	i,			S			10		•	6					_	m.		<u> </u>		:				
8		•				<u>;</u>		18			18	:	<u>।</u>	! !	:	18	:	!	186		:	86	: :					86		•	:	:				
BE		:			:	:		26247		:8	016217		113450	: :		16862			433195			(69838		. :		•	i	104739		! ;	:		•			ŧ
80	19	910	9 i :	0	0	0	0	<u>.</u>	0	6	10	0	6	0	0	9	0	0	6	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	7	0	10	10	01	01	010
BA	19	9 (5		0	0	10	1+4	0	0	0	9	H	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	· 	0	0	न	0	010
¥	ľ	١	١٥	~	0	0	0	m	0	9	ਜ	0	9	0	0	0	m		0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	10	0	01	00
	1	oie	91	~	0	0	0	٠,٧	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ंठ	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:न	0	.0	0	9	0 0
dadasadaw	1																																			010
AS	1	_:_		. :		:		;	:	i	÷			•	:	:		:	•				•				- 1					: .		:		9 -
A										:				:		•	:				:			. :				. 1								010
M	L	t	:			:	<u>:</u>	:	<u>. </u>		<u>: </u>	:	:	i .	ı	1			:	•	:		. ;				;		١,			:		. :		010
AMA	1					:		:	i	!	•	:	:	:	:	:	:	i	i	:				: '			•									00
AIAK	1	•	:	:		ì.,	į	į	ļ	ļ	ļ .	:	1	l	i	i	1		;	:	i :		i :	: 1		i	i				:	•				o i o
A	,						•				•				;	•	•					- ,					•				1	:				0 0
ABAG,	1	1	·				;	1		i	i	i	!	•		:	i		:		: .											:				0:0
O	1.		<u>:</u>						i	:		<u>:</u>	:		:		•	:	:			. 1	:	:			- :	:			-			. :		<u>ন ভ</u>
¥	1	Ţ	i			İ	:	• `	:	į.	i	:	Ì		1	i	i	i			. :							:		!	:					: <u>©i</u> ©
Y	1_					<u> </u>	:	:	•	1	1	•	;		1 .	!	ŀ	:		:		. :	: ;	. 1	i •		- :			•	:	:				010
×	L	_:_		:		<u>. </u>	:		•		1		1	!	1	1	ł	•		:		. :	:		٠.		į	i	i i	i				· i		010
5	L	<u>:</u>	_!	:		<u> </u>			i		<u>. </u>	:	i	İ	1	L .	Í	:	i	!	١,	. (i	: :	:		:	. :		!		:	,	:		0:0
S	1	o i c	<u>:</u>	 1	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>н</u>	0	0	0	01	o io
0	١	10	 	6	0	0	0	0	0	6	6			0	6	0	0	: 0	10	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0		0	0	0	01	<u> </u>
0	ŀ	9 0	<u> </u>	~	0	0	160	0	ंड	=	0		0	0	0	0	0	0	.0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	6		0		01	0:0
Σ	10	وأد	<u>.</u>	- 1	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0
¥	ł	910	<u> </u>	71	0	0	9	10	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	01	0	0	0	6	0	0	0	0	0	10	0	01	616
	┝	4 -	ग	m i	7	ਜ	-	-	<u> </u>	17		-	-	H	. —		7	 	17	-	-	+-1	-	-	н.	 ;	ᆔ	4	-	, 	~	<u>:</u> —	. 	ना	7	नःन
9	L																										0	0	0	0						010
E	l		-							<u> </u>			_		-	. :											:					<u>. </u>	· 			
ပ	F	4, e	1:	<u>g</u> '	m	-		17		4	7	7	4	m	m	-	~	н	;	-	न	+-1		+1	н.	न ं	7	4	—	S	13	:=		7	7	<u> </u>
В	01173	01177	1	01175	01176	01177	01178	01179	01180	01181	01182	01183	01184	01185	01186	01187	01188	01189	01190	01191	01192	01193	01194	01195	01196	01197	01198	01199	01200	01201	91202	01203	01204	01205	91206	01207
4																																				01353
	1174	7		<u></u>		1178	1179	1180	1.8	1182	1183	1184	1185	1186	1187	1188	1189	1190	1191	1192	1193	1194	1195	1196	1197	1198	1199	1200	1201	1202	1203	1204	1205	1206	1207	1208

Ľ	7
Ç)
Ħ	×

¥	<u> </u>			:	579		-		· :	!			÷	1558					462	-	:	- -			i !	! !	: -					1560		2222		
<u>=</u>	+			;	453				-	<u>:</u>	:	<u>-</u>	<u>:</u>	1324	• •				405	· :	: 	· -		· :-	<u>-</u>	<u>. </u>	· :	:	<u>:</u>			120		2		
표	+				 i				·····	-				11	<u>:</u>				17	<u>. </u>	: :		<u> </u>	<u> </u>	<u> </u> _	<u>:</u>	_	<u>:</u>	:	_		1 12		ਜ-		
G	7			!		<u> </u>		<u>: </u>	<u>:</u>	÷	<u>:</u>	<u>.</u>	<u>:</u>	٩	<u>. </u>	<u>:</u>	-		100		·	<u> </u>	_	-	<u> </u>		-		<u>:</u>	:		4		m		
F	+		_		3 12			_	<u> </u>		:	-,	 -	2 21	•—	!	<u> </u>	;	5		· -	<u>. </u>	_	<u> </u>	Ļ	_	<u> </u>	<u> </u>		!	Ĺ.	9 124		4 163		·
18	1		:	- 13	. 95	;			!	•	;		:	97.	:	!			91		! ! 							i	:			8		66	:	:
8			:	11	22473	:	:	: :	:		:	!	:	29505		:	:		06233	:								 !	:		:	M86667	:	10342		
8		910	9 i c	910	910	9	0	0	0	0	10	0	io	1	0	0	0	i Ø	×	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	<u>oi</u>	o i @	10
ਕ	7	9:0	9 ! 0	20:0	9	91	ତା	0	0	10	100	10	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	} , 	0
AYB)	•	916	410	S) i C	او	9	0	0	0	0	10	1-	0		0	0	0	4	0	0	0		0	0	0	0	0		0	7	0	0	01	o i o	o jo	10
M	1												•	•		-			•	-					' '										0	
			_ :		•												1															•			ुं त	
OAGASA I	ľ				•				•																										oio	ì
×	Ľ																																		9:69	
AMAC						:				:	•					:				• :	:	î		. ,	- 1										ंन	
₹	_			1		•		- 1	;	1	r	,	0	L		:_ :		• '			1	١.				i						: :		•	10	: !
₹	1		_:_			- !	_ :	i	i		1	i	i '			!		1	!	1	1 1	İ				ļ		i	•			,	٠.	:	ه اه	. (
gA	J.			<u>.</u>		. :	i		i			ŧ				•	•	- 1	: 1	,		•				i		:	- 1		i	:			ाल	. 1
哥	Ł	•					•			i	i	i	:			•				. ,		,			1	- 1									0 0	•
S																																			010	
ব		1	i		•	:	•			•	!	!	i I						! :			- 1	i	i	•		- 1				;				010	
ΥA		_:_					·			i	ı	:	. 1						. ,			i	4			- 1					:				00	- 1
W			•			- 1				í	4	:	t i			1						- 1			- 1	- 1		- 1	- :						0	
n	_				•		- 1		٠ :	:	i	:	i			1 1		: :		•	- 1	;		- 1	i						- 1		•		0	: 1
S							ı				•	i	•		- 1					1		·	i		- 1				•	1					10	
0					•		•				•	:	: :		- 1					. :		•	:		- 1	- 1	- 1		ì	- 1	- 1	- 1			i O	
0		i				•					į	1	•		1								- 1	:				- 1	•	- 1					10	
Σ	ŀ	916	ie	5.6	e i e	<u> </u>	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	(O)	0	ः ठा	6	0	<u> </u>	0	0	0	0	<u> </u>	0	6	<u>;</u>	<u> </u>	916	101	6
<u> </u>	L	<u>:</u>	:		•		. :	:			:	l	0		i		j	-	- 1	į			_ !		_ !	I	, i	1	į	Ì	-	- 1			0 0	
_	┝	4.6		4 - +-	414	111	- 11			н	· 🗝	m		•		١,	:		:	!	:	i	- !	1	- 1	- {	- !	ì		i		:			गुल	٠ ا
5	6	0:0	116		:										•				÷			•			:	•			-		:				101	
E	╁				<u>.</u>						· 			. ;	•						- :		- ;	-!	- ;	<u> </u>	_:			-:		<u>-:</u>				4
_	-	7	11-	1 - +-	410	117	-111	<u>:</u>	, ,	н	-	<u>.</u>			: -1 :	ıs i		5	<u>.</u>	7		211	m:	15	·	.	; ;	50	m:	<u></u>		m:	=	n	i in	
ပ					<u>.</u> ;		:		_:	_		: :	:	i	:			:	:	:	:	:		i	į	:	i	;	:	Ì	:					
В	1200	210	211	212	212		177	1215	216	217	218	219	220	221	222	223	224	225	226	222	228	677	230	231	232	233	234	232	236	237	238	239	9:	247	01243	24
	١	0.0	6	9:6	916	5 . 6	s∷6	s i	ତ	8	8	8	8	8	6	8	8	8:	6	<u>8</u> ;	8	ਰ::	6 i	8	8	6	<u>ප</u>	8	ਰ :	8	8	2	ଅ∶	5 6	8	6
_	3,5,5	1356	1357	30.0	7.0	1 0	9:0	1361	1362	1363	364	365	366	367	368	369	370	371	372	373	374	375	377	378	379	380	381	382	383	384	385	386	387	3 8	01390	391
∢	Š	6	.0	i · <u>6</u> 5	Ö	ě	3 i è	S	8	<u>6</u> :	6	8:	8	8 ;	8	8:	8	6 :	8 :	8:	8:	5	ଷ;	ଷ:	ଷ: :	당:	6 :	9	8	8	8	ଷ∷	6	9 6	8	8
	c	F	~	i c	4	4) lu	οþ	7	∞	6	0	<u> </u>	V	က	4	n k	او	T _i	ωk	مار م	ᆉ	- [c	VI.	مار	<u>4 þ</u>	ှ Ak	اه	: 	<u> </u>	S)	ᆳ	_k	viec	H	딝
	5	2	21	21		6	1	7	7	2	21	22	22	777	7	77	77	77	27	77	7 k	24	3	22	Sk	۲, کالا	S	7	22	S	23	7	46	24	74	24.
	С.		r_	r	ľ	Г			1									<u> </u>			ᅶ	<u>-ŀ</u>	_t	ᆣ		-		ᆣ		ᅶ		뽀	냔	上	上	

စ
က
衷

	_																																
盎	S	COC		1875	:			•				7577	:							11	75/1	:						:					
<u></u>	63	ò	1-	1724	: !			:	,			1551					:			1	1634		:		:	:	-	÷	:				:
H	ŀ	4		• •			_	:				; 🖵	1				:	:			-		:	-	-			•	-		:	 :_	;
BG	191	1	:	152	<u> </u>				•	-		100	i			-				10	<u> </u>	1	:		-				;				
	r	:		100				<u>: </u>					. :				-				7		:	<u>'</u>				:	<u>:</u>				:
B	8	<u> </u>		<u>:</u> =	<u>:</u>			:			:	196		:		:				- 18	χ.		1		:			•	:				ţ
BE	102347	21.000		117227					:			193651		:	:		•	: :		1 4	52463	:		:	:				:				:
BC	٩	o io	0	0	10	0	0	0	10	0	ie	16	٥	10	: 6	0	10	0	0	0	<u> </u>	9 6	10	10	0	0	010	9 6	116	0:0	: O i	s i c	010
BAI	10	910	0	10	7	0	0	0	10	10	ie	-	ije	10	: 0	10	10	0	0	010	Sic	210	10	10	0	0	010	<u>.</u>	116	010	010	910	श्न
₹	6	ه : د	117	•	0	0	0	0	10	10	je	is	10	·m		10	0	0	01	010	s i e	o i s) o	0	-	0	-110	916	116	िन	010	910	0
\$	6	916	10	0	10	0	0	0	100	io	ie	-	1	10	6	न	-	0	0	Ø j	9 6	عأه	9	10	0	0		9 6	16	010	0	<u> </u>	9 0
AUAW	٥	0	io	10	0	0	0	0	io	<u> </u>	6	165	io	:0		:0	0	0	9	0:0	عاج	s i s	0	10	0	9;	-	+16	16	010	010	916	0
AS	B	٠.٠	i 6	0	10	0	0	0	10	10	10	ie	6	10	:0	10	0	0	01	010	sie	916	0	0	0	0	-10	9 +	irs	े ल	010	s is	010
A	1				1			•						r																	010		
\Box	G	0	्न	0	6	6	0	0	् 	6	10	16	je	10	. 0	0	0	0	0	010	وأو	عاء	10	io	0	0	010	عاد	16	010	0	910	9 0
AMA	6	0 0	10	10	0	0	0	0	10	0	10	1	10	0	10	0	o	0	0	0	o je	s le	10	0	0	0	0	2 6	10	olo	0	s ie	<u>ां</u>
A	S	0	10	0	0	0	0	0	, -1	-	10	1	10	10	10	0	0	0	ᆔ	<u>ा</u>	9 6	9 6	9	je	0	01	0	9 6	 -	110	010	2 0	9 0
A			.1		•			:				•	•	•									-					:			اها		•
¥			•	•		٠.				:	•		•								•	,	•	:					:		0	:	;
ABA	1		•										•					:						•			. !				0		- 1
AC	1		:		:			•	1	:	:	:	•		•		•	١.			:	1	!	:	: !	:	1	i	!	:	010	:	
₹			ţ		Í	: (•	,	!	1 -	1	:	1	1		1	1	i.			;	- 1	i	í			•	1	•		010		i
_				•				•	:	i	:	:		:				:				- 1	i						:		0		
≯	L		!		į	: (,	١.	:	i	:		1	1		!		: ;	1	- ;	ı	i	1	i		: :		•	:		010		
n	l_		!		ŧ		•	:		:		•	•	:		;		:					!	:	. 1		:		i		0	•	٠,
S	٥	916	160	9	0	0	0	60	-	100	16	is	6	:0	i	100	10	10	0	010	Sic	2 6	0	0	0	6	<u> </u>	16	٥١٥	-	0	910	बंद
0	1	•		•	•			:	:	:		•	•						. :	0		i	1	i	:		- 1	ı	i		10	:	i
0	٥) (0	60	100	:	0	0	0	10	10	5	. 6	9	0	: 65	100	. 6	0	0	0	910	910	9	10	0	0	0	2	10	0	010	919	0
Σ	6	9:0	10	7	10	0	0	0	0	9	0	S	100	0	10	0	0	0	0	0	9 6	ی اه	10	0	0	0	010		10	0:0	010	916	9 0
¥	٩	010	10	.	0	0	0	0	0	i 0	16	İe		: -	0	10	0	0	0	0	5 6	9 6	0		0		0	-	116		101	916	9 6
—	F		4	٠,	ਜ	+1	7	-	਼ਿ ਜ	!~		ıiν	1	7		त्न	-	7	H	ed i	: -	-1-	ां ल	*			•		4 i e	410		7	v m
9	6	010	9	0	10	0	0	0	10	10	0	S	10	10	10	10	10	0	0	010	20:0	9 6	010	10	0	0	0:0	9 6) I G	0:0	· © i	910	9 0
ш	t											+-	:				:		-			1		;				;	:			÷	-
၁			: -			:		•	:		:	. —	':						:	-1 :-	:	:					4 .	:	ŧ	1.21		•	1 : 4
8	1245	1246	1247	1248	1249	1250	1251	1252	1253	1254	1255	1256	1257	1258	1259	1260	1261	1262	1263	1264	2021	267	1268	1269	1270	1271	1272	274	11,5	276	01277	278	289
	_			•																				•									
Α.	9130	0139	0139	0139	0139	0139	0139	0140	0140	0140	0140	0146	0140	0140	0140	0140	0140	01410	0141	0141	0141	91416	01416	0141/	01418	01416	01426	0142	277	01424	01426	01427	91429
	174F	1247	1248	1249	1250	1251	1252	1253	1254	1255	1256	1257	1258	1259	1260	1261	1262	1263	1264	1265	1267	126A	1269	1270	1271	2721	12/3	12/2	1376	1277	1278	6/7	1281

^	
æ	7
册	ļ

												_		_				_																	
æ	:	1612	:	:	:			:		425	•	1560			:			:	:		i	:	:	;							:				.]
В	:	1470	:					:		342	!	19			:			:	,	;	!		i	i											
I	•	<u></u>		:	- :	•				59	-	ਜ	_								-	- :	-			. :									
GB		144		:	:					. 4	:	92						:			- -	_	;		_		<u> </u>				—				+
8	_	<u>~</u>	:	:						110		6	٠.,									:	-:			_	<u> </u>								-
BF		8	:	:					:	8		98			;	: :			:				:							:			:		:
BE	1	1346		:	:			:		1948		5188				,			:			:		! }											
		X51		_;	_:			_		Ξ		<u>×</u>		_				:	-												:				
8			:				:						:				:	:	:		į	i			;				:			:		9 6	╝
BA	0	© i	91	0 !	@ i	0	0	0	0	0	0	0	<u>(</u>	0	0	0	0	0:	0	7	ci i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	H i	o i e	10
A	0	2	0	9	-1 1	O i	0	0	0	0	ना	0	٦١	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	01	010	010	10
8	0	0	6	0	<u> </u>	स्न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	010	910	ाठ
AUAM	0	wi	0	ब	<u>ा</u>	<u>ा</u>	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i e	0
AS	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	- i	0	0	01	0	-i i	0	0	0	0	0	H	0	0	0	0	0	0	Ø	010	916	10
D	0	01	<u>6</u>	0	허	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	7	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	010	010	io
δ		:					:			:			- 1	. :	i			i	1		. i		. :		:			. :		. :	:			910	
I∢!	01	01	0	<u>.</u>	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u></u>	-	0:	010	9 6	اماد
KAM			:	!	1	i	!	1				!	i					:			i		1	٠.			1	:		. !		٠,	į	;	
	_!	:			_	;											:					_ !								i	,	•	i	9 6	
V		\rightarrow		_	_!	!									i. '						1	1								!	:	!	:_	ه او	
AHAG				:	- 1	:				•:	:			اا		L				:	i												:_	9 6	
₹		i		. !	i		:								!						;													010	
AC	0	0	8	9	9	© !	0	0	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	-	0	0	0	9	0	0	0	0	0	© 10	ی ا د	9
\$	0	<u>60</u>	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	o je	0
Y	0	0	0	0	0	ना	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ां</u>	916	, lo
*	0	أه	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	0	010	910	هار
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	नां	916	10
S	6	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	ᇹ	-	0	0	0	6	0	0	6	0	0	0	010	5 6	10
0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	910	216	10
<u> </u>	L_'		:			:	: 1	i		:	•	_		<u></u>						į	i				<u> </u>		<u>i</u>								00
0		_ !	Ì		İ			!	: .	:	;										!												!		
Σ	0	0	9	9	<u>ہ</u>		0			. 0		0						9										0		0	0	0	910	5 . €	. 60
K	0	0	0	0	<u>ا</u> ھ	0	0	0	· ~	0	0	0	=	0	-	0	0	0	0	+1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	Hi	2 6	<u>.</u>
	Ŧ	н	ਜ	۳۱		н,	Н	7	· 1	-		-	-	н	Н	7	-	7	Н,	2	7		F	-	н	-1	н	-	7	न	Н	Ħį	н.,	٦ -	गुल
9	0	0	0	0			_		0	<u>. </u>		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© :	0:0	<u>s:c</u>	910
E		. !		:		-			:	:	i	!			:	!		-									:				•				
	7	ن ق	٦:	-1 1	7	~	<u>–</u>	7	im		S	н	4	m	m	~			7	18	4		4	m	7	-	-	-	7	न	7	नः	<u> </u>	- -	ंत
၁	,				:								•				· 							. !			:			: ; 	: !				
В	1281	1282	1283	1284	1285	1286	1287	1288	1289	1296	1291	1292	1293	1294	1295	1296	1297	1298	1299	1300	1301	1302	1303	1394	1305	1306	1307	1308	138	1310	1311	1312	1313	1314	01316
								•					i		: '	•								. :	:										
	436	431	432	433	434	435	436	437	438	439	4	441	44	443	4	54	4	447	48	9	450	451	452	453	454	55	456	457	458	459	8	461	462	5 2	01466
4	8	ଷ:	8:	8 :	8	2	8	뗭	ප්	:8	8	8	8	8	ଞ	8	8	8	8	ಶ	6	8	8	ಶ	8	당	ខ	8	8	18	8	8	ଅ∷	2:2	ដុខ
<u> </u>	<u>_</u>		 i		ای	_			: 		: 	~	 	_				_				~	: 		: :	_	- 	<u></u>			<u></u>			<u>.</u>	<u> </u>
	38.	χó	ě	285	ĕ	χį	38	8	চূ	5	6	.6	6	291	<u>3</u>	6	39	<u>ğ</u>	್ಲ	ŏ	ğ	Š	Š	Ö	30€	õ	ğ	<u>608</u>	31(E	<u> </u>	-	— þ	ა 	E
	7	Ľ	ï			1,	7	<u> 1</u>	Ë	Ë	Ľ	71	7	7.	7	71	21	7	Ë		-				Ë	Ë	Ë		Ξ	Ε	L	13	13	<u>ე</u> [宇
					_						_	_					_		_	_					_				_	_		_			

α	0
~	7
#	ď

_	_										_										_	-		_				-	9						
Ж			_		:	;			_										_		:	_ :						1	4176						
B		:				! !	!														i	:			į	-			4058		:				
BH		;	:		:		!		-							-					;							-	<u>-</u>	<u>-</u>					
BG		:	-		2								_		_		·												116	:					-:
BF				•									_							:	-:	_							8	<u> </u>					
18	L	<u>:</u>					_	: 						_		:	_												:						
BE		:					ĺ														:						;		637				٠		•
	e	-					6				•	•		_	•		-		•										ž		_		·	:	;
ABC	Ш										:														:							61			9 0
AYB,	L				: :		<u> </u>									: '				•					:					: .					0 0
		į	ı			Ш										:				•	:		- 1		1	į				! :			:		9 - 11
SALAW	_	<u> </u>	<u>: </u>	·	Ш			L					:										:		:	:				:	:				: 2010
ASA	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	H	0	0	0	Øi	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0;	0	011	s i e	010
Αq	0	0	0	0	0	0	0	0	Н	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	910	o i o
KAMAO		•				<u>. </u>				<u>L_</u> .	i				. ,	. :		:	: -	:	;				. 1	i		:	: i	i	:				<u> </u>
AM		<u>i </u>	:	Ļ							:					:										Ì				: :	. :			o i o	
◩		!	<u>:</u>				<u> </u>	ш							_					Ĺ	1					i			,	i.					010
٩AI	_	:	┖-			ш				:						<u></u> :	1			: :					1	. !				•			:	010	9 6
8	_	0	<u> </u>	<u>: </u>						ш	!			i		<u> </u>	<u> </u>			1	i					- 1		!		i:	:		•	olo	1
ACABAG	0	0	0	0	0	0														•	:	i	i '	. 1	, ,				: '		į		:	<u>.</u>	- 1
₹	0	0	0	~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	919	0 0
λ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	ماھ	210
⋧	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	عأه	0 0
Э	0	.0	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न ां	তাৰ	00
S			:		1	:			!	į			İ.	l					ì	i			: 1	i I	. 1		- 1	;	i	,	. :		į.	S i c	
Ø			:		•		<u>. </u>								•		1		•				•	! !		. !	į,	i '		1		;			0
0			<u>i </u>	!																İ							•			!	٠,	ŧ	į	;	9 6
Σ		!	<u>!_</u>	<u> </u>			!			!					· 	<u> </u>				: :	-						:	. !						į.	9 6
ᆂ		;	,		1 !		į		i	١ ,		'	!		•		•	•	• :	: .	:		!	! !	٠.	į			٠.,	٠.					מיפ
						:							:		·			·		٠.	•			'		:	:								नास
9	0	100	0		.0	0	.0	0	0		0	0	0	0		0		0	0	(O)	اه نــــ	0	0	0	0	01	0	0	0	0	<u></u>	6 :	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>
Ш						· .			: 				:				!			_		i	i		;	i				· 			:		
ပ	4			, m	. 7	-	. ഗ	7	:	13		w		. M	. 7	ای	-	-		· •-• •	41	ın:	.7	m	-	 1	 1	ਜ ਾ	M		ਜ.	7	M (33 · C	⊣اِن
8	1317	1318	319	320	321	322	323	324	325	326	327	328	329	330	331	332	333	334	335	336	337	338	339	8	341	342	343	4	345	346	347	348	349	350	01352 01352
⋖	01467	01468	01469	01476	01471	01472	01473	01474	01475	01476	01477	01478	01479	01481	01482	01483	01484	01485	01486	01487	01488	01489	01490	01491	01492	01493	01494	01495	01496	01497	01498	01499	01500	01501	Ø1502 Ø1503
Ш		•	1	:	: ;		į	<u> </u>	<u> </u>		' i		i 	•		:			• :		•			: !		•							:	:	:
	318	319	320	321	325	323	324	328	326	327	328	328	330	331	335	333	334	335	336	337	338	339	340	341	342	343	344	345	346	347	348	349	% 	žĘ	353
Ш	_	E	Ŀ				E	Ε		\vdash		Е	-	Ë	E	E	E	Ε	E	-	-		E	_	-				Ė				=	<u>-E</u>	E

ത
က
#X

T.	22.	21	16	10
層	17.	45.		2455
8	J 10.10	3448	1 and	23.33
BH	्लं न		95	-
BG	1⊗·∺ :	110	231	105
L.		φ.	ın	· -
18	<u> </u>	8 ' '	186	186:
盟	9064	3554	711	1182
0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	E	N	8 8 8 8 8 8 8
A BO	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			•
m	0014101010101010		!	
MAY	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			, ,
1	0000000000			
ASA	000000000000			. 1
À	0.0.0.4.0.0.0.0.0	@101010101010	4 0 0 0 0 0 0 0	H 0101010:010
P	010101010:0:01010	<u>© © © © © © ©</u>	1010101-101010	7 <u>10 0 0 10 1</u>
¥	0.0000000000	000000000	<u>୍ରାଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚା</u> ଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚାଚ	0:000000
AK	0:00:00000000	00000000	000000000	0000000
F	0:010101010:010			: :
AEAG	Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø Ø			
O	0101011010101010	·		
V	0000000000		;	
YA	000000000	<u>, i i </u>		
W	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	<u>ତାତାତାତାତାତାତା</u>	0000000000	NI010101010
n	000000000	0000000	000000000	000000000
S	9 9 9 9 9 9 9 9 9		ତାତାତାତାତାତାତାତ	H0101010 H1010
0	Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø : Ø :	01010 01010 010	0000000000	0 0 0 0 0 0 0 0
0	010101010101010	0 0 0 0 0 0 0 0 0	ବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବା	0 0 0 0 0 0
Σ	0:0:0:0:0:0:0:0	0 0 0 0 0 0 0 0		0 0 0 0 0 0 0
¥	0:01010:010 01010101	0 0 0 0 0 0 0 0 0	O O O M N O O O	N 0 0 0 0 m 0 H
-	च-न-न:m-न-न-नान-न-न। 	न(ल)ल(ल)लोनोलोनान	idididin:Nidididid : :	संस्थितां स्थानां सांस्थान
G	o.oio10:0:0:0io10 0	010101010101010	0 0 0 0 0 0 0 0 0	010:0:0:0:0
ш			. :	
ပ	न नाश्चानान नानानाना	न।रानानाल न न न न	ਨ-ਜਾਜਾਜ਼ <mark>ਾ</mark> ਉ:ਨਾਜਾਜ਼ -	စ္ခုစားကလည္ပင္သြားမွာ
\dashv		2.8.9.8.9.8.9.5.2	2 2 2 2 2 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3	8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8
	01353 01354 01355 01356 01358 01360 01361			
	01505 01506 01507 01508 01510 01511 01512	522 522 523 523	22.23 22.23 22.23 23.23	14 0 0 0 0 14 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4
٧	6 6 6 6 6 6 6	8 8 8 8 8 8 8	5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5	8 8 8 8 8 8
\exists	4 2 2 2 2 2 2 3 3 4 4 5 6 6 7 8 7 8 7 8 7 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	4 K 9 K 8 6 6 7 K	34567860位円	<u> </u>
	1354 1355 1356 1358 1359 1361 1362	33333		

X X	702						,	6196					618				_				287	322			10	010)		-			
	12	 		:				92					. ~									34 18	. · · :		4 5	0:8 J:£	<u>'</u>					
8	5							:6		<u>:</u> _	<u>:</u>		1208				<u>. </u>				. ¥	17	:			144						
国	L							: -			:	:	. –		: :						٠,٢٦	iH	: :		٠.	41+	4	•				•
BG	191	:	:				:	95	:	:			8		:						84	86	. ,		10	2 6	;	;			•	
H	98			:			:	100		: -			97.8		:		:				100	94.2	: :			918	•	٠	•			
\vdash										:				-	-									_ :			·					•
띪	X06814			:			•	5538				•	5767								9463	428			. 6	3805	}					
10			0	01		010	10	18		0	<u> </u>		\$	0		-	0	-	0:0	0:6	: 0	:0	-	-		2:0	•	:_		mic		:
8	1						•			•					:							1 1								m:0		
18				*			•				•																			010		
1	1.				916																	. :									ST	
A					50 i 65	•				:	i	:	•	: :					•								:	;		0.0	<u> </u>	10
ASA				•	9:6																									0		
A	1_	101			916					0	<u>: </u>	·																		6 :-	110	100
B	0	0	ਜ:	011	9	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0															016		
AMAG	0	0	01	0	210	هأه	0	0	-	0	0	0	0	0	0	9	<u>0</u>	0:	0:0	s: 6	10	0	01	0	9:0	010	0	10		010	010	0
¥	0	i o	<u>o:</u>	0	916	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	01	010	oie	न	ना	0	910	<u> </u>	110	0	10	0	0:-	۰.0	10
₹	_	<u> </u>			s i c		:	٠.	: '		:	0	: .						0 0							1:6	10	0	0	0:0	0	0
AEAG	ı				2016		,					•										: .					: -	: -		010		10
×	_																													0 -		0
AAC	L								. :			. :									•	- 1	:							010		1
M.			:	_ :	:		: 1		•		: .					i							1	:				:		0:0		
	1						: :	٠ :			. '			-		:				•										Ø -		
3	—				910	·	<u>. </u>		:	;		:	:	i				:				. !	:						:	0		
1	<u> </u>				9.0		ï		:			-	•			_ :	•			. '		: :	:			:	•			010		
ol s	١					:	:		:		. :	;												:						010		
0																:								,						010		
_				•	916	J	:		•			:	i	2				:			:	;	•	•			•					
Σ	Ĺ						. :					:		:					•		٠.	: ;	•	•						<u> </u>		- 1
					4.4					1		-				•								2010	316	(2)	100	٠	: Ø i	O 10	·	
	L								•					•				•		•			•		-1 i m	• ←	. 4		. ~	2:+	1.2	
9	.	- C							91		0	<u>o</u> .	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u>o:</u>	© !		0:0	:0:	0	010	916		: 0	9	9	0	0.0	0:0	10
Ш		•																									•					l
ပ	-	Η.,	4	-4. ←	4.44		. 🕶 :	M)	7:	<u>۾</u>	س :	~	٦:	- 1≀ :	.	~	~.	~	٦	4 - ₹-4	. 0	6.		T - 4	۷٠٥	19:	14	. ~	=	φ. α) · IO	
\sqcup	<u></u>	<u> </u>											:																			
8	138	139	5	2,6	139	139	139	139,	139	139	148 148	1401	1402	1403	1404	1405	1406	1407	402	410	1411	1412	1413	414	416	417	418	419	420	01421	423	424
\sqcup	2	ω· c	S) · C	ο : e	0 0	:03:	6	<u>6</u> ,	<u> </u>	01	<u>~</u>	<u>•</u>	0:	<u>601</u>	<u> </u>	φi	Ø:	o : ∂	s 6	- 6 -	:63	65	0 6	s i 6	9 8	. 2	.6	2	8	9:6		8
A	154	154	174	154	1547	1548	1549	1556	1551	155	155	1554	1555	1556	1557	1558	1566	1561	1562	26	1565	1566	567	7 00	578	571	572	573	574	01575	577	578
	0	(O) i (s c	S) ((9.6	1001	Ø :	6	6	6	Ø,	0	6	6	6	0	0	o : c	S 6	. ഉ	· 6	8	ö ∵ö	S i &	5.2	:2	:2	6	ଅ∵	<u>e</u> e	::2	9
	<u>S</u>	<u>-</u> [36	ध्य	3	9		<u> </u>	2	\supseteq		2	2	4	<u>Σ</u>	9	ZI:	<u>Σ</u>	নূত	F	N	m	<u>4 h</u>	o k	~	œ	6		k	VM.	4	5
	2	300	36	30	3	3	33	3		쥦[4	4	4	4	<u>4</u>	₹ 1	4 5 6	₹ ₹	3/4	4	4	4	<u>4</u> k	- 12	41	4	41	42	42	422	42	42
ئـــا			_[ľ	<u>r</u> _	لت				f			ľ		ľ		_[_	F									<u></u> -			

_
4
表

_									<u> </u>																				
품		2634	3193	3683	· .				:	:	:	4597							-	!				3727	1032				
Ē	5	2573	3106	3604				-		: '	. ;	3982					:		:	;	<u>.</u>	-		673	981				
교		28	न	• स्त	:				 -	-										÷	÷		:	<u>. H</u>	· 				:
S.		51	192	73	-			!	<u>!</u>			4	<u> </u>	:			-		- :	÷	<u> </u>	<u>:</u>	<u>. </u>	4	2				
\vdash	1	<u>.</u>	190	100	<u></u>		-i	<u>:-</u> -	<u>. </u>	ii	;	<u>ल्</u>			:-		-	_ ;	-	<u> </u>	.	 -	:	8			_		<u>. </u>
R	i	96	<u>: '</u>	:3	<u> </u>		•		: !			 જ	:_							i	:			18	19				
#	1	M81601	UØ2389	M32315			:	:	: 	i		Y00062					:	;	ï	:			•	S60099	103909				:
BC	0.0	0.0	(0):0	0:0	0	Ø . G	0	0	0	0	0	0 0	9 6	0.0	0	0	0	0	0:0	9 6	0	0	: ન્ન	0	0	0.	0.0	0:0	0
M	0:0	00	10:0	0 0	0	010	0.0	0	0	0	<u>o</u>	010	916	010	60	0	ना	न	010	916	0:0	0	0	0	0	<u>6</u> .	0 0	0 0	10
A	010	<u>о</u> п	0) m	0	oie	, -	0	0	0	0	mic	o je) · e-l	0	0	0	0	 ; .	116	0	10	0	н.	H 1	0:	0:0	010	6
A	0.0	00	io io	اها	01	010	10	0	0	0	0	0	ه زه	O	0	6	Oi	ह्यं	o je	o i e	10	0	0	0	0	0	010	0 0	10
P	0:0		•	•							- 7						•												
AIJAKJAMAGAGASJAUAWAYBABC	0:0				:															•									
P	0:0																												
PO	0:0							: 7											- :										
M	010																												
X	0.0	00	010	اهاد	0	9 6	9	0	0	0	0	9 0	9 0	0	0	0	0	<u></u>	0 0	9 6	je	0	0	7	41	0	010	oio	0
4		i	:	: '	•	नांड																							0
ABAG	Ø H	•		•																•									0
	0 0																												0
ACI	0.0		:		•	•		i.	, ;	- 4										٠.		,	:	- 1					
₹	0:0		: :						- 1	:	i				٠.						:								1
>	0 0		: :		- 1			, ;			- 1	•					i	•	:				•		•				. 1
Μ	0 0			. i					•		:							i			•							. :	:
n		0 0					1	!	•	i					:	:		:	1										. 1
S	0.0	010	0 0	010	0	0:0	:0	0	0	O i	0	916	0	0	0	0	<u>o i o</u>	s l a	9 6	0 0	0	0	0	0	NI	0:0	2:0	10	0
0	00				,			i				•	•					1	:				. :						. 1
0	0:0	010	010	1001	010	0	10	0	0	0	0	910	9	0	0	0	0 0	Sic	s i e	9	0	0	0	6	0:	916	20.4	اها	0
Σ	0 п	010	00	;	0	010	0	0	0	ना	0	916	oio	10	0	0	0	5 .	ri e	10	0				01	0 0	2 · C	i et	0
×	0:01	010	н 0					0	<u>o</u> i	0	مزه	9 6	10			0	o i o	s į e	ه اه	0	0	0	0	<u>o</u> :	<u>.</u>	9:0	D : Q		0
-	ਜਜ		न :न	٠٠٧:	7,-		: +4	₩,	٦,				111	· + + i		ਜ:			<u>.</u> नःच	ं न	<u>ः</u> • नः	:		۷,	4 .	Н,	7.	· 	ᆩ
ຶ່ນ	00:	0:0	0:0	:0:	010	O i G	101	01	: O i	: O i o	916	9.6		0	91	91	 O i c	: 5 i c	5 G	0 0	10:	0	0	6 :	0	<u> </u>	2 0	101	
ш	 -								-																				\dashv
_	ਜ-ਚ-	: Himi	ن در	50 i 0	716	,,,	: 60	Н,		4:	<u>.</u>		ःन	. 7	<u>.</u>	—	~ 1/2	4:5	t i tr	· .			**	o i	<u> </u>	0:0	0	· :	
ပ ·					:	y. rd	٠.		÷		:							. •		į			:	•					
8	01425	31428	31429 31430	1431	1432	1434	1435	1436	1437	1438	1439	1441	1442	1443	1444	1445	1446	100	1449	1450	1451	1452	1453	42.	1455	1456	1458	1459	45 88
																													F
٧	01579	0158	Ø158 Ø158	0158	0158	0158	0158	0159	0159	0159	6159	9159	0159	0159	0159	0159	0160		9169	0160	0160	0160	0160	0160	0160	01617	01612	01614	91615
	1426	1429	1430	1432	433	435	436	437	438	4 C	144	442	443	444	445	446	447 448	449	450	451	452	453	454	4 2 2 1	450	457 450	459	460	461
	ئلت	<u>. F. ľ</u>								<u> </u>		┸							Ļ			<u>t</u>		٦Þ		~ -	-1-	r- •	-1

2	į
4	
栿	

8	24	3491	2602 1918	634	651
Bi	888	427	1579	118	189
BH	.	ा ल रत्नः	ानानः प्राप्तः	ान । व । व	
	\$2	14	100100	14. 16	14
BG	2	ın	14.%	31 52	2 39
BF	86		1010 1010	95.6	196
BE	03558	2334	24.09 24.09 34.09 34.09	1,060	2 <u>5</u> 18
0		<u> </u>		X X X X X X X X X X	20000
AB	01010101-101010	0000000000000		in.o.alo.alo.a	1:0:0:0
AYB		010001000100	<u> </u>	1	
15) ବାର୍ବାର୍ଗ୍ରାର୍ଗ୍ରାର୍ଗ୍ରାର୍ଗ୍ର	<u> </u>	<u> </u>	
		: ! 			
SAL		010101010101010101010	·		
8		, 4:0:0:0:0:0:0:-::0:0:0			
\ \ O	<u></u>	H-H-101010:0:0:0 N-0:0:0		1 :	
Y	<u> </u>	୍ ଆରାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜାଜ			
\ \\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\		9 0 0 0 0 0 0 -			
¥	<u> </u>				: i
A					
₽¥	<u> </u>		<u> </u>	<u></u>	
8	<u> </u>	910:010:4101010101010			
★		଼ ୭ାଡ ତାତ୍ର ତାତ୍ର ଜାତାର			. :
₹		9 HIQ Q Q Q Q Q D HIQ			
_	1 1 1 1 1 1 1	1000000000000			<u> </u>
≥	<u>L_ </u>	<u> </u>		<u>, ' </u>	
2	<u> </u>	4101010101010101010	<u> </u>		
S	<u>! : : • ! ! i</u>				
0		3101010 0 0 10 10 10 H: C	<u> </u>	<u> </u>	
0	0:0:0:0:0:0:0:0	\$\begin{align*} \delta_1 & \delta	11010101010101010 11	919:9-919i9:919)·H!010
Σ	4000000000	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2			· <u>નાંઢાંઢ</u>
X	w10101010101010	010101010101010101010	गढ:७ स स्मानास	र्गन्नेलीलानानान	न च लिल
	न तानानानानाना	ajajara araiara ara	1.V. 4.0.0.0.0	0000000000	0:00
5	010101010101010	<u> </u>	0.0.0.0.0.0.0		0:0:0:0
E		<u> </u>	·		
J	ਲ ਲਾਜ-ਜ-ਜ- ਰ -ਜ-ਨਾ: :	ਨ:® ਲ ਕ ਰ ਕ ਰ ਰ ਨ ਕ ਨਾਲ	്ഗ്ലയില് വുശിലില് പ	ਜ਼ੁਲਾਜ਼ ਜ਼ੁਜ਼-ਕਾਨਾ	1.0 H.4
			· · ·		·
8	01461 01463 01463 01465 01466	01470 01470 01470 01471 01472 01473 01475	01482 01482 01483 01483	01488 01488 01488 01490 01492	01495 01495 01496
V	1616 1617 1618 1619 1620 1621	01624 01625 01625 01628 01628 01633 01633	1688 1688 1688 1689 1691	16916 16917 16917 16918 16918 16918 16918	1780
L				Malala Laimh	Halak
	1463 1463 1465 1466 1466	474 474 474 478 478 478	482 483 484 485 486 486 486	491 492 493 493 493	1495 1496 1497
	<u>,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,</u>			<u> </u>	$\Gamma\Gamma$

~	7
4	۲
и	K

X	580	2113	1497	1672	2745	1969	······································
8	120	100	052	913	808	521	<u> </u>
H		<u>.</u> ⊢	-	नान	· स · तः	12	
BGF		471	.4	410	10.4	20 12	· :
	:-:	m	14	wi.e.	יאוס :	72.7	
8	18	18	8	812	1010	96	+ : · · · ·
BE	0563	M86752	5330	1750	M96843	2597	
0	0:0000	1010101010	宝 : 'i	8	O O O O O O	!면, ; ;	: :
8	1				• •	: :	0000000000
AMB		919191919					
13			. !:				ः ७।७।७।७:७ ता७।७
ALA	. 1						N.0 0 0 N.0 0 0
डि							o 0 0 14 0 0 0 0
R		000000	'				9 9 9 10 10 10 10 10
О	0:0:0:0	010:010:010					9 9 9 9 9 9 9
AMA	0101010	0000000	000	00000	<u> </u>	0 0 0 0 0	000000000
¥	0000	000000	-100	000	000000	00000	000000000
F		00000	1 1				91010101010
A A	0000	01410000	000	00014	000000	00000	0 N O O M O O O O
M	1	000000					000000000
AC	0101010	ତାତାତାତାତା	000	01-100	9-10000	000000	
\$	1 ' ' '		: •	, ;			9000000
>							00000000
3	0000	0000000	000	0.400	0101010:0101	00000	000000000
n			1 1				0 0 0 0 0 0 0 0 0
S	0000	000000	000	0.400	000000	000000	000000000
0							010.0000000
0	0000	0000000	0000	0101010	010101010	000000	8 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10
Σ	0000	00000	0000	0.0.0	0 0 0 0 0 0	0-1000	010100001010
¥	नःतःताकः	नन्त्रत्त्वन्त्र	~	न न न न	यायानानानाना	नानानानाना	HERE M NIEIE
_	00000	010101010	000	9000	0101010101	0000000	000000000
ပ			0000	୭ାଡାଡା	ତାତାତ ତାତାତା	000000	0101010 0 01010
ш	:	 i	1 1	: ; :		_ i	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
ပ	T T T Z	ਜ.ਨ ਜ.ਨਾਜ਼ਜ਼	M:HINI	ni d -0:4:	დ: 0:4 :च-च-च-	नाकासासासा	ਹਾਂ ਜ ਦਾ∞ ∞ ਨਾ.4 i ਾਂ -
	V.88:6:6:	H N.M. #110:10:	· · ·	0 =1:0:==	÷ 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10		
8	Ø149 Ø149 Ø15Ø	0150 0150 0150 0150 0150	0150 0150 0150	01511 01512 01513 01513	01512 01515 01516 01516 01518	01526 01523 01523 01524	01526 01526 01528 01528 01530 01531
	705	13.110.98	4 2 8	2222	4 9.7 8 6 6	4 2 m 4 m	44.4 8 8 9 9 1 2 2 3 8 3 3 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9
			• .	: .			01737 01738 01739 01740 01742 01742
	8666	503 504 505 505 507	200	- <u>12104</u>	<u> </u>	- N. 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	7860 <u>-7</u> 6
	4425		5 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1			V 20 10 10 10	1527 1528 1529 1530 1531 1532

													_			
쑮	7,112	637	•		*	!	372		4354	2709	2428	1478	,			
<u></u>	850	278				i	1615	:	3963	2348	2120	1105		-		
표		i rd					ल त्न	:	ास	ं स्व	H 10	80 FF	-			
ত	358	100	·····				33.33		385	22	g ::	2 4 1				
8	- '^-			: :			<u> </u>	:	i m			9 . E.	-:	:	 -	
-BF	.6	: 	: : .		:	: !	9:8		97.	. 9.	97.	9:8				·
BE	X73685	X16166			1 !		84739		64098	63838	16985	M29863 D11094				:
28	010:0:0		010:010	100	0:0:0		Ø ; ⊢	1010	000	0:0i	<u>Σ</u> :	21010 E10.	<u> </u>	0:0:	010:	0 0
ব	७।७।७।न	:0:016	1010:0	:010:	H-H16	10:0:	0:0	10:0	0.01	0:01	010	91010	910;	0101	010:	0.0
AYB,	0:0:0:0	000	1000	1010	7 0 0	ojoj	<u>6:4</u>	1010	0:0	<u> ७ नः</u>	011	91010	<u>sioi</u>	0101	0101	00
\$	0000	000	0000	10:0:	H 0 0	0.0	0:0	. Ø . н	0.0	<u> 0 : 0 </u>	S : 0	0.0.0	0.0	0 0	0.0	00
SALLAW	0:0:0:0	000	0000	1000	91010	انعاما	<u> </u>	00	00	00	 i	0 0	0:0	9101	0 0	010
AS	0101010	1010-	1000	10101	ब्रामा ब	اماما	010	1010	00	010	010	0 010	इंता	0101	0101	o io
AGAGA	0:00:0	00-	10000	10101	<u>ololo</u>	ioloi	010	00	00	0101	010	9.01	910:	0.0	010:	0:0
AO	0.0:0.0														9 9 1	. [
A	0:0:0		! :	: : :	1 1	! .	1	: -		:						
AK	0000	:														
AI	0 0 0 0															
ABAG	0000	•	: :	:				:								
S	00000	:														
K	0000		1 ;	:	i i				٠.		:		: :	:		
A	0 0 0 0		1 1 :	1 1		1							:			
<u>/</u>	0000	<u>:</u>	<u> </u>	: : : <u>:</u>	. : :	1 1 1			. :							;]
∧ N	0 0 0 0		: : :	: .			:			;						1
SIL	0:0:0:0	<u>:</u>		·		· · ·		• •		:						
0	0.0.0.0	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	_ <u>:</u> _ :	1 :	:	•		1		٠.				
0	0101010	:						:				-				- 1
7	0:010:0	<u> </u>	<u> </u>					-	: ;	;	•					: [
	न न न न			<u>· i i</u>					: .	:					•	
×	0:0:0:0		- !	<u> </u>		<u>:</u> :		•	•	Ę						
				:												
9	0:0:0:0			101010		10:01			0101	0 0 1	<u></u>	,	9101	S:00:0	010	0 0
Ш	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			<u> </u>												
ပ	ਦਾਦਾਦ ਨਾ															1
8	01533 01534 01535 01535	1537 1538 1539	1540	1544	1546	1548	1551	1552	1555	1556	1558	1560	1562	1564	1565	1567 1568
٧	01746 01747 01748 01749	9175 9175 9175	9175 9175 9175	Ø175 Ø175	9176 9176	9176	9176	9176	0176	0177	0177	9177	0177	0177	0178	0178 0178
	1534 1535 1536 1537	538 539 540	547 543 543	544 545 745	547 548	549 550	552	553 554	555 556	558 558	559 677	561 561	563	265 565	267	369 369
Ш					-		<u> </u>				<u>-</u> -			<u></u>	<u></u>	

S	
4	
炭	

U	.	귱:			. ;	<u>.</u>					10	.				-				19	<u>g:</u>	i m	Ņ	150		ω.	-	121	2.
Æ		1401				1301						770		i							2	453	87	1305		2616		51	110
8		1101		:	. ;	1011					7000	17.7	:	:	:						7671	201	610	618		2394		280	741
표		ਜ:	;			ਜ;				i	1+	-	:	;	!	;	:			-	4	П	H	14	:	-ਜ		٠.	-
86	1	301	:		•	295				- :	100	3	:	-			:			-: :§	٠,	253	26	204	<u>-i</u>	219		233	22
L.		စ္ပ	 -	:	: !	6			 :		ļ	?		:	i	:	•			16	0	86	ਜ	86	-	00:		~	<u>ئ</u>
8	╀.		!	:	; i . 	<u>6</u>					įĕ	∺: —		!	:	:			:		<u>.</u>	!	8			18:			8
開		0320			.	3411	:	:			000	3:	:	į		:			:		000	4005	3485	1353		69238		7	5212
0	0	<u> </u>	0	0	6	9	0	<u>0</u> 1	01	: (0)	1.5	; ;	916	1	216	10	10	0	01	8	₹ 1 (0)	: 12	150	ं 🙀		<u>: 22</u>	010	Ξ:	₹
8	L .	•					:		:	:	- 1	•	1	į					:	٠,٠	٦:	1 1		0.0	•	: .		•	
AMB	_	0 0			:	. :	:				•			:					•			1 1		Ø Ø i					
18	0	<u> </u>	9	0					•	;		- 1			÷	:	:					: :		00	:	• •			
B	0	<u> </u>	0	0	0	0	m	01	9	0	9 9	916	216	9	0	10	0	0	01	010	0	0	0	00	00	0:	0.0	0:	00
AS	0	0 0	010	ना	01	0	٦į	01	0:	-1 10	916	ەزە	216	916	9	ांस	0	0	01	<u>oi</u>	0	0	0	<u>oioi</u>	00	0	<u>6:0</u>	101	014
M				• .									_	•								: .		0101					
Ad	1 :		_:	: :		i					1	•	:			•				:				0101		: .			
\$	J					i		:				:	-	1		:			:	•	:	i !	•	00		: :			- 1
₹	-	0:0				_:				_ :		!_	_i_	1		1	. :	:	!	į	1	į !	- !	00	i	. 1			
P	1.		: :																	-				0 0		•			
層		:	:												,			- 1		•		. :		<u>ाजा</u>		•			
S																						٠ :		0171					
\$	1 :	- 7	• :	: :		- :		-	- ;	i		:	1			:				- 1		1 :		<u> </u>	: :				
1	<u> </u>	- :				:		,	•		:	:		:								i i		नाठा					
3	ना	sic	0	0	01	9	mi	010	9	o i o	2 6	. @	010	10	10	10	01	0	0	910	10	~	ना	01010	010	011	010	0.,	чі 0
5	0	9 6	0	0:	0	6	-	010	9	0	9 6	S) · 6	0	10		0	<u>o:</u>	<u> </u>	5 -	110	m	0	0 0 0	00	0	0.0	0	0:0
S	0		0	0	01	<u>जं</u>	m i	o i	o i	o i	واد	is	9	10	<u>:0</u>	10	0	0	010	910	010	ना	0	000	0	0:0	010	0,,	aio.
0							•				:												:	0 0					- 1
0	0	9 6	0	01	<u> </u>	910	910	9	-11	<u> </u>	200	:	916	: 0	10	9	<u> </u>	0	010	9 6	10	7	o i	0 0 0	9:0	010	910	610	0 0
Σ	010	<u> </u>	10	0	010	Sic	so i c	910	9 (0 0	916	S	9	0	10	0	0	01	010	916	0	0	0	000	9 9		910	010	010
¥	l	717				•	:			•	1:4	į-	़न	-	·-	न	-			:		: :			न्न	नं	м. н.		-
	0:0	S ∶ (S	0	0	0:0	5 0	910	9 (9 i e	9:0	0:0	:0	. 6	0	0	:0	0	6	<u> </u>	9:6	0	9	0 i	0.0.0	9101	0	9 0:	0:0	010
9	910	0 0	101	01	010	Sic	910			910				10	0	0	01	<u>©:</u>					<u>ा</u>	0 0 0	9101	0:0	0.01	010	<u>बाब</u>
E		:			:	;	:	:		 !	!								•		:	-		:	:				$\neg \uparrow$
၁	7:	1:00		m ··		n : 6	4	-110	OIL	ه ز ه		; -	i , 	7	. 7	٠~:		4.		119	न	4	<u> </u>	NIE C	vim:	н.,			חיש
\square		•		:		:	•					•		Ė								•			:				- 1
B	569	571	225	573	574	010	0:1	7:0	0 10) i	581	582	583	584	585	586	587	588	0.0	2.6	592	593	594	01595 01596	86	8 8	8 8	8	8 8
	2:8	3∵ 6	2	ଅ∷	2 2	5∶8	3:8	ਰ∵ 8	5 ∶8	ਤ ਫ	ਤ∶ਫ	.6	ಚ	10	10	8	9	6	5 6	3 6	10	8	8	8 8 8	9 2	8	3 8	हिंद	ā:ĕ
	1784	786	787	788	789	5 6	7 6	7.6	9	7 8	796	797	798	799	800	801	807	803	8 8 8 8	986	807	808	G ::	01810	813	814	816	817	3.6
$ ^{\checkmark} $	2:2	8	. 6 :	2:	8 ∵8	3:6	5:6	5 .6	3 6	3:5	5; 5	10	:8	91	10	8.	8	9 6	5 6	1:6	6	8	6	8.8.8	3.8	8	9 2	8 8	8 8
H	o F	-[~	m	4 þ	n u	下	- a	00	nk	<u> </u>	7	m	4	2	9		ωk	n k	⊃ -	-	m	41	n k		නො	<u></u>	-[~]	n k	-15
l	75	3	2	$\tilde{\lambda}$	ž	<u>.</u>	36	<u> </u>	S P	Sh.	58	58	53	58	58	28	50 8		u V	565	59	59	U V	597 597	59				600
<u></u>		r				ľ														<u> </u>			ᅶ		<u> </u>	<u> </u>			

ဖ
4
袠

L	8.6	. :	492	45.7
¥	:42:63			₹.9
<u>~</u>	3965 1805	78/	12 12	1432
BH		→	· 	न-स
BG	12:8:	3	10 .4	21.2
H	100	o	00 00	014
۳	1010	, ; m	ion	አነው
H		1	וויים ווייםו	0: M 10: M 10: M
	795 795 795		X 12	KK X
ABC	1 .	• .		01010101010.0:01010010010101010101010101
9				01
WA)				100000000000000000000000000000000000000
1	L			ଦାରାତାତ'ତ'ତାତାତାତ'ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତ
SA				
8				
\ \ 0				0.01010101010101014101010101010101010101
A A				10000000000000000000
¥				ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍ଚ୍ଚାର୍
Ì₹				N 0 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 1
18				000000000000000000000000000000000000000
A				010 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
AC				01
₹				100000000000000000000000000000000000000
<u>></u>				100000000000000000000000000000000000000
*		•		O 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
2			. :	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
S	I		:	NO : 0 : 0 : 0 : 0 : 0 : 0 : 0 : 0 : 0 :
0				
0	•			
Σ				10
X				न्त्राचाराचाचाराच न नानाचानाचान न नानाचान
-				
9	0.0.0.00	.0:0:0:0:0:0:	010:0:	10 0:0:0 0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0.0:0.0
ш		:	· .	
اں	e:4.√;4:4	:M. Ø (स) स) स	mimioo :	יהיהיטי אים ישימים והימים יהים והימים יחודים והימים והימים והימים והימים והימים והימים והימים והימים והימים והי
_				
8	1605 1607 1608 1608	1612 1612 1613 1613	1615 1616 1617	01618 01620 01620 01621 01623 01623 01623 01623 01633 01633 01633 01633 01633 01633 01633 01633 01633 01633
_	0.0.0.0.0.0	. 6 6 6 6 6 6	<u>. ලැල</u> :	6 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8
A	1824 1821 1823 1823	1826 1827 1827 1828 1829	1831	01834 01835 01836 01836 01839 01839 01844 01844 01844 01850 01850 01850 01855
	0.0000	'ତ ତାତ ତାତି	(<u>@</u> :@)	
	<u> </u>			90-7/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2/2
	609 1609 1609	တ်တုတ်တွင်		619 620 622 622 623 633 633 633 633 633 633 633
r			<u> </u>	

/
4
轰

X	202	<u> </u>										-			477					-		- !	8									
8							<u>. </u>								9							· i	4				,					:
8	1613	7				:	:				:			•	13		:				-		4588									
R	14		•				:			:	:	,	•	. :	-	_	-:				:		ਜ	:	•	-:				:		:
BG	100	1					:			:	:	:			167	-					:	- 1	153		-	:		-		:		•
H	100	3					:				1	:			8				1				m							÷	<u>·</u>	
F	<u> </u>				<u>.</u>						·	<u>:</u>										i	S.									
E	Maaride	2	:			•		:			:			;	932				•			Į	8									:
5			:	0:6	-		6				_				Ŧ.	<u> </u>	:		<u>:_</u>	<u>:</u>	· · _ ·	- !!	₹12					_:		_ ! _	<u> </u>	
ABO	0:0								•			:				•					, ,	:					i	:				
AYB,	1		: :				•		: :	•		:	:					910														
AWA	6 -	•	. ;				!	:			1							:	•	. :			- 1		:	:	,			:		: 1
A			- :			•	ŧ.	: :	: :		•	•					•	H 10			: .											:
AS	010							. :	: !				• .						4.			- 1										
À	017																						-	•								
	0 0	.0	010	0:-	(0	7	0	0	0	0	0	0	0	01	01	0	0	9	0	0	0	oi	<u>o</u> i	o i	01	0	0	0	0	9 0	io	0
KAMAO	0:0	10	010	<u>~;@</u>	110	H	60	0	0	П	0	0	0	0	01	0	01	مزه	-	0	0	0	0	01	9	ना	0	0	0:0	o i e	ंन	0
	716	ां	01	9 6	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	01	o į	9,7	0	10	0	0	0	0	o i	0	0	o i	<u>0</u>	عأو	je	0
X	010						•				: .		:					H10					:			:				:		. 1
CABAG	0.0							, :							:			911					•			•						,
S	0,0																															
AAA	0:0		•			•		: '	٠ :				. :		:	:				. :		•			:	- 1				•	•	: 1
×	010			:	:	: .	. :	٠,	. :						i			:	:	: .		- 1	:		:	•		:		•		: 1
3	0:0																			•												
Б	010	0	010	<u>s</u> –	110	<u>.</u> :न.	0	जि	0	0	0	6	0	0	01	<u>0</u>	0 !	0 0	0	0	0	0	9	<u>o i</u>	9 (0	01	<u>.</u>	0:0	ه زه	0	10
S	0.0	0	010	9	ii O	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	010	010	5	+-1	0	0	0	9	010	9:0	<u>o</u> :	010	0	0.0	010	m	0
0	010	٠.						• :							:				•		- :		- 1									
0	2	1	:			: '				i	1		- !		i i	1	:	:	:	. i	į		1		:	:		;				: 1
Σ	0:0	0	010	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	010	010	0	0	<u>0</u>	9	9	0	910	9	از ہ	91	010	0	0	0
К	1	•				٠:	:		. ;	•			:					•		٠ :		i	•	:	•		:					- 1
_	0:0					,						:								:			٠									- 1
G	0	:0:	010	9:0	0	101	0	01	0	<u>o:</u>	0	©	© !	01	© :	010	910	010	0	0	0	0	9	Ø i	S) (010	o i o	91	0.0	0:0	0	0
ш			•				_ !		:						•					•		:	:	•	:	•			-			
ပ	9.2	· स	7:4	1:00	•	8	7	7	71	~	←4 ·	स्न:	7 1	φ.	ਜ:	तः	7.1	ាដ	00	7			; ا		nic	71	न ः	4		1.4	:თ	
								_											: .				;			· - :						.
В	01641	1643	491	1646	1647	1648	1649	1650	1651	1652	1653	165 14	1655	1656	1657	1658	1659	1991	1662	1663	25	1665	8	1667	2 6	B	9/9	7	2/9	674	675	929
Щ	0.0	· 60	<u> </u>	<u> </u>	60	<u> </u>	60	0	60	0	<u>~</u>	<u>~</u>	631	<u> </u>	6) :	0:6	s : è	2 <u>2</u>	9	8;	<u></u>	6 i 6	511	5 i 6	Siè	516	Siè	2.5	8 8	ੂ ਨ	2	8
A	01856 01857	1858	185	1861	1862	186	186	1865	1866	1867	1868	1869	1876	1871	1872	187	18/4	1876	1877	1878	1886	1881	7001	1883	100	200	1886	188	1888	890	1891	1892
		•																														- 1
	1642 1643	4	4 2 2 2	4	48	<u></u>	S	2	25	2	7	S	2	7	ρ	מני	<u> </u>	29	63	49	S		S K	O	35	<u> </u>	7	y k	75	7	9	口
	91	إفا	<u>م ام</u>	9		9	9	9	9	اف	9	9	١	آف	او	9	0 2	16	19	19	اِد	وَا	5 k	٢	0	٥	<u> </u>	<u> </u>	نام	9	9	9
		<u> </u>		٠.						_						<u> </u>	_	نــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	ш			۲.	T.	_[r	L.	Г		r		<u>r</u> _	ات

ထ
7
tik)

C			,	· .	12	190			<u>5</u>	!!		11			T	Г
A A A A A A A A A A	625					·-	:								1	
Name		:	1	14	66	1871			\$ \$ \$ 7	i	118	i			i	ē
Name			· ·		-	• -					ᆏ	.,				
A	.49				140	126	•	•	vn '		4					
N	199	; :			190		-		• •		•			:		H
Name		• •					. ,			• -					+-	H
Name	9870		:	10	71129	16516		. ;	C70:		885	18				ä
N		010101	1001		8	اب:	اها	1010	9:0	100	20.0	0 0 0	0.0	010	0	
9.18.99																V
Name	0:0:m 0:0:10 0:0:N	0101010	010	0.5	0	910	0	000	0	1010	910	900	0:0	Ø i	0	AY
A M M M M M M M M M M M M M M M M M M M	HO O O O O O O O O O O O O O O O O O O	0101010	0	oloie	010	00	0	olo	910	010	0 0	وأهاو	0 0	010		7
013839 015677 1	10 0 0 0 0 0 0 0 0 0	010101	010	0:0:0		010	9	00	010	1010	0	0:0	0:0	-f i 6	0	۲
4 B C E G I I I I I I I I I I I I I I I I I I																
A A A A C A E A C A E A C A	0 0 m 0 0 0 0 0 0 m	01010	0:0	1010	010	0101	:010	0:0	10	1010	910	0:0:0	0:0	Ø:6	0	_
4																⋖
201893 016895 016893 01	0.0.0000000000	<u>@ @ @ @</u>	010	000	010	9 0	101	<u>ा</u>	10	10010	1:0	10	0:0	© :6	0	₹
013893 01677 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0																¥
013893 01677 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0000000000	olololo	010	1717	0 0	اساد	0	00	110	0 -	0	iole	010	010	0	
01899 01677 1 0 0 0 1 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 : 0 0 0 0 0 0 0 N	0:0:0	010	0:0	0:0	1016	1010	0 0	100	1010	216	- 6010	010	016	0	⋖
0.1893 0.1672 1	01010101010101010	0101010	010	1010	0 10	101	1010	919	1001	1010	110	1001	916	नः ढ	0	<u>&</u>
01899 01689 01679 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0																
01893 01677 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0																⋖
01893 01677																
01893 01677 1 1 0 0 0 1 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0																<u> </u>
01893 01677 1 1	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0:010:0	<u> </u>		010	1001	010	هاه	101	010		010	010	010	010	<u> </u>
01893 01677 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0																
01893 01677 1 1 0 0 0 1 1	010101010:01010:0101	0:0:0:0	0.0	1010	2010	1.01	0.0	818	101	010	101	010	9:0	010	010	_
N	The second secon															_
01893 01677 1 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0																_
A B C E G																<u>~</u>
01893 01677 1 01895 01678 7 01895 01678 7 01895 01680 1 01899 01682 1 01900 01683 1 01900 01683 1 01900 01683 1 01900 01685 2 01900 01685 2 01900 01685 3 01900 01685 3 01900 01689 3 01900 01699 1 01900 01699 1 01910 01693 3 01911 01694 1 01912 01695 2 01912 01695 2 01913 01695 2 01913 01695 3 01914 01697 3 01915 01700 1 01918	. :															_
01893 01677 11 01895 01678 7 01895 01678 7 01895 01678 7 01895 01678 114 01906 01683 114 01907 01686 11688 3 01907 01689 3 01908 01689 3 01908 01699 11688 3 01908 01699 01699 11690 01699 01699 01699 01699 01699 01999 11999	010101010101010	0101010	00	010	010	1010	010	0:0	01	0:0	101	0:0	9 69:	9 :0		<u>ა</u>
01893 01677 01895 01678 01895 01678 01895 01682 01996 01683 01907 01686 01908 01683 01908 01683 01908 01691 01908 01691 01908 01691 01908 01691 01908 01692 01918 01695 01918 01695 01918 01702 01918 01702 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703 01918 01703		• •														יי
01893 01895 01896 01898 01989 01980 01980 01980 01910 01911 01912 01912 01921 01922 01922 01922 01922 01922 01922 01922 01922		חושיביט	M·W	Ø:N	}	:2'	m · r	W · W	77:0	H: ~	· 😝 :	- 4	। स्त्र•्	2		ر
01893 01895 01895 01898 01989 01980 01980 01980 01980 01980 01910 01911 01912 01912 01922 01922 01922 01922 01922 01922	\$ 68 67 68 68 68 68 68 68 68 68 68 68 68 68 68	0.0.0.0	397	595	593	691	689	289	989	685	683	682	680	629	678	9
_	917	917	91.9	8.8	118	1818	<u>ଅ</u> :ଜ	2:2	<u>हिं</u>	2:2	2:	8.8	.2:	2.2	9.6	
	22.00.21.00.22.00.20.00.0	916	913	911	919	800	986	984	983	981	8	898	1897	896	893	ار
0.00																
	- 22574200P - 22574200P	18/E/Z	38	95 96	92	92	315	96	87	86	84	82 83	8	80	200	
		INTERPORT	9	9	9	16 16	عام	200	912	16	9	16	19	16	9	

		·	S	2:	
異	·	<u>:</u>	2665	3317	
<u></u>			1369	2175	
핆			H	ਜ	
BG			234	141	
L		··	26	· o ;	
80					
닒			7016	8908	
S	0.0.0.0.0.0		E 0 0 0 0 0 0	୍ତ୍ର ଜାତାତାତାତାତାତାତାତାତା	ର ଜାଜାରାଜାର
AB(4 4 ,			
looi			i L	010101010101010	<u>i</u>
MAY		<u> </u>		ରାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ	
LSI			<u> 1 i</u>	0000000000000	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
SAL			a miaiaiaini		ं चिन्नचिन्नचिन्नचि
A	0 0 0 0 0 0		00000000	: : 	: ଚାତାତାତାତାତାତା
छि	0:0101010:0	0000000	0.0.000.00	010101010101010	010:0:0:0:0
MA	0.0000000	0000000	00000000	0101010101010	0000000000
A A	000000		0000000	01010101010101010	ବାବାବାବାବାବାବ
A	0000000		0000000	0 0 0 0 0 0 0 0	00000000
Ad	00000000		00000000	ତାତାତାତାତାତାତାତାତା	ବାଡାଡାଡାଡାଡାଡ
A	· ·	<u> </u>	:	01010101010101010	
AC			<u> </u>	0.0101010101010	<u> </u>
A		<u> </u>	11 1 1 1 1 1	0:010101010101010	
<u>></u>			!	0 0 0 0 0 0 0 0 0	1
≥		1 1 1 1 1	1 - 1 - 1 - 1	ର ବାବାବାବାବାବାବାବ ଚାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବା	
므		1 1 1 1 1 1	<u> </u>	0000000000000	
S		4 1 3 1 1 1 1	· •	: : : : : : : : : : : : : : : : : : :	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
0	, , , ,			0.00000000000000	
잍				ରାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତ	<u>:</u>
∑			<u> </u>		
上		the second to	<u>:</u>	0.010101010101010	<u> </u>
二		<u> </u>	<u> </u>		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
9		2.010.0.01010		a:01010101010101010	
ш	<u> </u>	·			
ပ	त-२०-त-४-न-न	ਰ-ਵਾਚਾਦ ਦਾਦਾਦ 	ਾਜਾਅ ਜ ਜਾਜ- ਪ ਾਰ : ;	तः सः सः सः सः सः सः सः सः	: नार्यामानामाना -
	E 4 2 9 7 8 9	282222	31.00	4:40 30 37 8 8 9 5	2 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4
L				96233 96233 96233 96233 96233 96233 96233	•
	7375	73827	7387 7387 7388 7389 7390 7391	07399 07399 07399 07399 07499	7403 7404 7405 7407 7408 7408
		S S S S S S S	0000000	ର ଜାତା ତା ତା ତା ତା ତା ତା	ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା :
	4700 mpk	2-2m456	て限めの下に	24 X 9 Z 8 5 D L L	#4 to be to
	627 627 627 627 637	292729	622	6234 6234 6235 6237 6239 6239 6240 6241	252 622 622 622 622 622 622 622 622 622
_		-1-1-1-1-1-1	1-1-1-1-1-1-1-1		1-1-1-1-1-1-1

					_				<u>.</u>														_														
Ж		:	:		:				:			•									•	:										: :	2271	:	5487		
8			:		-				!	İ	•	:					 i	:		:		:				:							1990		5299	;	
B	T	1	:	;		_	_		:	İ	:	;				_	 		:	<u> </u>		_				_				-			-	•	न :	1	•
BG	t	- - -	- 	,	:			-	- -	Ŧ	:	_ <u>-</u> -	- ;			:		_	:			<u> </u>			<u>:</u>		:				_		280	-	191	-	•
\vdash	t	-	<u>-!</u> :	-	:			<u>:</u>	<u>!</u>	Ť		•	-				-	<u></u>			<u>: </u>	<u>. </u>	_		-			_			:		ਜ਼	:	~		•
8	L		·				· 			į	į							: 	:	:	:										:	!	6	1	<u>ක</u> .	:	:
띪		:	:		:				:	•	:	:				:	: : :	:					•			. :	: ;					:	199436	:	725535		
8	9	916	Pic	9 i e	اھ	0	0	0	10	9	10	S i	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	6	0:	Oic	2 6	9 0
BA BA	٥	9 6	o i c	910	9	0	0	:0	0	ie	7	ا د :	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>-</u>	0	01	0	0	0	0	0	0	0	नां (2:6	10
¥	٥) i	5 6	١	9	0	0	0	0	10	o je	<u>ie</u>	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	ंठ	0	0	0	010	ی زو	مأه
5	G	316	1	١٥	9	0	0	9	9	i 6	1	١٥	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	010	2 6	10
AH	٥) i 6	9	9 16	9	0	(©	10	10	: 6	o i c	9	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	9	010	916	, 6
S		116	:		:			· .			:											7			. '	П.	_	ਜ	न	П	<u>-</u>	-	ا	ਜ:	- i -	1:-	गुन
R	<u>_</u>		<u>.</u>		_ :																	٠.													<u>oi</u>		
10	L	:							;	:			:									:										: .			<u>oi</u>		, [
AMA	٥) i G	10	916	ادہ	0	9	.0	0	10	1	ا و :	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.	© :	0 0	2 6	0
AK	G	916	910	۱ و ا	اھ	0	0	10	9	10	1	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	٥١٥	o i e	, 0
₹	_	_:_		:_	i		:		1	!	<u>i</u>	_:	:						!	•	•	i :		,			. !				•	1 ;			0	- 1	! !
Ad	L		_!_	:_	1				<u>i_</u>	!	i		!				1 3		• 1	t		1 :	: :	; ;	i i		, ;				٠	1 1			<u> </u>	:	: 1
SA	1.	-:-	···	. :								i									٠.	•							. :			; '			oio oio		:
X	L	i	!		_:		:		L	İ	i	_ į	i			: :		ı ˈ		i	•	i :					i								:	i	;
₹	L	<u>.</u>			. !			:	Ĺ		. i		- 1						: .	L	<u>:</u> :	i. i	:				;				:	: ;			0:0	i	.:!
<u> </u>	L			:	i				1	1	:		. :	. :					. ;	i	:		. :	: :		: 1	:		. :		:	;			010	1	
≥	L			į	. !		:		<u>i</u>	i.	!	_i.	1	!		. !	!		:		: i	i,		. ;			i				i	. :		i	010	:	
2	L	<u> </u>		_ :	!				<u>i.</u>	_i	- !	1	i				<u>.</u>				: '	•				: :	٠,					į,		:	010	:	. 1
S	L	:			_ i				i	Ĺ	i	:							: 1	•	• •	:	-				: ;				1	١,			010	-	:
10	L			_:	,				•	<u> </u>	<u>:</u>		:				l	<u> </u>		: .		•	٠.				•				t	1 9			010	:	1.
0	L	<u>i</u>	i		j		<u>:</u>		•	<u>l</u>	:	ì	<u>į</u>				6	:		0	:	0	0		0	69	0	0	0	0	:	0	0	<u> </u>	© (c	1	9
Σ	L	<u>:</u>	!	;	į	_		:	Ė	:	:	:	j				0		:	. 60			0		0	0	0	0	0	0	. .	101	0	٠ ا	010	3 ! G	.10
Х	ľ	9 6	o : c	916	9	0	0	:0	0	16) i C	. 6	آ0 :	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© ;	0.0	216	10
-	٩	016		9:0	S)	0	0	:0	10	2) i (10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	016	0
9	9	10	9 0	910	91	0	0	10		S	710	<u>9 î</u>	<u>0</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	© 1	<u>oi</u>	916	10
ш					:				-			:	-							_								-				:					
	F	4	1:0	1.0	n :	ਜ	-	· ল	7	· -	• •	- • •		+	7	-	-	-	· , -1	ਜ		. m		<u></u>	7		-	н.	-	_	₸		-	, ,	۸٠٠	4 : +-	·
C		•	:		:					:		٠.	:	:																							
8	06240	200	200	10700	75790	06253	96254	Ø 6255	96256	06757		86798	06259	06260	06261	96262	66263	96264	96265	96266	96267	89799	96269	06270	06271	96272	06273	96274	96275	96276	06277	96278	62290	06280	96281	96283	96284
					_								i									<u> </u>												27		. 4 54	_
٧	2	3:6	3 : 6	3 : 6	ڃَ َ	6	6	.0	. 074	20		<u>ا</u> و	6	6	7/0	70	67	67	7.0	67	20	6	20	6	6	6	20	07	20	67.	26	07440	720	20	6 6	. 6	6
\vdash	c	-	-	10	n	4	S	ဖ	F	kα	<u>.</u>	n k	ਗ਼	—	7	33	4	S	9	<u> </u>	00	61	o	— 1	7	က	<u>4</u> i	<u> </u>	ဖြ	7	8	െ	ol	k	Vir	<u> 14</u>	딞
	K	Ķ	35	35	C	25	23	23	23	K	3,5	Sk	일	92	126	26	52	56	52	56	92	52	27	27	27	12	12	72	77	27	27	12	28	200	6282	282	28
Ш	٤	איני	7	אַנ		9	9	10	9	٢	P	9	٥	9	9	ဖ	9	9	9	9	9	9	9	9	9	ဖ	9	ဖ	ဖ	9	9	9	ဖ	9	ομ) (O	ص

	T													_								_									_,
BK					:																										
B			1			:		-			:			:			÷		•	•	:	:					•				
BH			: .		:	:	:		-					_						:		<u> </u>					. :				\dashv
BG		<u> </u>			:	:							_						:-	:	:					-	-	_	:		\Box
	<u> </u>		: -		:	-	 -		-										-				,			<u> </u>	_				:
8			:		;	:	•					;							:	:	:		•					•			:
ш					:	:				•		,	,			-			:												:
В		:	:	•		!			:	:								:	:	:	•		:					•			
BC	0:0	00	(O)	Ø i Ø	10	i ©	0	0	0	0	0 i	0	01	0	0:	0:	010	910	918	10		0	0	0	-1	0	0	0	0 0	0	0
BA	010		:			: .					:	:						•	:	,					: :						
AYB,	00		1 .		•	: 1				:		!	. :	1				•	:				ı	- 1					•		:
ALLAW	0 0	_ :	:		:	1			!					:	:			•	·	:	: :		:	:		:					
SAL	0:01	<u> </u>	<u> </u>		:	<u> </u>			e :	:									:		: :		;								:
14	0.0	· .			1	•		:		. :		:				:			:	:		,									. 1
QAQ	00		:									:																			- 1
A	00	_ :	1			Ĺ			٠.	:	•					:			:												: 1
AKAMA	010		: ;	_	1	1	:		. ;	:	- 1	i				:			:		. ;			:		: :			:		. 1
P	0:0	0:0	0	0:0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u></u>	010	910	910	6	0	0	0	0	0	0	0:	0;	0:0	0 0	10
AG	00	010	<u> 0 </u>	010	0	:0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0</u>	Ø i	910	oie	10	0	0	0	0	0	0	0	01	010	0 0	10
A	0:0									•										<u>:</u>	<u>:</u> ;						:				
AC	0101					:	:		٠ :			į	i	:		:										٠.					:
AA	0.0		1		:	i :						i				:			į	•	١.,	, ;		;			:			•	i
<u>></u>	00	!			:	Į.				٠.		:			:					i .	:									:	,
≥	0:0					:				: :			٠.																		1
	0.0	:	1		<u>.</u>							:		٠						:	. :		: !			. :					
S	010		: :		•	1					:	:		:					:		:										.
100	0:0		<u>: :</u>			:	:		::							t			. : .	:			٠ ١		, :		٠.		•		
10	0.0		: :		ŧ	1 :	i	• :	: :			:				:	•		÷	•					. ;	:			4		1
Σ	0:0	<u>:</u>	<u>!</u> :			i		<u> </u>	: :	;				,	:		:		•	:	:		·			. :					
×	0:0					:					_					•				•	-										
	0:0																			•		-	:								
9						_		_								<u>.</u>							-		_						
Ш	नःसः	2 1	. 		1	·	_	_					_	-		_		-1 i -	4:-	·			<u> </u>		01	_	<u></u>	<u></u>			
ပ					,,		•			•	•••	•			•••	•			•••								•••		.,	1144	
8	96285 96286	287	289	298	262	293	294	295	967	262	298	662	300	301	302	303	30.5	0.0	0 i 0	308	389	310	311	312	313	314	315	316	317	161	320
	l																													•	
ا ـــ [Ø7447 Ø7448	450	451	452	454	455	456	457	458	459	460	461	462	463	464	465	466	467	69	470	471	472	473	474	475	476	477	478	479	481	483
V	6 6	∂.6	6	6 6 6	6	6	6	6	6	6	6	6	ò	6	6	6	6:6	ā é	9 6	.6	6	6	6	6	6	6	6	6	6.6	∂ :6	6
\square	278	<u> </u>	Ø.	<u> </u>	<u> </u>	4	35	9		8	த	<u></u>	Ţ	2	3	<u></u>	Σļ	9	<u> </u>	6	0	F	7	က	4	2	9	7	ρp	वुर	E
	6286 6287	628 628	625	570	523	223	625	625	929	625	625	630	<u>83C</u>	630	630	630	53	200	335	530	531	631	631	631	531	531	531	53	35	332	532
لسا			1-1				二				_			لت	二							<u> </u>		_			~				

	0					_							_										-		:					_	_			\neg
Æ	3580						٠					:			;		•		:					:	:	•			:			, · · - ·		
В	3032		:				:							i	i					:					:	į				1		٠.		
BH	1			_				<u>-</u> -	:			:	_	-;	-				:		:	:	:		:				:					
BGE	330					-;									-:	-	<u> </u>	_ <u>-</u> -	<u>:</u> -		-	- -	÷	÷	÷	<u>. </u>		:						
<u> </u>	23		_			-:	- ;	-	-			- :		-	_;		_ <u>-</u> -			:				<u>.</u>	! -				<u> </u>	: :	-			- ! -
BF	94.					. :	:				:		:		:		•								:					:				
	97	:	:			:	-:			;	•		_	:	.!	:	٠	-						:	!	:			:					:
BE	751					İ	:	!	:	:	;		į	į	į	:	:	:		:	:	:	:	:	į	•	į	•	<u> </u>					
ပ္က	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>اه</u>	0	0	01	0	oj o	910	9 0	010	ه ا د	916	10	0	6	0	0	0	0	01	010	0
AB	0	10	0:	0	0	01	0	0	0	01	0	6	-1	<u> </u>	0	0	<u>oi</u>	o i	0	oie	s i e	9 -	116	<u>.</u>	ها ا	0	0	0	0	0	0	01	010	هاه
AYB	0	10	0	0	0	0:	01	0	0	01	0	0	0	0	<u> </u>	0	01	01	010	910	sic	ی و	o i c	910	io	0	10	0	0	0	0	0	010	010
5	0	:0	: Ø I	0	0	91	<u> </u>	0	0	0:	0	0	; (0)	<u> </u>	0	<u>o:</u>	6:	0	<u>:</u>	<u>.</u>	910	o : e	s : e	<u>:</u>	:	10	0	0	:0	0	0	0:	0:0	0 0
ALA			٠				:	:	;		. :		_:	1	:		•	•	•					٠.	:			<u>. </u>	:	: .	•			010
SA			<u>. </u>				į	i	i	_ '		į	<i>"</i> .	!	i		:		-:						ŧ	<u>:</u>	·	<u>: </u>				:		
I			· 		_:	:	i	_:	_ :	:		:	_ ;		_ ;	:			•		:			:	<u> </u>	<u>:</u> _	:			:				0 0
OAG								- 1	:				:		:										·			:	:	·—	<u> </u>			010
I		:				. :	1	i			:			į		:				·				•	1		:	<u>! </u>	i_	:				
AM	1		: (: :	:	:	- 1			1	. :	. ,	:	;		:					;	:	i _	i	:	:	١	<u>:</u> .					910
X		•	: :	:		. ;	:			: :			. :	•	,			;						_;_	:	1	:	:	:	<u> </u>	:		:	0 0
₹	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	<u>0</u> !	01	0	O	910	216	9 i e	9 6	0	9	0	9	0	0	0	01	0 i 0	0 0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø i	0	0	oji :	9:0	20:0	910	2 6	9	9	10	0	10	9	9	01	010	010
¥										::					:		:	_ :		•					1	<u>: </u>	: :	1	:	<u>:</u>				0 0
AC	9	; ©	.00	9	0	0	0	0	0	9	. 6	0		0	(O)	01	(O)	O)	0	: او	910	S) 1 C	9 I G	916	ماه	.0	10			©		1001	Ø:0	0 0
3	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© i	0	<u>0</u>	910	sic	s i c	910	10	0	10	16	0	0	0	0	010	. 0
7	ō	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	510	916	Sic	9	0	10	60	0	6	0	0	0	9 0
3	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	© :	9	s i e	<u> </u>	916	9	0	:0	<u>i 6</u>	0	0	0	0	010	<u>oio</u>
5	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	5	916	910	2 0	10	0	10	0	0	0	0	0:	0	20
S	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u> </u>	s i c	o i e	910	عاد	10	10	10	10	io	0	101	0:0	010
0	0	:0	10	6	0		0	0	0	0	0	10	0	0	0	0:	0	0	01	0	910	910	<u>;</u>	sie	ie	10	10	10	10	6	0		0	010
6	6	io	0	0	10	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0:	0	0	010	010	5 : 0	910	o je	10	10	je	6	10	0	0	0.0	010
	6	10	: 1 (S)	10	10	:	0	0	10	: O	: ! O	0	0	0	0	: 	0	0	(S)	: (0)	910	<u>.</u>	<u>:</u> 910	9 6	916	10	10	0	10	10	10	0	0:0	00
-	I.,		:		:			•	:		:		::		: :	: .			÷		•	•		:	·	:		<u>' </u>	:					<u>:</u> 010
×	ı				:				:		•	:	• '			:			:						:	i		<u> </u>	٠					
<u>_</u>	ľ		100	(0)		. 0	0	. O	. 0	. 00	. O	· •	. w	S	· •	· •	: س	: w	! بن	ا: ن		ov : () : بد	٥ بر	:	· . છ					. •	ا د		
Ö	0	:0	10	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	01	0	6 :	911	010	910	916	9 6	10	:0	16	10	10	10	0:	010	010
ш			•		-				:						:				:						:		:		:					
	F	· •			न	17			 	. —		-	7	ਜ	-		н,	. .	⊶.	₩.	, ,,		7	Hir	1:-	• -	ı. 		ंस	्न	- स्त	· ল		नन
															1														:	:				_ : -
8	6321	6322	6323	6324	6325	6326	6327	6328	6359	6330	6331	6332	6333	6334	6335	6336	6337	6338	6339	6340	6341	6342	6343	6344	6346	6347	6348	63.49	6350	6351	6352	6353	6354	96355 96356
<u></u>																																		
سا	7484	7485	7486	7487	7488	7489	7490	7491	7492	7493	749	7495	749	749,	7498	7499	8	750	750,	750	2	220	28	750	S I R	Z Z	7511	751	751	7517	751	7516	751	97518 97529
A	è	Ö	6	ò	6	6	ò	: 	ò	i S	Ö	6		Ö	(6)	છાં	ં	0	0	6	© !	0	ا و ا	010	916	20	100	100) i G	6	0	0	0	Ø:0
-	7	l kvi	4	2	<u>.</u>	<u></u>		6	О	F	₽	m	4	2	9	~	∞	ெ	0	-1	7	n	<u>4 þ</u>	N V	不	. 00	b		<u> </u>	~	3	4	ۍ k	<u>ا</u> م
	32	32	32	32.	32	32	32	32	33	33	33	33	33	33	33	33	33	33	34	34	34	۵۲ 4	٠ 4	25 4 2	24	7	34	3	33	33	35	33	35	6356 6357
	9	9	Ø	9	ø	ю	Ó	9	ဖ	Ø	Ø	9	9	9	ю	9	9	0	9	9	φ	야	٥þ	ρļu	عاد	عاد	9	K	2	90	9	9	ÞΚ	ماه

П	_	-				η.	÷	-													_				٠.,				_	_					_
æ					:;	7																:	•												
8						117			•								•				:		•		:			:					•	•	
BH				:	•	٦.															:		-		-		:						:		\cdot
BG					: 6	107		•																						_	•				
F				-;		× .						_		:	_			:	:		÷	<u>:</u>	:		-;							-	<u>.</u>	:-	-
8				:		:		ا .			;						:	:	:		:	:	•										:		
w.				:		924		:	-		:								:				:					٠							
8				;		M38		:		;									:		:	;						:							
80	0	0:0	S i	Ø į	916	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	© :	9	91	0	0	©	0	0	0	0	0	01	010	916	9:6	010
ব	0	01	01	010	910	9:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	91	01	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0:	0:0	910	916	0
AYB,	0	01	Si	010	S i (91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	91	9	0	<u>o</u> .		0	0	0	0	0	0	011	sie	3 i 6	9 6
ΑŃ	0	oi	91	<u>oj</u>	916	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	© !	Ø1:	91	01	0	01	0	0	0	Ö	Ø	0	0	010	910	ء ا د	10
A	0	0.0	9:	9:0	910	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0:	0	0	0	0	0:	6	0:	0	0	0	0	0.0	9	5 : 6	0
AS	1		-1.		н.	- :	-	7	٦.	-		-	-		-	-			-41		.		-1 1		~ ;		:		~1	٠ - -	2		, ; ₹	-1 i e	7 7
¥	0	© :	<u>o i</u>	0 : 0	Sic	91	0	0	601	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	0	9	0	9	6	0	0	0	0	0	60:	0::	916	> : C	9 6
AMAG	0	© 10	91	9	SIO	οī	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>©</u>	<u>o</u> i	91	© i	0	0	01	ଡା	0	0	0	0;	6 11	916	916	0.6
AM	Ö	010	91	910	910	91	0:	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0;	© !	<u> </u>	0	01	0	0	9	0	0	0	0	91	910	916	0
AK	Ö	011	9	91	9 i 6	9	0	0	0	0	0	0	0	0	(O)	0	0	0	0	©	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	60	01	Sic	9 i 6	9.0
AI				:_																•															010
AG					. :	:		i	i :					· :			į										:				•		•		910
CAE											: :		<u>!</u>				ш.																	•	0 0
VV				:		:							i			:	. :	. ,	. :			;	:										•		910
V	乚		•				!								<u>. </u>					:	i														
<u>,</u>	<u> </u>		_:	- 1		_ :			<u>. </u>			:	!								:	:													916
₹	Ŀ		. !	•		:			. :			!	<u> </u>	:	:	:	:	: .		. ;		- :	:							:					0
	<u>L_</u>			<u>:</u>		_:				:			:							:	_ :						:								0:0
<u>S</u>	<u> </u>					:			1		<u>. </u>		:		:																			·	
0						•			<u> </u>		:	<u>. </u>	:						. :						_				•						0 0
0				:	_ :	. :				:	;	!		1	4		. :			<u>;</u>	1					:				:			· ·		
Σ	L					•			:		:	:	· ——		:		: .	:			:									·			:		910
¥	L												:				•				. :									•					0 0
-	0	: © :	© :	S :	0	© !	0	0	0	.0	:0	:0	10	:0	: 0	:0	.0	0	(0)	© :	© :	Ø	© :	© :	0	Θ.	0	0	:0		:0	© :	O .0	9 ! 6	010
១	0	0:	0:	010	0:	<u>0</u> i	0	0	0	.0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0:	01	0:	0	0	0	0	0	0	0	: 60	0	0:	010	S) (010
П	<u> </u>			:		•			:				:			-						:													
၁	7	. न ः	ਜ:	 -	-1 ;	Н,	н.	ਜ		• •~•	٠,	. , , ,		· ল	· -	. 	· ~ 1	<u> </u>	-	٦,	₩.	त्न.	ਜ	π.	7	7	П	+	<u>.</u>	· 	. 7	H		410	2.3
														_				_		_								_					_		
8	357	358	329	360	361	362	363	36	365	366	367	368	369	370	371	372	373	374	375	376	377	378	379	380	381	382	383	384	385	386	387	388	389	0.0	06392 06392
																		•																	
	521	525	523	524	525	226	527	528	529	530	531	532	533	534	535	536	537	538	539	540	541	543	4	545	546	547	548	549	550	551	552	553	52	200	07557
A	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	8:8	è 6	Ø: 6
\vdash	8	ച	ਨ	— k	Vk	n l	41	S	9	7	œ	6	0	F	~	m	4	2	9		<u> </u>	ച	ol	— 1	7	2	4	2	9	$\overline{}$	œ.	6	5 F	<u>-</u>	JE
	35	35	36	36	5	36	9	36	36	36	36	36	37	37	37	3/	37	37	37	37	37	3	38	38	38	38	38	38	38	38	38	38	ωr Vk	υk ok	6393
Щ	φ.	9	9	٥ ا	۱۹	اه	9	9	9	9	9	Ю	9	9	9	Ю	ဖ	10	9	9	و	ဖ	9	9	9	9	9	Ø	9	9	9	9	ρķ	ρķ	oko

	Т	14	:	_	:		_						•	•	_	:	:	_			.		<u> </u>							:				
異		834			:												•	•					:		:		•		•			•		
8		674	:	i :	:		!							! !		:				;	:		:	-	!		i			Ī	•	-		
H	Ī	: -	;		i		:	1				:	Γ.		_	,					:	:	-		<u> </u>	:	:	:	:	1				
BG	T	161	i	-	!			_		- -	•		: -	-	:		-	<u> </u>	—			:	-		•	<u> </u>	:-	<u>:</u>	-	į ·				÷
18	T	ĪŃ			-			-		-	: :	:		<u>:</u>		:		:		· ·	:	:	÷	:	:			ı	:	:	:	· ·		
В	L	9	!		<u>.</u>		!	:				:		!	:			!			ı	:	:	:	;	!			!	!		:		
BE		172	i		į		:	:				i	:	:					: :			•	į	:	:			,		:				
L		M181	<u>:</u>		<u> </u>						<u>:</u> 	:		! !	:			:	•	. !	÷		:	i	!	:	•	•	•	!	:	:		:
<u>akamadadasahamaybabc</u>	_	:	i				- 1	:				;	İ	i	!	•	ť	. :	: .		- :	:	:	:	•		:	•	:	:	: .		Ø16	
MA MA		i	•		:		•	•				1	:	i	•	•	:		. :		:	- 1							:		: .		<u> </u>	
1	ł				ł			- 1				:		:		-			: :		:		•	÷	i					:		. :	o i o	
1		ŀ	: .		:		- 1	:	- 1		:	:		ł		: .			. 1		:	:			:	:		:	•	:			0 0	
SA		:	-		-	त	_; _;	- 1			<u>–</u>	~	-	-	-	-		-	-	-	<u> </u>	310	710	4 : CI	· 	: 0			-	·			<u></u>) : (G)
S	6	:0	0	0	0;	6 0∶0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	.0	0	0	0	0:0	916	316	910	10		-		6		-	-		
B	0	0	0	0	01	0:0	91	0	0	0	0	0															10	10	0	0	0	61	<u> </u>	210
Σ	1				:			:				: 1			: 1		:						:					:					0 0	- 1
字	0	0	0	0	01	0:0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	oio	9 6	٥١٥	0 0	0	10	0	10	0	0	0	0	010	गंड
F	0	10	0	0	0	oi o	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	9 6	0 0	9 6	6	0	0	10	0	0	0	0	ois	ه اد
ABAG	0	10	0	0	0	010	9	0	<u></u>	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0 0	9 6	916	910	10	0	0	0	0	0	0	0	010	ه زه
X	•	:				010	:						: :		•																		010	. 1
AAC		i .						٠	:				,									•			!					٠.		:	010	. 1
₹	_	<u>:</u>					- 1				!		1				. :			:	٠.	:		:		:				:			<u> </u>	
_		i	: :				i					: 4		. :		. ,			:				:		:					: .			0:0	٠ ا
<u>≯</u>	1.			;			•	- }		- 3							٠.		:	:		:		i	: '								<u> </u>	. 1
l's		<u>.</u>		_ !			•								! !		. :	:	- :				:		: .	:	_						<u> </u>	- 1
0	i	_		;		•	•	:					' i			;			:		:				;	٠.							010	- 1
0							- 3	•				,											•		•								010	
5	l	0	0	0	-		ij	i	01	0	: :		- 1		:		0	0	0			:	i	i	į	i					:		916	- 1
\\ \frac{\times}{\times}	<u> </u>	:	•	:			•	:		i							;		:		:	:	•	i	i	, :	: :			١,		•	010	1
E							_:				٠	:											-									•	9:0	
ပ	0	0	0	01	0:	© : ©	ت : ه	<u>0</u> 1	0	0	0		91	601	0	0	0;	0:	01	010	916	2:6	. Ġ	0.0	:0		0:	0	0	0:	01	0:0	910	اماد
E (\vdash						_				- :	 ;		:									-											\dashv
F	1	· ল	<u></u>		7.	7 -	111	-1:		m:	m	m	 i	.		ਜ:	7	ਜ			-1:	: 1 : स	<u>:</u>		<u> </u>	· — ·	ਜ.	ਜ.		.	٦.	ल		
ပ				:				:			:	:					:			•					:								•	
	393	ğ	395	38	397	80.0	0 0	8	9	402	103	ই				80:	60	9:	<u>ਜ਼</u>	7:5	1:5	1	9			61	82	77	77	23	24	ង្គ	66427 66427	82
8																																		
	558	559	260	561	295	563	5:1	265	267	568	569	570	57	572	573	574	575	276	277	57.8	218	2,6	582	583	584	585	586	587	288	589	290	20.0	07593	<u>¥</u>
A	0	Ø:	6	6	6	6 6	à∶6	91	6	<u>.</u>	6	6	6	6	6	6	20	6	6	60	9:6	6	. 6	6	20	6	0	6	07	0	6	6	9:6	6
	94	35	96		<u>∞</u>	ΣIC	Ė	=	ZI.	শ	4	<u>ડા</u>	9	\subseteq	<u> </u>	္တု	o l	-	7	7	+ 1	960		- σο	6	o.	<u>-</u>	7	က	4	ა k	٦٥	- 00	व
	639	633	633	63.	635	24.5			<u>4</u>	4	4	4	94	940	9	9	641	641	641	45	2 2	5	541	641	541	542	542	542	542	542	247	46	6428	342
لب		لب						-1	<u>-r</u>	-1	_1				-1	<u>-1</u>	<u> </u>	=1										_	_	_	<u> </u>	٧٢	-10	۳

¥		010	857
	: 1	064	37.
8			13
GBH		7 2 4 8	
ĕ		62	100
8		100	906
BE		252	44
8		W817	1848
BC		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	
BA		000000000000000000000000000000000000000	
V		9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9	
akamadadasahamaybab		000000000000000000000000000000000000000	
N S			.जःडाङाङाङ ।तःतःतःतात
φ		00000000000000000000000000000	00000
ğ	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	ବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବା	• 1
B	000000000000	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	000000
AK(0 0 0 0 0 0 0 0 0	9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9	00000
A			: : :
BAG			
ACAE			
V		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	
ΥA		000000000000000000000000000000000000000	
Μ	0.0.0.0.0.0.0.0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0:0:0
n	<u>ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା</u>		00000
S	0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0:01010
0	01	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0:00:00
0	0000000000000		10:0:0 0 0
Σ	010:0:0101010101010		00000
K	<u> </u>	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	
_		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	,
9	010.0:01010.01010:0:	010:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0	.0.0.0 0
Ε			
ပ	N'ने ने ने ' ले ले ले ले ले ले ले ले ले ले ले ले ले	त्तः नः नः नः नः नः नः नः तः नः नः नः नः नः नः नः नः नः नः नः नः नः	.स.स.स.स् र ास
В	6430 6431 6431 6433 6433 6435 6436 6436 6436	966439 966450 96	5460 5461 5463 5463
A	9759 9759 9759 9769 9769 9769	97695 97696 97699 97699 97611 97611 97611 97612 97623 97623 97623	0762 0762 07626 07636
Н	0 1 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2		-25647
	66666666666666666666666666666666666666	66444 6444 6444 6444 6444 6445 645 645 6	346 346 346 346
	- Landalanalala		

_
8
_
嵌

		:	654	:	: i&	119	•		188	4
No. No.	器	·		<u> </u>			:	· ·		
No. No.	噩	: .	1598		4575	200			974	3828
Note Note	BH	: :	i ₩		ं .	161				-
No. No.	BG		180		157	6			119	327
No. No.	j.		100		in	11-1	• ;		1 4. *	• • •
No. No.	B	:		1 :	161	10	<u>:</u> .	<u> </u>		σ : <u>:</u>
N	BE		4208	, , ;		9301			2950	8968
A B C E G C C E C C E C C C C C C C C C C C	Ç	0000000	18	00000			0000	00000	<u> </u>	
A B C E G C C E C C E C C C C C C C C C C C	AB	0.0.1000		00000	000	0000	0000		0 0 0	<u>ତାତାତ ତାତାତାତ</u>
A B C E G C C E C C E C C C C C C C C C C C	小	010101010	0000		000	ज् ा	واهرهاه		000	000001000
A B C E G C C E C C E C C C C C C C C C C C	X	0:0101010	000	00000	000	000	9 9 9 9	00000	00	ଡାଡାଡ:ଡ:କାଡାଡ
A B C E G C C E C C E C C C C C C C C C C C	ħγ	0:0:0:0:0	ololo	্নাভাভাভূ	000	1000	9000	00000	ololo	00000000
A	AS	नःनःनःनःनः	ımm	गुनान न	नानान	1 1 1	4	11 A A A	1	
A	Ad		i	<u> </u>	i_		· · ·			• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •
A	AC				<u>. i . </u>	• : :	_i	<u> </u>	<u> </u>	
A	\$	I	111			<u> </u>		<u> </u>	لمنت	<u> </u>
A	Ž		<u> </u>		<u> </u>					1
A	₹		1 1 1	-1-1-1-1-	! ! !		<u> </u>		4	
A	哥		<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>		_ 	<u> </u>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
A	ठ्रे	010101010	0000		000	وأهاها	9 010 6		91010	00000000
A B B C B S S S S S S S S S S S S S S S S	ব	0.0.000	0000		000		0000		<u> </u>	0000000
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C		00000	0000		000	000	9 9 9		<u>ololo</u>	0000000
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	3	0:0:0:0:0	0000	0000	000	000	000	00000	000	<u>ତ୍ରତ୍ରତ୍ର</u>
A	5	0.00000	1000		000	واهاما	90.0		000	0 0 0 0 0 0
A B C E G O	S	00000	000	0000	10 0 0	واهاه	9 0 0	90000	0.0	0 0 0 0 0 0
A B C E C C E C C C C C C C C C C C C C C	0	000000	0000	00000	1000	0 0 0	0 0 0	00000	0 0	0 0 0 0 0 0
A B C E G G G G G G G G G G G G G G G G G G	0	000000	10:016	0000	000		0000	000000	000	000000000
A B C E C E C C C C C C	Σ					0000				
A B C E G A B C E G E G	$oldsymbol{arYampi}$			o o lo lo	10 010	0.0			0:00	0000000000
A B C E C	-	0.0101010	010.010	00000	000	910101	0000	<u> </u>	000	<u> </u>
A B C 07632 06465 1 07633 06465 1 07633 06466 1 07634 06467 1 07635 06467 1 07636 06469 1 07637 06470 1 07649 06471 1 07641 06474 2 07642 06478 1 07643 06478 1 07644 06477 1 07645 06478 1 07646 06473 1 07647 06474 2 07648 06478 1 07649 06479 1 07650 06488 1 07651 06488 1 07652 06488 1 07653 06488 1 07654 06498 1 07656 06498 1 07669	ပ	0:0.0.0:0:0	0000	00000	0000	0000	9101016	9 9 9 9 9	9:010:	0 0 0 0 0 0
A B C 07632 06465 C 07633 06466 07634 06467 07634 06467 06468 07648 07635 06470 06467 07649 07640 06471 07644 06474 07644 06476 06481 07644 07644 06477 06488 07648 07645 06481 07648 06481 07650 06481 07652 06481 07651 06482 07653 06482 07652 06483 07653 06483 07653 06482 07648 07649 07654 06483 07653 06483 07655 06483 07653 06483 07656 06483 07664 06493 07666 06493 07664 06493 07666 07664 06493 07664 07666 06494 07666 06493 <td>w</td> <td></td> <td></td> <td></td> <td>: :</td> <td></td> <td></td> <td></td> <td></td> <td></td>	w				: :					
A	ပ	ਜ ਜ ਨਾਜ਼ਜ਼ਜ਼	गन-सन्	••ਕ-ਜ-ਜ	<u>्सिना</u> स् :	وتجرجا			नन्न	ਜਾਜਾਜ ਜਾਵਾਜਾਜ
A	 	N 9:N:8:0:0	o. ←1 ~ ~	:	اهاماد		ni di ini d	:: 0:N:00100 00:-	11010	410:0 5.00:0
	B									
	_	63.3	8 8 8	4 4 4 4	646	0.0	652	655 655 655 655 655 655 655 655 655 655	660	668 668 668 668 668 668
44444444444444444444444444444444444444		6:6:6:6:6	6:6:6	<i>ରି ବି । ବି : ବି : ବି</i>	6 6 6	6.6.6	हैं हैं। हैं। ;	ି ପି. ପି. ପି. ପି.	6 6 6	6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6
		1058876 1058876	2554	1567 ×	EB	832	883	8890	93	298 298 200 100 100 100 100 100 100 100 100 100
		64 64 64 64	64	647 647 647	64 64	64	9000	644	64	64 64 65 65 65 65

		-	_	_	_	-		-				_				_	_		_	_		_															5672					72.4	ξ.				٦
異				_	•	_		_		_				_				_		_	_				-																:	٠,	<u>,</u>				
8		;		:	:		:											•		:						_											5392				•	2101	1617				
표		:			i		:											:		:	:			:			:	:	:				٠			•	-					•	٠,				
BG		:		:	:												_	·		:				_	_			_				_				:	135			•		264	7				
BF.							!				:						Ĭ	4			:		:	-				!	:				:		•	:	94.8		,				υ: -				
Н		-		:							-	_	-	_		_	:	-		:	:		_				_						:		_	:			_		<u>.</u>		<u>:</u>		_		\dashv
器																	:	:						:				•				į			•		20431	:				- 6	0000				
<u> </u>	9	۱ د	ō	16	>	0	is	o i	0	is	11	0	0	٠ ٥	5 1	0	10	<u>.</u>	0	: 6	S I	0	is	> : •	0	0	: 6) i C	91	0	0	.0) ((916	91	0	9	0	0	16	9 ! 6	3 6	91	9:	0,	0	0
বা	0	5 !	ō	i	>	0	10	> ;	0	S) i (0	0	: 0	· •	0	10	नं	0	10	5 i	0	id	5 : (0	0	10	i	5 !	0	0	10	110	9 · 6	<u>=</u> ;	0	0	0	: 0	is	ie	S (91	<u>.</u>	0	9	0
쀳	9	<u>.</u> اِ د	0	i	>	0	5) i	0	S	71	0	0	10	υį	0	10	10	0	10	9	0	į	<u> </u>	0	0	0	i) i	0	0	201	ic	910	<u> </u>	0	0	0	0	is	0	o i c	91	011	91	0:	0
X	0	<u>.</u>	0	ic	>	0	16	;) [0	10)	0	0	10	91	0	10	<u>!</u>	0	10	<u> </u>	0	i	i	0	0	16	10	<u>:</u>	0	0	is): (911	9	0	0	0	10	10	10	910	9 i e	911	01	0	0
¥	40	<u>:</u>	0		<u>-</u>	6	is	<u>,</u>	0	16	۱ د	0	0	10	91	0	:	: 	0	ie	: 5 i	0		3 i	0	0	16	10	91	0	0	is	٠.	+ 11	<u>s:</u>	0	0	0	: 0	is		oic	<u>.</u>		۷.	٠,	급
ज	ŀ	-	_	:	-	~		4.	_	· 	4 :				٦.	-	;	-	-		4	=	· -	4.	_	-	-	4	40	=	-	-	41.	<u>.</u>		<u>.</u>	_				1 · c	4 . +	41	0:1	0	0:	0
V	L	9 1	0		S :	_	: 6	> :	0	: 0) :	0	: 0		S :	0	10	<u>:</u> ارد	0		<u>.</u>	9	: 0	•	0	0	: 6	210	S :	0	0	16		9 11	9:	0	0	0		16) i e	S : 6	: C	01	0:	0:	0
8	6	i e	0	16	<u> </u>	6	is	> i	0	iG	o i	0	0		91	6	1 (91	6	10	٠ و	0	: 0	> :	0	0	16	10	<u>ا د</u>	0	0	16) i (9 ;	9 1	0	0	0	10	16	016	<u>5 : c</u>	91	91	0 i	0	0
Σ	0	<u>.</u>	0	! 0	9 i	0	16	5 i	0	ıc	5 ;	0	: 6	11.0	5 :	0	:	<u>.</u>	0		9	0	: 0	9:	0		. 6) i (5 :	0	0	16)! (9:	01	0	0	! ©	:0	16	910	910	s :	0:	0:	0	0
AKAMAG	L	51	0	: Te	<u>.</u>	0	16) ;	0	16	<u> </u>	0	: (S	: 6	91	0	10	9	0	i	أو	0	10) :	0	0	0		91	0	0	16	516	91	6	0	0	6	0	16	ole	<u> </u>	<u> </u>	01	01	0	0
V	L	_		:			i	<u>.</u>		<u>i</u> _			:		:		!			i.						<u> </u>		:	:		_		:							:	÷		-:			0	
b	L	_		:		_	:			÷	_;		:				÷	:					:			_				_			:					:		:			_:			0	
ABAG	6	5	0	:	<u>.</u>	0	is	ə i	0	10	<u>:</u>	0	S		9	0	10	5	0	ie	5 i	0	10	91	0	0	10	311	9:	0	0	6	o i e	S) i	01	0	0	I Ø	: 6	ic	o i c	910	<u>s</u> i	01	0	0	0
101	9	9	0	i	9 1	0	10	3 i	0	10	: 3 i	0	16	110	20:	0	1	5)	0		9 1	0	i	9 1	0	0	16	010	91	0	0	:6	5 i 6	9:	0	0	0	0	is	ie	o i c	911	S į	<u>o</u> .	0	0	0
¥	١	8	0	+	9	0		5	0	! c	<u>;</u>	0	·	. (<u>s</u>	0	114	5	0	1	5	0	10	9:	0	0	· G	<u>:</u>	<u>.</u>	0		ie	5	9	0	0	0	0	S) i d	oic	9:0	9	01	0	0	0
	١	9	6	1	5	0	ie	91	0	į	<u>;</u>	0	10		5	0	÷	8	0	de	9	0		9	0	10	· c) i	<u>o:</u>	0	0	110	<u> </u>	<u> </u>	0	0	0	:0	0	0:0	9 0	9 ! (9	01	0	0	0
≩	ŀ	S	0	i	9	0	10	9 :	6	10	<u>ء</u>	0	is	110	s i	0	+	8	6	i	S 1	0	110	9 1	0	10	16	> 1	0	0	0	· • : G	5	9	0	Ø	0	0	16) i d	9 0	2011	91	6	0	0	0
	1	9	0	.: 0	9	6	10	91	0	10	5 i	0	16); (5	0	110	9	6	i	9	0	: 0	9	0	6	. 6	9 :	0	0	is	: 6	- 	0:	0	0	0	10	Tos) : c	9:0	2010	<u>.</u>	0	0	0	0
S	6	9			9	0	ic	9 :	0	10	s :	0	İĠ	· ·	5	0	1	0	S) (9	0	; ; (9 :	0	10	: :	·	01	0	İG	: 6	911	0	0	0	0	10	10	10	910	S	01	0:	0	0	0
0	4	9		,,,	9	6		5	6	: 0	5 :	0	is) (9	6	110	0	: 6	10	9	0	: 0	• •	0	16	: 6	9 •	0	0	16	: 6	<u>ا</u>	0	0	0		10	0	. 6	5:0	9:0	0	6	0	0	0
0	ŀ	9	5		9	6	:	S :	0	10	<u> </u>	0	iG) : (S :	6	11	0	6	i	9	6		S	0	is	. 6	91	0	0	is) i e	: > i •	9	0	0	10	60	16	16	s i e	9.0	Ġ:	0	0	0	0
<u>></u>	ļ	5	i 6		9	6	:	91	0	:	: ا د	0	! 6) 1 (9	6	1	0	10	.	9		110	5	0	is		<u>:</u> 31	0	0	16	10	ا د	01	0	0	0	: 0	16		<u>:</u>	910	01	01	0	0	
	Ļ	-				-		9:	0		: 5 i	_	is	.	0	-		_	-	<u> </u>						: 16		3 1	_		: ie	16			_			:		oie	916	911	0 i	9	_	0	
Ľ	L							٠					٠.				_		:	1		:	_		_						_		:													<u>.</u>	
	L	_	_	_				_		_			:		_		_	_	-	:	_								_				,						•								
9	Ľ	د 			<u>د</u>	9	.: 0	۱ (د	9		ا د د	<u> </u>			ا 		- 1	<u>യ</u>		-10	ا 			! دد		16			ان 	<u></u>	: 0		٠١٠	ا د ت	O	-			: 6	. 10) . د	ا: بد	' دی	ص ص	<u></u>	.0	<u>.</u>
Е		_	_	_	_	_			_		_			_			_																				<u>-</u>										
ပ	ŀ	- -	. —	1	1	~	1	-	-	1		-	•	4	4	-	•			1:	-ī		•••	⊣ ī	-	. —	1. 6	→	-	Н	-	1 - 4	⊣ i	7	ਜ	ਜ	· ਜ	· -	-	114	417	HŪ	-	ਜ	N	.ਜ	·
H	t	10	3		2	8	ii	Š.	98	::5	2	80	:8	3	9	=	1	7	. ~	1:	14	Ľ		9	12	ex C		7	20	77	2	1:6	3:	24	52	56	27	28	0	110	2::	7	32	33	34	35	36
8																																														86535	
A	3	02920	07571	111	07672	07673	110	9/0/4	07675	110	9/9/9	97677	07270	5	62920	07580	3	07681	07582	3	07683	07684	010	97686	07687	076RR	2,00	200	0490	07691	07697	1:0	560/0	07694	07695	9692	07697	07698	07600	0 0	00//0	07701	07702	07703	9220	97705	9220
	1 × × ×	9202	5503		6204	צבעב	200	9009	6507		0000	6059	2510		6511	6517	1	6513	6514		5159	6516		7150	6518	6519	6520	0250	6521	6522	KE23	25.27	0324	6525	6526	6527	6528	6529	6530	25.25	100 k	0232	6533	6534	6535	6536	6537

쑮	_		_	•	_		_			261	472			-			•					-				_	-	_	٠.			-	197		-:
							_			' ~	16	:						<u> </u>											· ·	: 			स ड ः		<u>:</u>
+ B								<u> </u>	·	1	EN	i			:		:	<u>:</u>	:				:		:					:			116	:	
BH	L.,			•		•		· 		:	í				!		:			: 		;											<u>-</u>	:	:
BG	_:	:	:								9	-		<u>:</u>	<u> </u>	<u> </u>	:			!			:							: :			%		
BF		;	į	i		:	!		•	i	96.2			į	!	:	:	; 		: :										!		į	100		
Н	-		— <u>i</u> -				-			<u>. </u>	<u></u>	<u> </u>	<u> </u>	:	<u> </u>	!			<u>:</u>	: ·			:							: :	:			•	
BE		:						: :		5715	82					:			:	:	:		. !							:		•	4016		:
Ö	0 ;	<u>61</u>	010	9 !	0:	91	01	0	0	<u>8</u>	8 X	0	0	10	9	10	169	! ©	: 0		0	6	91	01	0	0	0	0	0	<u>.</u>		0	₹ 2	: :	0 0
AB				_:								i	•										:												-10
AYBA				•							į		!		:	į	:	:		:							:		. :		:		:	:	oio
5	0	<u></u>	0	او	91	9	0	0	0	<u>.</u>	0	0	0	0	0	0	jo	· • •		0	0	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	o i	0 0
A A	-1 1	ai.		- †	н.,	H	ਜ	न	7	-	7	H	-	H	-	-	<u>;</u>	17	-		न	<u> </u>	ਜ	_	-	-	m	-	<u></u>	·	-			, 	-i-
AKAMAGAGASAI	01	Ø i	010	91	0:0	91	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	01	0	0	0	01	0	0	0	0	0	Ø!	910	0 0
A			0				_:					0	0	0	. 69	6	0	6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.	910	0 0
AO	ō	010	0 i 0	، آ دو !	<u> </u>	9:	© :	0	0	0	0	0	0	0	0	:0	.0	:0	.0	0	0	0	0:	0:	0	0:	0	0	0	0	0	0	0:	9:0	<u> </u>
¥		:	•			•	:			•		:				:	•												:	: '				:	0 0
¥	:	<u> </u>				:	. 1		0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	0	0	© i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	9	0 0
AI		:	910				i				: .		,		l	i		1	i i		٠,		:										- 1		0 0
CABAG			910			_ :	_ :	!			: !	į .				:			:	<u> </u>													:		0 0
S			<u> </u>	_:			_					·	<u>L.</u>		<u> </u>	<u>:</u>	:	<u>. </u>	:				:	:										_:	0 0
AA	0	: o i	<u> </u>	<u>.</u>	910	9:	ଚା	0	0	0	0	0	0	0	0	: 60		i ठि		0:	01	01	o i	0	0	0	0:	0	0	60	0	0	910	<u> </u>	910
ΥA		_:_		- :		:	i	:			i .		! :		!	ţ	;	:			:			:					٠ :					:	9 6
M			_ :	•	•				1	•	٠ ,		i .			•	:	:		, ,				٠.											0:0
5	01	010	<u> </u>	اٰھ	9:0	<u>.</u>	6	9	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9:0	<u>ं</u>
S	01	0:0	o i e	۱۱ه	9:0	s i	0	اه	0	0	0	0	0	0	0	0	10	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	610	9:0	910
0	0:	<u> </u>	910	D [C	\$	9:	ठां	9	0	0	0	9	0	0	0	9	10	0	10	0	0	<u>60 i</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9:0	9 0
0	0	010	916	9 (S) ; (9.	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ंठ	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	91	0	0	0	0	0	010	<u>s : c</u>	0 0
Σ	0		<u> </u>		9,0	91	9	0	0	0	0	0	0	0						0		0	0	<u>©</u> i	0			0	0	0	0	0	0:0	S) i (2	910
Y	011	<u> </u>	<u>ा</u>	<u> </u>	9:0	91	न	0	0	0	0	0	0	0								0	0	0			9	0	0	0	0:	0	0!	9:0	9 ! 0
-	0:0	<u>6</u> 10	910	sie	<u>s</u> i	910	<u> </u>	0	01	0	0	0	0	0	0	9	10	0	0	6	0	0	01	0;	0	01	0	0	0	0	0	0:	011	9 ! 0	9 0
5	0	010	910	s i e	<u>si</u>	910	9	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	S i c	o i o
E					_		:	:					_		_				-				•	-					:	:		_			
		HI	7:4	111	٦.,	41.		ਜ	7	7	7	н	—	-	_		· -	7	ਜ	٦,	-	-	 -	.	↔.		m	-	ਜ	7:	н.	,		Hir	717
၁				· _;									: :					: •											•						
В	537	538	2 . 6	3 : :	1:5	244	543	544	545	546	547	548	549	550	551	552	553	554	555	556	557	558	529	260	561	262	563	26	565	566	267	268	200	2:5	06572
	200	7710		7		47/	7.15	7716	717	7718	7719	720	721	722	723	724	7725	726	727	729	731	734	735	736	738	739	740	741	745	743	744	745	746	4	07750
٧	ا، تو: ا	6	šić	5 : 6	š ė	šil	ò	6	6	ò	6	ò	6	ò	6	8	6	Ö	6	6	6	ò.	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6:6	3:6	6 16
	∞k	2	žĒ	F	<u>y</u> r	<u> </u>	1	آ	ဖျ		8	6	Ó	<u></u>	2	က	4	Š	9		ω	တ	<u>o</u> l	<u>-</u>]	N	اس	4	ဂျ	ဖြ		ωl	တ	o F	<u>-</u> -	٦m
	5	20. 20.	ל הליל	SF	SF	Š	S	654	654	654	654	654	655	655	655	553	553	553	655	655	655	555	556	556	656	556	556	556	556	556	556	556	<u>}</u>		6573
<u></u>	<u>-r</u>	<u>- </u>							_1	ئت	لک	_			=				ك		<u>-r</u>	<u>-r</u>	=1	=1	=1	<u> </u>	<u> </u>	_1				<u>- 1</u>	<u>~</u> N		-10

Name	
No.	·: · · · ·
No.	
No.	: :
N	 i
 □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □	: · :
 □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □	<u> </u>
N	<u> </u>
N	
 □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □	0000
П	:
П	
П	
П	0101010
П	<u> </u>
П	
П	
 □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □	
П	ଡାଡାଡାଡ
П	0000
П	0000
П	
П	
П	
П	
О о о о о о о о о о о о о о о о о о о о	<u>େ:ଡ଼ାଡାଡ</u>
ш п п п п п п п п п п п п п п п п п п п	
ш п न न न न न न न न न न न न न न न न न न न	0101010
ပြ	
	नन्त्र सन्त
W.4.2.5.7 8 9:8:8:8:8:8:8:8:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:	
96573 96673 96773 9773 9	96685 96686 96687 96688
7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.8.8.7.7.7.8.8.7.7.7.8.8.7.7.7.8.8.7.7.7.8.8.7.7.7.8.8.7.7.7.8.8.7.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.7.7.7.8.8.7.7.7.7.7.7.7.7.8.8.7	
660033 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4	609 609 609

u	7
α)
:	_
ж	ď

띪					813	:	:	: :	:													99,				:						226				
\vdash						; :		: 									:					1,			_							~		<u>. </u>		\sqcup
ВІ					1748	i	:						!			. ,				. :		1669								:		1265				
ВН			:	:	-																	7								:		Н				
BG		:			99		<u>. </u>			:												91								:		127			_	
BF			:		98.5				. !	!			į				. ;				<u>'</u>	97.8										95.3	!			
BE		: ,			1732	: : !	:			-		j										448										395				_
5	0	0		:	8 3	9	0	6	0	0	0	9	0	9	9	6	0	0	0	0	0	305	0	0	0	0	0	0	0	0		2010	0	0	6	0
AB(<u>. </u>		:		:					i		i												;							:	0		
AYB,								i				i																					:	01		i
X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ᆏ	0	0	0	0	0	0	규	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ALAW	-	<u>.</u>	F	. –	H	-	<u>.</u>	-	н	·	ਜ	ᅱ	न	ㅋ	ਜ	-	, , ,	H	,	H	⊣	7	ਜ	ਜ	ਜ	–	e	ਜ	त	ਜ	ਜ	Н.	П	-	7	-
AGAS/	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
Aq			<u>. </u>			<u>i </u>		L														L	نـــــــــــــــــــــــــــــــــــــ											0		1
AMAQ			•	: ;	i		·	;	i	:					i	i ,					,		:				1			i				اھا	1	1
		_		:	_	:	<u>:</u>		:																		_						:	0	_	\Box
AK	i .		<u> </u>	:	<u> </u>	<u>.</u>	<u> </u>	!	نـــا	L																								0		
<u>id Al</u>		<u> </u>	<u>. </u>	-	<u> </u>	<u>i </u>	<u>. </u>		<u> </u>	<u>. </u>		ш																						0		
ABA	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i 0	0	ढ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AC(0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	<u>।</u>	0	0
ď	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
٨	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
W			•	:		ļ.	1	<u> </u>	<u>.</u>	i .											•								<u>. </u>				<u>:</u>	0		<u>. </u>
n			<u> </u>		<u> </u>	<u>:</u>		<u>. </u>		<u> </u>	Ĺ			لـــا								_						_	i				:	0		
S		<u>i </u>		_	<u> </u>	<u> </u>	<u>!</u>	!	i												.									<u>i </u>				0		
0				:	<u>i </u>	<u>.</u>	<u>: </u>	<u>i</u>	1	i							. !				<u>i</u>											•		101		لــــ
0			;	:	<u> </u>	!		!	_	<u>i_</u>		Ш							:	<u></u>								<u> </u>		Ш			<u>i </u>	0		
M		:	:	•		į	:	:	Ĺ	:	:									<u> </u>	!					:;				!				100	٠.,	
Y		<u>. </u>	:						<u>. </u>							· 				:					:									0		
	_	·			_	1		·	!					_ :							1									1	! 	<u>:</u>		0		:
9		-	:		:	<u>. </u>			: -	. -							_	_		:					:			_	: -	_		<u>. </u>				
E	7		.		9	· —	<u>.</u> . त	<u>:</u> :न	<u>.</u>	<u>.</u>	m		-	-	7	· 		· —	· ~	<u>.</u>	: : न	7	न	-1			_	. ~	. 	<u>. – </u>	<u> </u>	· H	. 7	! ল :	-	
ပ			:	:	!			<u>:</u>	•	:			. ;							:					:	! . !				:					<u>. </u>	
В	60990	96610	06611	06612	06613	96614	96615	96616	06617	96618	96619	02990	06621	86622	86623	96624	86625	92990	06627	82990	62990	06630	06631	86632	06633	.06634	06635	86636	96637	06638	66639	96640	06641	96642	06643	96644
٨	06220	26770	07793	9279	07795	96220	07797	07798	07800	07801	07802	97804	07805	97897	92868	07810	07811	07812	07813	07814	07815	07816	07817	07818	07819	07820	07821	07822	07823	97824	07826	07827	07828	07829	07831	07834
	5610	611	612	6613	614	615	919	217	618	619	620	621	622	623	624	625	626	627	628	629	630	631	632	633	634	635	636	637	638	639	640	641	642	6643	644	645

	_
U	2
α	Э
_	
И	×

	_		-	:	:	_	_		•			_			-	-	_	_				18	3:		-	82		_	:							-			-	9	2		\Box
BK				•												:				:		15	3			1558		: 		:											13		
Bi				:				:						:	:	1		:				2228		!		1211			!	:	i		-	!	i	:				843	_		Ш
H								•							:			1				!	٩.			7	;	:		:			•		:			i	:	! -	45		
စ္ထ	_							:				,		:	:	- ;		:	•			370	0	:	i	284	;	:	-	;			:							138	163	!	i
\vdash	Г			•		-					_	:		<u> </u>	<u>·</u>	į		_			_	: 0	7		1	4		:	! -		<u></u>										5.5	-	
监				:		:		:		_	:			:	'	:		:			:	18	<u>ነ</u>	:		2		<u>. </u>	:						_:	:				٥	9	<u>،</u>	
띪				:		•	•	:			:					:					:	144	n.			355		:		:			:	:				•		3422	3868	: !	
		:		-		_		į		:	1			i	i	_		:			<u> </u>	15	7:	:	_	549	!		<u> </u>	<u>.</u>	:			!	_	_	_	·		<u>1×</u>	120	_	
ABC								•		•	:				:						:	٠						•												0	1	:	; [
ımı										ï											•	•					•	:	:	•	:				:					10	i	:	
AY	1		:			i		:		_				•		- 1													•						:			1		:	1	i	0
AUAW	Ŧ					!	:	:		1	:			:	:			į				!	. !	:		:	i	i	:	:		:		- 1			:			0	-		101
																										•							ता				<u> </u>				10	160	
AS						:		:						•				:			•	:	i					; _	:	i											<u>. </u>		•
Ad	ı									:	•				:						i					:														10	<u> </u>		। छ
AMAO				٠,		;					:							:					:	•												:					,		110
X	1	:		:					!	:			:		:		Į	•	- 3		:	:	•	- 1	:			:	:	٠				:		:	:	•		:	:	:	010
ַ	1						•		:	:	:				٠.		1	:					-				1										•				<u>:</u>		0
Ø ▼							•	i	i	1	- 1		•		- 1		1	t	- 1	1	i				ì					i	,					ì		•		•	٠	.i	010
AEAG	1						٠		:	•			:		٠.		!					•			:		1				-	•	•	:		i				•	<u>.</u>	:	0
10							•		•	:				•			:	•			1	•	•		·		_:	·	_:_			_:	:				<u>, </u>	_			<u> </u>		010
₹	10	· >! c	D i	0	8	10	• 1 •	0	0	1	اد	0	: 6	: 3 i c	<u>:</u> S) !	0	is	;	0	6	ic	5 1	0	0	0	is	10	10) 0	51	0	0	Φ:	0	0	0	10	9 6	:	16	ie	16	olo
1	6) : c	>	0	0		3 i	0	10	1	; i e	0	16	510	: 	0	١٥	1	0	0	i	; -	ଚ	0	i	: 0	016	10	s i c	91	<u>.</u>	0	0	0	0	0	ic) i G	16	916	16	S	010
E	6		3	6	<u> </u>	: c	<u>.</u>	0	0	. <u>:</u>	اء	0	:	5 -,	9	0	S	:	6	9		: ::e	0	0		: 'G	D : G	· c	910	9	0	0	0	0	0	10	S	916		. e	16	16	0
*					:	;			:	į	:		•		:		į	:			:	:			:	:			1_	:	:	i					<u>:</u>	<u>. </u>	•		•	:	10
13	1	910	91	0	: 	:) i c	<u>. s</u>	0	16	1	5	0	16	<u>.</u>	0	0	is	<u>:</u>	0	To	i	10	0	0		: I G) i G	3 6	910	5 :	<u>:</u>	0	0	0	0	0	10	916	9 1 6	016	is	16	910
S	1_		:		;				ì	:			:					•		!	ï	1	- 1			:		:	- :	;								• -	•		. !	:	916
0	L	910			<u>. </u>	_ا_			:	1	- 1	i		:	- 1		:	:		:	i	i		i	:	:	•		_:_												<u>.</u>		9 0
0		:	:	0	:	1	9	0	<u>:</u>) ! (0	0	:	<u>:</u>	0	0	10	5 i	0	16	!	; 9 i	0	0	10	16	; > i e)) (61	0	0	0	0	0	0	16) : C	> :0	5 j G	0:6	; > 6	9 0
Σ	1	i			•	i			:	!			:	:		İ	į	÷			i	1			!	:	i		:		:						•	_		:	:_	i) (2) (3)
上												:					:																							910		<u>:</u>	010
					•	:				:			•	:		•	:								:					•													
9	1	9:0	S	9	16		ı 25	9	16	:	-	0	10	ا و <u>:</u>	0		:- :-	> ;	_			ı دد	<u>~</u>						ناد			_			-		-			-		<u>.</u>	
Ш					:	:				•		:	:	:						-		٠		i	•	:	:	į	:	:										<u>.</u>			
ပ		4.7	7	-	۲,	4.1	7	-	·	ı i	-	-	111	٠.	1	· –	-	-• •	-	:	411	rd : :	٦	. 	i : - -	116	ا ا ج	-110	7.	-1 :	-		٠ ٦	. 7	-			4	-1 • •	41.	•	417	-117
8		200	9640	5647	26.40	5:	6649	9650	1295	3	9652	5653		+000	6655	9599		1000	6658	0299	2:	999	6661	2999	6663		0 0	2000	9999	2999	8999	6999	6670	6671	6672	6673	74.00	1 1	0 0	00/0	7,00	010	96680
F	ŀ	2 10	<u>0</u>	2	Ö	910	<u>ق</u>	ğ	6	1:	<u>4</u>	5	116	91	<u> </u>	ig	116	2	53	. 6	911	55	26	2	-6	10	216	8::	. G	25	83	8	65	99	289	18	318	5 : c	۰ : د ۲ : ۲	2 ! P	2 6	2 : 5	210
4		9	8/8	0783	020	9	078	0784	970	5	9784	0784			0784	0785	1	0/0	078	2000	9	078	078	078	0795		9	8	8/8	978	078	978	078	078	078	20	210	910	9 0	910	9:0	9 6	97879
	313	0	041	648	2/0		020	129	657	3	653	654		200	656	557	0	000	629	250		99	1999	663	252		200	0000	700	9999	699	9,670	1/9	2/9	673	2/2	2/2/2	2012	2/2	7 7 00	0/0	000	5550 5581
L	Ľ	ᅄ	٥	9	Ľ	2	٥	9	איןי	P	9	۲	ľ	9	9	Ľ	<u> 1</u> 2	0	9	יוי	2	9	9	۳	2	<u> </u>	۲	יי	اد	9	Ψ	۳	9	۳	4	Ľ	ייי	יי	Ť,	2	יויי	۷٢	712

_	16				_	_																												
器	2360	:			: :			! !	:													:				:	:							:
8	1700	!	į	i			-	İ	•		:											:		i	:	:	:	<u>.</u>		!		. :		
H	ㅁ	!	:	<u>; </u>	;		:	<u>. </u>				:			-	:								÷	-		•	:	 			•	:	:
8	294	-	:	!	÷	_	:	!-		-		:	-	<u> </u>		_		_				- !			÷	<u>:</u>	•		-					\vdots
1	9		-	!	÷			<u>: </u>	-	:	<u>. </u>					-	_	-		:					÷	-	÷	<u>: </u>	<u>:</u>		_		:	\vdash
面	88		;		į		;	:	:		: !	:				:		i			:	:	:	:	:	!	İ	İ				:	:	
	8			:	:					-										:				·		:		 i	<u> </u>	:	-	:		
BE	M6027	ļ			:			: : :	:		i	:					:	•	•			:	:	٠	:	:			:	: ! ;		;	:	:
8			9	6	io	:0	0	0	10	0	· (O)	0	60	0	0	0	0	0	0	6	0	6	<u> </u>	010	9 6	10	10	10	10	0	0	010	010	0
ব	6	10	jo	-	10	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	910	916	10	0	! (5)	100	0	0:	010	0 0	0
AYB	0	0	ि	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	<u>oi</u>	<u>oi</u>	عاد	هام	0	10	0	0	01	<u>oio</u>	0 0	6
M	0	9	jo	0	0	<u>i 0</u>	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	0	i	0	0	0 0	916	9	0	10	6	0	01	010	910	10
F	7	1-4	ia	-	·-	, , ,		н	-	-	ਜ	-	П	-	-	٦,	++		-	ना	- i	 -	н,	नांन	110		 	-	-	-	41	ri r	ंत	17
A S	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0!	0	010	010	o i s	10	10	10	0	0	0	0 0	oio	ा
A	0	0	0	10	10	.0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	010	916	9:0	6	10	0	0	0	<u>©:</u>	010	10
A	0	9	1 ©	10	io	:0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	61	ा	01	011	916	216	0		9	0	0	0	010	010	10
A	0	0	i ©	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	0	2 6	व	10	9	0	0	0:	<u>oi</u> e	910	0
X	0	0	60	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	011	910	216	0	0	0	10	0	01	010	010	0
₹	_	1	•	<u>i</u>	i	<u>. </u>	Ι,		<u>. </u>			:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	o i o	216	ه اه	ंड	0	0	0	0	<u>oi</u> e	olo	0
₽¥	L	<u> </u>		i	<u>:</u>	10	:	:	:	:								. :			,	1	:		i.	i	;		: -	. :		010	-	
X	_		<u>: </u>		<u>. </u>		<u></u>	<u>. </u>	:			1						:		•				:_	. :	:		:	•	١.		010		
¥	_		<u>:</u>	<u>:</u>	:	•	1	<u>i</u>			:								;			٠,	į	•	i	:	!	i	;	: :		:		1
₹	L_		ı		<u>i</u>		i .	L			ì	į						:	!	ı i		- 1	į	i	÷	i	i	í	i	; ;		010	:	!
<u>></u>	L	<u>:</u>	<u>:</u>	:	:			<u>i </u>	:							•					:		_ ,		:	•	i		;			0 0	•	: 1
≥			:	<u>:</u>	٠		!	<u>: </u>	:	:		i			L;	i			·		!	i		:	i	٠.	•	;	!	, ,		<u> </u>		. !
12	_	·					:	<u>:</u>			•	•	<u> </u>		: :	:				;	i	i	_ ;		i	•	;			: :		<u> </u>	:	: 1
S	_	!		<u>i</u>	•		1	:		! !	! 	i	i				1			!		i	į	!	į			į.	!	1 :	:	<u> </u>	ł	: [
10	_		:	<u>. </u>	<u>:</u>			<u>. </u>	: .	<u>. </u>	_ :			1	L!				:	_ !	- 1	. !	i	:	i	i	:	٠				010	:	. (
		:	į	Ľ			:	į			1	1	į						. i	i		:	:	į	i	!	i	ŧ	!	:			ì	:
Σ	<u> </u>	:	:	:			1	:	!		i						. :			:	:	ı	:	!_	!	:		•	:	: ;		010	•	•
×	L			:				•				: !								_ :		_ :			:	:	•					0:0		.
	_				<u> </u>			<u> </u>	·			• •			!											!	:	i 	ď	. :		010		
9	0	.0	:0	.00	:0	:0	:	0	0	.0	0	0	0	0	0	0	0	<u>©</u>	0	9 1	0	© :	⊙ :	916	s 6	i <u>o</u>	0	9	10	9	0	010	010	10
Ш				:			<u> </u>												لـــــا						:	!		: :	<u>. </u>					
ပ	7	. —		. ~	! . ←		i -	-	· —				7		1	1		1	1	ਜ!	7	ਜ:	ਜ :	-1	4; -	ं ल		i 	<u>:</u> न	· 🕶 ·	۳.		∓ंत्न	2
-	81	82	33	34	32	36	37	00	ရွှေ	8	7	95		7	35			8:	6	8:	ਛ	2	8.3	3 1 ×	31,5	2	8	8	0	<u>=</u>	2:	<u> </u>		و
8																																06713		
⋖	37880	77881	37882	7883	7884	7885	77886	7887	7889	7890	7891	7892	7893	77894	7895	7896	7887	37898	37900	7901	7902	7903	7904	7905	7911	7912	7913	7915	7916	7917	7918	07919	7921	7922
	Ľ			:	:		. .					ا حت . ا					٠.	ا دی	ا دی.		ات	ا ت		_ ·	•		. S			. .	ω :	∵ :0	(0)	٠.٠
	28	83	84	85	86	87	88	89	90	91	35	93	94	95	96	97	98	66	8	5	020	8	96			80	60	0	E	2	12	<u>4</u> F	16	曰
	899	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	6694	99	99	99	99	99	67	29	0/9	5	≻ Γ	2/2	- [.▶	~	6	29	79	. 79	79	67	6
			.	•	٠-	_		لـــا	·								_					1			<u> </u>		1		<u> </u>	ت	تت	عت		لــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ

Name			101	-:					_															_
No. No.	æ		352	:							-				;									
No. No.	8		3457		-		:	:					:	:	:		•					:		
No. No.	F		1-1			1	:	, :			•		!	- 	:		•	•			:	:		
No. No.	ত		29					. :	_	-		:		;	-		:	;			:	:	:	\exists
A PACA A PACA	\Box	1	- 1 - 1	<u> </u>		+		:	+	-					-	-;	•	-		· ·		÷	<u> </u>	\vdash
No. No.	B		[6]	!			:	:			: ·		. :	:	: !			· -			,		<u>:</u>	
A A A A A A A A A A	BE		3852	: :	: ;	!	į			:	· :	,		:	:			:						
A A	O.	0.0.0.0.0.0.	100	9 69 6	2 0	0	<u> </u>	10	010	ه ا ه	101	010	10	0	0	010	910	8	0	0	011	010	10	0
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A		<u>ତାତ:ତାତାତାତା</u>	900	<u> </u>	<u> </u>	ना	<u> </u>	01	0:0	<u>.</u>	10	010	01	01	01	010	010	10	0	0	0	916	10	0
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	罗	N:00000	<u>च्</u> रात्व	9 0 0	0 0	0	<u> </u>	0	<u> </u>	910	101	<u> </u>	0	0	0	010	910	0	0	0	0	916	10	0
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	3	0.00000	900	واهاه	910	010	<u> </u>	0	010	010	101	00	0	0	0	010	0 0	10	0	0	01	0 0	0	0
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A		न संसास सन	-1	منجاه	01-		- 	· -	~ ;	- - 	न	नांन	-		-	۲.,	-	· -	-	-	<u> </u>	- i-	गन	౼
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A		010101010101	9 0	010:0	أهاه	0	9 0	0	010	010	101	010	10	010	<u>6</u>	010	0:0	10	0	0	0:	o i o	10	0
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	À	0.0000000	<u> </u>	91010	0:0	0:0	0.0	101	010	0:0	0	0.0	0	010	© i	010	910	10	0	0	011	0:0	10	0
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	Ò	0:000000	oioie	01010	910	010	0 0	0	0:0	010	101	0:0	10	010	0	010	010	10	0	0	01	o i s	10	ि
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	¥	0 0 0 0 0 0	وأهأه	91010	0	0	0:0	10	Oic	010	0	0 0	10	01	9	010	010	10	0	0	01	0 0	10	10
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	¥	0 0 0 0 0 0	9 0	واهاه	0	010	<u> </u>	6	oio	010	101	00	0	0	0	010	ole	0	0	0	01	o i o	de	0
A B B C C S S S S S S S S S S S S S S S S	A	0000000	0	9 0	0	010	0	0	oio	9 9	0	0	0	0	9	010	010	0	0	0	0	0 0	10	10
A B B C C S S S S S S S S S S S S S S S S	AG	000000	اهاه	9 0	0 0	010	0	اها	0	9 6	0	00	0	0	<u> </u>	<u>ा</u>	010	10	0	0	0	o i o	0	0
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	AE												•			:								0
A B C E G G G G G G G G G	V					ii_	i	1 :	:	i	: :	į	1 1	i	-			:	. 1		•		ŧ	1
A B C E G G G G G G G G G G G G G G G G G G			<u>i i </u>	į į		:	;			;		;	i i		:			:					•	: 1
A B C E G C	<u>></u>	<u> </u>	_!i	1 1		! :	i	1. :	!	;	, .	ļ	1	١,	:	•		!	. :			:	:	: 1
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	₹		1	1		i. !	;	· ;	:		. :	:	. :		;			,	: :	: :				1
A B C E G	1		1 !			<u> </u>		<u> </u>	Ĺ	_1_	. :	<u> </u>			_:			i .						:I
A B C E G K M O C C C C C C C C C	S			: :	i	· ·					. :	•		•	i	•		•			. :	•	:	
A B C E G	0		1 1	<u>: : : </u>		<u>. i</u>	<u>i</u>				:_:	ı	1		:		2	:	•					i . I
A B C E G G G G G G G G G G G G G G G G G G	0	<u> </u>		<u> </u>		:	_i_	·		:	: :		: :	: :	_;	:	:	;	Ĺ		;	:		. 1
A B C E G G G G G G G G G G G G G G G G G G	Σ																				01	0:0	10	.00
A B C E G 07923 06717 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	¥			91010	0:0					9 0					<u>©</u>	0:0	010				0	<u>oio</u>	110	0
A B C E 07923 06713 3 07925 06714 1 07926 06719 1 07937 06721 1 07938 06724 1 07939 06724 1 07937 06726 1 07938 06727 1 07939 06728 1 07937 06726 2 07938 06727 3 07939 06728 1 07937 06728 1 07939 06728 1 07940 06731 1 07941 06731 1 07942 06733 1 07953 06733 1 07954 06733 1 07955 06740 1 07956 06744 1 07956 06745 1 07966 06746 1		0:0:0:0:0	<u>ololo</u>	0:010	0:0	010	010	0	010	010	101	0 0	0	0	<u>o</u> i	010	010	10	0	0	0:	010	10	10
A B C 07923 06717 3 07923 06717 1 07924 06719 1 07932 06721 1 07933 06721 1 07934 06724 2 07935 06724 2 07936 06725 1 07937 06726 2 07938 06727 3 07939 06728 1 07936 06728 1 07937 06728 1 07938 06728 1 07944 06731 1 07945 06733 1 07946 06733 1 07957 06734 1 07958 06734 1 07959 06744 1 07966 06748 1 07967 06749 1 07966 06749 1 07967	9	0:0101010101	91010	01010	00	010	<u>ङाङ</u>	10	010	010	10	<u>oio</u>	10	01	0	0:0	910	10	0	0	0.	0:0	110	6
A B C O7923 O6717 O7923 O6717 O7923 O67119 O7922 O67119 O7932 O67129 O6722 O67129 O6723 O6723 O6723 O6723 O6723 O6723 O6723 O6733 O6723 O6723 O6724 O6733 O6724 O6723 O6724 O6723 O6724 O6723 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O7926 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6724 O6725 O6	E	:	: :									:		. :										
07923 07923 07923 07923 07923 07933 07934 07935 07955 07955 07956 07956 07956 07957 07958	ပ	m न न नःनःनः	H 701	H: 17:	<u>n∵=</u>	7	न∙न	· ল ·	₩.	٦٠ ج	• •		· ল	~ !·			न स	्न					ਜ਼	
07923 07923 07923 07923 07923 07933 07934 07935 07955 07955 07956 07956 07956 07957 07958	\vdash	N. 80: 6: € 1 N I	N. 411	nioir	-100	வை	<u>5 - ⊢</u>	. 2.	mis	4 · rv	:0:	N: 80	வ	011		۷٠٥	0 : 4	: 60	10	~	00.	<u>თ∶ c</u>	जन	-2
07923 07923 07923 07923 07923 07933 07934 07935 07955 07955 07956 07956 07956 07957 07958	8																							
500 200 200 200 200 200 200 200 200 200		<u>. </u>	; ;	•	: ;							•											:	
	П	222 232 233 233 233	127	2/20	290	30	32	33	34	36	37	398	40	41	47	43	45	46	47	48	49	<u> </u>	27	23
विविध्ये विषय विविध्ये विविध्ये विविध्ये विविध्ये विविध्ये विविध्ये विविध्य विविध्ये विषय विविध्य विविध्य विविध्य विषय विविध्य विविध्य विविध्य विविध्य विषय विषय विषय विषय विविध्य विविध्य विषय विषय विषय विषय विषय विषय विषय विष		00000	9	06/2	6	29	9	6	<u>/9</u>	9	<u>6</u>	<u> 2</u> 6	6	2	۵	<u>/</u> 9	<u>)</u>	6	2 9	29	6	عام	<u> 2</u>	6

				-					,	:	-										;		_		:			-			- :	75	S	-;	393			٦
Ж	_									: .	:-								:		:	-		:	1		•	:		į		6961			~			
<u>m</u>										:	:	:	:					:	:	:		:		į		:	:	!				6865	491		1995			
표		•		:	- †				i	:	;	:						!		:							:	;	:			1	-				•	1
ធ្ល					:				-	:	- ! -	:					Ī	Ī		:	-						:	:				96	195		283			1
띪	-		_	!	-					:	1	:	;			-			<u> </u>						_	•	-	:				6.9		_	5.1		Ī	1
	L	!	;	i	:					:	:		i				· 		<u>. </u>	· 			·					:	÷	_		<u></u>		:	<u></u>			4
삤		•			:								:				:	:		:	:					•			:			5168	891		488		:	
8	L			:					· 	<u>. </u>						<u> </u>		: :	:		: :						-					ž	13		M63			_
8	L				<u>.</u>				_							:	!		<u> </u>	<u>:</u>	: .					<u>.</u>	:					!			. :	<u> </u>	010	1
M	L				:		_									:	<u>:</u>	:	<u>. </u>	:								_:	_:								010	1
SALAWAYBAB	L			÷	_ !	:				!		i	:			<u> </u>	<u> </u>	!	<u> </u>	-						į	:										010	1
3	L	<u>.</u>		1	. !				<u>. </u>	:		:	_			<u> </u>	<u>:</u>	:		i							:	_	;	!			!				را رد د	_
롯		:	:	:	į			:			١.	i_	:		œ.	<u> </u>	<u>:</u>	<u>i</u>											<i>'</i> ;								<u> </u>	┚
IVI	L									:	. :																										016	┚
V											•	:					;																			<u> </u>	010	┛
Ž	L		•		i				-	:		•					<u>:</u>	<u> </u>			: :							:	;				:				010	╽
KAMA	6	100	16	i	; 	01	0	0	0	ie	s i c	8	0	0	0	0	0	0	: (S)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0:	<u> </u>	5
¥	6	16	16	i	<u>:</u> 9 i 6	<u>.</u>	0	0	: 0	10	<u> </u>	9	0	0	0	0	0	10	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	00	4
lo l	6	2016) i G	je	<u>s i</u>	ا ه	0	0	0	١٥	5 6	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	2
AH	G	210	16	1	اٰھ	0	0	10	10	6	s i e	ड्रां	6	0	0	0	0	0	0	io	10	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	9	0	0	0	<u> </u>	키
Ş	6	ی زه	16	710	<u>s</u>	<u>6</u>	0	0	0	10	910	5	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	7
\$	6	016	is	1	9	0	0	6	0	ic	وزو	s i	0	0	0	0	0	6	10	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	ठो	<u>o i o</u>	7
7	9	2010	ie	1	ا د	<u>ا</u> ی	0	0	9	ic	5 6	5	0	0	0	0	0	0	i 60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	<u>ां</u>	7
紊	G	916	16	> ! C	<u>ا د</u>	© i	0	0	0	10	9 0	9	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	1
Э	G	o i G	9 ! 6	5 : 0	10	0	0	100	0	i c	s e	i e	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	5
S	G	16	10	10	آ د !	0	0	0	10	10	916	91	0	Ø	0	10	0	0	100	0	6	100	100	i 69	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	<u>© c</u>	3
0	L	•	<u>:</u>	;		:			!	1	:	:			<u></u>	L	<u>:</u>	!	:	:	:		:		<u> </u>			_	_		:	<u>. </u>		<u> </u>			0:0	╛
0	G	:	916	1	9	9	0		9	ie	ופ	ا د و !	0	0	0	0	0	10	10	9	: :	0		: 0	9	9	0	9	0	0	9	0	0	0	.0	0	010	'
Σ	9	PIG	16	910	9	0	0	0	0	19	9 (<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ا 0	© !6	7
모	G	2 إ) G) i	9	9	0	0	0	9	9	9	0	0	0	0	0	0	6	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	1
日	Ġ	016); 6	10	9 i	0	0	0	0	Id	910	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	016	آ
9	s	2:0) i G	510	S :	0	0	0	0	ic	s į	<u>si</u>	0	0	0	:0	60	0	0	0	0	0	0	Ø	6	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	7
ш		:	-						:						,		:			:											:		:					1
	٦	1.	41+	4:4	-1 ·	٦,		ਜ	ī	:	ai,	٦į	ਜ	-	<u></u>	-	<u>, -</u>	ਜ	·	, —	-	-	H		ਜ	4	٦,	급	ਜ	ਜ	2	7	~	ਜ	7			1
ပ					:				;	:		•			:		; !		:	:	•	<u>.</u>				:	:	:										
	2,2	7.4	7	3 :	8	757	758	759	189	704	d :	792	763	8	765	766	767	768	269	770	06771	772	773	774	775	276	777	778	779	780	781	782	783	784	785	786	06787	3
1 1					:					•					•									•	•							:	: '	•				- 1
П	2	1.4	7.7	7 : 1	2	976	977	981	986	100	0:0	988	686	980	991	992	994	995	997	998	666	8	991	895	803	8	8	98	200	800	8	010	011	912	013	914	98915	3
۷	٤	5 6	Š) i	9	6	6	6	. 6	Ē	ن انو	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	8	80	8	8	8	8	8	8	8	(Ø	8	8	8	80	8	0 0	3
Н	4	-]	د اد	下		ω	6	О	F	F	J.	<u>.</u>	4	25	9	F	<u></u>	6	0	—	7	m	4	2	9		<u>∞</u>	ഖ	o		7	m	4	2	9	N	ωb	╣
	۲	K	*	-1	-1	1	1	~	~		-1	~]	\	~	_	~	<u> </u>	169	▶	17	11	1	11	11	11	11	1	~	1.8	78	78	7	~	~	7	8/	8	2
ш	۴	۲) to	1	약	9	9	9	9	1	P	인	9	9	9	9	10	9	9	9	9	9	9	9	9	9	9	9	9	9	9	9	Ю	9	9	9	ok	灲

ABC BE BF BG BH BI E B B B BI B B BI B B BI B B BI B BI B BI B BI BI		_																	_			_											
Name	뽔	852							:		3455	:	:									369			ļ	1684	4/8/		-			2312	
Name	8	236									3344	:	:	:				: 6	Ψ.		:	172			1	1019	50.		;		-:-	2087	
A B C E E G I K M O O S U W YAAACMIAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	HE	1	١							•	ਜ:	:	:	:	٠			16	32			<u>.</u>			- !	नाः	a -					•स	
A MANACARAS ALAKAN		90	:	-	_		-			:	17	:						10	<u> </u>		;	43			-	mi	<u>6</u> .	<u> </u>		-		57	
N		7 3	. :		_ <u>:</u>		.	<u> </u>		_		-	-:				-:	: 1	<u> </u>				<u></u>	:				- :			÷	<u>. – – </u>	:
No. No.	8	92.			:		:	:		- 1	8	: :					:	ļ	86 86		!	8	i : :		!	<u> </u>		:	:	<u> </u>	,	186	;
No. No.	BE	8407	: .				•			;	5024		;				٠	10	4199		:	5	:			3625	2439		;			6849	!
A A AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	0	2		01	oi o	010	:	101	01	6	<u>×</u>	6	6	<u>.</u>	<u>0</u> 1	01	010	9 6	<u>8</u>	210	10	2	01	01		<u>Σ¦:</u>	<u>말</u> :	91	01	011	0:0	. Σ	010
Name	9	L			:				:		:	i			_:				:	:			:		:	·							1
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	ımı	L					<u>.</u>	<u>. </u>				:							_:	_:	<u>:</u>				:		•				:		
A A	Ž	L			•		;	: .			:	:	:							•													
A A	ব		<u>.!</u>	_ :	<u>:</u>		<u>:</u>		174		:	!								1					_ :		_:	·	:	<u> </u>			-:
A A A A C A B A A C A B A A C A B A A C A B A A C A B A A C A B A A C A B A C	Σ							į.			3		_ ;				•					:	·		٠.	i	:		:				
A PAPA A PAPA<	₹ S	L		_ :	·					:	i	:	!							•		:			. :		•			:		· .	
A B C E G	¥	Ш						!	:		•		,	:													<u> </u>						
A B B C E G C F F F F F F F F F F F F F F F F F F	M		·					ŧ.,	. ,				,			٠			:		•	:	;			:		;					
A B C E G C S S S S S S S S S S S S S S S S S S	₹	G	10	o i	o i	010	910	0	0	01	آھ :	0	0	0	01	0	01	010	© [(sic ,	0	0	0	0	6	0	0	0 i	0 I	⊙ ī	<u>⊚;</u> e	010	00
A B C	X	6	10	0	0	0 0	910	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60:1	910	0	210	0	0	0	0	©	0	<u> </u>	S I	0	0	010	0	0.0
A B C	F	G	101	0	0	<u>o i o</u>	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	010	<u>oi</u>	9 6	10	0	0	©	0	0	0	<u>o</u> i	0	0	Ø i d	0	0.0
A B C	A	G	oioi	0	© 1	010	0	0	Ø	<u>o</u> i	0	0	0	0	01	01	<u> </u>	011	010	<u> </u>	010	0	0	0	0	0	<u>o</u>	<u> </u>	0	<u> </u>	010	9	00
A	A	ட	·									:												:									
A A B C E C	C	S	100	© :	0 i	0 0	9169	10	(0)	<u> </u>	0	0	0	0	0	691	<u>010</u>	0 1	<u>0:</u>	<u> </u>	10	i ©	10	0	01	0	<u>o i</u>	0	<u>o:</u>	6 9:	010	9!0	00
A A B C E C C C C C C C C		S	10	0	0	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	i o	0	0	0	0	0	0	01	0	0	010	0 0	00
A B C E G − K		S	10	0	0	010	9	10	0	0	0	0	0	0	0	0	oi.	0	<u>ा</u>	<u> </u>	olo	10	0	0	<u>ं</u>	0	0	<u> </u>	ठा	0	010	010	00
A B C E G C	3	6	010	0	0	010	ه إه	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	916	वंद	6	0	0	ं ठ	0	0	ां	0	0	010	010	00
A B C E G N O	5	8	0:0	0	<u>ं</u>	o io	0	0	ा	0	0	0	0	0	0	0	0	0	oi.	<u> </u>	9	0	10	0	0	0	0	0:	0	0:	910	0.0	00
A B C E G - M M M M M M M M M M M M M M M M M M	S	8	0.0	0	<u>ां</u>	010	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i c	0	0	0	0	0	0	0:	<u>0 j</u>	0	0	0:0	910	00
A B C E G - K M O O O O O O O O O O O O O O O O O O	\vdash	6	10	0	91	010	9 6	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	0 0	10	10	0	0	0	91	<u>:</u>	허	0	0	<u> </u>	9 0	00
88913 065795 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	-	6	010	0	0	0:0	8 i 6	0	10	0	0	0	0	0	0	01	01	0:	<u> </u>	0 0	910	10	10	. 01	ढ ां	0	91	: 	0	01	010	010	010
A B C E G K 08917 06789 1 06790 <	Н	6	0 0	0	0	<u>.</u>	1 0	0	10	9	8	0	0	0	0		0	; ;	; (10)	<u> </u>	916	10	100	i .		9:	0:	6	0	91	9:0	0.0	0 0
A B C E G L F C E G L F C E G L F C E G L F C E G L E	2	L		:	;		<u>i</u>	•							!	<u>'</u>			- 1	<u>.</u>	<u>:</u>	!	:	' :	;					;			٠
A B C E G 08917 06739 3 6 6 08918 06739 1 6 6 08921 06731 1 6 6 08022 06734 1 6 6 08022 06734 1 6 6 08022 06734 1 6 6 08022 06734 1 6 6 08025 06736 1 6 6 08026 06736 1 6 6 08027 06739 1 6 6 08026 06739 1 6 6 08027 06739 2 6 6 08026 06739 1 6 6 08027 06799 2 6 6 08031 06680 1 6 6 08032 06680 1 6	×	L		:	:		•		: '	:									_ [1	:	:	:	· :			•	'	_	·		i	·
A B C E 08017 06789 3 08018 06790 3 08018 06791 1 08021 06791 1 08021 06792 1 08021 06793 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06794 1 08022 06804 1 08022 06804 1 08033 06805 1 08034 06806 1 08035 06806 1 08044 06816 1 08044 06816 1	-	١°	010	0	© !	010	ه اه	0	©	0	0			0	0	0:	0	Ø 1	© 1	916	916	10	10	. 63	0	© 1	© !	© ;	O ا	O !	010	910	0:0
A B C 089017 06789 3 08018 06790 1 08029 06790 1 08021 06791 1 08022 06791 1 08023 06795 1 08024 06796 1 08025 06796 1 08026 06796 1 08027 06799 2 08028 06796 1 08027 06796 1 08028 06796 1 08029 06796 1 08031 06796 1 08032 06796 1 08033 06804 1 08034 06806 1 08035 06806 1 08036 06810 1 08046 06811 1 08046 06816 1 08046 06816 1 08046	ß	G	0 0	0	Øi	0.0	<u>o</u> i	0	101	0	0	0	0	0	0	0	01	0:	<u>ः</u>	0	910	i o	10	101	0	9	Ø!	6	0	© 1	Ø i c	0 0	0 0
A B C C 6889 68801 66802 68801 66802 68802 68802 68792 68802 68802 68792 68802 68802 68802 68802 68802 68803	П	T		:			:			. :								_		_	:	:	:	-		:		•					
A B 08017 08789 08018 06790 08019 06791 08020 06792 08021 06794 08022 06794 08023 06794 08024 06796 08025 06797 08026 06796 08027 06796 08026 06796 08027 06796 08027 06796 08027 06796 08027 06796 08027 06796 08039 06801 08031 06802 08033 06803 08034 06804 08035 06806 08034 06810 08044 06811 08044 06814 08044 06814 08046 06816 08047 06818 08050 06820 08052 06822 08052		7	गल	· 🕶 :	, , , ;		न्त		2		7	-	-	7	-	-	н.	-	~	-11	4	ارم		<u>.</u>	-1 :	m !	.	7	ਜ	٦.	н.	117	नःस
A	၁				:		:							:	· -					•		:			:							<u>.</u>	
A	8	2780	5790	6791	26/9	6793	5795	5796	5797	6798	5799	5800	5801	5802	5803	5804	6805	9889	5807	8089	5810	5811	5812	5813	6814	6815	6816	6817	6818	6819	6820	5822	6823 5824
	_	1																															•
	اسرا	2	3018	8015	8026	8021	3023	3024	8025	892(802,	3028	3025	3936	303	803	803	803	803	803	80.00	8046	804	804	804	408	804	804	804,	804	804	8051	805. 305
6797 6797 6797 6797 6807 6807 6807 6817 6817 6817 6817 6817 6817 6817 681		٩	9 i Ø	(6)	Øi	Ø:0	910	10	100	Ö	Ö	Ö	100	Ö	10	100	Θĺ	Ø i	ØÍ	o į č	916	ા દ ્ર :	; ©	100	o i	Øį	© !	⊙ i	Ø	0	Ø:0	20162	(Ø (Ø
00000000000000000000000000000000000000		b	-	2	mi	<u>4 r</u>	200	K	ω	6	0	—	2	m	4	2	اف	$\overline{}$	∞ k	אוכ	┰	<u>-</u>	m	4	احا	او	$\overline{}$	∞l	ച	o!	<u>-</u> [310	47
		p	32	6	2	6		13	6	79	80	80	8	8	8	80		8	8	S c	2 60	8	8	81	<u>~</u>	8	8	$\overline{\omega}$	8	82	82	82	828
	<u> </u>	K	90	9	ဖ	ωu	9	9	9	9	9	9	9	Ó	9	9	9	9	9	ρþ	ماد	10	10	9	9	9	او	ام	9	ဖ	9	صاه	юю

쑮	_		345	_	:		;		<u> </u>		-	1835				;	<u> </u>		:		:	-							•	-	•	-				11	793	7
			39		:	:	•	:	:			1462 1			_	-	: :	.	- ; -		<u>:</u>	-	- -			-	-			-	:					<u>:</u> 	8	\dashv
8		:	:=	!	<u>!</u>	·	<u>:</u>	:		:	_	14				<u> </u>	!	:	j.			_ ;	- !	:	_			÷		_:	-	:	_:	<u>:</u>	_;	-	=	4
ВН		:	. .	:	<u>:</u>		:								:	;	:		:	-						<u>:</u>	•		·						- 1	_	_	╛
86		•	207		:				ż	:	1	103					į					i		!	į	;						:			!		250	
BF.	_	_	S	_	1			i	:	-		3.2					;	•	•	:		-	:			-	:		;	:	!	:				!	4	٦
8		!	6	İ	!	:	:	i	_ [į	93	l i			:	i	•	:	:	!	 	;	į					:		- !	_ !				_	<u>თ</u> :	
1		:	83	:	:			:	•			36	i		:	:	:	1				- !	:	-						:				•		į	425	1
BE		•	134	!				:	:	:		M10036				:	!	•	;	i	į	;			:	:	į		:	:	į	:				i	Ü	1
ပ္က	0	ie	:0	ie	0	10	16	5 i	0	0	0	0	0	0	0	10	is	<u> </u>	9 0	9 !	0	0	9	0	0	0	0	0	<u>ा</u>	<u></u>	ન!	0	0	01	0	ा	ଚା	힉
A	0		0	10	io	is	010	9	6	0	0	0		0	0	10	16	9 ! 0	510	5	0	0	0	0	0	0	6	0	0	o i	ठ	ठ	0	0	0	0	اہ	히
AYBABC	0	0	m	io	10	ie	10	नं	0	0	0	0	6	0	0	0	10	9 j d	9 (9 i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	6	히
N.	1	12	!	:	 	i lie	11.	4	-	~	П	-		_	0		<u>:</u>	4 · •	4;	.	<u>:</u> ਜਾ	7	-	н	-	,	-1	-1		-	_	_	~	ਜ:	+	- i	न	ᆔ
5	0	10	:	6	-	: : i	10	<u>!</u>	6	0	0	0	0	0	10	!	10		910	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	ଚ
AGASAUAW	0	0	10	10	10	: 6		! e	0	0	0	0	0	<u>:</u>	10		· • į e	3 : 6	o i e	91	0	0	0	0	0	0	<u>o:</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
₽ O	0	; i	! 69	is	1 6	oie		<u>;</u>	6	0	0	. O	0	10		: S	10	9,0	: 510	0 1	न	0	0	0	0	0	01	0	601	0	0	0	Ó	0	6	6	0	0
Q		•		<u>:</u> _	<u>i. </u>	•		. :	<u> i</u>		<u>:</u>	!			:		٠.		i_							0		. :	:	;					;	-:		_
M	0	16	. 6	16	9		3 i c	91	6	0	0		: 	60	is	i	oic	3 ; 6	910	61	<u>.</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AKAMA		<u>i</u>	1	Ĺ	1	1_	!	_ !	i	i	0	<u>L</u>	<u>Ĺ</u>	<u></u>	1	Ĺ.	_i_	٠	ļ	i	i					0			<u>i</u>							<u></u> i	_	
4	ı	:	i	i	•	į	i	- 1	į	į	1	i	i	į	[i	,		i	!					ļ	0			i		L.					_!		
A	I		_i	i .	!	1		- 1		Ĺ.,	•		1	L	<u>: </u>	1_		- :	i_	1					<u> </u>	0			_				<u>. </u>			_	_	
AEAG	Ш	1	i	<u>:</u>	:	i	!				:	1	1	<u>i </u>	!	:	1	1	- !						!	0			:		!	<u>. </u>	<u> </u>					
성	L.,		•		:	_:_	٠.			1	:	i	!	<u>i </u>	•	i	- 1	٠.	:_					:	<u>:</u>	0							·	:			_	
A A	l	i	:	ŧ	•		ì	i	i	i	:	•		!	1	:	i	•	;	:	- 1		:) i	Ì.	0		_ :	:		!	<u>:</u>						Ш
₹	l	i	ï	•	į	:	i	•			:	i	ł	i	1	1	i		_ į	!			1	í	Ł.,	0	!	::			<u>. </u>	!	i			ш		Ш
_		;	:	1	:	:	1	:		1	i _	1	į	1	!	÷	:		;	:			į	i .	<u>!</u>	0					1	<u> </u>		•				
≥	ł	:	İ	İ	İ	;	-	:		1	1.	1	İ	ĺ	1	1	į		ĺ			i	i_	<u></u>	<u>!</u>	<u>i :</u>					<u>: </u>	<u>i</u> _	_		:			1
2	1		i	ı	į	į	1	;		١.	į	i	1	1	İ	i	1	į	. 1	1	<u> </u>	I	i	1	<u> </u>	0		L'	:		<u>. </u>		<u>:</u>					
S	ł	i	i	1	i	i	i			ł	i	:	į .	i	i	1	į	i	- 1	•		!	:	i	į	0	:		. :		1	1	:	!	ì	i		iI
0	1		:	:	÷	i	- 1			1			į.	ļ	1		- 1	:	i	_ 1		1	!	L.	1	100	1			•	:	<u>: </u>	<u> </u>	<u>. </u>	<u>:</u>	1 '		
0	9	10	: 6	,) 	916	91	0	0	6	0	10	10	9	10) 	910	۱ و	9	0	(O)	0	0	100	.0	0	0	6	0	0	10	9	100		0	0	0	
Σ	0	2 0	916	i	٥١٥	<u> </u>	۱۰ :	0	0	0	10	160	10	10	16	oi e	١	S	<u>60</u> i	0	0	0	0	0	1 0	0	0	0	0	0	[69 	0	0	0	: ©	0 	0	0
Y	0	916	o i d	9 6		910	91	0	0	0	0		16	ie	10	o i c	o i e	91	0	0	60	0	60	0	9	0	6	0	0	0		0	0	0	0	9	0	0
	6	10	. 6	o į c	9 6	9 : 0	91	0	0	0	io	6	je	عإد	ļe	9	9 0	9	0	0	6	0	0	10	10	0	0	0	0	0	10	i 69	9	: 60	0	0	0	0
9	6	:	· ·	910	10	; 510	5	0	. 0	6	10	16	is	6		<u> </u>	910	91	0	0	0	0	10	10	10	10	10	0	0		10	<u>;</u>	10	10	10	10	0	0
	╁	:	_	-	÷	- -	-	_	<u> </u>	H	<u>!</u>	-	i	†	-	÷	- :		_;		,	L	-	-	-	+	-	:		:	:	-	:		:	-	-	:-
F	Ļ	111	- : <	<u>;</u> Fie	11+	.	<u>:</u> 대,	_		<u>.</u>	· 	!	; ; ; , ,	11-	lio	1					: :न		<u>:</u> - स	!	: : 	<u>;</u>	<u>:</u>	• •	-	-	. 7	 	<u>:</u>	<u>:</u> : ←	<u>.</u> . स	<u>:</u>	न	
ပ					!		:				:	:	:		:	:					:				<u>:</u>	<u>.</u>					į	į	:			:		:
8	06875	2000	00000	77000	07000	67000	06830	06831	96832	06833	06834	25830	96836	96837	100		0000	06840	06841	96842	06843	06844	96845	06846	96847	96848	96849	96850	96851	96852	06853	96854	96855	96856	96857	96858	96859	96860
\vdash																										8028												
4	080	3:0	o : 0	ა: მ	5 i 6	8	8	986	986	: 8	86	8	386	3 8	iè	910	Ö	80	80	త 6	8	: 86 :	80	180	180	8	: 80	8	8	: 8	:8 :	8	8	: 86 :	•	!	ŧ	
	4	1	- o	<u> </u>	n c	٠	=	N	3	4	F	2	1	E	0		<u></u>	=	2	13	4	5	9	L	80	6	ŏ	<u></u>	2	33	Ž	5.	9		δ	δ	30	E
	8	į þ	S P	5 6 7 6	Šβ	ŎĘ	ğ	8	383	8	6835	E	E		6	o le	ò	နှ	28	384	384	384	6846	384	387	6849	38.	381	3	381	8	38	381	6857	6858	53	58	6861
<u> </u>	μ	۷۲	ام د	7	νŅ	2	9	9	<u> </u>	100	عار	Ľ	Έ	16	<u>'Ľ</u>	1		ا ۲	2	7	2	۳	7	~	72	٣	۳	٣	٣	٣	7	۳	~	۳	٣	~	۳	

·														_																				
Ж	1821	• :	•			•	:			:				1746	! .	. ;	,					1360		i	:		-		4403	,				•
8	1597		:		:		:							1582			:			:		1197			:				4183			:	•	i
H	ांस !						:							ਜ						 ;		гI				_			ਜ		-		i	:
8	225	T	-			-		-:				_		165			-					99		i	_	;			21			1	:	-;-
٣	8		÷					;	_					100			-			- :	:	8	<u> </u>	:	· ;				5 22		-		-:	
8	<u> </u>	: ;					:	:			:		· !	ä	! ;						i	95			:	:		;	g					
BE	3627	1		•	;		:	:						695								503			ļ				482		•	:	• •	:
	[] [! ;	1		:		:	_	_					8					_		·	×			j	:			48 0			. :	:	<u> </u>
BG	0	: :	للب		•	i_	:	:	٠											1	:		!			- 1				,			:	
ВА	010	101	91	010	910	911	O !	91	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	01	0	9	0	0	٦.	0	9	0	0	0	0	0	© !	0	0:0
AYB,	0 0	0	0	0	Sig	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	0	00
AM	T	اجا	ਜ <u>਼</u>	य ः :	4	Πį.	-	7	-	-	7	7	П	7	-	П	н,	4	٠.	ਜ		m	-			m	н	-	7	2	H	7	-	न्न
M	0	101	<u> </u>	o i c	916	6 16	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	00
AS	0 0	101	<u> </u>	0:0	910	S) (<u>ම</u> :	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6 0 i	01	0	6	0	0	<u>ां</u>	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	00
Ad	00					•	:																		:			. :						
Ad	00	0	01	010	o i c	s i	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u>o</u> i	00
AM	<u>©</u>	101	0	0	s i c	او	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	601	0	0	0	0	0:	0	ठा	00
AK	00	0	<u>ा</u>	0	Sic	ा	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ा</u>	ত্ত্
P	00	0	0	<u>्र</u>	9	0	ां	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	00
BAG	00	0	0	oio	9 0	<u>ब्</u>	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	<u>ाठ</u>
A	Ø Ø	0	0	oio	sic	डो	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u>o j o</u>
AC	0 0	0	0	010	sic	او	© i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	00
\$	00	10	0	010	١١٥	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	6	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	0	न	<u> </u>
Y	00	10	0	0 0	S) (9	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	0	0	00
3	00	6	<u>o</u>	010	9	اه	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	00
1	0 0	0	0	0 0	اد	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u> </u>	00
S	00	101	0	0	9 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	00
0	00	101	0	0	= 	 	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	6	0	0	نو	0	0	0	0	إ	0	0	9	0	0	0	0	91	00
6	:_	<u>i :</u>				•	i			. :					ì	•	i	,		. 1	! !		! !	٠,		- 3		i		1	ı	- 1	t	00
H		1 1		!_	ļ		. !			: 1				i						ļ					1	- (:				i	•	00
Σ		<u>: :</u>	:		1																	<u>. </u>						1				• ‡	1	•
X		<u>: :</u>		:_	_ :_	_ :	:						'	·	:										!	1		!					į	o io
	010	0	ا ت	916	S) (91	ا ت	60	0	0	0	0	0	:0	0	0	9	0	0	0:	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	9	010
9	0:0	:0	01	010	s i e	Ø i	0	0	0	0	0	0	0	.0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0:0
ш			!	•			•			: •					:			:	:					:	:		;	•					:	
၁	ਜ ਜ :	· 1	ਜ:	.	→114			त्न	-	.ਜ	=	7	-	7	=	-	П	п.	ਜ <u>਼</u>		-1	m	-	7	7	m	-	.	П	'n	नः	7	ਜ :	ਜਾਜ
	362		Ž:	9:0	8:1	29	89	6	20	7	22	73	7	73	92	7	78	2	8	81	82	83	84	8	86	87	80	8	8	5	6	8:	8	96.95
8	96861 96862	90	ğ.	ğ i	Š	9	8	90	90	98	96	96	96	8	9	8	ğ	98	8	8	90	8	8	8	8	ğ	8	ğ	8	96	8	8	8	868
٧	80 80	8	86	8 8	8 6	8	8	86	087	081	88	88	981	8	8	981	087	081	081	981	081	081	8	081	8	081	081	981	081	081	081	081	8	08126 08127
\vdash	NE.	 	Λŀ	<u>ام</u>	_h	ا <u>م</u>	<u>س</u>	 	: 		3	+					<u>.</u>	$\overline{\Box}$: انہ	~	[#]	<u>.</u>	101		<u>~</u>	6			~1	~	, +		0
	6862 6863	86	96	S P		ۆۋ ئۇ	86	87	28	87.	37	1/8	87.	2	37.	87	87	386	88	8	88	88	38.	88	8	386	38	39(.68	39.	39:	36	3	395
	ဖြစ	Ø	ام	ŏÑ	οľ	ŏ	٥	ŏ	ó	ŏ	õ	ğ	õ	õ	õ	ø	ğ	ŏ	ŏ	ŏ	ŏ	ũ	õ	ŏ	õ	ğ	ğ	õ	<u> </u>	<u>õ</u>	ĕ	ğ	ŏ	ဩစိ

<u></u>	<u> </u>	<u> </u>		717.
黑		2969		4107 609
8		2021		1454 4016 513
H		-		1 1 661
BG	i	00		68 68 77 77 77 77 77 77 77 77 77 77 77 77 77
监		98.9		VIN 4
-		++		101101
BE		7500		9303
ပ္ထ	01010101010	<u> </u>		
BAB	ତାତାତାତାତା	000000	000000	0:0101010101010101010101010101010101010
F	0000000	00000	0100000	0000000000000000000
A	न न न न न न	न्यन्न न न	निस्नानाना	र्वातानानानानानानानानानानानानानानानानानाना
A			1 1 1	
dAS			<u> </u>	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
				ବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବା
MAG				
KAM			1 1 1 1 1 1 1	
V			1 1 1 1 1 1	000000000000000000000000000000000000000
Aq,				0000000000000000000
A				0000000000000000000000
AC	<u> </u>		1 1 1 1 1 1	000000000000000000000000000000000000000
A		i i i ! i	1 ! ! ! ! ! !	1010101010101010101010101010
<u>\</u>				
M		<u> </u>		
SIL			1 1	101010101010101010101010101010
0				10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0				000000000000000000000
Σ			000000	000000000000000000000
$\overline{\mathbf{A}}$	0.0101010			000000000000000000000000000000000000000
	010101010		000000	0101010101010101010101010
<u>o</u>	01010101010	01010.0.0	000000	0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0
ш	:			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
၁	न न न न न	awiala ala	। लेलान्त्रत्त्त्त्तः	:N·ਰ·ਰ·ਰ·ਰ·ਰ·ਰ·ਰ·ਨ·ਰ·ਰ·ਨ·ਰ·ਰ·ਰ·ਰ·ਨ·ਰ·ਰ
	.	m1+1+2+2+2+2		
8	96895 96996 96997 96997 96997	8698 8698 8698 8698 8698 8698 8698 8698	96996 96916 96911 96913 96914	96915 96916 96917 96919 96929 96923 96925 96925 96926 96927 96928 96928 96938
۷	08128 08129 08130 08131 08131 08132	88 88 88 88 88 88 88 88 88 88 88 88 88	081 081 081 081	08146 08148 08149 08150 08151 08155 08155 08158 08158 08160 08160 08160
П	000	00000	1543210	6916 6917 6917 69219 6922 6922 6922 6932 6933 6933 6933
	8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	90000000000000000000000000000000000000	6999999 699999999999999999999999999999	
				· .

	ļ-	-	_	_	_		_		•	_				_		_	_	_			1	9					_					;			٠.,	<u>n</u>	_		5				ত্রা
器	950	200									:					:					:	1596										:				1893			195			- 1	128
<u>B</u>	25.00	2007	:									_		_	;	:					:	938						:		•		:		:	10	88/		;	1905	:))	20
H	F	-	- ;	_	-		_	÷			i				÷	i		_		- -	-	7	_	:			-			-		1		ī	i,	ا :		-	Ħ	:		•	ᅱ
BGE	Ę	ŝ	•		 :			: :		: ;	1	<u>.</u>	_		<u>:</u>	-					Ī	66			<u> </u>	:			<u> </u>			<u>.</u>			11	7 02	·	-	21			ļ	38
	•	- -		_	_	-				-	;.	<u> </u>				:			:	Ť		٥.	_		-		:				:	i		-	!!	7:	:		7.			7	8
18	à	<u>,</u>	:					•		:	•				:			:	:		1	8	:					-	_		_	:		:	-:	<u></u>			92	:	•	_	
BE	9	4									:										į	3558	:					:	:			•				4194			4509			1	8968
	Ė	E	·	_	_				_		:	0.1	_		:		_	6				<u>8</u>	-		-	91	_	0					<u> </u>	5 i c	1	¥	-	0	9	0	0!	0	딂
BC	l	•			•						٠					:		:		•	:						:		:	1	:	i			_ :								
BA	ı					٠						:			1					:			:	•									:					_			01		
AY	ľ	9 H	201	<u> </u>				:		<u>.</u>		_ :			•	ا رو ا	<u>~</u>	_	:	۱۱ و با	91	0	-	.10		۱ رو ا	01	0					-ic	ب رو 	ا بد ــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	ا دی	ا ت 				01		٦
AM	ľ	100		_						į	•	- ·			:	-	7	-		11	m :	_	-		4 ; 6	7 !	 1		-		-	!	116	-1:1	7!			_		_		~ :	
A	ı										;			1	· 			:												:			:								0		_
AS	ľ	D : 6	9:	0	S	10	9 i	0	0	10	! 6	9	Ø	: 0	9	0	0	0	. 6		Ø:	0	10	i G	9:0	SP !	© :	0	. 0	: 6			> i e	911	۱e	0		0	0	0	01	0	٩
R	Ł		٠.	_	_						:	<u> </u>				Ξ.	0	:				0	10	: 6	9:0		<u>o</u> :		<u>. </u>				- :								0		
B	ľ	S : 6	(O)	0	IG	10	9	0	0		١٥	91	0	10	9	0	0	0	ic	9 !	0	0	10	0	910 :	s :	0	0	.00	i cs	10		916	911	ا وي :	01	0		0	0	0	9	8
AMAG	ľ	S) 1 (9	0	ī G	O I C	91	0	0	ie	<u> </u>	<u>60 i</u>	0	10	91	0	0	0	i	9	0	0	0	: 6	910	9	0	0	0	10	:	i c	910	<u>9 (</u>	9 i	0	0	0	0	0	0	0	0
AK	ľ	91	0	0	is	010	9 i	0	0	1	5	<u></u>	0	10	5	0	0	6	i e	ا د	0	0	0	ie	او	9	0	0	0	165	i 6	١	۶ i و	9 (91	0	0	0	0	0	0	0	0
7	ţ	91	0	0	S	o i c	9:	0	0	10	3	0	0	: 0	او	0	0	6	ic	91	0	0	0	: 0	او	0	0	0	0	16	is	510	s i c	91	9:	0	0	0	0	0	0	0	0
A	ľ	9 1	0	0	S	016	9:	0	0	0	1	0	0		9	0	0	6	<u>ا د</u>	S	0	0	10	. 0	9:0	9	0	0	0	: 6	10	o i e	9 j c	910	0	0	0	0	:0	0	6	0	0
AEAG	1	91																								:			·												0]
AC	ľ	9:	0	0	i G	3 : 0	9:	0	0	10	آ و :	0	0	110	آ :	0	0	3	10	ŠÌ.	0	0	10	,	ادی ;	9	0	0	0	: S) ! (10	יופ		ا دی	0	: •	1 © :	: O	0	1001	0	0
AA	ľ	<u>o</u> i	0	0	10	o i c	9	0	6	ie	اَد	0	6) : (اد ا	0	0	16	1	اد	0	0	16		9	0	0	0	: G	ĪĠ	9 ! 6	اد	910	o i	ا و :	0	0	0	0	0	0	0	0
>	1	9	0	0	16	910	0	Ö	S	ile	9	0	0	1	डां	0	0	S	olo	; 0	0	0	6	1	5	<u>o</u> i	0	0	0	S	o j e	oic	<u>910</u>	S	<u>o</u> i	0	0	0	.0	0	0	0	0
3	1	Ø.	0	0	ie	o i c	9:	0	10	ic	أو	0	S	• •	9	0	0	6	ì	آھ	0	0	S	o į c	201	<u>o</u> i	0	0	10	16	010	5 1 0	او	0	0 i	0	0	0	0	0	0	0	ा ज
5	1	0	0	0	10	911	0	0	10	i	9	0	16	. (<u>o</u> i	0	10	is	<u> </u>	9	0	0	is	910	9	0	0	0	0	: 6	010	ole	o i	0	0	0	0	:0	10	Ġ	0	0	0
S	1	0	0	0		5 : 6	0	0	İG	i	s ;	0	G	: 0	0	0	6	is	1	\$	0	0	10	9 ! 6	0	0	0	6	0	. 6	0 0	sie	9 !	9	0	0	0	0	:0	0	0	0	0
6	7	0:	0	0		3.	0	0	S) : C	<u>.</u>	0	0	. (0	0	0	is	<u> </u>	5	0	0	is) (<u>s:</u>	0	0	:0	6	6	· 6	9 ; 0	<u>s :</u>	9	0	0	0	0	0	:0	0	0	10
0	1	0	0	0	10	9	0	0	10	i	S	0	G	> 1 (0	0	10	is	7	S	0	0	16	910	9	0	0	0	.0	10	5 0	وأو	اد	<u> </u>	0	0	10	0	:0	0	10	0	0
=	┪	0	0	9	:	÷ 16	0	0	i	10	5) : (0			i Ø		0	0	0
-	+	(0)	0	: G		911	0	0	:	;	<u>.</u>) ; (0	0	10	:	,	9	0	:	10	<u>:</u>	<u>.</u>	0	0	10	i S) ; d	>∶ (ازه	<u>.</u> ا د	6	0	0		.0	10		10	0	0
_	4	0:	0	: ((S	110	911	0	0	16	; 510	S i	0	. 6	5 : •	0	0	10		:	9	0	16	: 6	911	0 i	0	0	i o	·is) 0	910	: •i•	91	6	0	0	10	10	! 60	. 6	10	I 🛇	0
_	4								٠	:																												_			10		
9	4	_	_		_		_	_	_		_	_			_	_	_	-			_	_	_		_	_	_	:	-		_		_	_	_	_				_			_
Ш	1																		_										·	_	.	_		_:									_
ပ	ı	~ ·																																									
8		06933	96934	06035		2000	06937	06938	0000		96940	06941	05047	3	86943	96944	96945	2000	2	96947	06948	06949	02020	0000	06951	86952	06953	06954	050	3 . 6	0 : 0	2030	96958	06959	09690	06961	96962	06963	96964	96962	99690	29690	06968
A																																											08203
_	-				٠					-		:																	:								•				•		
		6934	6935	4936		0337	6938	6939	6040		694	6942	707	3	6944	6945	6946	207	034	6948	6949	6950	205	000	6952	6953	6954	695	202			2000	695	969	6961	7969	969	6964	969	6966	696	1969	6969

뙮	-	8478	:	. 	_		•	589		851		:	•	- i	<u> </u>	ļ								· ;		<u> </u>	1	:		1	2075	!			_		-	٦
\vdash		422 8	· -	:		_		_	,	. ~	':	 	!	+		-	_						-	- :	•	- i	-		- i	:	974 2				;		<u>:</u>	\dashv
8		1 84	<u>.</u>	-	;			1 1297		1 2615	<u> </u>	-	1	-	-	_						-		-!			į	_; _;	<u>:</u>	1_	13				 ;	_:	<u>.</u>	_
181				-	!				_			!	-	_	_	-			_	:	-	:					:	:	_:				_:		_		<u>:</u>	_
86		22	_	!_	i			275	_	214	<u>li</u> _	Ļ	1	j	_	i		_		<u> </u>	;		: +		:	i	:	:	<u>.</u>		191	_			: 	-+		_
BF	- 1	98.2		1	:			94.2		94.9	• 1												:		į	:		-		 	96	· 	:	: 				
BE		06133	: :	:	:			\$55700		120298			!	•	!									:	:	:		:			09860			:	:	:		
8		-	10	16) (<u>s</u>	0	8	0			10	5	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	<u> </u>	<u></u>	<u>ब</u>	9	<u>o</u> i			0	0	0	0	<u>ा</u>	ठां	0
BAE	0	0	0	İG	i	91	0	0	0	6	· • • •	ije	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	0	0	9	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	<u>6</u> i	ठां	0
A	0	0	0	İG	i	91	0	0	0	0	ole	oje	اد	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	তা	0
A A	T ,	-	-	-	•	7	-	-	-	1	1	1	1	न		٦	-	-	-	<u>-</u>	ਜ	ਜ	ਜ	न	ਜ	ਜ	न	न		ਜ	+	ਜ	ਜ	न	ਜ	₩.	ਜ:	ਜ
1	0	0	0	is) i	9	0	0	0	9	o le	10	إد	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© i	0	0
AS	0	0	0	16	> : 6	S)	0	0	8	S	9	ole	91	٥į	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i	0	0	0	0	0	0	0	0
M		<u> </u>	<u>:</u>	:						•			i	_ :				<u>: </u>				:					:	_:								0		
aklamadaqas		!	i	:.	:			;	!	:	:	i	į	;	-		•	i	į i	i	•			•				:	:							0	:	
\$:	1	!	_:			<u>:</u>		1	Ί.	_1	_					1_	<u>i</u> _		<u> </u>	<u> </u>			_	i	į	i					-		0		
		:	:		1	;		İ	:		1	į	١	ļ				:	:	į	Į.	•	i l	1						i				. ;		0		
dAi			i	٠				<u>!</u>	ن	_			_!				<u> </u>	┺.	<u>. </u>	_	<u> </u>	_													_	8		
AEA		!		:_	_!_	:		1	<u>!</u>		_1_	1		i		L	İ	!	:	į	<u>:</u>	_	1		!		. ;		:			_	<u>i</u>			0	!	
AC	0	0	10	ie	9 !	0	0	0	0	IG	916	s d	اد	0	0	0	0	6	10	0	6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ত	ठ।	0
₹	6	0	6	10	<u>.</u>	0	0	6	0	6	9 6	3 0	5	0	0	0	10	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Υ	0	0	ie	i	9	0	0	0	0	6	9 6	र्ग व	9	0	0	0	0	0	0	9	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3	0	0	is	je	۶į	0	0	0	0	10	ه أو	5 0	9	0	0	0	0	0	6	0	0	10	0	0	Ø	0	ठ	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0
5	0	10	16	اه	أد	0	0	io	0	١	عاد	गं	ां	0	0	0	100	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
S	0	0	:0	ic	91	0	0	0	10	6	ه اه	5	9	0	0	0	0	9	io	0	0	10	10	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
O	0	0	is) 0	5 i	0	0	İ	0	ie	शंव	s į	أه	0	0	0	0	0	0	10	0	io	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0
0	0	0	S	!	9 [0	0	10	0	10	٥١٥	> !	9	0	0	0	0	0	:	0	6	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	9	0	<u> </u>	0	0	0
Σ		10		ole	9 ;		0	0	0	9	Sic	9:0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	10	:	0	:	: O	0	0	0	: •	0	0	0	0	9	100	0	0
¥	ভি	_	is		_		0		0			si e		0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0			0	0	0	0		0	0	0	0	i 0	0	0
-	_			7 6	9 :	0	0	_			9 0	o i e	9	0	0		10	0	0	10		16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	: 6	0	10	0	0
5	0	10	is	1	91	0	0	0	0	ile	وإه	= 	0	0	0	0	6	10	10	0	io	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	ø	10	:0	0	0	0	0
ш	T	:	-	:	:			! -	:	;	+					:	:	:	•	:			:	:	:	:					·		: -			:		
ပ	1	ਜ	i -	41.4	۹,	-		 	-	 	नां त	711	-	-	न :	 	1	ोंन	i स :	: 	, H	ਜ :	, -1		<u>-</u>	; 	. .	· ল				<u>।</u> । न्न	 	न		ाल	.ਜ	ਜ
-	2	190	2	119	9:	ቋ	9	<u>.</u>	2		2!:	1	2	91	2	8	၂၅	ĺě		اک	ļΜ	4	12	9	27	:00	16	000	37	32	33	7	33	36	37	8	18	3
В	1																					:		•	•		_		<u>.</u>		<u>. </u>					07038		:
A	08241	08242	08743	110	98744	08245		08247	08248	200	700	00700	08251	08252	08253	08254	08255	08256	08257	08258	08259	08260	08261	08262	08263	08264	08265	98266	98567	08268	08269	08270	08271	08272	08273	08274	08275	08276
	7006	/00/	7008		200	7010	7011	-	7013		- -		010/	7017	7018	7019	7020	7021	7022	7023	7024	7025	7026	7027	7028	7029	7030	7031	7032	7033	7034	7035	7036	7037	7038	7039	7040	7041

8K	• :		1316	:			1	2760						2856			-	1394	-	:	-	- 			:		-			:			٦
<u>=</u>	:		1145	-				2268						ğ			:	1152	<u>;</u>			-							:		!	-	\dashv
士	 		<u>ਜ</u>	÷			$\overline{}$	1 2	-	_				1 2				-			<u></u>	-	_		_;	:	<u>:</u>	-	-	<u>:</u>	- 		\dashv
GBH			7	•				m					-	~	_			∞ :	_	:	:		_							_!	-	-	4
BG			1 17	<u>i</u>	-	-	$\overline{}$	3 22				<u> </u>		4 15			_	ا ا	- !	;										-		!	4
8		1	97					8						95.				100	į	:		:									:		
BE	· i		M57892					X03918						KØ3195				19783	:					İ		;			· :	:	:	: !	
ರ್	0 0 0			9 0	0	0			0	0	0	0			0	0	0	8	ᇹ	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
¥	000	9 0	0	0 0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
<u>alakamadaqaslayamaybabc</u>	0 0	V 0	0	9 0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>اه</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	6
3		7 -	-	1		ㅋ	-	-	급				-	н	н	규	-	~	ᅱ	-	급	ᆏ	ᇽ	₩,	-1	ਜ	-	-	H	- i	ᆏ		ᅱ
	000	00	010	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	601	0	0	0	0	0:	0	0	ᇹ
3	0 0	910	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	8	0	0	0	<u>o</u> :	0	히
ğ	01010	910	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	8	0	0:	0	ढां	0	히
Ò	01010	9 0	0	<u>ojo</u>	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	0	9	Øi	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u>ा</u>	6
X	000	9 0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0
文	00	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
A (000	0	0	9 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ଚ	0	6
ACABAG	000	9 0	010	9 9	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	न	<u></u>	히
A	000	9 0	o i	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	0	ठ	ठ	ढां	<u>ं</u>	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	6	<u>ब</u>	न	0
AC	000	<u>।</u>	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	ভা	ा	ল
\$	000	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	0	히	0	0
X	000	0	0	<u>ब्रोड</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	6
3	000	00	0	9 6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	9	0
5	000	9 0	0	9 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0
S	000	9 0	0	9 0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0 j</u>	ा	न	0
0	000	<u>ां</u>	0	9 0	10	0	0	0	0	0	0	0.	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	허	0	0
0	000	9 0	1010	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	ा	0	0
Σ	000	9 0	010	9 9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	히	9	0
Y	01010																		_ :	:		•					: :				•		
	Ø i Ø i	9 0	010	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0</u> !	ठां	<u>0</u>	0
9	01010	910	010	: <u> </u>	0	0	01	8	0	0	0	0	0	0	60	0	0	<u> </u>	01	<u>.</u>	61	6	0	0	6	0	0	0	01	61	61	01	
\vdash		÷	<u> </u>							-			_						-:	:	:	_ <u>i</u>		_		_							\dashv
E	4.2.	÷ ; ;	· 	: -1;			-4				-		. وسو	-	-	-	<u></u>	2	<u>;</u>		=	: ==:			-	-	-	-			: :	· :	
ပ		:		:								:								;		:					:				``; 		
8	07041	07044	97945	07047	07048	97049	97959	07051	07052	07053	07054	97055	07056	07057	07058	07059	02060	07061	07062	07063	97964	07065	9200	07067	07068	07069	07070	07071	07072	07073	07074	07075	92020
A	08277	•		•																													
$ \ $	0.0.0	ا 100	· 60 · 6	Ø , Ø	. ©	9	© ;	0	0	0	0	0	0	(O)	9	9	01	Ø :	0 3 i	6	Ø 1	o :	9	: :	O	0	(©)	0	01	9	1 0 0 :	Ø 1	0
	042	045	046	048	049	050	051	052	053	054	055	920	057	058	059	090	061	062	063	064	065	990	790	068	690	070	071	072	073	974	2	9/0	1//0
Ш	<u> </u>	\ <u>\</u>		<u>'L'</u>	_	_	<u> </u>	_	_	_		7		7			7			_	\succeq	/			^	7	_	_	읻	<u>^</u>	<u> 1</u>	<u> </u>	\succeq

A B C C C C C C C C C	뽔		2472			:	1866	<u>. </u>	į	-	:	_	:									-			182	652		639			448	_				
Name	-	\vdash			-			į	-	 	:	<u>. </u>	L	<u> </u>	! 	<u>:</u>	: - -		<u>-</u>			:			4	-		4	_		-	_			:	<u>!</u>
Name			21			: :		:	! !	<u> </u>	! 		<u> </u>	<u> </u>	 		! 	_	<u>i</u> 	:				. ! 	<u>~</u>	129					_		: 	_ _	<u>!</u>	!
Name	8	_	00	_	_		:	_	! !	<u> </u>		<u>:</u>	<u>.</u>	<u>:</u>	:	_					· :						_								_:	
A		L	32				띪	! ! 	: 	L	:	:	<u> </u>		:	1	:	: 	:	;		·		_ !	62	5		41		!	-		_		_	·
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	盎							:		} : !			:	:	!	<u>i</u>	: : :	; . :	Ē			: •		. :	•	•		٠.			198	:	!	!	i	1
A	BE		29096			í	8				:	: .	 ! !		; ; ;	i				:					7842	1637		7017			1130	:	:	:	:	
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A		0	Š	، (9)	0	0	-	0	0	0	6	0	6	6	0	0	0	6	0	0	0	60	0	0	<u>X</u>	8		묫	0	0	0 M2	0	0	0	010	9 6
Name	ব			. !				1	1	1	!	:	:	:	•	:			:		:			: :			: :			: ,		:				:
8 8 8 3 1 3 6 9 8 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9	The state of the s			:					<u>!</u>				i	<u> </u>								:										L_:	_ :	_ :		. i.
Name	8	Ţ,	ਜ	-4	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	916
A B C E C E C E C C E C C		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u></u>	2 6
A B C E C C A	⋖							: ;		:					:	:			:				:			!	i	i		!	_ :			÷	•	•
A B C E C K M O O V AAACABACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	⋖	_		_												:		٠.	:					. :			:	•								
A B C E C K M O O V AAACAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGA	¥Κ	١;		•							: .			,						-		٠.														
A B C E G A	A	1 :		•							: ;		٠.		į	. :	: .		,			٠.				٠.										
A	MA	:		:			!		1	:	. 1	1 1	i	1	1				:			٠.	:					i				i		i	i_	i
A A A A A A A A A A	\q V	_	_		i			:		i			i		i	•			i	1 :								- 1	- 1		- 1	: :	- 7	:		
A A A A A A A A A A	A E	_			!	! - !	!		ι.						:		: :		1	. :		: :		:											1	- 1
A B C E G - K M O Q S - W - W - W - W - W - W - W - W - W -	AC.	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0</u>	0	0	9 6
A B C E G I K M O Q S U S U S U S U S U S U S U S U S U S	¥	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	0	0	0	0	0	0	0	बंद
A B C E G - K M O O O O O O O O O O O O O O O O O O		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	2 6
A B C E G I K M O O O O O O O O O O O O O O O O O O	٨	•		:	- 1						i	1	1 .		į	:			1 .	. ;	. ,	: :			;	:	í									
A B C E G N O 08314 07078 1 0	n				1					L	L	<u>'</u>	Ł	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	<u> </u>
A B C E G N O 08313 67077 1 0	S		_ !	:	_ :	. :				!	i j	Ĺ				1										į	:	į	;					:		:
A B C E G K M C 68313 97077 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			_ i	:	;	_ :					!	!				•	_					:			i	:		_ !	!			. :	;	1	•	į
A B C E G I K N	0			į												:						•	i		į		ŀ	- }	į				:			;
A B C E G D 08313 07077 1 0 0 08314 07078 1 0 0 08315 07080 1 0 0 08316 07081 1 0 0 08317 07081 2 0 0 08322 07084 2 0 0 08322 07085 1 0 0 08322 07085 1 0 0 08322 07086 1 0 0 08322 07086 1 0 0 08323 07087 1 0 0 08332 07089 4 0 0 08333 07097 1 0 0 08334 07099 1 0 0 08335 07097 1 0 0 08336 07102 2	Σ			!	!						<u> </u>											:	į		i	j	i	!	i				:	:	•	
A B C E G 06313 07077 1 0 0 08314 07078 1 0 0 08315 07089 1 0 0 08316 07080 1 0 0 08317 07081 1 0 0 08326 07085 1 0 0 08327 07085 1 0 0 08326 07085 1 0 0 08327 07085 1 0 0 08328 07085 1 0 0 08327 07086 1 0 0 08338 07095 1 0 0 08338 07095 1 0 0 08338 07095 1 0 0 08338 07102 2 0 0 08338 07102 2 0	¥	<u></u>	_:			•											. :							. :	•	:	•	•	•	:	-			:		•
A B C E 08813 07077 1 08814 07078 1 08815 07089 1 08816 07089 1 08817 07081 1 08818 07082 1 08819 07083 2 08320 07084 2 08321 07084 2 08322 07084 2 08322 07089 1 08322 07089 1 08322 07089 1 08324 07099 1 08331 07099 1 08332 07099 1 08333 07099 1 08334 07099 1 08335 07099 1 08336 07100 2 08336 07100 2 08337 07100 2 08344 07108 1	_		!		_ :			'								•			. !	1		•	i	:	i	:	:		,	•	:		•	:	÷	•
A B C 06313 07077 1 06314 07078 1 06315 07080 1 06316 07081 1 06319 07081 1 08320 07084 2 08321 07084 2 08322 07084 2 08321 07084 2 08322 07084 1 08323 07087 1 08324 07086 1 08325 07089 4 08326 07089 4 08332 07089 1 08332 07089 1 08333 07099 1 08334 07099 1 08335 07099 1 08336 07102 2 08336 07103 2 08336 07103 0 08346 07109 1 08346	g	01	91	Ø :	01	9	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	01	01	91	0:	Ø i	0 0	واو
A B C 08313 07077 08314 07078 08314 07078 08315 07089 08315 07083 08322 08322 07085 08322 07085 08322 07085 08322 07085 08322 07085 08322 07085 07085 08322 07085 07085 08332 07085 08332 07085 08333 07087 08333 07087 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07108 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07109 08334 07110 08334 07111	Е	٠	:							:		_			_												_ ;		:					:		
A B 68513 07077 08514 07078 08515 07078 08515 07085 08515 07085 08515 07085 08515 07085 08515 07085 08522 07085 08522 07085 08522 07085 08525 07085 08525 07085 08525 07085 08525 07085 08525 07085 08535 07095 08535 07095 08535 07095 08535 07095 08535 07095 08535 07095 08535 07095 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07109 08535 07110 08535 07111	၂၂	ન	ન ે	ਜ:	નાં 		-	7	7	-	त्न	ਜ	-	4		-	-	4	Η.	н.	***	-		ਜਾ	m	7	71	o ·	ना	74	ਜ	ਜ-	H i	-1 1	Hio	۰
083116 083117 083117 083119			<u>.</u>	.	<u>.</u>									_	_							·· •	•				•		i					,		
	٧																																			
17711000000000000000000000000000000000		1	i			:		•	:		. :	:						•		:			:	_:	:	:	:	:		:		- 1		· [ع ا و - ا	, E
		\sim 1	200	708/	8 2 2	708,	708.	708 708	708	708(708	708	708	709(.602	760/	709;	7607	709	60/	7097	709{	360	7	101/	200	0	5	200) 	è	7106		1	3	E

																																			
黑	2323						2328	1-	. !		•	:	1	2546			-	2076		:	:	:	;		11	1550	:		•	;		•	26.36	2555	
<u>8</u>	1624	. ! ! :				•	2110		1	:	 :	İ		2450		<u></u>		1507	:	:	- !	•	:	•		1250		:	:	- [:		10	3034	
H	F	-				•	ਜ:	7	-	:	:	ij	•	-	ij	1	ļ	н	:	:			-		1	ਜ		-:		 1			• •	∓ ;	
	306	;				- 1	204	-	-			-	-	85			-	337	_ <u>:</u>	`	-	_	i		-	301	- 1			<u>.</u> !			10	8	
쁴	4		-	_			7	\dashv		!	- ;	-	i	8	:	-	$\overline{}$	00	—į		i	┪			_	m	- ;	:	-	-		-		7	÷⊢
描	86	į				i	6		1		•		!	<u>:</u> ۳	:			95	;	•	Ì	į			Ì	ଛ	1			į	:	:	15	5	!
BE	(17519] : ! !					M62505		:				- 1	X55720				14076	:	:	-:					469043	:		:	:		•		511000	:
힜	6	10	0	0	01			ां व	0	<u>ा</u>	छ ।	ठा			0	0	0	0	0	0	ठां	ठ	0	ØI	<u>ा</u>	<u>ei</u>	ा	ळा	01	0	0	0:	<u>o</u> i	0 0	0
AB	6		0	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u> </u>	ां	ं	0	0	न	0:	0	0	0	01	0	0	0:	0	0	0	0	0	01	0	0	01	010	9:-	ıΙΘ
YB.	Ļ	ंत	2	===	<u> </u>	=	_	-	ना	edi	+4	नां	ᆏ	ای	ਜ਼ ਜ਼ਿ	<u>ہ</u>	귺	_		H	ਜ਼	ਜ	 :	,	<u> </u>	m i			H.	H	7		al i	7	:
YAY E		•				:	i	1	- !	:	_ :	. !		- 1			!			•	_ :			ļ	!	- :	;	- 1	;	_ :	i				÷
A	ŀ		1 :			:	_ !			:	į	!	!	;	_!		!	į	!	;				:	:		<u>!</u>	ئــــ		:	٠	:	1	9 6	•
F	•	:	: ;			:		. :	- 1	:		- 1	- :	- :				:		_ :					į	:	1						i_	9 9	
AIJAKAMAGAGASAUAN	S	10	0	0	0	0 i	o i	ا ا	0	© :	O	Θĺ	1 0	©	(O)	0	0	0	0	0	91	9	0	Ø į	0	0	91	9	0	0	9	Ø.i	010	S : C	''0
Ad	G	010	0	0	O i	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	0	0	0	01	010	9:0	10
Ò	6	هاه	0	0	0	0	ठां	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	0	0	0	0	0	0	0	O	0	0	0	010	0:0	10
Ž	6	0 0	0	0	01	01	0	नं	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	0	0	0	0	0	0	0	0	oi	0	0	0	0:0	0
Ϋ́	6	0 0	0	0	0	0	0	0	0	 	0	0	ᇹ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	010	ه اد
۱	Ļ	10	0	9	0	0	_		_	8	۵		ام	9	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	اه	0 0	0
A	l _	1	į ·	1	:	- 1		- 1	1	1		- 1	i	!	!			: 1					' 1			i	_;	_ !		!		. :	_ !	0 0	ı
AEAG	1	į	ŧ			i	!	i	į			!		i				<u> </u>									i	1				:	_ :	0 0	
Ä	1	4.	:	. :	:	:	:			:						<u> </u>					i		·	:	:	- 1	. :	:		:			:	0 0	·
AC		1			: .	:	i											نـــــــٰ						i		- :	:	;							:
AA	٥	9	0	0	0	0	0	0	0	O 	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	اِه	0	0	0	0	0	9	91	9 G	9
٨	6	9	1 ©	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	010	10
W	9	9	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	0	0	0	0	<u> </u>	0 6	10
1	6	0 i o	0	0	: 	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	6	0	0	0	0	0	0 0	0 0
S	6	010	: 0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	91	o i o	9 0
	 -	910	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	10
0	ı		ì	:	; ;	i						i		L	1	<u>l</u>	:		L	!		<u> </u>				i						٠		0:0	<u>.</u>
0	Ĺ		<u> </u>	<u> </u>	<u>i i</u>										!	<u> </u>	:	į .		_		_										!	!	<u>:</u>	<u> </u>
Σ	٩) (O	: :	0	; (O)	9		0	0	0	0		6	0	0	0	.0	100	-	9		0	0	0	:	0	9	0	0		0	(O)		010	100
X	ď	<u>oio</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	<u>o i o</u>	o io
-	9	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0		0		0	0	0	0	0	0	0	0:0	0 0
5	9	oio	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ØI	<u> </u>	9:0
ш	T	•	<u>: </u>					_	-	-				<u>. </u>		: -	_	:				<u>.</u>							:						
	ŧ	٠.	. 7	. —		н,	7	-	-	, –			H	16		-	٠,-	नि	न	н		न	H	-	, न	m	ਜ	н	H	Н.	7		-1 11	2010	; ; ; ;
ပ				:							:	:			;	:		:	•	: •		:	:		. !				!	_					
	1:	1:4	13:	19	17	8	5	2	7	22	2	24	25	2	27	28	5	30	3	32	33	34	135	9	37	38	33	6	4	142	43	4	145	146	48
8	15	222	12	071	071	2	97	6	2	9	97	2	2	2	6	2	6	6	6	6	6	2	9	6	6	6	6	6	6	6	6	6	20	6	07148
┝																																			
A	100	835	835	3835	335	83.	3835	3835	835	33	33	383	83	383	383	383	3836	3836	3834	383	383	383,	383,	83	383	383	383,	83	83	83	83	383	383	833	08385
]	۱	لان ا س	:	: 🕓	. (3)	ا دی	. W		. 3	. 		:		!	, .		٠		. ن	. ح	. س	. .				ا ح	-								
\vdash	ŧ	٦	9	~	æ	6	0	-	2	m	4	Ŋ	9	$\overline{}$	80	6	Ō	-	Ŋ	m	4	5	9	1	8	6	0		2	က	4	5	9	ZE	5 (2)
	F	-	F	F	H	F	2	2	2	[2	Ľ	[2	Ľ	尸	Ľ	E	٣	5	۳	۳	[-]	۳		13	13		74	74	7	14	7		7	35	- 1
L	L	<u>- [-</u>	1	<u> </u>		2	^	_	<u> </u>	_	<u>_</u>	_		<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>			<u> </u>		<u> </u>	'		1	_	_	! ~	<u>'`</u>	<u>'`</u>			<u>-r</u>	·1`

쑮		1678	16366	2805		· · · · · ·	3680	
100		934		2681			3260	
H						· · ·	-	
ा		762	8	123		 		
8		ın. ا	on :	·-		: : : :	14	
18		8 1	თ <u></u>	<u>.</u>		<u> </u>	100	
BE		(71427	(753@4	08238				
8	0000000	•	· ; ;	:				
BA	01-101-10	0000	1				:	
AY	elelelmia:Ne		: : i		: '		नानानानान	
A W	0000000	1 1 . :		1				
F	6 6 6 6 6 6		0 0 0 0	and the second second				
AS	0000000				. :			,
A	00000000							
P	0000000	1 1 .	1 1 1	•		: :		
¥	0000000		1 .	1		. i i i		i
X	000000		1 1 1			4 : 1 :		: ' '
A	0000000							
AG	000000		· 1 :					. :
M	0000000						1	
M	1	i : :		1 1 1 1				
X	00000000			1 1 . 1	iii			
<u>></u>	000000	· : .						. 1
≥	00000000	i .				: : : :		
12	00000000	1 : '		1 . · · i	! :			
S	000000						· · · · · ·	
0	0000000		: : : :	: ; !	: : : (i i :		
0	0 0 0 0 0 0	1 1 1	1 1 1					
Σ	000000	1 1						
\mathbf{Y}	0000000		! '					
=	0101010 0:010	0000	0000	0 0 0 0	0.0:0:0	0 0 0 0 0	0000000	000000
10	000000000	0:0:0:0	101010	0 0 0	0:0:0:0	000000	0 0 0 0 0	0101010
Ш		; i	; ; ; ;					
J	ਜ਼ਨਾਜ ਵਾਜ਼ਨਾ	नना नाच :	ार्यानीत	नांस्तरस ् सी	<u> </u>	तालांन नांश	नानानानाना	नानाल नान
1		•			· .	1	<u> </u>	
8	0 0 0 0 0 0	671 671 671	· @ : @ i @ i g	2.0.0.0.	ଊ ୕ଊ ୕ଊ୕	0.0.00		0:000.00
4	00000000000000000000000000000000000000	08394 08394 08394	08396 08397	088400 08400 08402	08404 08405 08406 08406	08408 08409 08410 08411	08413 08415 08415 08416	08418 08419 08420 08421 08421
-	55432 55432 55432		· : · ·			<u> </u>		8883 8443 5443
	EEEEEE							EFFF

Y				-		_	-		. ;	: ;										_				: :							1502	_		_	-	٦
BK															_		_			_;						:							_:	_		_
B																											:			_	1342			-		
ВН	L																							<u> </u>							1			;	:	
BG			<u> </u>		_										_														:		161	:		:		
8																		. ;													8	:	1	:	!	
						:				-	_	-	_		-		<u> </u>	-									-			· 	22		<u>i</u>	:	; ;	
BE															:											i			:		1241		:			
BC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	ब
ВА		0								ئـــــــــــــــــــــــــــــــــــــ								:			:			·;	:	:	:							:		
AY		m					: _ :														;				į								;	:	_ [_
AM		0																			:				!	- :								:		
SAL		.0										ř						!			i				i	,							- :	•	. :	
dA8		9	نـــــا													_ :					:													;	_:	
OA	_	0						<u></u> :	<u>. </u>											:						:										_
I	_	0	:												<u></u>									ئا	j	:				Ĺ	;			i	:	
KAM		0																			_		<u> </u>	: :		!						:		i		
AA		0					<u> </u>																				-				1	1		i		
D	_	0										i			Ĺ	<u> </u>	l						i			!	<u></u>					;	i	:		
ABA	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	0
AC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	61	<u>6</u>	ब
AA	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ब
Y	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठां	<u></u>	•
M	0	i o	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© !	0	0	9	0	ō
n	0	10	0	0	0	6	0	0	(O)	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0 i</u>	0	0
S	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	©	0	0	0	9	0
0	_	0					<u>i </u>	<u> </u>	!			<u> </u>		<u> </u>		1			<u> </u>		•				i	:				<u> </u>					ì	
0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	01	9	9	0
Σ	0	.0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	اھ	9	9	0
X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	0
_	0	0	0	0	0	9	9	0	0	0	0	0	୍ତ 	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	ၜ
G	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	<u>o</u> i	0
E		:												_			:			-							-					_				
၁	1		, , ,	ਜ.		-	н		-	2	ਜ _	7	Н	Н	4	П	Т	-		-11	7	7	Т	स्न	-	ਜ ਂ	н.	-	-1	-		-	-	ed i	7 :	ī
8	07185	07186	07187	07188	07189	02120	07191	97192	07193	97194	07195	07196	07197	92128	07199	0220	07201	07202	07203	97204	97205	97206	07207	07208	07209	07210	07211	07212	07213	07214	07215	07216	07217	07218	07219	07220
٨	08423	08424	08425	08426	08427	08428	08429	08430	08431	08432	08434	08435	08436	08437	08438	08439	08440	08441	08442	08443	08444	08445	08446	08447	08448	08449	98459	08451	08452	08453	08454	08455	08456	08457	08458	08459
Н	9	<u> </u>	ω	ച	o	-	7	က	4	2	9	7	ΒO	6	O		7	က	4	ر ا	ဖ	\sim	<u></u>	6	oi	<u> </u>	7	က	4	2	9	\overline{a}	<u></u>	o k	ਗ਼	\exists
	718	718	718	718	719	7191	719	719	7.19	719	7196	719	7198		720(720	720	072	720	07.	720	720	720	720	721	727	721	721	127	721	121	721	721	721	122	77.1

	_		_				<u>.</u>																			<u> </u>		_	_							\neg
BK				•	:	:		. !								:	: i			:	:	:	:					:		: :						
BI					1	:	:	:		;	:	ļ	:			i							į	:							:	-				
ВН				:			_			_	-				,	-	-	:																		
9	-			<u>:</u>	•	<u>. </u>	-			_		ن ۔ :	- :		_		_		i				-		:				: :					· ·	-	一
8		•	:	:	<u>:</u> _	: -	:	-		<u></u>						-	_	:					_			-		_	-	:					-	\dashv
BF		:	:	•	İ	:	;	•	i	:	:	į		1	:			i											•		:				1	
	_	:	:			!	:	:				_													-											
BE		•	!								;										. !		:	:									-			
BC	0	10	10	0	0	10	:0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
BAE	0	6	6	0	0	0	9	<u> </u>	0	(0)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ढ	0
AYE	7	ii	;=	-	-	<u>;</u>	.	 	౼	Н	~		-1	-	_	-	ī	7		-	н	-	П	н.	_	-	-	-	-	-	-	—	-	न	7	ᆔ
AWA	0	10	10	10	6	6	10	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
¥	0	10	10	. 0	10	10	:	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0		0	0	0	0	0	0
SAU	L	110			10	6	10	10	0	0	ر اه	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
•			:		:			10	<u> </u>	i								<u>:</u>				:							:							
Add			:	:	!	:	•	0	1			:									:							:						<u>. </u>		
MAG	İ	;	:	i	i.	;	:	•	i	i.						: ;	1	1			,	: .							<u>:</u>	i_						
¥		į.	į	1	;	•	:	0	:	i i			,	: :	i	:	: 1	٠,	. :		i	:					:		!		:	٠.		: !		1
AK	0	10		9	10	10	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	©	0	8	1 0	0	0		0	0	8
ΙV	_	:	<u>:</u>	<u>i</u>		į	<u>i_</u>	0		<u>i </u>					<u> </u>	<u> </u>			: :		<u> </u>	<u> </u>				<u> </u>		<u> </u>	<u>!</u>	:			<u>: </u>			:
PEPE	0	0		9	0	10	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0
ÞΕ	L					:	<u>:</u>	0		:					1	!	:		:			:	:			:								:		
AC	0) I Ø	ie	10	0	10	100	10	0	10	0	0	: Ø	9	0	0	0	0	(S)	0	0	0	i 🛇	.0	0	9	©	, ©	0	0	0	(O)	0	10 I	0	0
AA	0	i G	ی	S	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	6
۸۱	0	je	ی ا	10	0	6	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0
W	0	010	10	عأد	0	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0
n	6	10	is	16	0	10	10	0	6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	6	0	6	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0
l-s	6	010		10	10	10	6	9	6	10	0	6	0	6	6	0	10	0	<u>.</u>	0	0	0	0	0	0	0	6	10	0	6	0	0	10	0	0	0
<u> </u>	 	1	1.6	16	10			10	10	10	<u> </u>		.0	10		10	10	0	<u>।</u>	10	10	10	0		.0	9	٥	10	· 6	:	0	.0	0	.0	0	0
0	I _			i	ł	;	! .	10	i	i.	!	!	!	!	,	:	:	:	<u>:</u>	:	!	:	:	: '	•	<u>.</u>	1	<u>i</u>		<u>:</u>	1			;		1
0				; .	L	:	:	<u>L</u> .	<u> </u>	1	:	Ĺ	i_	<u>!</u>	_	<u> </u>	!	<u>!</u>	!	<u>: </u>	i		!	: :		<u>. </u>	i_	_		!	:			: ;		
Σ		.6		•				10	:				1		i			:			-	:		:0	;		1			1		•	: ©	. :	0	
¥	6	916) S	10	10	10	10	0																								0	0	0	0	0
								10					0	10	io	10	10	10		10	10	10	10													
₀	2	o i o	016	:	10		10	: :	6	10	10	10												10	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0
┢─	\vdash		· ·	:	+	•			<u>. </u>	<u>:</u>	-		-	<u>. </u>	<u>. </u>		<u>-</u>	· -		<u>: </u>	<u>:</u>	<u>:</u>	<u>-</u>				-	:	<u>: </u>	:	<u>. </u>			_	<u> </u>	<u>. </u>
ш	Ļ		:	<u>:</u>	<u>.</u>			· 	:	:			!		<u>.</u>	·							· :		_	:	<u>:</u>	;	: 	 					· 	<u>. </u>
ပ		4.4-	:	:				;	'-	:	. 73	: :									;							' '	· •	:	:					
 	-	1.0	. r	114	in	9	~	. 00	၂၈	8	<u> </u>		i m	4	150	٩	-2		<u> </u>	9	:ਜ਼	2	m	<u>. 4</u>	7	φ	12	90	<u>်</u>	10			<u></u>	4	īŽ	ور
8	6777	0777	27.7	27.2	9722	9722	0722	97228	0722	0723	0723	9723	9723	0723	9723	0723	0723	0723	0723	9724	9724	9724	9724	9724	9724	9254	9724	9724	9724	0725	0725	0725	9725	9725	9725	0725
	65	461	5	2 2	\$	465	466	98467	468	469	470	471	472	473	474	475	476	477	478	479	480	481	482	483	\$	485	486	487	488	489	490	491	492	493	8	495
۲	8	3:8	3:8	3 : 8 :	: 8	. es	8	8	.88	:8 8	8	8	: :	:86 :	¦86 ∷∴	: 8	88	: 8	8	: 8	:88	8	8	8	8	8	8	: :	:8 :	.88	8	88	8	8	:8 :	88
	-	1	14	F	20		<u></u>	0	0	E	2	33	4	3	9	7	∞	<u>6</u>	0		7	13	4	1 5	9	7	8	6	Ď	-	Ň	33	4	ž	9	Ž
1	6	4	Ę	315	7	il?	1	7229	23	2	2	S	2	2	2	2	2	5	2	2	2	72	12	72	2	2	7	72	7	Z	K	Ę	2	Ę	2	Ę
L	L	1	1	-1	~	1	1	1	_	~		<u> </u>	-	<u> </u>	<u> </u>		<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u>" </u>		<u></u>	<u> </u>	_	_	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	!`	1	<u></u>	<u> </u>	-	_	_	_

BE BF BGBH BI	9101	8 8		68 99 302 1 753		10	.2 445 1 2200	:	-			,				;		- :			- ;	-	-			1595	-		68	- -	: -	-
BF BG				99 302		10	1 445	:												:			•						∞ :	:	- :	
BF BG				6	· - !	1	4	:										- :		- :	:		÷	- :	+	17		:	<u>ल</u> न	-	+-	\dashv
BF				6	 :	1	<u> </u>				:					-			- :	-			:			12		· i	19		-	_
$\vdash \vdash$		010	! ! ! !	88	:	- 12	യ .							<u> </u>		: :	-	:	_ <u>:</u>	-		:	\dashv	•		19			00	Ť	-	_
띪		9:0		88			წ ;	•	:						'	<u>'</u>			:	:	:	:			:	18		. <u>i</u>	<u>유</u>	:		
		00	: 1	48568	<u>:</u> •	10	98252	,		:	:				· :	: ; 					:	:	1	:	:	303143			13638			
<u>છ</u>	910		:	<u></u>	0 0	او	<u>S</u>	6	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	<u> </u>	01	0	0	اه	0	<u>.</u>			0		9 0	· 60	0
		0 0	0	010	9 6	910	9	© i	0	0	0	0	0	0	0	~	0.	0	© I	0	0	0	010	ठाठ	<u> </u>	10	10	01	0:0	910	0	0
¥.	اجا	417	-	+	н.	٦,	7	-	П	т	ਜ	н	-	-	7	7	ਜ	-	-	न	ਜ	ਜ	-	٦,	न स	न	ਜ	-	 -	न 	<u>.</u>	ਜ
ΔI	9 0			:	_:-	<u> </u>		_ :	:	1					: ;	:		. !		_:		:	- 1	_:_	i	!	:	. !	:_	910	: :	0
LSI.	9101		<u>: </u>		i		_ :				<u>' :</u>		;	i	:			:	į			•		•			. :			:		0
81.	10:0		• !		:	i	<u>:</u>					:	:			•		- 1				•		•		•						6
8	2.0						. :										٠.			. :	:				:		i s	: :	- :	1	. :	3
Σ Ι,	<u> </u>		<u>!</u>			_ ;						. :						1		:	:		•	:	:	:	•				:	0
튛	0 0	_ :	<u>!</u>			_:	:			•	i	i					-	:		i	. !		•	1	•	! _	i	:	:		: :	
¥ ·	9 0	00	0	0	0 0	9:0	9:	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0 0	9 6	6	0	0	<u> </u>	9 0	0	0
क्त	9101	0:0	0	0	0 6	5 : c	<u>si</u>	<u>6</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	oi	0	0	01	0	0	o i o	9 0	io	0	0	اه	9 0	0	0
	اهاه		: :		_ :		_ :										٠			:				•			•			•	1	
	ופיפ			:	;		i.							•		:	. ;			:			i	:		:	:		•		. !	
	0:0	·	: :		į		i	:				. :						:	:	•			i.				:					
-	0 0		! :	:	!		:											i		į	4				!	<u>:</u>	<u> </u>	:			: :	
2	9:0	:	<u> </u>	i	<u>i</u> _		i		_:		:			: .		: :		i	:	:	:		- 1		ŧ		:	:	:	•	; !	
	9101	:_	<u>i :</u>			:	:	- ;	:		:				٠,	:ì			- :	:	:		i		:	:		. !			: :	<u>.</u>
٠,	<u> </u>	. !	<u>: :</u>	. :	. !	•	:	_ i						:		•	•			1	:			•	•			: :		į	; !	0
ш.	0 0	010	10	010	; S 6	<u> </u>	<u>0 i</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	01	0	0	01	0	0	o i e	10	0	© :	0:0	9 0	100	0
\vdash	0 0	010	10	010	0 0	910	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	न		6			10	0	0:	010	9 0	0	0
고	9101	0 0	0	910		<u> </u>	91	0	0	0	0		0	0		0			01					<u> </u>		10	10	01	Ø j	9 0	10	0
_ °	9101	0 0	0	Ø:0	9 9	9 0	9	01	0	0	0			0				0								0	10	Ο.	0:0	0 0	ंठा	0
υ ^c	010	010	101	0:0	0 i 0	٥١٥	<u>51</u>	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	011	<u>0</u>	0	0	9	910	910	0	10	0	© :0	010	10	0
П			: .		:	÷										:				- :				:	-						:	
ω,	٠٠٠٠	ਜ•ਨ	, न्न ः	नः	न्ह	71.	H:	ਜ:	 -	н.	н.	н.		ਜ	7:	4:	-	-		स. :	-1 .	~ 1 · ·		-11-	4: -	i ci	٠,	н.	स्त्र र	न्त	(-4)	1
В	07258	97259 37260	19726	97262	97263	1000	97.265	9576	297267	97268	97269	97276	17276	27276	37273	97274	37275	97276	37277	97278	97279	97280	97281	287/0	7284	17285	77286	37287	97288	7290	37291	75292
			•		•																								-			
LL	08495				•	:				. :								0851	0851	0851	0851	0851	0852	7880	0852	0852	0852	0852	0852	0852	0853	0853
7950	7259	7260	7262	7263	1504 1565	7755	007/	/97/	7268	7269	7270	7271	2222	7273	7274	7275	7276	7277	8/7/	6/7/	7280	7281	787/	7207	7285	7286	7287	7288	7289	7291	7292	7293

4	-
\mathbf{c})
	ı
椴	

							-				-					110			
Ж						: 5	7/1	:			1784				:	2295			
8	:	:	· ·				1124		:		1524	1 ,			·	1932			
H	. :	1	; : :				-	:				: .			:	. 1			:
8			•	·		10	9.			-	208					357			
	:	:					7:	- :			2		-:	.	: :	- m		; ;	
18		· .	: ;		:	: 18	ድ ; 				<u>ရှာ</u>	: .			. :	186	: 	·	
BE	:			:	•	: ::		. :			96906		•	ı		103619	:		:
낊	0000	0:0:0	10101	0101	010	101	0 0	1010	010	0.0	0	91010	ojoi	0:0	ioi	<u>ojo</u>	10016	101	010
ব	0:01010	0000	100	00	010	ioi	ojo	10:0	010	0:0	0	91010	اهاه	010	101	<u> </u>	1010	10	ତାତ
A B	नन्न्	गत-न-त	निन	नान	नान		नान	ijmi	ا بر	: N · H	नात	باللا		ط، ط	12	नान	ास्त्र स	गुला	नान
AW	6 6 6 6		1010	00	00	0	0	1010	<u> </u>	0.0	0	01010	00	010	101	<u> </u>	0:0	ioi	0 0
F	Ø Ø Ø Ø	: :0:0:0	00	<u>6</u>	0 0	101	010	1010	<u>ojo</u>	010	<u> </u>	9:00:0	9:0:	010	10	010	1010	<u>.</u>	0:0
S	0:0:010	0:0:0	10101	0:0	<u>ब</u> ंब	101	010	1010	010	00	وأوا	أواو	0101	010	ंछा	010	1010	100	0:0
A A	0:010:0	0:0:0:0	000	<u> </u>	00	101	9:0		o : 0	:0.0	1010	91010	9:0:	010	101	010	:016	10:0	0:0
0	0.0:0:0	0.0.0	10101	0 0 0	oio	101	010	101	010	0:0	(0) (0	0:0:0	<u>0:0</u> :	010	101	010	. 0 : 0	101	0:0
AMA	0:0:0:0	0.0:0:0	100	0101	<u> </u>	:	0:0		0:0	0.0	0	9 0 0	<u>0.0.</u>	0.0	101	010	0:0:0	010	00
AKA	0000	0000	100	0 0	<u> </u>	0	<u> </u>	اهاه	010	010	1010	91010	0101	010	101	010	1010	: 	010
AIA	0.000	0000	100	00	00	101	0 0	1010	00	1010	0	91010	9101	010	101	<u> </u>	1010	000	010
	0 0 0 0	<u> </u>			i					<u>:</u>	<u> </u>				<u> </u>				
AEAG	0101010	0000	ाठांठा	010	0 0	101	<u>.</u>	101	010	1010	1010	<u>.</u>	0:0	010	101	0 0	1010	0 0	00
AC	0:01010	0.01010	<u> । । । । । । । । । । । । । । । । । । ।</u>	0101	<u>ojo</u>	ioi	o i o	101	010	:010	10	91010	0:0	010	ioi	<u>ा ७</u>	1010	010	00
AAA	0 0 0 0	.0:0:0	100	0 0	00	10	0 0	اهاد	<u>o jo</u>	000	اھا	اوءو	0 0	<u> </u>	اها	0 0	0:0:0	إهاد	0 0
X	0.000	0.0.0	ाठाठा	00	0 0	10	o i o	10	0 0	0.0	ioi	9101	<u> </u>	00	ि	010	0.0	9 6	00
W	00:0:0	0.0.0	100	00	00	اها	बांब	101	010	0:0	10	اهاه	0:0	010	اها	010	0 0	0:0	00
n	0.0.0	0:0:0	00	00	010	101	0 0	10:0	<u>ब्रंब</u>	1010	iol	9101	0.0	010	اها	010	10:0	010	00
S	0000	0:0:0	100	0:0	00	10	<u>ब</u> ंब	10:0	<u>oio</u>	1010	0	9:0:	0.0	010	: © i	<u> </u>	:0:0	0	010
0	6:010:0	ه زه زه زه	اهاها	00	00	ioi	<u> </u>	ioi	0:0	0:0	1010	انعاء	0.0	010	اها	010	1010	910	010
0	0.000	010:010	10:01	010	010	10	010	101	0 ! 0	:0:0	101	0:01	0 0	010	اها	010	1010	0	00
-	Ø.Ø:Øi	0:0:0	00	010	0 0	101	010	1001	010	0.0	0	9101	0 0	0:0	10	0.0	0.0:0	010	010
	0.0.0.0	: : • • • •	: : ::0101	0:0	60:6	101	<u>.</u>		0:0	0.0	10010		00	0:0	10	0:0	000	010	010
_			1 :								٠	<u> </u>			: :				
	0 0 0 0																		
9	0 0:0:0	0:0.0:0	010101	010	0010	0:001	0:0	9!00;	010						101				
w.					•									•					
U	सःसःसः	नंतात त	गंनानां :	सन्त		1.4	-1	-lm-		·. 67	∙ स्नः (7∵	न∙ने	त ∙ त	2.	 1 · - -	4 +4.+	-1 i e-i :	स ःस
В	07293 07294 07295	07297 07298 07298	07300 07301	07302 07303	97394	07306	07307	07309	07310 07311	Ø7312 Ø7313	07314	Ø7315 Ø7316	07317 07318	07319	07321	07322 07323	07324	97326	07327 07328
4	08532 08533 08534																		
	7294 7295 7296 7296	7298 7299 7300	7307	7303 7304	7305	7307	7308	7310	7311	7313	7315	7317	7318	7320	7322	7323	7325	7327	7328
<u> </u>	<u> </u>	<u>. [</u>	لللب	ناب		1					• •			Щ.			<u> </u>		ш_

					-					.								00.						10	,			
黑									•							•	•	5508			·			2560				
B		-	! :						-	:	:	:	: :				:	4622	:			· ;	į	1755		- :	:	:
표						:	-		;	i		;	-	;	-	•	•	-	1		;			225		:		
88			: :			: - :						: -			 ;		:	375	-		:	•	:	19		 -	:	-
	: :	· ·	:			<u>: :</u>	 -	 -	- :	-	 -	:		<u> </u>	:		-	m	- :		-			Ī	:'-	-:	:	1
BF								:	•	:		٠		: :		i		8	:	:	i	ı	:	18	}: 		:	1
111	: : .	•							:	:			•					12		:	:	<u>; — </u>		72	j		:	
BE	•					! !		:	:	1	:	:		: ;		•	: :	3037	:		:	:	;	1000			;	
BC	0101	00	اها	0.0	8	0	0	010	s i c	916	9 6	10	0	0	0	9 6	o lo		01	Ø · Ø	ه زه	0	010	0 6	010	0:	010	0 0
বা	010	010	io	0:0	910	10	0;	0	sic	o j e	عأد	ەان	10	0	S i	010	9	اھا	0	0 6	9	0	oio	910	010	0:	010	9 6
AYB	लाल	7 -	गुन		गुन	न	-1 :	न	mie	1 -	11-	ग्न	ilə	-	ed i	ri r	1 -	नि	1	710	गंत	.न	न	ri e	11-1	: 1	٠١٠	
γV	9191	0 0	0	0:0	0 0	0	0	010	9 0	5 6	9 6	10	910	0	0	010	هاه	ां	0	0	0	0	0	0 0	<u> </u>	l o i	Ø je	010
7	010	010	0	010	010	0	0	o i	9)6	ه اد	9 6	ojo	110	10	0	010	هاه	0	0	010	910	0	6	0 0	9 0	101	010	ماه
S	00	010	0	0:0	010	0	0	91	910	o i e	9 6	10	. 0	6	0	<u> </u>	oio	0	0	010	0 0	0	101	o i o	916	101	010	0 0
¥	010	0 0	0	010	010	0	0	0	ø i e	o i c	o i o	0	010	0	<u>।</u>	010	0	Ø	101	010	0	0	10:	0 0	8 0	0	010	<u> </u>
8	00	0:0	010	0:0	0	0	0	Ø i	<u>oi</u> 0	<u> </u>	9 6	916) (0	0	© !	0 0	oio	100	01	010	910	0	101	o i o	910	101	٥ I و	: :
¥	00	0:0	0	0.0	0:0	0	0	0	0	910	016	016	010	0	0	0	0	0	اھا	010	010	0	101	0	0	0	010	2 0
¥	00	0	ां छ	1010	0 0	0	0	0	o i	9 6	916	2 6	916	0	0	010	010	0	0	<u> </u>	010	0	0	o i	010	0	<u> </u>	0
F	0 0		:	:	•	i	. :		- 1	•		•		<u>:</u>			1	:	::	:					_:_	•	•	
Ag	010		1					i	i	1		:		:	. :			Ť.	: :		1					: .		
A	00					.:		i	:			:	•	:										:				:
AC	010	•				;		:		÷	į	į		1	: :	. :	:	•			i				•		i	1
AA	00				1	í		1	i	i	ì	i	:	Ξ.	i_1		1	-	<u>:_:</u>	;_	_:_	:		:	_:_	! ;	i_	<u> </u>
∠	00			:		i		:				÷			: :		:	1	. :		i_					. :	:	
₹	00					:	•		;	;				;					<u>i i</u>		_:_	٠		:_	:	<u>:</u>		:_
$=$	0.0	. :	- 1							į	- }	•	•	•	. :	_ :		:	: :					:		: :	<u> </u>	
S	0 0						:			:					. :				<u> </u>		-:_	:				: '	<u>:</u>	•
0	0:0		i		,	:					•	1		•			1	:	. :			•	•	1				
0	010	(60)	1	10011	9:0	100	: 0		9	911	2) (316	910	:			<u>ا د</u>				3/6	-					<u></u>	
Σ	0:0	1016	9 0	:	o i c	10	9	· 60 !	91	© !	910	910			.0			10		0	· · · ·	 مام	:	-:				0 0
\mathbf{x}	010	•				i	:	•	:		:					'		٠	į		. !	•	1 1					•
[-	0:0		:		:	2		•	1	:								•	:				•					•
9	010	1010	010	10.0	010	0	10	100	01	01	910	S i c	916	0.0	10	010	2016	016		101	016	<u> </u>	10	0.	010	.i.@	101	@ i @
Ш			:			:				•												:			i			_ ·
<u></u>	न-त	17.1	-i, - -	i - -	-1	11-	-	•		-1	н.,	٠.	4	1:-			; _	٠.	ंन	7	7:1	474	<u>ः सः</u>			۱:۸	; , -1 ,	नःन
0						•		٠.																				
	07329	331	333	334	335	337	330	339	946	341	342	343	4 . 4	346	347	348	349	351	352	353	354	356	357	358	35.9	361	362	6 4
 m																												
	08569	7	77.5	74	375	212	2,0	573	8	281	282	80:0	X . X	98	587	200	686	592	593	594	595	797	598	599	8 8	602	693	684 285
4	98	8	8 8	8	8 8	8	88	8	8	8	8	8	8 8	8	88	8	80 8	8 8	80	88	8	8 8	8	8	φ .α	88	8	8 8
-		- I	: ~I	. l. ~ l.	: :		1-		· 	: 	~ L	·	01.0	<u> </u>	<u></u>		ᅐᄃ	-10	1	 	O lt	→		6	<u> </u>	<u>ام</u>	m	41
1	7330	33	Σ Σ Σ	3	333	325	336	阡	4	34,	2	4	47,	4	34	K	S T	36	33:	33	35	3	351	35.	2 K	36,	36	36,
L	14	11	1		<u> </u>	ŀ	~	~	$oldsymbol{oldsymbol{eta}}$	\geq	<u> </u>	<u> </u>	<u>`</u>	-	<u> </u>	旦	<u> </u>	<u>- [-</u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>		M	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>

		1760	
æ			
<u></u>		88 38 56 66 66	
BH		न । न न न न न न न	
BG		402	, ; ;
8F		1 0 .	
8		19	
띪		9064	: •
L_l			ا ا
ABC			
利	नानानानानानानानानानानानानानान		ान न
¥			600
B	ବାବ ବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବ	000000000000000000000000000000000000000	000
aKAMAGAGASAGAWAYB	01010101010101010101010		1010
À	01010101010101010101010101010	ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତ	1010
A	<u>ତ ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା</u>		1010
A	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		010
	ବ ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା	ରାଷାଷାଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷାଷାଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷାଷ୍ଟ୍ରୀଷ	00
A		ରାତ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ପ୍ରତ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ ବ୍ୟବ୍ୟ	
ABAG	<u></u>	ରାତୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରୀର । ତାରାର । ତାରାର । ତାରାର । ତାର	
O		ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା	
V	<u>ତ ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା</u>		00
X	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		100
₹	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	000000000000000000000000000000000000000	ojo
5	00000000000000	000000000000000000000000000000000000000	100
S	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	ତ.ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା	00
0	0:00:00:00:00:00:00:00:00:00:00:00:00:0	0.0101010101010101010101010101010	1010
0	0.0000000000000000000000000000000000000	01	000
Σ	0.000000000000000000	0101010101010101010101010101010	00
×	01	0:0:0 0 0 0 0:0:0 0 0 0 0 0 0 0	1010
-	010101010 010101010101010	0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0	0:01
ပ	010101010101010101010101010	\$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$ \$	1010
Е			;
ပ	नःसन्यस्य स्थानःस्य स्थानःस्य	ਜਿੰਦ ਜਿੰਦ ਜਾਂਦੇ ਦੇ ਜਾਂਦੇ ਦੇ ਜਾਂਦੇ ਦੇ ਜਾਂਦੇ ਦੇ ਨਾਦ	ानान
Ľ			
B	23.65 23.65 23.65 23.75	67386 67387 67387 67383 67387 67397 67397 67397 67396 67397	7399
4	8602 8602 8601 8611 8611 8611 8611 8611 8611 8611	08622 08623 08623 08624 08626 08626 08628 08631 08633 08633 08635 08635 08635 08635	8641
	 	୨୮୦ ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତି ତିର୍ତି	10010
	00000000000000000000000000000000000000	2000 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	180
		7381 7382 7388 7388 7388 7388 7389 7396 7396 7396 7396 7396 7396	44
		. <u> </u>	

ľ	•	
(⊃)
C	V	Ì
ł	R	

8K	2805	}									_									-	2022			-	2727		-			•	1316			:
18	3765	<u> </u>								. ,	_	•					 !				8981				1124		:	:		-	955		-	
BH	1=								 -			=		<u></u>	-	<u>. </u>					-				=	:			-				÷	:
0	3:	1.					:		_	-			_		. 	<u>: </u>		-			34			_	8	-				•	23		÷	
8	1,0					!	;	_	_		-	:	_		-		:			!	m		-		9				_;	:	<u>m</u>		<u>-i-</u>	-
8	8	1									· -				<u></u>	!		: 		_	8		:		97	:			:	_ i	<u>%</u>		! -:	:
BE	016626			; :					•					:	:				:		52151				59834				:		93026	:		
BC	0:0		0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	⊗i	9	×	9	01	<u>0 i</u>	01	8	<u>ਣ</u>	010	<u> </u>	, 6
IX.	010	010	0	0	0;	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	01	0	0	01	010	<u>:</u>	0
AYBA		। न	-	<u> </u>			-	-	-	-	~	H	—	-	ਜ	н	H		ना	+4	ᆔ	7	ਜ;	-	П	-1 .			ਜ਼	ਜ	 -	-1:-	110	1-
8	69:6	وأو	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	6	0	0	0	0	0	<u>6</u> !	0:	016	9	10
ALAW	010	00	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	6	0	0	91	0	0	0	0	0	91	0	oi	O .	010	o i c	ांड
AS	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	Oi	0	0:	0	0 0	ه اد	10
Ad	0.0	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	Ø i	0	ठां	0	<u>0</u>	0	0	0:	0	0	0;	0	o je	9 6	10
AMAG	0:0	110	0	01	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	01	0	© !	0	<u> </u>	0	01	0	010	ه زد	0
A	010	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>آه</u>	0	o i	01	oio	গৃত	10
AK	010	o i o	0	0	© !	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	01	o į	<u>o</u> i	ठा	ठा	ळाड	গ্ৰ	ه ا
A	010			•	٠.							i	<u> </u>				: 1		1	!		•	:		- 1	;	:	i	1	•	•	:		10
ABAG	0.0	•											i. :				!			;	:		•	:	- 1	:			:			:		:
	0 0			٠.						:	_ :	•	. '	•	!			. :			•			1		:					•		-	- 1
AAC	0 0	:															<u> </u>	<u>:</u>	,	j		:	:	į	j	- :		1		:		:		:
⋖	0:0	•	:	. :		i								, :	:	: ;			,		i			:		:			:			:	ŧ	1
<u> </u>	60:6	•	!					<u> </u>		٠.							:	:	:		:	i	•	٠.		;		:				٠.		
<u>×</u>	0:0							i	i:							:	_:	: :			ì	:	•		:								i	i
S	Ø i ø	:	:	•				i					:								:								:	;			,	
0	Ø : 6												·							;	;	:		:		:			i				:	
6	0 0	1	i	_ :											L			: :	:	:	•	:						;				•		: 1
F	010	<u>. </u>							:							<u>'</u>	<u>'</u>	:			- 1	i	:	i	i	!		:	_:	i		:	:	1
	0:0	!							:				;	: <u>i</u>	<u> </u>			;		_:	_!			_:					:			:	;	
_	010	:				:		:									<u> </u>				:			:	_ :								:	
	0:0													•	:	:				ī	1	:		•	1				:			-		'
9	-	· · ·				<u></u>						-											i	٠			<u></u>		—:	— —	<u>o</u> .	010		- 6
1			:												:				:	•	:													
ပ		11	 1		 .	 1	ا	~ 1		⊣ ;				· 1 :	: 		· - 1		٠,	~ 1	H 1	7	~ 1∶	~ 1	Η.	तः	~ →:·		⊣,	- -1∶	α.	 ,	4·e-4	I e e e e
8	07401	07403	07404	07405	07406	07407	07408	97409	07410	07411	07412	07413	07414	07415	07416	07417	07418	07419	07420	07421	07422	07423	07424	07425	07426	07427	07428	07429	07430	07431	07432	07433	07435	07436
A	08642																																	• 1
			:			;	ان :	اھ	<u>ا</u>	ا ده :			:	: :	:		,	•				•	1	į	_ :			:	:				•	i
	7402	7404	7405	7406	/40 /	/408	7409	7410	7411	7412		7414	7415	7416	7417	7418	7419	7420	7421	1422	7423	7424	7425	7426	7427	7428	7429	7430	/43	/432	/433	/434 /435	7436	7437

	<u> </u>																						100	<u>.</u>						-	-			
뽔	1599	2484		_	•							:						:		•			787					-			2211			:
BI	1209	2220	,	:	:	•	•	:		•	•	- !		-:		-				-		<u> </u>	797	5	:	· .		:			1798			;
BH	_	। स			•		-					-+	- ;				_	:	:		:	-!-	!-	4	•	:	:				00	:		7
BGB	99	266		 -		•															•	-	10	<u>. </u>	-	<u>:</u>	:				5			:
	_	\ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \		<u></u>	<u> </u>		<u>:</u>	,			· ·	-	-									+	18	3:	:	1	-	•			m		<u>-</u> _	:
J 8	86	12		:	:	:	,				•	:						:			· ·	•	;;	a∵ 		:					18			•
BE	2476	303571		:		•	;			٠	:	;						· :	:		•	:	10	90.		:					61831	 . :		•
G	-	118	01	: <u> </u>	911	HI 6	910	910	911	O i	9	0	0	0	0	10	0	0	0	<u>.</u>	010	<u>:</u>	9 0	<u>ن</u> ه، د	910	010	916	10	10	0	Σ	10	010	<u> </u>
BC	1	1101		:	:	•				•	:									_ :	:					<u>:</u>		<u></u>		<u>:</u> । स	. 		-114	- ا-
AYBA	Ľ		31			•	:															_ į				_:_	•	<u>:</u> _		10		اھا	010	916
₹	ľ	••	۲! نا	-	:		;		:	•	:	- 1		į		:			: !	:	- 1	!	:			- ;	;	:			•			i
F	1	0				•					:			:			•	:				•	:		•	- :	•	•	•	,	:			- ! -
ALA		010								•				•				•				•	•											· : _
S	6	010	<u>ा</u>	0	S :	910	910	5 1 (0	9	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	O !	910	O I C	916	9:0	910	916	9 i 65	016	9	10	0	Ø.	910
Adas	G	010	0:	0	5): (910	o i e	911	0:	0:	0	0	0	0	0	0	:0	0	0	0	91	010	010	910	9 (916	916	9 6	210	0	10	(0)	0:0	9 (0
ð	6	0:0	0:	0:0	911	oio	Sic	9	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	<u>ां</u>	0!0	910	9 (910	010	010	010	0	0	0	010	910
M	18	010	0	0 0	91	616	وأو	91	ा	0	0	0	0	0	0	0	0	10	101	0	0	0	øi ø	910	s i c	sia	9 6	o i c	<u> </u>	oio	10	10	Oi	9 0
AKA	10	<u>.</u>	0	<u>ं</u>	9	0	डां	9	न	0	0	0	0	10	0	0	10	0	0	0	ठो	0	<u>oi</u>	sia	910	وأه	ه ز ه	916	is	910	10	0	Ø i	0 0
불	1	olo				•	;	- ;	- ;				!	:	1	:	:	:	: :		•	- 1			:	i	:	:		-	;			_ i_
U	1	010	•	i		:	- 1					-		: :			:	1		<u>'</u>	_ :	_:	:		_ :	<u> </u>	_:_		<u> </u>	_			6	<u> </u>
ABA	1	: olo												•	:	•		:		٠.		:	_ :					<u> </u>			•		0	<u> </u>
등	ı	910		:									,		i			÷ .		• .	:		_ :								io	0	01	0 0
[<	1	0 0											:		:								7			:				•				:
AA		:	: :	- 1			:					:	•			•		:	•	: :		i				;		•						. i
>	1	0:0											i	1				•						•		:								- :
₹	7	0:0	i (0 !	<u>61</u>	<u>6</u>	<u>01</u>	<u>.</u>	0	0	0	Ī 6	0	. 0	0	0	:	10	i o	.0	0	01	01	øi	۱۱ دی :	© :	910	s⊃: c	9 ; G	> :	> i	:	: ©	1691	910
5	1	0 : 0	0	0	0	010	0	ा	0	0	0	0	0	ie	10	Ø	10	10	io	0	0	0	01	01	0	<u> </u>	910	910	S : 0	o i c	16	i Ø	101	<u> </u>
15	1	0 0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	10	0	10	ه اه	oio	10	10	10	0	0	0	0	01	o i	01	910	910	5 : c	9 0	016	110	101	010
0	4.	<u>0:0</u>	10	0	0	0:	0:	6	0	0	10	10	10	10	. 6	010	210	110	10	0	10	0	01	01	0 i	o į	010	916	916	010	2 6	110	10:	0
\vdash	٦,	D : C	.00	0	6	01	0	0	0	0	,	0	10	is	2	: G	9 . 6	10	10	10	0	0	0	01	0	01	010	510	9 : 0	916	916	0:0	100:	<u> </u>
0	'	910		. :			. :	•			:	:	!	٠ ا	٠			:			į į			:	:	:				:				_:
Σ	٠I			,				_			i	:		:	:			i	•		: :	!	١ ;	•		:					٠	•	•	•
$ \times $	٠.	010										:		•					•		: '													
-	1	0.0										•		•	•							٠ :	:			•								
5	7	0:0	10	0	0	0:	0	0	0	0	0	10	.0	olo	0 0	0	0.6) i ©	10	10	0	0	0	01	0	Ø i	010	9:0	9:0	010	9:0	10	101	01
ш	,†											-			-		-					 :						•			-		•	
\vdash	•	7 -	्न	· -1 ·		7	न-			. 7		11+	1	• •	4	4	4	1				~		m	4		(٦.,	-4 :+	4	•		-1 -
U	1		_	:									:											-		:		_		<u> </u>			:	:
8	,	07437	7439	7440	7441	7442	7443	7444	7445	7446	7447	7448	7440	7450	7451	7452	7453	7454	7455	7456	7457	7458	37459	37460	37461	7462	37463	37464	9/465	3746t 37467	77468	37469	37470	37471
L																																		
	ار	08679	681	1682	1683	1684	1685	1686	1687	688	689	ğ	9	i g	2:0	200	ָבָּי בְּיִבְּיבְּיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְיבְי	200	69	369	369	378	370	370	870	8	820	82 82	8/0	82.0	97.6	8711	871,	871
	4	8.8	8	8	8	8	8	8	8	Š	8	3:8	5 6	3 . 6	3 : 6	3 ; 6	ğ : 6	š : 6	ð.8	ଞ	õ	õ	Š	8	ଡ	8	ଞ	6 ∷	S .	os č	si∙č	ō. ĕ	Ö	0
-	-	~~~	مر	_	<u></u>	~ I	+1	10	FO.	K	· Inc	1	·	٦Ė	<u>.</u>	11~	<u> </u>	- he) lic	<u></u>	p 0	(C)	0	-	رز	ന	41	عاد	o ir	√ 6	ola	nic	 	7
	Ė	438 439	<u>A</u>	441	14.	4	4	14	¥	4	Ā	Ž	7	į	žΕ	žΕ	įΨ	ŞĘ	1	3	5	43	46	46	46	9	9	9	하	4 k	ρķ	5/2	747T	4
L	_	2/2	7	1/	1/2	Ž	1	1	1	1	./	ŀ	·F	-	-	1	<u>.</u>	1	Ŀ	Ŀ	Ŀ	Ŀ	Ŀ	Ż	Ż	Ż	Ň	`	<u> </u>	<u> </u>	<u>-</u>	<u> </u>	Ŀ	<u> </u>

																													_							
뽔		•			:					. !		:												•			•				:	:		: 0	1:0	ımı
8		;	:			:		:									:		:	:		:	:	•		:	•	•	٠		1	•			5220	118
三		,	:	•		-1.						•	:— :				-		_	 i						_	:		-		-	:		15	416	तंन
믱		:	<u>:</u>	:	÷	- -		_		_	-	: :			_		_		_	- :				-:					-		_	<u> </u>		1 1	200	18
門		<u>.</u>	:	:	-	:		_		_			:			_			_		<u></u>		<u>.</u>	- :		- ;					_	-		-:-	016	14
띪		!		:			:	:			:		:	İ			i ;									:	:					:	•	10	5	6
		:		:	:						:	:	:											:	•	:	:	•	:			•	-	10	814	Q
18				:	•							:					:			: 1			٠.	:		:			:					10	97CL	18
8	0	je	16	16	عأد) i c	9	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	01	<u>ां</u>	61	0	9	<u> </u>	01	0	0	0	0	01	oi c	516	ंडि
BAE	1	٦٠	10	li 🕶	गंर	1	. ;	त	H	<u> </u>	-	<u>.</u> –	न			ı	7	m	-1	н.	ਜ	ਜ		नः	-1 :	नः	~	-	त्न :	~	н	-1 i	ਜਂ	सार	4:-	14
AYE	0	10	is	10	٥١٥) i	<u>;</u>	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ढां	ा	o i	0	0	0	0	0	0	0	o i	9 6	्रां
1	0	S	10	16	٥١٥	i	<u>:</u>	0	0	0	0	0	:0	0	0	9	0	0	0	0	01	01	<u> </u>	0	01	0	01	0	0	0	0	0	0	010	وزه	10
Adasada	0	10	:.6	1	10	10	: i e	0	0	0	6	0	10	0	0	0	0	0	0	0	01	91	9	9	0	<u> </u>	0	<u> </u>	6	0	0	0	01	010	9 6	اهاد
8	9	·	2	10	:	· Die	9!	0	0	6	0	0	169	0	0	10	10		0	0	0	01	0	0	01	01	0:	<u> </u>	0	0	0	0	01	oio	916	. 6
A	L	110		. 6	:	210	0	0	0	0		10	10	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	01	01	0	01	0	0	0	0	6	01	<u> </u>	910	0 0
8	L		1		3 6			0			:			<u>.</u> _			<u>: </u>																			0 0
AMA	L	:			o i e	1				<u>.</u>				:													_									010
KA	L			:	1	:				:	:	:	i	1	<u>!</u>		i	1	<u>. </u>	_					i	- :	1					i		- :		,
AIAK	L	:	<u>:</u>	:		:	_;		<u> </u>	<u>i_</u>	!	į	1	۱.	i	i	L.	١	i	:	<u>.</u> . :		!		i			:				Ĺ	:	i_	_:_	00
	_		•		<u> i </u>	<u>.</u>			:	!	1	1	0	<u>:</u>	<u>i </u>	!	<u>:</u>	<u>:</u>	<u>i </u>	<u>!</u>	<u>: </u>	. !	:		:	:	!	i			<u>. </u>	: :		010		
BAG	L_		,			<u>.</u>				i_	<u>:</u>	1	0	<u>i</u>	<u>i</u>	i	<u> </u>		<u> </u>	:	:						:				<u>:</u>		:	010		, 0
	L										:			i			:									:					<u>: </u>			010	i_	100
AC	L			:	÷					:			İ	:	:	1	i			:	:					:				:	<u>!</u>				:_	910
\$	G	2 . 0) i G		916	יוכ	0	0	60	0	10	; 63	10	10	10	! ©	100	0	i ©	۱ ۵	.0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	: :	101	0	010	<u> </u>	0 0
X	6	0	10	910	9 6	٠: د :	0	0	6	0	ī 6	is	6	10	9	0	9	9	9	0	0	0	0	0	0	Φ:	0	0	0	0	10	0	0	010	9 6	0
3	6	9:0	10	910	s le	91	6 1	0	। ।	10	10	10	ه اه	0	0	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	<u> </u>	9 6
Ь	G	0	10	o i c	s i e	9 į	0	0	0	0	ie	9	10	0	0	0	10	0	0	io	0	0	0	0	ठा	0	0	0	0	0	0	0	0	0	s i e	010
S	ē	o i e	oid	Dic	910	<u> </u>	0	0	<u>; 0</u>	10	ie	16	olo	10	io	Ī	io	10	io	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	01	9	0
0	ł	> 6	0:0	916	910	9 !	0	0	10	6	S	16	10	10	0	10	io	10	10	; O	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	01	9 0	<u> </u>
6	6	3 (6	10	> : c	s i e	91	0	0	10	10	16	2 : 0	io	10	0	10	١	0	:0	10	0	0	0	10	0	0	0	0	0	9	10	0	0	0	910	<u>र्ज</u>
\vdash	6	916	ole	916	910	: 	0	0	10		100	. 6	;	10	: 0	10	10	10	I Ø	10	10	. 6	0	10	0	0	0	0	0	· 6	10	0	0	0	010	=
2	Ļ				i				:	:		116	i Vice		į	:	:	ŧ	:	:				:	: .	. :		•		:	:	<u>:</u>				9 6
×	1				:			•	:	ì			:	:	:	:				:				:	. ;					;	:	•				:
	ı	•	•		•				:				:	:	:	!		:	:	:								: 		•	:	•			:	; 010
9	٥	9 ! 6	910	9 (916	9 i	0	0	10	16	S) 6	10	10	10	10	10	10	10	10	0	0	0	0	0	0	10	0	0	10	10	10	0	60	010	0 6
:ш	Γ						_																_			_				_			_		_	
ပ	ľ	4. r	u · r	4:4	:	न :	ਜ	-	. —	-	1.4	1.	4 - «		H		2	· m	: 4-1	. ←	• 🛁	• 🗝	·ਜ	• 🕶	· न	· न	7	· 	ਜ	· ਜ		· 			7	414
\vdash	15	0:5	T : L	015	e :	21	28	16	8		116	7 . 6	318	22	98	82	100	: 6	ig	16	-26	93	4	95	96	26	80	18	8	10	92	18	2	8	8	800
8																																				07508
A	071E	2110	1:0	7170	8/18	8/19	8720	8721	8777	8773	8724	9775	8776	8727	8778	8729	8730	8731	8732	8733	8734	8735	8736	8737	8738	8739	8740	8741	8742	8743	874	8745	8746	8747	8748	08749
	ľ	S): C	916	5) (S D (S 9:	0	10	16		016	3 16		116	10	10	10	: 6	100	10	10	: 0	.0	10	10	100	, Ø	10	100	10	0	:	س.	ועט	ω ι (بري ا
	F	F	2 6	P	- [0	0	တ	0	E	2	1	3/4	F	2	L	00	0		E	2	33	4	35	96	7	38	9	D	=	72	100	4	5	9	ZE	<u> </u>
	E	7	F	ŀ	3	7	4,	48	4	4	F	Ė	- 12	4	4	74	4	4	745	4	45	4	4	4	4	4	4	汉	3	75(3	K	瓦	N	Ž[7509
L	ſ	-1	<u>-r</u>	<u> </u>	r	<u> </u>	_	<u></u>	L	1	-1	<u>''</u>	- J'	1	<u> </u>	E.	1	1	1	1	<u> </u>	<u>'`</u>		. `			<u>. </u>	<u> </u>	<u></u>	<u> </u>	Ψ.	, -		<u>r - I</u>	-,	-1-

		φ ·	<u>N</u> N	. <u>v</u>
器		99	832	1446
B		541	326	1051
표		-	н н	-
88		326	303	867
			66 2	m
		26	100	8
BE	, ,	090760	27937	87339
	0:010:01010:0	@ @ @ @ @ @ @ @ @ @	<u> </u>	000000000000000000000000000000000000000
YBAB	न न न न न न न न	नानानानानानानानाना	<u>ਜ ਜ ਜ ਜ ਜ ਜ ਜ ਜ </u>	नानानानानानानानान
罗	0101010101010	0000000000000	01010101010101010	000000000000
X	0000000000	00000000000	00000000000	
3	0000000000	00000000000	000000000000	0000000000000
AGASAUAW	000000000	000000000000		9 9 9 9 9 9 9 9
身	0101010101010	0 0 0 0 0 0 0 0 0	010101010101010101	0000000000000
	0:010101010	 ବାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ	01010101010101010	000000000000
AMAG	0:0:0:0:0:0	00000000000	00000000000000	01010101010101010
¥	000000000	00000000	000000000	00000000000
1	0000000	000000000	000000000	9 9 9 9 9 9 9 9
ABAG	000000000	000000000	000000000	000000000000
图	0 0 0 0 0 0 0 0	00000000000	000000000000	0000000000000
AC	01010101010	0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0	9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
*	0000000000	000000000	0 0 0 0 0 0 0 0	
X	01010101010	010101010101010	010101010101010101	0 0 0 0 0 0 0 0 0
≯	0101010101010	00000000000		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
n	0:0 0 0 0 0	0000000000	00000000000	ତାତାତାତାତାତାତାତାତା
S	0.0.0.0.0.0.0	0000000000	000000000000	010101010101010
0	0.0.0.0.0.0.0	10 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0	010101010101010
0	0:0 0 0 0:0 0	00000000000	00000000000	00000000000
Σ	0.0.0.0.0.0	1	000000000	0000000000
\mathbf{z}	0 0 0 0 0 0 0 0	 		ଡାଡ:ଡାଡାଡ:ଡ ଡାଡାଡ
		0 0 0 0 0 0 0 0 0	0000000000000	ololololo:o ololo
5			 ବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବା	00000000000000
u u				_
ပ	सन्सन्सन्सन्सन्सन	निवासीसीस समितिस	स्टब्स्य संस्थानामा स	ਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ ਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ ਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼
_	के :@:प्ने.प्ने.थे.यं ग्रे।क	IL IS OF TIMES IN	あでき 9 0 日 2 回 4	Niで ア 窓 ひ あ 日
æ	L .			07535 07536 07537 07539 07540 07541 07543
A	08751 08753 08753 08755 08755 08755 08755	08759 08761 08761 08762 38763 38765 38766 38766	08779 08770 08771 08773 08774 08775 08777	08779 087780 08780 08781 08783 08785 08785 08786
_		1 1 1	<u> </u>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
	5515511 5515513 5515515	7518 7519 7520 7521 7522 7523 7524 7525	55333 5333 5333 5333 5333 5333 5333 53	5339 5339 544 544 544 544
	rrrrr	<u> </u>	rrrrrr	- PPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPPP

																													_		_			
黑			•						7.																									
m			į					;									:			:	:				٠					:		:		
田	•	;	•									-					:															:		
BG			-:	_	•	-!		- :					•							:	-			<u> </u>						:		-		
		: :	-		i							:		-	-	;		:	.		÷		-	÷	÷				÷	- :	- :	<u> </u>	•	± 1
늄		: .	:															•											•	-		•		
		: :	-			_													:										:		-:			
띪		: ?	:	•				:	_			:									;			:			:		:					
BC	010	0	0	0	01	0	01	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	010	200	<u>:</u>	516	S : 0	او	010	910	01	0	0	<u>.</u>	010	516	10
BAB	स्त्रे, स्त	,	_ ;	H 1	4	,	.	, , ,		7	-	-	-	-	<u></u>	त्न	ਜ	 -	त्न,	٠	- 	4 ; ;	٠.,	- 1 · •		н.	-1. ,		н.	ਜ:			1:-	गस्त
	010	101	0	o i	0	0	0	01	0	0	0	0	8	Ö	0	0	0	0	0	0	وأو	: !	910	S : 0	91	010	910	011	01	0	0	0	9 6	010
N N	0:0	101	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	<u> </u>	01	<u>:</u>	910	<u> </u>	<i>5</i> (9	010	9!!	01	6	<u>o</u> i	0	010	ō : G	910
B	00	101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0:	0	01	916	<u>.</u>	910	9 (او	910	911	0:	<u>.</u>	<u>0</u> 1	01	<u>.</u>	916	210
S	010	10	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	916	911	S i	5) (91	010	91	0:	0	0	Ò١	0 0	010	210
ğ	010	:0	0	0	0	0	: ©	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	o i o	91	911	9 (9	010	S) (01	91	0	Ġ į	<u> </u>	9 6	210
Ò	0 0	110	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	010	9:	010	S) (91	010	91	0	0	0	01	010	916	910
M	010	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>9 i</u>	011	S) : (91	010	9 1	01	0	0	0	oio	916	10
AKAMAGAGASAUAWAY	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	او	01	9 (9	0	9	01	0	0	0	0	9 ! 6	10
A	0 0	: 0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	<u>s</u> i	0	90	0	010	91	01	0	0	0	<u></u>	sie	0 0
	010	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	910	51	0:	5	0	01	91	6 9 :	0	0	0	010	sie	ग्र
ABAG	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	ळा	91	01	0	0	<u> </u>	9:	<u>o:</u>	Ø i	0	0:	oie	9 6	210
Q	010	010	0	0	:01	0	0	0	0	10	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u>s i</u>	01	911	<u> </u>	6 10	01	01	0	01	01	Ø į	9!6	210
\$	016	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	o i	91	01	91	0:	011	0	01	01	0	0	010	916	गळ
7	0 0	0.0	0	0	0	0	0	9	0	0	ंठ	0	0	0	0	0	10	0	0	6	ماره	5	0	01	0	Oi	9	0	0	0	0	010	916	2 0
*	69 6	9 9	0	0	0	0	10	0	10	0	10	6	ि	0	ंठ	0	0	0	0	0	<u> </u>	5	0	o i	0	01	0	0	0	0	0	oio	9 6	<u>5:0</u>
<u> </u>	010	10	0	6	0	0	0	0	0	0	10	10	0	0	0	! 69	0	Ö	0	0	<u>ां</u>	9	0	o i	01	0	0:	0	0	0	0	0:0	910	010
S	0 6	0:0	0	0	0	0	0	0	0	io	io	0	ंठ	60	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	9	0:	0:	0	01	0	0	0	0	0	<u> </u>	s i e	9 6
0	010	0:0	0	0	0	0	10	0	0	10	0	ं	0	0	10	0	: 0	0	0	01	010	9	0:	0	01	01	01	0:	0	0	0	010	2016	210
0	010	0:0	: 60	6	0	0	10	0	0	0	10	0	0	0	0	:0	10	10	0	0	010	91	© !	Ø !	<u> </u>	0	0 1	0	0	0	0	010	<u>516</u>	016
Σ	010	10	9	10	0	0	0	0	0	10	10	10	0	0	10	0	10	0	0	0	01	9	0	O !	01	0:	0	0	0	0	0	010	5) 6	9:0
				-				2					•		-		-																	010
<u></u>	0:0	0	0	0	0	10	10	0	10	10	10	6	0	10	10	100	0	10	0	0	011	<u> </u>	91	01	0	0:	01	0	0	0	0	010	516	910
<u> </u>	010	0:0	:0	0	10	10	:0	10	10	10	io	10	0	0	10	:0	10	10	0	0	010	01	01	01	6	01	0:	0:	0	0	0	010	516	010
	┢						:	<u>.</u>				:	-			_	_										_							
F		11 स	. स्त		.4		; , ,	; _ 1	. स्न	iH	: (~1	in	<u>.</u>	, –		त		;_	-	. स		_				, , ,	_ -	٦.	,	त		 	⊢ · •	नाल
ပ													:								:													
8	545	547	548	549	550	551	552	553	554	555	556	557	558	559	560	561	562	563	564	565	266	267	568	269	570	571	225	573	574	575	,276	722	57.8	07580 07580
1																																		
	08790	792	793	794	795	796	797	798	799	8	801	802	803	804	805	807	808	8	810	811	812	813	814	815	816	817	818	819	820	821	822	823	824	826
<	8:8	8,8	8	8	8	88	:8 :	8	8	8	8	8	80	8	0	:80	: 8	8	8	8	8:	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	818	3 :0 8
	49	- 00	၅	0	F	~	m	4	Ŋ	9	F	ω	0	jo	-	2	33	4	<u>3</u>	إوا	, E	١α	တ္တု	Į.	-1	2	ূ	4	7	9	7	ωį	Σį	ᇎ
	7546	54	34	53	53	33	33	33	35	33	755	755	33	756	35	756	756	756	756	35	756	ş	756	?	2	5	\tilde{c}	/2/	757	5	757	3	ŽĘ.	35
<u></u>	7	<u> </u>	<u> </u>	<u></u>	<u>r</u>	<u> </u>	1	<u> </u>	~	<u>'</u>	1	<u> </u>	1		1	_	1	1	<u>'</u>		``	۲				-	_	لا	_	<u> </u>	~		7	

				_								-													.	:	-	- -	-					٦
器																										. :								
<u>a</u>				:			:		:	į	:			:	•			:	•	:	•	į	:		:		!	:	:					
핆				:			:									٠,					;		:			:								7
88			:	:			:	:		:	- ;		_	_							:		:		:	;	:	:				_		٦
ı				:		:	- :				<u>;</u>	_	_			-					;	:	÷	:	<u> </u>	-	- :	-	:			_	-	٦
8			:			:	<u>!</u>	:		:	:	_							:	:	:	· 		:	<u>.</u>	-		!	:					_
BE			:	:	•						:	:									:	•			:	:	:	:	:					Ì
			!	-		į	į	:	:	;	_			_	_		:			:	:	:	;		:	i	i							
8			:	:		_ :	i			_ :	į	_:					:	٠		<u>.</u>				:	_;_	:	:	<u>:</u>					(S) (٩
BA		4 i e4		, .			:	1		•	-	:					÷	:			- 1		:		•	•						· 	1016	֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡
AY			•	: '			:		:	:	1	Ċ										;	_ :	•	_:_	•	:		_ :				1010	
ALAW			<u>'</u>			. :	•				. !						:			_:_	. :				!		!	_:					1010	_1
S					:			:	:										:									-					0	_
AdA				:		. :	:			:	:	:						,		_!	·							:	•				:0:0	╛
S							:											_ :		:		_ :				_:_		:	:				10:0	┙
AMAO	010	910	io	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	o i o	910	۱ء	<u> </u>	o i	o i e	o i e	s i e	9 ! 6	s i e	916	010	0	10010	8
¥	010	010	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	s i e	او	6	او	او	وأو	9 0	اد	5 0	916	o i o	0	0	8
7	010	010	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9 0	اِو	<u> </u>	010	١٥	s i e	9 9	او	S i c	910	0	0	1010	8
ABAG			:	<u>. </u>														;			_:_				÷	_:_		_:					1010	┙
CAE														•	:								<u>.</u>			_:_							1010	_
AAC			i	<u>. </u>	: :					;				•	ţ			i					٠	:		•	:	:					0	╝
⋖	<u> </u>		<u>:</u>	i	: :	i	:		<u> </u>						<u> </u>					į	- :	_:				i	<u>:</u> _	i					1010	╝
١				:	:				<u> </u>				:		<u> </u>						<u></u>				i	_!	i	•	i				اها	╝
N N	010	0:0	. 0	.0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	910	S:	<u>.</u>	010	اذ	s i e	· sic	o i e	Soi (2)	S : €): (S	: 100	1010	ᆰ
S	0:0	0:0	10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	10	:0	6	0	0	0	0	0:0	9:0	<u>s:</u>	<u>0</u>	911	911	<u> </u>	s i e	ا ر <u>ح</u>	910	5 : 6	00	:0	1010	5
0	0:0	0.0		10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	9:0	3):	O i	911	9:0	s i e	عاد	910	9 ;	S : 6	<u> </u>	0	0	5
0	010	9:0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:0	0	0	0:	<u> </u>	910	<u>s</u> i	0:	01	<u>,</u>	وأه	١٥	<u>:</u> اد	910	20:0	910	10	ioi	5
Σ	0.0	010	10	10	0				•			:					•			•				010	910	916	5 	<u> </u>	<u> </u>	S 6	0:0	0	:010	5
$\overline{\mathbf{x}}$	0.0	0:0	. 0	10	0							0	0	0						011				0	910	sic	910	910	910	S : C	0:0	10	1010	5
	0:0	0:0	10	:0	0						0	0	0			0	0	0	0	0!	910	S :	0 !	01	2011	910	<u>5: (</u>	اِو	910	S : C	9.0	.0	1010	5
9	0:0	2 · C	10	10	0									0	0	0	0	0	0	011	0 : 0	<u>20 :</u>	0	611	S) (910	916	S : (911	S · G	9 . 6	0	1010	5
E							_	_	-						•									•										1
Н	H-1	- -	ंन	4	: +1		<u>—</u>	=			-	-	·	•	-	7			٦.		 -	4.		·	٦,,	-ii c	7.,	41.	 -	4.4		. —		╗
ပ				:					•																							:		ı
	581	283	2	385	986	287	88	68	8	291	295	93	9	395	96	297	8	99	8		700	20	8	9	8	918	816	8	913	110	513	514	07615	9
В																																		
	827	878	30	831	832	833	834	835	836	837	838	839	846	841	842	843	844	845	846	82:	0.10 0.10	850	851	852	2	W . F	011	200	857	χ. α Ω. α	80.0	861	08862	863
A	8	æ:æ	188	188	88	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	88	88	8	8	8	00 : 00 00 : 00	8	80 :	8:0	3: 6 3: 6	8 6	9 i 6	8	8	χ δ 5 6	9 6	18	8	ŝ
\vdash	77	<u>0</u> 4	N	9	N	ω	ച	: O	F	7	က	4	h	9	$\overline{}$	80	6	0	_	<u>√</u> k	<u>ب</u>	<u>+</u> -	Ωķ	<u>ام</u>	<u>_</u>	0 0	n k	카	<u>-</u> c	যদ	<u>্যব</u>	7	10	\exists
	28	of. Σαο	38	58	58	58	58	59	59	59	59	59	53	59	59	759	59	9	9				3					<u>-</u>	٥	وام		9	7616	5
	<u> </u>	<u> </u>	-11-	<u> </u>				_		<u></u>	_				<u></u>	_		~		_[<u>`</u> [<u>_ </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u>-r</u>	<u> </u>	<u>- F</u>	1	<u> </u>	<u>- F</u>	1	1		لا

AI AKAMACA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	ग्लंस संस्थित
ABC BE BF BG BH BG BF BG BF BG BF BG BF BG BF BG BF BG BF BG BF BG BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BG BF BF BF BF BF BF BF BF BF BF BF BF BF	1 0 MSS 409 100 79 1 1 0 1 0 1 1 0 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
ABC BE BF BG BC BE BF BG BC BC BC BC BC BC BC BC BC BC BC BC BC	1 0 MSS 409 100 79
ABC BE BF BG	1 0 MSS 409 100 1 0 0 11466 97.1
ABE BE BE BE BE BE BE BE BE BE BE BE BE B	1 0 MSS 409 100 1 0 0 11466 97.1
A D D D D D D D D D D D D D D D D D D D	1 0 MSS409 1 1 0 0 11 466 97
	10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
d erainialalalalalalalalalalalalalalalalalal	<u> </u>
	0000000
<u> </u>	00000000
	000000
	<u> </u>
	0000000
	<u> </u>
	1 1 1
Σ ************************************	
▼ oroxio: or	<u>: : : : : : : : : : : : : : : : : : : </u>
	210.0101010
Q @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @ @	01010101010
u	•
O Alamana Alamana alam	नास संसीतीत
11111111111111111111111111111111111111	5 4 8 8 8 5
8 97613 97629 97639 97644	979
A	20 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
7619 7619 7621 7622 7623 7623 7623 7633 7633 7633 7633	557
L FFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFFF	

		₹:	
BK		2284	2910
18		2201	1840
ВН		н .	। । । । । । । । । । । । । । । । । । ।
BG		71	5336
Ш		7	ι ψ
B		26	18 : : : :
BE		8118 0	9010
			l [®]
BC	01010:0101010101010	 	ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା
BA	न न न न न रा न न न न	ਜ਼ਿਜ਼ (ਜ਼ਿਜ਼੍ਜ਼ਿਜ਼	नं स्वास स्वास स्वास स्वास स्वास स्वास स्वास
AY	0000000000000	01010101010	0101010101010101010101010101010
ΑV		000000000	01010101010101010101010101010
A	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	<u> </u>	
78	000000000000000	0000000	ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା
AdA	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	00000000	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
B	ଡାଡ:ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ	00000000	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
AMAG	0000000000000	0000000	ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା
AK	00000000000	0000000	000000000000000000000000000000000000000
हि		000000	
	0000000000000		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
ABAG	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	00000000	ବାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା
S	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0000000	<u>ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା</u>
डि	000000000000	000000	000000000000000000000000000000000000000
1	0000000000000	0000000	
3	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	000000	000000000000000000000000000000000000000
5	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		000000000000000000000000000000000000000
S	0101010101010101010	0000000	9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9
0	ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା	101010101010	<u>ଚାରାତାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା</u>
0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	00000000	ତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତାତା
Ë		10101010 01016	9:00:00:00:00:00:00:00
2			
上		·	a:0101010101010101010101010101010
-	0:0:0:0:0:0:0:0:0:0	10101010010	2:0:0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
9	010101010101010101010	10.00000000	୭:୦ ତାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା
ш		i	
	ਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ਾਜ਼ 	ਜ਼ਿਜ਼ੀਨਾਜ਼ਜ਼ਿਜ਼	न'न'नानोनान'न'न'न'न'नोनोनोन'न'न'न'नार
0			
	6.52 6.53 6.53 6.53 6.53 6.53 6.53 6.53 6.53	27.00	97677 97677 97677 97677 97677 97678 97688 97688 97688 97688 97688
8	60769	999999	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
	8 6 8 8 8 8 8 7 7 7	4 5 9 5 6 6 5 6	22.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2
1			08922 08924 08924 08925 08925 08926 08931 08931 08936 08936 08936
	56666666666666666666666666666666666666	770982	7672 7673 7675 7675 7679 7682 7683 7683 7683 7683 7683
		1212 12 12 12 12 12 12 12 12 12 12 12 12	
			

B ₩	L																	121										•								8				8	
圖	1				_								_	_	:	:		4	•			:	_					:							: 	3				न नः	-
1 I									_		:		:			•		1344	:		•	:		:		:		:			:					6			: :	<u> </u>	
표											:				•	:		1		:	ı									:				_		٦:			:	٦	
86	Ī					:							-		·	:		78		:				-											į	347			ļ	997	
BF						:	-				:			i		1		98.7				i				:				_						97.7			1	94	
	L		_		_		:				_:		<u>. </u>	:	-			<u>. </u>	· 	: ;	<u>:</u>	÷		:			;	_		_			:		_		_		:		4
띪	l					٠				:	:			i	:	:		2581	:	:	:	•	:			į					:					9649			. ¦	3315	
	١	316	91	Ø		5.6	:	0	:0	1	- i	0	169	:	91	9		8		10	:	! > @	210	: 	6 3:	<u>.</u>	<u> </u>	01	0	0	: 	0	0	0		2		0	0	<u>0</u>	0
ABO	L				_		٠				:							<u> </u>	·		:_					:															7
閉	١	5 : 6	<u>s</u> :	0	10	010	<u>.</u>	0	:0	:	0	0	: 6		s :	0	0	6	0	10	is	016	3 i e	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:01	0	0
X	6	916	<u>.</u>	0	10	<u>:</u> > •	<u>.</u>	0	10	<u>:</u>	0	0	10	, (9	0	0	0	0	10	16	> @	<u>:</u>	0	01	<u>.</u>	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A A	6	<u>:</u> 9 ; 0	20:	0	10	910	5	0	16) i	0	0	0	1	91	0	Ø	0	<u>:</u>	ie	:	10	911	<u> </u>	0	9	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0
AS/	6	9 i e	5	0	! 6	<u> </u>	91	0	is	5	0	0	6	o i c	5	0	0	0	10	Ø	16	ار	١١٥	<u>o i</u>	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ø	0	0	0	0
¥	1				•					:		:		:	:				:	•											_ :								0	:	
A	ļ									:								1				•	:										:			:			10		
AM	1.					i							:					!	:	:_		1		:			. ;				:		<u>. </u>				_	ı	0		
AK	l	÷			:	i	1	Ì	:	!			i	:	_i		i		<u>:</u>	i	:	i	_i	;	:								i			<u>. </u>	<u>. </u>		0		Ŀ
AGA	L			_		_:		:	:				1	i			_	<u> </u>		•	-:-		<u>:</u>		;				<u> </u>		نــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ		:						0		
ABA	1	:			•	1	- :	:	,	- :		:		i	_ i			<u>i </u>	į.	i.	٠	<u>. :</u>		:					:				<u>: .</u>			<u>:</u>			0		
AQ.	t	91	9	G	10	9	0	0	HG	9 į	0	0	İG	<u> </u>	9	0	0	10	0	İs	oie	5 6	9	0	0	0	0	0	0	0	0	6	10	0	0	0	0	0	10	0	0
\$	ŀ	91	0	S	: 0	s 	0	0	: 6	9 !	0	0	ie	ا د	<u>o</u> i	0	0	0	0	İG	ie	s i c	s i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0
7	١	9	0	G	10	<u> </u>	0	6	1:6	91	0	0	16	ا د	9	0	0	0	10	S	ole	o i c	<u>ا د</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
₹				_	•	:		:		į		t	!	į	:		:	ļ.	i		:	ı	i				_	<u></u>	<u>. </u>							:		:	10		:
Ū	ı				•			ŀ		:	_	I.	1	i	:		!	:	:	:		ļ	:	. !					:	:		:		:	:	<u>:</u>			10		
S	1			•		:				. :		<u>i_</u> .	i.	:			١	1		i.	•	1	•	i	:		:	<u>: </u>	:	:	!	•			:				:0		
0	П					:				:		į		:		•	:	•	i	i	î	÷	- ;					!	<u>i</u>						:	<u>.</u>			10		<u>:</u>
10	Ļ	;			:	ł		!		. :	_	:	1	1			1	Ĺ	:	i		:	i				<u>i</u>	•		:	i	:		<u> </u>	<u>i </u>		<u>. </u>		10	: 	<u>:</u>
Z		_	_	:	_	į		:		į		:	1	:			!	:		:	•	!	!				:	:	!		:			·	_	•	i	<u></u>	:0	: 	<u>:</u>
天	ı					:		:				:	:				:					_:_	:				: 	:							:				. 60	_	<u> </u>
	ı				٠	:		•		•		:	:	:			:				•	i					-				1	•		:				,	.0		;
9	+	_		_		_	_			_	_				_		_	: -			_	;	- :					-				-			: :		-				_
1	 ,	<u> </u>			111		=	· 	• •		_	-	11.	 -	_		· 		· 	:	4 - 1	4	н,	_	-	-		: •		• स्त	. 		· 	٠,1	٠,	:	. –	ं स्त		• , ,	<u>.</u>
ပ										:					•					•																					
m	9	689/8	0500	7501	1 0	76970	8293	07694	1 0 0	56979	9692	07697	110	0/0/0	07699	02700	07701	97797	07703	27.70	2	50//0	90//0	02707	07708	07709	07710	07711	07712	07713	97714	07715	07716	07717	97718	97719	97729	07721	97722	67723	97724
-	4					:		•						- 1																				-	·	-:					
A		680	680 0	200	3	689	680	: 0	9 6	50	680	080		9	680 0	680	5	100	0	3	010	689	680	089	089	680	680	680	689	680	88	88	680	688	88	680	680	089	08972	089	688
	VERK	2000	7691	7507		7033	7694	7695	7007	060/	7697	769R	7500	(033	7700	7701	7707	7703	7774	770K			3	7708	7709	7710	7711	7712	7713	7714	7715	7716	7777	7718	7719	7720	7721	7722	7723	7724	7725

¥	_			<u> </u>	.	:	_		-		:	:	18	3	-	1						:	:	-	717			:			-	;	:			!	336
_ 	_	-	: :	: 	!	· 				-	<u> </u>	:	316	٦	-	:	_				-	:	-	:	99		:	-	+	:	:	-	: :		•	- 1	7 : .
8	-			i									10	9					:		į	•		_	2			:									187
НВ				İ	!	:		:				:	!*	٦: :	•							:		<u>!</u>	٦!			:	:	:	-:				:		⊣: ——
BG		:	:		1	:					:	:	250	7	i	i				į			:	i	152	:			!	;	:				:		306
BF				-	!	:	:				:	i	•	?!	i							:		-	86	:	:				ļ				-	•	98.4
	_	<u> </u>	: 	:	•	-		-		<u>'</u>		·	16	, ,	-	!					!	<u></u> :		_;	-			:							i	1	<u></u>
BE	:	 			:	•	:	:				:	74 4605	P	-										X54941	:	:		:	:					:	- 1	M25756
80	0	0	0	6	, i c	9	0	0	0	0	0	٥			8	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	ा	0	0	0	0	0	0		00
	-	 	-	-	•	41		-	F	-		:-	1 -	- i	ᆔ	<u>ر</u>	ત	П	ਜ	H	ㅋ	ਜ	ᆏ	ਜ	न			-	नां	, , i	٦,	ਜ	ਜ	ᆏ	न	ㅠ:	नांन
AWAYBA	0	0	0	6	١	او	0	0	0	0	0	is	9	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0 0
S	0	10	0	FG	गंद	=	<u></u>	0	0	0	0	10	1	إو	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	00
F	0	0	S	S	i	<u> </u>	0	0	0	9	9	is	۹۱۹	اح	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0:	6	6	0	0	0	0	0	01	0	010
ত্ব	0	0	8	le	اد	91	0	0	0	0	0	İs	510	5	0	<u>0</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u></u>	0	0	0	0	0	0	0	6	0 0
AGAS	0	10	G	is	7	9	0	0	0	0	9	iG	٥١٥	اه	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	0	0	0	0	Ó	0	0	01	00
व	0		6	6	1	9	0	0	0	0	0	Ī	<u> </u>	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ड</u> ा	0	0	<u></u>	0	0	0	0	01	0 0
AKAMAC	0	10	10	6	1	9	0	0	0	io	0	G	5	او	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	00
¥	0	0	S	16	1	5	0	0	0	6	0	9	9 (0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	00
₹		:	:	i	_:_	i	:		!	Ĺ	:			i		:					:													_			00
AEAG		:	ţ.	į	ı	i			ĺ	i	•	i		- 1	. !	- 1		ı		:	1	<u>L</u> _			! ;	<u> </u>		i	:								010
X	٠ا		•		١.	_ ;			<u>:</u>					i	_ :			i			<u>. </u>	<u>!</u>	·			<u> </u>											<u> </u>
AC	ļ	•	•	;	-	- !			:	:	1	;	į		- 1	ì		i		:	I	İ			<u>.</u>	: :							į	!			00
AA	Į	፥	1	İ	i	i	1	!	ĺ	i	:	i	į	j		j		:		<u>.</u>	i	<u>. </u>			1						i !		<u> </u>				00
<u>></u>		:	į	Ŀ	_i_	_ :			<u>i</u>	<u>:</u>	•		i	_1			_	<u>i</u>		Ĺ	1		<u>. i</u>								!			<u>. </u>	:	!	<u> </u>
≷			:	•	i	ij			i	1	,		Ì	į	:			i		:	!	i	;		:	į .					<u> </u>	!	<u> </u>	<u>. </u>			0 0
므		:	1	_i_	_i_	. !		· 	Ĺ	!	i	i.	i_	:				<u>i_</u>			:	<u>i </u>	i j	<u> </u>	1						<u>. </u>		<u> </u>	:	. '	<u>' </u>	00
S		:	i		1	i			:	į	:	į	i	i				1		1	1				١_	<u> </u>	٠ .				:		•				1
0		•	i	Ĺ	_i_	_ :			Ĺ	<u>i</u>	:_	٠		į				1			<u>i </u>	<u>L.</u>	<u>. </u>		<u> </u>						<u>. </u>	<u>i</u>	!	:	:		<u>o i o</u>
0			!	:	į	į		:	!	į	į	1	:	- 1	1		i	;		:	:	!	i	i	!	•		į			!	į	į	•	:		
Σ	l		:	j	ı	ı			i	:	•	:		•			i	!_		!	:	•	<u>; </u>	:	į.	•		:		!	:	:	<u>i </u>	:	:		0 0
¥			÷	:	;	:		•	:		:			!		•	•	:		•		i	· 	•	ļ	!		<u> </u>	:		t	<u> </u>	•	1		, :	
-		:	:.	i	1			•		: '	•	;					!	:			:	!	<u>:</u>	:	!			:	i	· 	<u>:</u>	:	:	•		: 	0 0
ဗ	0	10	10	1	۰ i د	0	0	0	i 69	0	S	10	911	0	0	0	0	10	:0	10	0	10	10	0	16	0	0	0	0	0	0	10	0	0	100	0	010
Ш			:	;	:	-						:-					!	:		•	:	;	:	:		: :	i		:		:	:	:				!
ပ	٦	िल	:	11.	4i ·	-	+		; ;	ं न '		4 : 4	-	 :	← 1	:	:	•	4	.स	· -	: - -	-	: 1	।	.	+1	.ਜ	•		: :	i ←1 · :	न्न :	1	اجا	· स •	नात
8	97725	97726	27777		07//0	62220	027730	97731	97732	97733	97734	110	6//35	07736			07739	07740	07741	07742	07743	07744	07745	07746	07747	07748	97749	02776	07751	97752	07753	97754	07755	92776	97757	07758	07759 07760
\vdash																																					
4	l	•	•	፡					:	•	:		1	:		!	i				:	•		i :	<u>!</u>	٠		•	:		<u>:</u>	:	:	_			99899
	7726	7727	1750	7750	200	//30	7731	7732	7733	7734	7735	1756	00//	//3/	7738	7739	7740	774	7742	7743	7744	7745	7746	7747	7748	7749	7750	7751	7752	7753	7754	7755	7756	7757	7758	7759	7760

									<u>~:</u>							_	0			_	00 :								m	_						\neg
Ж		:		:				-	793	:	:		į		:		1450		:	į	1568		!	:			:	į	89	168		:		:	:	۱
18					_		- :	- 1	222								1219		-		989		1	i		:	•		423	1555						٦
BH		-					i		4		_		i				m		_	_	26	- i	-	ij		:	:		-		-			-	-	1
BGE			-	_			 ;	i	69	ij	_	:	-				199			-	265			-		-:	_	_	26	23			_			┪
_	-	:	۲	_		-	-	:	ဖ				-i			_	5				1 2		-!	-		-	-		93 25					<u> </u>	<u>:</u>	\dashv
BF							ļ		8				İ			į	2			. !	95	. į	į	!		į	:		.	Ä		i			:	
BE		i				;	!		191								348				4069		ļ			:	:	į	1302	62099				:	!	
L	L	_	<u> </u>	_		_	_		583	_			_	_			Š	-		_	M24	_	_	i		į	 ;	_	M21	×	_				_	_
BC	_	<u>: </u>	<u>. </u>							;		0	9						-11	-	-1			٦!		7		-	7	7	_	~	-		-1	
AWAYBA	L					i	i				-	:		:					_!		_!	_	_	_;		_				i	<u> </u>	:		01	<u> </u>	_
AY	L	<u> </u>	:			_ :		;			0	:				<u> </u>		_!						_ !	:	:				<u>L</u> _	<u> </u>			0	i	_
ğ			_ !									0										¦		i		_!	_;	!	<u>. </u>	_	_				:	
M		:	:			- :						Ò									:		:			:				<u> </u>					. :	
AGAS	┖							نَــــ				0										:									_					_
×	<u> </u>		:				;					0												:		:	:									_
AIAKAMAO	<u> </u>	i	<u>. </u>				!					0				<u> </u>					:	;		•	. !									<u>.</u>		_
\$		<u>!</u>	\Box			Ш		<u></u>			0				<u> </u>	Ĺ_	!	Ш				<u>i</u>		:		i	i		<u> </u>					01	i	
¥		į				_ !					0	لبا			_	L_	<u> </u>					i		:	i	i	_		_	_				0	i	_
	<u>. </u>		0		<u> </u>									<u>_</u>			:				<u>i l</u>	i			!	i				<u> </u>				0		_
ABAG	L	<u>:</u>										0	<u> </u>		_	_	<u> </u>				9	!			!	;				L				0		
B	<u>. </u>	į	:		•						:	0			:						i	;		1						١.	:				:	
N A	_	!	;								: 	0				<u> </u>		<u>:</u> 						_ :	:	i			·	!						
<u> ₹</u>	L	1													_		:		_		: ;				i	i				i	·			<u>. i</u>	i	
<u> </u>	L	<u>. </u>						L				0	i	ட		L	:								_	i			·	_		:			_ :	
3		<u>: </u>			<u>.</u> i			<u></u> i			i	0	i		i	<u> </u>	i		i			:		j	:					i				: }	i	
2	<u>_</u>	<u>:</u>						ш			<u> </u>	0		L	<u></u>	<u></u>	<u>i</u>		! !						i	:			!	<u>.</u>			يا		i	ĹШ
S	_	i	:		<u>:</u>						i	6	<u> </u>	<u> </u>	i	<u>i </u>	:				!								:	_					:	
0	<u>i_</u>	:	į į		: .	لسا						6			i	<u>!</u>	<u>i </u>				1				_ :	1	<u></u> :		<u> </u>	1	<u>i </u>	1	<u>. </u>			
0	_	10		0	6	0	0	0	0	0	8	0	0	0	6	6	160	100	0	60	0	0	0	0	0	9	0	0	9	100	0		0	691	0	ျိ
Σ	9	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	9	0	0	0	0 i	ိ
¥	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i Ø	0	0	0	.0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	ଵ
_	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0
IJ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	<u>;</u> 60	0	0	0	Oi	0 i	0
ш,		;	:						_		:							:	:	-	:			:		_	_		:	:	:	:			:	
\vdash	ㅁ			7		_	_	-	_	П	-	-	-	-	<u>-</u>	Ŧ					· 🗝	-	+	-		7	H		7	: 7	-	. ~	· г	. =;	ਜ;	ᅴ
ပ			: : : .											!		I	:	:							: : .		· : ,		:		! :	:			:	
8	7761	7762	7763	7,64	7765	992	292	7768	7769	7770	7771	97772	7773	7774	7775	7776	7777	7778	7779	7780	7781	7782	7783	7784	7785	7786	787	7788	7789	798	7791	7792	7793	7794	7795	7796
					:			: '				•	!	τ	•	•	1	i	:					: :					•		•	•		•		
4	99011	09012	09013	99014	09015	99016	99017	81060	99019	99026	09021	09022	09023	99024	09025	93026	09027	82060	62060	09036	09031	09032	09033	09034	89035	09036	69037	86060	99939	99046	09041	09042	09043	4969	09045	09046
\vdash	2	m	4	2	٥	\overline{L}	ဆ	5	 	-	2	8	4	<u> </u>	10	$\overline{}$	lσ	ര	0	-	2	က	4	2	9		8	6	0	F	~	က	4	N)	اق	ᅥ
	9	9	764	9/	9/	76	9/	9/	11	11	11	17	1	11	1	1	1	1	8	78	78	78	78	78	78	78	78	8	6/	73	8	6/	6/	795	ମ	2
	_	<u> </u>	/	/		_		_	_	_	_	7	<u> </u>	_	_	^	<u> </u>	_	_	_	/	_	_	_	<u> </u>		_	7	~	<u> </u>	_	_	_		\succeq	

¥	1163	n :	_		-		17	_			_	•		_	2360	_	_		_	_	_		:	458	<u> </u>	:	_	_	:			-						.				918	161	<u> </u>	10	20:0	oo i	٦
BK	L						-	٠.						_					-			_	'	"	· -	· -			:						_		-					-	100	•	10	- : :	ਜ:	4
8	3	<u> </u>			:		17.68	1					ŧ	į	1576				:				;	2116	:	:			:		:	:						:		:		1551	27	i - i :	10	الإ	28	
BH	7	-					-	•						•	7								•	-		:														!		-	:			7	_!	
BG	į	5	_	:	:		35.1	\$:			:	į	169	:	:	_					1	326	:	i		! :								: 	:		:			325				123	2	
BF	۲	2					ļ٠				:		-		98.8				:	:				98.5								į			:	!	:		:			93.2		1:		97.6		
<u> </u>	ŀ	_ :	_	-	-		ig	· }		:	:	-	:	_; !	9		-		_	_		-	-	1790	:	-	_				<u> </u>	-		_			:					8	ļ.	÷	-:5	§	902	\sqcap
BE	3	1000					000	4.		i :			:	į	193150	:	:		:			:	1	8	:	:		•								:			:			8	11363	į.	16	20	X029(
80	Ŀ	7	,		41	m	a) i	7	.	7	7	,	-			-;		7	1	_		-1;	즊	-	1	~	=	;	4 ; •	피 :	_	П	н	7	-	irr	3 . 4	-1 11	7	ਜ		11-	11 0	-1 i c	7	ਜ	ᄀ
조	4	9	0		<u>;</u>	0	0	<u>آڏ</u>	0	10	<u> </u>	0	į	0	0	10	- :		٥	ا د	0	d	9	0	: 6	۱ د	0	0	1	5 [Si	0	0	0	0	0	ĪG	10	اِو	0	0	0	10	S : 0	910	9	0	0
A	١	91	0	6	1 6	0	0) i	0	10	91	0	1	0	0	10	S	0	0	ا د	0	10	<u>ا</u> د	0	10	<u> </u>	0	0	10	۶ آ :	<u>o</u> i	0	0	0	0	0	S	1	5 i	0	0	0	i	3 · (<u>s) (c</u>	S i	0	0
ALLAW	1	9 !	0	10	1	0	9	i e	0	i	9 [0	i	0	0	1	اد	0	10	9 [0		او	0		ا د	0	0	1	9 î e	9	0	0	0	0	0	١٥) (، ا د :	0	0	0	10	5 ! 6	s i	9	0	0
\blacksquare	L						:	:							:		•	•					_ •			_:		:	:		_ :		0		:			÷				<u> </u>	:		_:	i		_
dAS	L						:										_		•						:	:			•		:		0					÷					:		:			
I	L										:		•										_:		_								0				•									:		
AMAG	L			,	:		:			:						:									•	_:							0										<u>.</u>					
X	L			:_	·	_	!	٠		1.	_ :		:		<u> </u>	i			!	_ :	_	:	_:	_	:		_	<u>. </u>	1	:	- :		0	i	<u>. </u>	<u>. </u>	•		_ ;		_	:	•		-	i		
M	+	5	0	ŀ	ار	0	1	<u>.</u>	0	١	ᆰ	0	1	0	0	1	0	0		8	0	1	0	0	10	ᅱ	0	8	٠,	<u>ः</u>	0	0	0	0	0	0	10	,	اھ	0	0	10	10	<u>.</u>	اه	<u>a</u>	0	0
ल	ţ	0	0	i	<u>;</u>	0	10	<u> </u>	0	ļ¢	إد	0	,	0	6	1	0	Ö	ł	اد	0	1	8	0	10	اد	0	S	†	8	6	0	0	0	0	0	ie	1	<u>5</u>	0	0	6	10	o i e	910	اھ	0	0
ABA	ľ	<u>s</u>	0	i	٥i	0	ie	51	0	ie	اد	0) 	0	9	i	0	0	10	<u> </u>	6	10	0	0	ie	اد	0	S	1	اد	0	0	0	ठ	0	0	10	si a	51	0	0	S	oje	916	010	0	0	0
AC	ľ	501	0	10	<u> </u>	0	10	S :	0	:	j 65	G	1	0	10	i	0	0	!	9	0	1	9	0	1,0	ا د	0	: 6	• i • :	9 !	9	0	0	0	9	i o	! 6) i	91	0	0	0	:	910	9Î	0	0	0
₹	ľ	9	0	i	ا د ا	Ø		3 :	0	!	9	G	1	0	9	ì	0	0	1	9	0	1	0	0	10	9	0	2	İ	si i	0	0	0	i Ø	0	10	:	510	اھ	0	0	9	9	910	91	S	0	0
≻	1	_ :		•							:		i		ı	i		i	i			i		į .	:					:			0	<u>.</u>	:						i	;	1			:		
≥	J			٠	!		:			:	_:	<u>.</u>	:		i.	1		<u> </u>	ì	-		:		į	:	į		i	!	•			0	Ĺ			:	i	•		!	:	:					:
2	1	91		_	_ :		:	_		÷	_;	;	i		<u>:</u>	į		<u> </u>	1			ï		<u> </u>	1	i		!	i	:			0	:			:	_:	_ :		<u> </u>					_:		
S	1			:			i	i				_	:			:		<u> </u>	i			;		<u>i</u>	!	ı		<u>:</u>	i	į			(O)	<u>: _ </u>	:		:	:	:			<u>:</u>	;	٠		.:		:
0	J.			:	:		•	:		į	-	į	i		i			;	i			:		į	•	•		١.	:	_ !	- 1		İ	:	•		:		-		•	i		٠		:	!	0
10	Ĺ	_ :		L	:	_	:	٠		•	. !	!	į		:	!		L	į			1		<u>i_</u>	•	į		à	ŧ	:			<u>i</u>	:	:			1	!		<u>!</u>							10
Σ	1		_	<u>:</u>	_	_	:	_	_	•		:	!		<u>:</u>	!		! 	:			!		<u>!</u>		_!		<u>:</u>	_		_!		0	<u>:</u>	:	_	!	_:	_		:	<u>:</u>				_:	_	:
X	1			_	,				_	_		٠	•		!	:	_	:	:			,				_ :			ŀ	_:			0	:	:		:				_	:	٠.					10
							:			٠		:	:			:		i	•		:	•		:		:			:	:		!	!	!	:		:					:	:		٠			0
19	1		_	-	؛ حد -	_	· · ·	_	_		_	_				- 1			:				_			_			_	_	_	_	_	. 						_	_						_	
-	1		_		-1	~	115	0.	-			_	4:	_	:	•	_		1	_			_		,	_	_	· -	4.	_ -	_			٠	-	· -	 	n	, , ,	~	-		4 - •	-		<u>.</u>	<u>.</u> .त्न	.स
ပ		. •	- 1			•-		-					•	- •	•	:		:	:	•	:			:					:				!	:		-		-			;		,			-:		Í
8		7797	17798	10	66.7	27800		100/	7802		7803	7804	5	7805	778GG	3	7807	7808		97809	7810		7811	7812		7,813	37814	7701E	3!	7816	7817	97818	97819	37820	12821	7822		2,070	7824	37825	37826	7207	1000	2/8/2	97829	97830	7831	07832
-																																																
4		8	8		8	900		S .	000		88			8	100			8		8	Š	3	<u></u>	000	:	8	8	100	8	8	<u>8</u>	8	930	960	100	000		8	8	8	8	8	0 0	\$: \$:	တွင် တွင်	8	8	09082
		/ 98	667	200	200	301	1	200	303		504	30K	3	3061	₹0 2		308	808		2		ķ	812	¥		4	815	718	2	2	318	819	320	321	422	203	25	7	825	326	127	200	320	250	230	331	332	833
L	Ì	5	6	ř	`	Ź	F	5	~	·	~	ř		7	F		\simeq	<u> </u>	·F	~	Ê	·	~	Ĕ	·F	ĭ	~	F	-	$\tilde{\leq}$	~	\mathbb{Z}	\mathbb{E}	F	F	F	F	5	~	~	F	F	-	Ĭ	$\tilde{\leq}$	\sim	E	Ĕ

თ
-
2
ПX

ı		-	<u>6</u>	- i	
黑	:	1	3419	!	
≅	:		3066		
BH			T		
86	-	1	287		
BF			95		-
BE			XS6976		
Q		-	ĭ	ਜ	,
AB	0	0	0	0	0
(AB	0	0			0
S	0	0	0	0	0
B	0	Ø	0	0	0
र्य	0	0	0	0	0
प्र	0	0	0	0	0
ğ	0		0	0	0
B	0		0	0	0
含		0	0	0	0
R	0	0	0	1	0
A A	0	0	0		0
CAB			0	<u> </u>	0
12		<u>. </u>	0		6
[₹	_	i	0	Ĺ	0
≥			9	0	0
3			ı	!	6
12		0	0	0	0
Ŝ		<u>i </u>	10	10	0
0		0	_	i	0
0	Ľ	3	9	0	13
Σ	ြိ	9	0	9	6
¥	0	0	0	0	16
[-	0	0	10	0	6
9	0	0	<u>i </u>	0	0
E	Γ		-	:	-
U	1	; 	[-
8	07833	07834	07835	07836	97837
A	69083	9984	09085	986	00087
	7834	7835	7836	7837	7838

配列番号:1 配列の長さ:704 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00001

配列:

GATCTTCAAA CAAGCATCAG CGTTTTCCAG GGCTTCCCAG AGGTCTGTGC GACTAGCCCG 60
TGTCTATCAA AAGTTATTAG AGAGGATGAA GCATTAGCTT GAAGCACTAC AGGAGGAATG 120
CACCACGGCA GCTCTCCGCC AATTTCTCTC AGATTTCCAC AGAGACTGTT TGAATGTTTT 180
CAAAACCAAG TATCACACTT TAATGTACAT GGGCCGCACC ATAATGAGAT GTGAGCCTTG 240
TGCAŢGTGGG GGAGGAGGGA GAGAGATGTA CTTTTTAAAT CATGTTCCCC CTAAACATGG 300
CTGTTAACCC ACTTGCATGC AGAAACTTGG GATGTCACTT GCCTGACATT CACTTTCCAG 360
GAGAGGACCC TATCCCCAAA TGTGGAATTG ACTTGCCTAT GGCCAAGGTC CCTTGGNAAA 420
GGGAGCTTCA GTATTTGTGG GGGCNTCATA AAACCATGGN TTCAAGNCAA TCCAGCCTCA 480
TNGGGNNGGT CCTGGGNACA GTTTTTTGGT AAAGGCCCTT GGCCCAGNTG GGGGGAATGG 540
GCCTCCTTTT TAAGNTTTGG GNTGGAATNG TCTNGCAAAT TGGGGCTCCC ATTTCNCGGG 600
GGTTTGGGGG TTTTTTNGGG CCTTNCCNGG NNGGAAGGN TGGGTTTGGG GGNTNGGTTN 660
CCNTTGGGNG GGCCTGGGGN TTTGATTNA CCCGGGNCTT NGGN 704

配列番号:2 配列の長さ:659 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00002

配列:

GATCTTTAAA ATACACACTC AAATCAAGAA ACTTAAGGTT ACCTTTNTTC CCAAATTTCA 60
TACCTATCAT CTTAAGTAGG GACTTCTGTC TTCACAACAN ATTATNACCT TACAGAAGTT 120
TGAATTATCC GGTCGGGTTT TATTGTTTAA AATCATTTCT GCATCAGCTG CTGAAACAAC 180
AAATAGGAAT TGTTTTTATG GAGGCTTTGC ATAGATTCCC TGAGCAGGAT TTTAATCTTT 240
TNCTAACTGG ACTGGTTCAA ATGTTGTNCT CTTCTTTAAA GGGATGGCAA GATGTGGGCA 300
GTGATGTCAC TTAGGGCAGG GACAGGATAA GAGGGNTTAG GGAGAGAAGA TAGCAGGGCA 360
TGGCTGGGAA CCCAAGTCCA AGCATACCAA CACGGAGCAG GCTACTGTCA AGCTCCCCTC 420
GGAGGCGGNG CTGGTTCACA GCCAGCTGGC ACCAGNTTTT NTNGNGGAAG NCTTTTTCAA 480
ACAGTCTCAG GNAATCCAAT NTGCAAAGAC TTGCTTTNAG NAAAACCCAG NAGTTGAAAG 540
GCTCCCAAGN ATTTTAAGGG NACTTNCCAA AACGGGGCCC CNGGNNCCTT TTGGGTTTNG 600
GGGNTCAAAA CCCCGGAGGG GTTTGGGAAG NTTTTAATTG GNTTTAAAAN ATNNNTNTN 659

配列番号:3 配列の長さ:625 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00003

配列:

GATCTAACTG GGTACCTGAG ATATTTNACA GCTGGACCTA GTTTCACAAT CTGTTGTCTC 60

616

CAGCTCTGCA TATGTCTGGC CAGGGGGCTT CTAGGAAGTA GGTTTCATCT ATCAAATGTC 120 TCCTCTGACT TCCTTTTGAA ACTTACTGCT CTTCTGTTTT ATTTTGTTTT GTTTGAAGCT 180 CAGAGGGAGA TGGGCAATTG ACAGGGATGC AATCCAGGGT GGGATTTCTT GAGGAAGTTA 240 CAAATAAGCT TGTTACAACA TCAAGATAGA TGGAATTGGA AGGATGCTAC CAGGAGAGTA 300 CTTACATAGT GCTCAGGAGT TTCTCTTCTT AAAATGTTTA CTGCTGAAAG ATGAGCAGGA 360 CCAGGGCGTT ATAGGCAGAG CCCTAGCCGA GAAACCTGCT GGCCTCTGCC TGTTTTCATT 420 TCCCACTTTT GGTTGTTGTG GCATTACTTT CAGAATTTGC ACTTTCCTGC TTGTCATGAC 480 TTTTTTGGCA CACTTGCCAT GACGGGTGTT TCTGNGAACC ATGGAAGTTT TGCGGTAGTG 540 CCTCCAGGGG CAGGGGGNAA GGAGGNGGTG TANCTGCATT TNGTNCAAAT AAATCCNGCC 600 625 TATTGTTAAT NAACCAGTCT TTTGN 配列番号:4 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00004 配列: GATCTGCCAG GCTGGGGTGT TTTCGGTATC TGCTGTTCAC AGGTCTCCAC TGTAATCCGA 60 ATACTTTGCC AGTGCACTAA TCTCTTTGGA GATAAAATTC ATTAGTGTGT TACTAAATGT 120 NAATTTTNTT TTGCGGAAAA TACAGTACCG TGTCTGANTT AATTATTAAT ATTNAAAATA 180 CTTCATTCCT TAACTCTCCC TCATTTGCTT TGCCCACAGC CTATTCAGTT CCTTTGTTTG 240 256 GCAGGNTTCT GCAAAA 配列番号:5 配列の長さ:616 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00005 配列: GATCAAGCTC AAGAATAAGC TGAAATATGG CCAGACTATC AGGCCCATTT NTCTCCCCTG 60 CACCGAGGGA ACAACTCGAG CTTTGAGGCT TCCTCCAACT ACCACTTGCC AGCAACAAAA 120 GGAAGAGCTG CTCCCTGCAC AGGATATCAA AGCTCTGTTT GTGTCTGAGG AGGAGAAAAA 180 GCTGACTCGG AAGGAGGTCT ACATCAAGAA TGGGGATAAG AAAGGCAGCT GTGAGAGAGA 240 TGCTCAATAT GCCCCAGGCT ATGACAAAGT CAAGGACATC TCAGAGGTGG TCACCCCTCG 300

GTTCCTTTGT ACTGGAGGAG TGAGTCCCTA TGCTGACCCC AATACTTGCA GAGGTGATTC 360
TGGCGGCCCC TTGATAGTTC ACAAGAGAAG TCGTTTCATT CAAAGTTGGT GTAATCAGCT 420
GGGGGAGTAA GTGGGATGTN TGCAAAAAACC AGAAGGCGGC AAAAGCAGGT ACCTGNTTCA 480
NGGCCCGAAC TTTCACATCA NCTNTTTCAA GGTNTTNCCT GGNTGAGGNG GAACNTCCAN 540
GTTGGGGGTT TTGGGTTTTT TTAAGGGGTT CNTGTTNGCA AGGGGGTTGG GNTTNNTTTA 600

配列番号:6 配列の長さ:615 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

NNCCTGTTNN GNACCN

クローン名: HUNGS00006

配列:

GATCTCTGCT ATTTTANCCC CCCAAATAAG TTATTTGTCC TTTAAGGTTG GTTACNNATA 60
ATACCCCTCA GTAAGATTCC AGTATAATT TCTGGGCAGT TTGTTCTCTG TATACAATTG 120
CAAATGATAA GCATTTTTGT GAGTGACCAC CTTTGCAATA TGTTTGTTAA TTNTTCATGT 180
TGGGTTCTTT CTGAAATGTA CATCTTTACA TAAAAACCTC ACATTCTACT TGATTTACAC 240
TTCCTAGTCT ACATTACATG TGGTTGAAGG TTTTATACAT TCTATATGCT TTTACTAAAT 300
ATACAAGATT TACTACTAGA AATTTGGAGA AAGAACACTA ACACATGTAC TTGTGATTTG 360
ATCATGTTAT ATTAAAACCT TGAGATTTGT GTATTTATGT AGGGGGGGGT ATTGNCCAGG 420
NCTGNTGGTT TTTTGCTCCN TGGGGCTATT NTAATAAANC NGGGGTATNG GGTTGNTGGC 480
CTNGGTTTGG GCCTAAANTT GGATATATNT GGGGTTCCTT NGNTTTTACC AAAATNGNTT 540
NGGANAAAAN NCCCN 600

配列番号:7 配列の長さ:608 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00007

耐利

GATCAAACCA AAGGAAAAGT GTTGCTAGAG AAAATTGGGG AAAAGGTGAA AAAGAAAAAA 60
TGGTAGTAAT TGAGCAGAAA AAAATTAATT TATATATGTA TTGATTGGCA ACCAGATTTA 120
TCTAAGTAGA ACTGAATTGG CTAGGAAAAA AGAAAAACTG CATGTTAATC ATTTCCTAA 180
GCTGTCCTTT TGAGGCTTAG TCAGTTTATT GGGAAAAATGT TTAGGATTAT TCCTTGCTAT 240
TAGTACTCAT TTTATGTATG TTACCCTTCA GTAAGTTCTC CCCATTTTAG TTTTCTAGGC 300
TGAAAGGATT CTTTCTACA TTATACATGT GTGTTGTCAT ATTTGGCTTT TGCTATATAC 360
TTTACCTTCA TTGTTAAATT TTTGTATTGT ATAGTTNCTT TGGNGGTATC TTAAAACCCT 420
ATTTTTGAAA ACCAACCTTG GCTTTGNTAA NCATTTGGGC CGCTTGGGTA NGTCCGGACC 480
TNNCCTTTNC CCCNAGGGCC TGTCAGGAGN GCCGGNTTNN CCGGGGNGTT GGNCCCGNNG 540
CCTTCCCGAT TTTTNGGGGT TGGGTCCTTN GGTTNCCGGC NTCTGTANGG GGTNCNCCTT 600
TTNNNCCN

配列番号:8 配列の長さ:606 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:RUMGS00008

配列:

TCANATNCGN AAAATNAAAT TTTTACCCCT GAGGGGGGGA GCCCCTTTCT GAAAGAAGGT 480
NTGGGCCAAA AGCCCTTTTA ATGNTTGCTG GCCNTTGNTG GTTTTNANNG TCCANTTTGC 540
TTGGGGCGAA NGCCGNNNTG ANAAAGGTGG GTTTCNCTGG NGGNTTTAAG GNGGTGGTTT 600
GNTTTN 606

配列番号:9 配列の長さ:606 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00009

配列:

GATCTTCANN NGTTAAGCAC TTGCTCTNAA GATTAAAATT CCTTTTCTTT TTAAGGTTAA 60
GGGTGTGTAC GTATGGCAGT GATGTCTATG TTGAGATTAA CTTATGTATT GAGGAAAATT 120
TGAAGTTTAT TTTTTCGATG AATAAGGCTG TCAAATNATT TAGTATAGAT TAATGACATC 180
TTTTTTTAGAA ATATTAAAGT GAGTATTCCT CATTATGTCA TCATTTCTGA TAATTAGAGT 240
GCTAATTTGA ATGTTAGATA ATGNTTCCAC ATCTATACCT ATTTCTTCT AGGGCACTTC 300
ATGTGTATTT AATGAGAAAC ATTCCNATGT AAAAAATGTGT GTCTGTGTTA AGTTCACTAA 360
ATGTTATTG TGCACCNGTA CATTGTGAAG AAGTAGTTTN GAAATTTTGT AANGCACAAC 480
CCTTAANGNG GTGTGGAGTT ATTAAANTGN TGTAGGCNCA AATGTAATGT TTAGCCTATA 540
AAAGGCCCTC CTATTGTCCN TNGGCAAGGC TTTGNCNCTT GNAANTAAAN CCCGTNTTTG 600
TTTAAA

配列番号:10 配列の長さ:606 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00010

配列:

GATCAGGGGA GACCCCAACT GCCAGATATA TTTTAATGTA CAAAACTGAA ACCAGATGAA 60
ATAATGTTCT GTCACGTGAA ATATTAAGT ATATAGTATA TTTATACTCT AGAACATGCA 120
CATTTATATA TATATGTATA TGTATATATA TATAGTAACT ACTTTTATA CTCCATACAT 180
AACTTGATAT AGGAAGCTGT TTATTTATTC ACTGTAAGTT TATTTTTCT ACACAGTAAA 240
ACTTGTACTA TGTTAATACC TTGTCCTATG TCAATTTGTA TATCATGAAA CACTTCTCAT 300
CATATTGTAT GTAAGTAATT GCATTTCTGC TCTTCCAAAG CTCCTGCGTC TGTTTTTAAA 360
CAGCATGGAA AAATACTGCC TAGGAAAATG CAAAATGGAA ATAGGAGAGA GTAGGTTTTC 420
CAGCTTAGTT TTGAGGGGGG CCGGTTACCT TGTATATTCC CCCATTCACA TTTGGTGTCC 480
ATGTGTAGGG GAAGGTAAAG GGGTGGTTCC ATAATCAAGT TCCCCGTGGG GTGTNCCCCC 540
TGTTAAATGT CCCTGGTTTG GTGTTACCCG GGCTTTATGG GGNCCTTTCA TTATTTCCGG 600
TNGGGN

配列番号:11 配列の長さ:598 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00011

配列:

GATCAACAAA AGATAAACAA ATTTGCACGG AATACAAGTA GAATCACAGA GCTGAAGGAA 60
GAAATAGAAG TAAAAAAGAA ACAACTCCAA AACCTAGAAG ATGCTTGTAA TGACATCATG 120
CTTGCAGATG ATGATTGCTT AATGATACCT TATCAAAATTG GTGATGTCTT CATTAGCCAT 180
TCTCAAGAAG AAACGCAGAA ATGTTAGAAG AAGCAAAGAA AAATTTGCAA GAAGAAATTG 240
ACGCCTTAGA ATCCAGAGTG GAATCAATTC AGCGAGTGTT AGCANGATTT GAAAGTTCAG 300
TTGTATGCAA AATTCGGGAG CAACATAAAC CTTGAAGCTN GATGAAAGTT AAACATTTTA 360
TAATACTTTT TTTATTTGNT TTAATAANCT TGATTATTTG TTTAANATGG TAATTTTCC 420
TTCTTCANAT GGCGNNGGGT NAGCAAANCT TTCTTTTTTT AAAAAAATTTT CCANTTGTTT 480
GAGGCAGTTT TCCCCCNNGG TTTTTTGNCT TNNCGGTTNT TNCAGGNNTN GGGGGTCN 598

配列番号:12 配列の長さ:597 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00012

配列:

GATCGACAGA CCTGAAGCCA TCAGTGAAGA GAGGTTGCGA GAGATGTTTG GTTTATATGG 60
TCAGACAACA GGAAAGGGGA GTATATCTCT GAAAGAACTG AATGCCCGAC CCTTAGAAGT 120
TTTCATGTT AGTGTGCTCA AAAGACAAGG TTACGGAGAA GGCTTCCGCT GGATGGCACA 180
GTACATTGAT TAACACAAAC TCACATTGGT TCCAGGTCTC AACGTTCAGG CTTACTCAGA 240
GATTTGATTG CTCAACATGC ATAACTTGAA TTCAATAGAC TTTTGCTNGG TTATAAAACA 300
GATGTTTTTT AGATTATTAA TATTAANTCA ACTTAATTTG ANTGNGAATT NGAAANCTGA 360
TTCAAGTAAG NTTTGAGTAT CACANTGTTA GCTTTCCTAA TTCCATAAAN GTACCTTGGG 420
TTTTTCCNGCA GGCCATTTGG NAGCNCTTTT TTAACCACCT TGGGNTTTTT AACCCTTTTT 540
TNAAGGGNCN NCNTGGTTAA NTTTTTNNT GGGCCTTTNC NGGGCCTGGT NTTTAAN 597

配列番号:13 配列の長さ:593 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00014

配列:

GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAATAA CTTTTCTAAA TGTAGTGCCT TTAAAGGAAA 60
AATGAACACA GGGAAGTGAC TTTGCTACAA ATAATGTTGC TGTGTTAAGT ATTCATATTA 120
AATACATGCC TTCTATATGG AACATGGCAG AAAGACTGAA AAATAACAGT AATTAATTGT 180
GTAATTCAGA ATTCATACCA ATCAGTGTTG AAACTCAAAC ATTGCAAAAG TGGGTGGCAA 240
TATTCAGTGC TTAACACTTT TCTAGCGTTG GTACATCTGA GAAATGAGTG CTCAGGTGGA 300
TTTTATCCTC GCAAGCATGT TGTTATAAGA ATTGTGGGTG TGCCTATCAT ACCANTTGTT 360
TTCTGTATCT TGAAAAAGTA TTCTCCACAT TTTANATGGT TTTATATTTNG GGGATTCCTT 420
TAATGCCCCC TTGGNCAAAT TTATATATAT GGGCCCCCATN GTTNCCNTTT NAATTTTTNG 480
GTTTTNGGGT GTAAGGGNCN TGCNCNTATG GTGGGGGCCT CCCAAAANTG GGANCANGNT 540

TTTYCCTNNG GACNCCCNNT TGGTTGTTNA GGGGGGCCAA TNTTTCNTNC CCN

593

配列番号:14 配列の長さ:574 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00015

配列

GATCGTNCTG CAGTGGGAGC GTGTGACTGC GGAAGTTGTG AAGCCACGGG AAACTCGGAG 60
CCTAGAGCAG CAGCTCAGCG CTTCTATGGG AAGCGGTCTC GAGCAGAAGC CCCACTGAAG 120
TGTCCCCTGG CAGACACCCA CATGAACTCT TCCGAGAAAC TCCAGTTCTA TAAAGAGAAA 180
GCCCCAGATT GCCATGGGCC AGTNTTGAAA CACGAAGCTA TCTCAAGCCA GGAGTCAAAG 240
AAGAGCAAGA AGAGACCTTT TGAGGAGTCA GAGACAGAAC AGAATAACTC TTCACAACCT 300
TCAAAGCAGA AATATGTATG TNTTGCTGTG GAAGACTGGG GACTTGTTAA ATTCCTATTG 360
ATTAAGTAGA TACAAGTTGA CCTTTCTCTG GCCCCCAGCT CTAGTGTTTG AGTAAAGGGA 420
GACTNAGGGT GGGTTTACTT TTTTNTGGTTT GNATTTANCC TATTGGCATT TAGNCATAGG 480
AAAANTTNCC ANGGGNTTTT TCCAAANCAT NGGN 574

配列番号:15 配列の長さ:573 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00016

配列:

配列番号:16 配列の長さ:567 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00017

配列:

GATCAAAACA GTCTCACCAG CACCATATCC ACATTCTAGC CCATGGAAAG GGTAAAGAAA 60 AGAAAGTGGA AGATATTAGT TTCCATTTAA GGAAGTGACA TGGAGNTAAT ATAAGTCACC 120 TGTGTTCACA TTCCACTGGC AAAAATTCAG TCACAGGAAT GTACTTAGCT GCAGAGGAGG 180 CTAGGATATG CCCTCCAAAA ACTCAGGGGG GATGTCCTAC TTGTAAAAGG AAGAAATGAA 240
AANTGGACAC TGAGAGGAAA TCAGCAGTCT CAGAGGTAAT ATACTTACAC AAGTTTTTTA 300
AAAACCATAA AATGATGCAG AATGAAGTTT CCACTCTATT CACCATCTAT CCAGTCCTCA 360
TGCCTCCCAN CANGNGGTAA ATNCTTTATT ATTGTGTCAT GGTATCTTTC CAGGGTTTTT 420
CTAAGCAATT TTGCAACNGN TTTTAATTAT GTATCCTNAT TTCCTACNTT ACCCCNTTTT 480
TGTCCATGNA NGGNANANTN TCCTGNGGNN TAACCTTCNT GTNTCTTTTT TTCCCCTNAT 540
ATTTTTTGGC GGTNCCNTNN NTTTGGN 567

配列番号:17 配列の長さ:552 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00018

配列

GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGANGCT 60
CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC TGTNCTGTGT TGGTTTTACT 120
AAAAAACGCA ACAATCAGAT ACGGAAGACC TCTTATGCTC AGCACCAACA GGTCCGCCAA 180
ATCCGGAAGA AGATGATGCA AATCATGACC CGAGANNNGC AGACAAATGN CTTGAAAGAA 240
GTGGTCAATA AATTGATTCC AGACAGCATT GGAAAAGACA TAGAAAAGGC TTGCCAATCT 300
ATTTATCCTC TCCATGGNTG TCTTCGTTAG AAAAGTAAAA ATGCTGAAGA AGCCCAAGTT 360
TGAATTGGGA AAGCTCATGG AGCTTCATGG TGAAGGCAGT AGTTCTGGAA AAAGCCACTT 420
GGGGNCCGNG ACAGGTGCTT AAAGGTTGAA CCGNGCTNGA TTGGTTNTGA ACCCACCAGT 480
CCCAGGAATT CTTGTTTAAA GTTCCAGNCN TTCAATTAGT TGGCAAAATTA AAAANGTGCT 540
TNTTTGNGGA AA

配列番号:18 配列の長さ:581 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00019

配列:

GATCGCCGTT CTGGTAAAAA GCTGGAAGAT GGCCCTAAAT TCTTGAAGTC TGGTGATGCT 60
GCCATTGTTG ATATGGTTCC TGGCAAGCCC ATGTGTGTTG AGAGCTTCTC AGACTATCCA 120
CCTTTGGGTC GCTTTGCTGT TCGTGATATN AGACAGACAG TTGCGGTGGG TGTCATCAAA 180
GCAGTGGACA AGAAGGCTGC TGGAGCTGGC AAGGTCACCA AGTCTNCCCA GAAAGCTCAG 240
AAGGCTAAAT CGAATATTAT CCCTAATACC TGCCACCCCA CTCTTAATCA GTGGTGGAAG 300
AACGGGTCTC AGAACTGTTT GTTTCAATTG GCCATTTAAG TTTTAGTAGT AAAAGACTGG 360
TTTAATGATA ACAATGCATC GTAAAACCTT CANGAAGGGN AANGGAGGAA TGNTTTTGTG 420
GGCCCACTTT GGGTTTTNCT TTTTTNCGGT GTNGGCAGTT TTTAAGGTTN TTAAGTTTTT 480
TNAAAATNCA GGACCTTTTT TAANTGGNAA CCAACTTTGG CCCAAAAATT TTGTCACCAG 540
ATTTTTTNGG GCCCCNTTTA AAAANGTNTT NATTNGGGAA A

配列番号:19 配列の長さ:556 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00020

配列:

GATCAGCAGG GTTCTTTGTA AATAGTATTT TGAGACACTA AGATGTTTCT ACTGCTACGG 60
AATGTATTTT AAACACATAT CGTTTCTTTT TCTTGGAAAA AAAGTTGATT AGGACCACAG 120
NNNNGGTTTA GAAAGGGTAA TATTTTGAAA TACTACAAGG TTTAGACAGT CCATGAAATC 180
GACCTGTTTA ATAATTTACC ATCCTGAAAG TCCAGAATTA AAATATGGAA GCAAGAACTA 240
TATAATTGAT TAGGATGCTT GGTAGGTTTT TTTCATTGTT CAAATATTCA TTGCACAGTG 300
GATTGTTTTG ATTAGTTAGT ATGCTTTTTT TTTAATTAAT TCAGTCTTCT GTTAATTTTT 360
AAGNTTTGGT TAGTGCCACA AGGAATTNA CTTNTTGATT TGTATAATNG GAACCTGACC 420
TNGGGATTNG TAGCGGGGNT TTGAAGGGTG GGGACCTNCC CNCAAAATAA GGGGGAGGTT 480
TCCAAANNTT CCNCTGGCCG NCCNNNNATC CCAGGTAAAG GGGGTNGAAA TANTNNGGGN 540
NCCCCCCAGG GGAAAN 556

配列番号:20 配列の長さ:555 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00021

配列:

GATCTGGTAC GAGTGTGTGA AAACATCCCC ATTGTGTTGT GTGGCAACAA AGNGGATATT 60
AAGGACAGGA ANATGAAGGC GAAATCCATT GTCTTCCACC GAAAGAAGAA TCTTCAGTAC 120
TACGACATTT CTGCCAAAAG TAACTACAAC TTTGAAAAGC CCTTCCTCTG GCTNCTAGG 180
AAGCTCATTG GAGACCCTAA CTTGGAATTT GTTGCCATGC CTGCTCTCGC CCCACCAGAA 240
GTTGTCATGG ACCCAGCTTT GGCAGCACAG TATGAGCACG ACTTAGAGGT TGCTCAGACA 300
ACTGCTCTCC CGGATGAGGA TGATGACCTG TGAGAATGAA GCTGGAGCCC AGCGTCAAGA 360
AGTCTAGTTT TATAGGGAAG TTGTCCTGTG ATGTCAGCGG TNCAGCGTGT GTNCCACNTC 420
ATTATTATCT AGCTAAGCGG ACATGTNTTC ATCTGTGGGN TCTTAAGGAG NTGAGTNGNN 480
TNGGNGTNAT NTGGANTTAA AAATAACTTC ATTNTTNGGC CNNATATTTA NGTNTTTTNG 540
CCCGNTTNNT CCCTN

配列番号:21 配列の長さ:544 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00023

配列:

TTCAGATGNT TTTTTNCNCT NGTTCAGCAA CTTNCCCNNT NNCTTGTCTT GATAGGGNAC 540 NTCN 544

配列番号:22 配列の長さ:538 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00026

配列:

GATCTCTATC CAGTTGGACA CTTAATTGCT TTCTTCATTC AGAAAGATAG TCATGTTCAC 60
TGGTATATTT GGTCACTCTT AGAACCTGTC CTTCACATAT GTTTTTTATG GGACCCATGA 120
ATGGTTAGCC TTTCTGTACT ATTGTAGAAG GAAATAAATA GGCGTAAAAA GACCATTGTA 180
GTAAATAAGT TCAAGGGGAA CTTGGGACCA GAAACCACTG GTATGTACAA AAAAGCTGGC 240
AATTTGAATA ACCTCAAGTT TGACAATAAT TTTTAAATTT GAACAGTTAT GATAAATTTC 300
AGTAGTTTTA TACACTAGAT GTGCCTAGAT GGTTCTCAGG GCGTATAGGA CTGGCTCACA 360
GTTCACCATT TCTAGTGGCT TTTCTTGCGT TTGGGTCTGG GGGGCTGGGG GCAATGGGCT 420
TTTTTCCTTG GGTTGCCAAT CGGTTTCTCT GGTTGGTCAG TTTCCCAATCC TTNGGGGGGT 480
CNTTGTGNTN TTNNCNGCCC NGNNNGGTNN GTCCNGGGTG TTNGCCGGGN NCNTTTTN 538

配列番号:23 配列の長さ:535 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00028

配列:

GATCCTGGAA TATGTCGAGG TTATATTACC AGGTATTTT ATAACAATCN GACAAAACAG 60
TGTGAACGTT TCAAGTATGG TGGATGCCTG GGCAATATGA ACAATTTNA GACACTGGAA 120
GAATGCAAGA NCATTTGTNA AGATGGTCCG AATGGTTTCC AGGTGGATAA TTATGGAACC 180
CAGCTCAATG CTGTGAATAA CTCCCTGACT CCGCAATCAA CCAAGGTTCC CAGCCTTTT 240
GAATTTCACG GTCCCTCATG GTGTCTCACT CCAGCAGACA GAGGATTGTG TCGTGCCAAT 300
NNGAACAGAT TCTACTACAA TTCAGTCATT GGGAAATGCC GCCCATTTAA GTACAGTGGA 360
TGTGGGGGGA AATGAAAACA ATTTTACTTC CAAACAAGGA ATGTCTGAGG GGCATGTAAA 420
AAAGGGTTTC ATCCAAAGGA TTTCANAAGG GNGGCTNATT TAAAACCANA NGGAANNGGN 480
AGGAGGCNGG NNGTGAATTT GNNTTTTGGN GGAANTTTTT GNTTNAANNT TNTGN 535

配列番号:24 配列の長さ:528 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00029

配列:

GATCTACACT TGGATGGATG CAACTTTGAA AGAACTGACA AGTTTAGTAA AAGAAGTCTA 60 CCCAGAAGCT AGAAAGAAGG GCACTCACTT CAATTTTNCA ATCGTTTTTA CAGATGTTAA 120 AAGACCTGGC TATCGAGTTA AGGAGATTGG CAGCACCATG TCTGGCAGAA AGGGGACTGA 180 TGATTCCATG ACCCTGCAGT CGCAGAAGTT CCAGATAGGA GATTACTTGG ACATAGCAAT 240

TACCCTTCCA AATCGGCAC CACCTCCTTC AGGGCGCATG AGACCATATT AAATTCTATT 300
TACTATTTGT TGAATTTATT TTTCCGTCAG TTATGTAAAA TAAACATACT CTNCCTTCCT 360
CCCCTGGATT TATTGCCATT TAAGGCTTTT AAAATTCTAA TCAANNTTTG TNANTGCAAT 420
CATCTGTTTN GGGNGTTNNG TTTTGGGATG TGCTTTTTGN NTGGNTTNCG GNTTAGNCTT 480
GGNTTGTTTT AATGGCCNTT CNNGTNANAT TTGGNGGNAA NGNGCTTN 528

配列番号:25 配列の長さ:528 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00030

配列:

GATCAAGGTA TAATGGAAAA ATATACCTAT TCTTGAAGTA GTTTATTATN GTTTTCAAAT 60
TGATTTATAC CATTATTAAC CTGATGTGGT CTGCTTAAAA AATGAATATA TCAGTATTTA 120
GAAATAAATT GCAAAGGTGG GAATATATC TTAAATAATT TGTCTTAAGT AAATTAGCAT 180
TTGGTAGTCT GANATGGTGA CAGATTACTT GTTAAAAATTG TGAAANCTCT GTTGTGTCCT 240
CTCTNCCTAC ATTTGTCCCT GAGAGTNCTC CACGATTACT AGGTTCTTGA TTCCCTTATA 300
TGGCAATCAG GCAGAGGCGT TCCTTAAGCA TTAGAGAGGTT CTGAAGCTTA AGATTTGTTT 360
TGGTTGGATG AANGTCCTTA GTACAGTTGA AAANCAGAGC ATTAAAGNCT ANTCANTTTG 420
TTTTTGNCCTC ACCAGTCATT TTAAAATNNG TNGGAATNCT TNTTNNCTCA GTGCTTAAAAN 480
NTTTCCNTTG TTTCAANCTG NNGGGGGTTN GGATTAAACC AGGCCNCN 528

配列番号:26 配列の長さ:527 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00031

配列:

GATCAGAATG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTGT CCACTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA TGCACTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTCTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300
CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAANCAG CACTCANGTA 360
ATCCTAAAAT GGATTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGGCCCT GGNAANGTCN TATTGANTTT 420
ANANGGGCTT TCTTCNTTTC AGGAGTTTNG GTCAACGGTG GCAAATCCNT GGGGTNNTTA 480
ANTGGNNNGG TTNNTTAANT TNTGNTANTT TCNTNGGGGC CANAGGN 527

配列番号:27 配列の長さ:520 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00033

配列:

GATCAAAATG GTTGGTGAAC CTCCACATGT CCAGTTCTGT TGCCAAACTT TCCATTCAGA 60

GTATTTGGTG GAGTTTGAAT TTGAGCAAAC TAAATGCCTT CATCTTAGGT AGAAAGGGCC 120
TGAATCTTCC ATTTTATATT CAAACCTCAT TGTTATTTGG CCTAAGTAAA AAGTCAGATT 180
TCATTTCCAT TTACCTGAGT TCGCTTTAAA GAGCTTTTCA AAGAGAGCTT TATAGACACC 240
CACAATTGTC CCCAATCTCT TCATGATGTT GCATTAATAG TTGTTTTTTGT CCCTTTCTTG 300
GAAATGTTAA TGCCAAAGNT TGCCTGAACA TTNGGGCGGG TTTTCTTAAA TTTGAANGTN 360
TAAAAANTTTT NTAANGGGGG AATTNCCAAA NGGGTATTTA AAAGGGTTNG TTTTAACCAG 420
GTATTGTNGT GGGGGGATGG TCCAATAATC CTCCNGGGGG AGGGCTTTCA AGGGAAATCC 480
CNTTTTNGGG GAAATAAAAA NNGGGTTAAA ANNNNTTTTN 520

配列番号:28 配列の長さ:514 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00034

配列:

GATCAGCGAG GCCGACAAGA AGAAGGTGCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60
GGACGCCAAC ACCTTGGCCG AGAAGGACGA GTTTAAGCAC AAGAGGAAGG AGCTGGAGCA 120
GGTGTGTAAC CCCATCATCA GCGGACTGTA CCAGGGTGCC GGTGGTCCCG GGCCTGGGGG 180
CTTCGGGGCT CAGGGTCCCA AGGNAGGGTC TGGGTCAGGC CCCACCATTG AGGAGGTAGA 240
TTAGGGGCCT TTCCAAGATT GCTGTTTTTN TTTTGGAGCT TCAAGACTTT GCATTTCCTA 300
GTATTTCTGT TTGTNAGTTC TCAATTTCCT GTGTTTGCAA TGTTGAAATT TTTTGGTGGA 360
AGTACTGAAC TTGCTTTTTT TCCGGTTTCT ACATGCAAGA GATGAATTTA TACTGCCATC 420
TTACCGGCTA TTTCTTCTTT TTTAATTCCA CTTAACTCAG GCCATTTTTT AAAGTTGGGT 480
ACTTGCAAAG TAAAATAAAC TTTAAAAAATT CAAA

配列番号:29 配列の長さ:513 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00036

配列:

GATCATCATT CTTCTGACTC TAGATGGGAC ACTTGACAGT GACTTGAAAC ATTTGCATAT 60
TCAGGAATGC ATGAGATTTC AAGAGAGCCT ACAGTATGAA ATCATTTCA CAAAATAAGC 120
AGCTTGCTTC TGAAATGCTG TCTTTCCCAG TAGCTACTCA CCTGCCTCTG GTGGCTGGGA 180
TTCAGATGCC ACAAAACTGT CAGTATCTAT AGACCAGGTC TGTGCCACCT CCTCTCCCT 240
CTGTGCTCAG TGAGGAGGCA GTAAATGAAG TTACAGGCTA GCACAATACC TAACTCATGT 300
TTCCCAGTAC ACCTGTTGGA TATTNNCTGT NCCTTTTAAT GGTTCTCAAG GGANTTAGGT 360
TNTTGNCCTG TTTCCAGNGG TTTCCAGGTT TTCTTTGGGT NCTTTTTNAA TTTTNAANTT 420
CCNAGGGGGG GGGNNTTTTG GGNAAGGGGG GGGCAAAGGG GNTTTTTTT TTNTTGGGCC 480
NNGNTTTTTG GGGGGAAANC CTTTNNGGTN NCN 513

配列番号:30 配列の長さ:512 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

507

クローン名:HUMGS00037 配列: GATCTAAATT GTTACATTTT ACCATTTCAT TCCGAAGTTG GTTTTACTTT ATTAAATGAA 60 GATTTAGTTT TCATATCGTA TACATAGCTG TATAGATTTC AAAATNAGGT TGTTAATTTG 120 TGTCACTTAC TATTTTTGTG TTGGTAATGC TTTAAATGCA TACTTAAAAA TGAAGTACTG 180 TTATCTAAGC TACTGTGTTT AGAAAATGTT AAGAATGAGC AGAAATTTTT ATAGAAAAGT 240 ATAACCGGAA GANGAGAGAA GATACTGCGA ATAGGCCCTC AANCTTAAAA NAGAAAAACC 300 TTTGCCAGTT TTANGGACAT ATTTTGATTC TTTCNGTATT CTTAACACCT TTTTAAACAA 360 NGTTCTTGAT AGTACCCACT ATTATTGGGT TTGTTTTATG CCATTATTTG ATTCTTGGAT 420 ATTCAAGCAT TTNCAATGTG GCATATTTNG NTTTCCNNTN NCCTTNCNTT TTTTNGGNCN 480 512 NCNTTACCCT TTCCNTTGGA AAGNCANTTN GN 配列番号:31 配列の長さ:510 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00038 配列: GATCAGCCAG GCACAGAATC TCCAGAACAA CCTAGAGAGT GAATGCTAAT TTGTAGAGCG 60 AACTTCCATT TGGCCCATNA TTTGTAACTG TGTAACTGCT CCAAGTGCCA GANTGCTTAC 120 ACGTTAAAGC AGCACCTTTC CATTTGCCCA CATATTCTTC TTGCACACCC CTTCCATTAC 180 TGCTGAATAG GACATTGCAT GGGAAGAGTA CAGAGGTGGC AGANTGANGC TAGAGTGGGC 240 AGGNCTAAAG ACTGAGCCCC AGAGTGCTCC CAGCAACCGC CACGTACANG GTCTGNAATG 300 NCANGGGCAN GNGTGAGATT GGAANCTGTG TGTGAANGGT AAGCCCTTGC AGTNTTTCTG 360 CCTCCCTTTC TTTCTGCCTT TCACCCCNCT TANTTGTNTG GTTNTTGGTT TGCCCGTTCT 420 TCTCTTGGTG GNTGCNCATT TGTTANATGG TGTTAGGGGT GTGGGGGNTGA GGTTTTCCCC 480 TTTGATGTGG GNTTNTTCCN TTGGGTTTAN 510 配列番号:32 配列の長さ:507 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00039 配列: GATCGTGAAG CCCAATGGCG AGAAGCCGGA CGAGTTCGAG TCCGGCATCT CNCAGGCTCT 60 TCTGGAGCTG GAGATGAACT CGGACCTCAA GGCTCAGCTC AGGGAGCTGA ATATTACGGC 120 AGCTAAGGAA ATTNAAGTTG GTGGTGGTCG GAAAGCTATC ATAATCTTTG TNCCCGTTCC 180 TCAACTGAAA TCTTTCCAGA AAATCCAAGT CCGGCTAGTA CGCGAATTGG AGAAAAAGTT 240 CAGTGGGAAG CATGTCGTCT TTATCGCTCA GAGGAGAATT CTGCCTAAGC CAACTCGAAA 300 AAGCCGTACA AAAAATAAGC AAAAGNGTCC CAGGAGCCGT ACTCTGACAG CTGTGCACGA 360 TGCCATCCTT GAGGGACTTG GTCTTTCCNA AGCGGAAATT NTNGGCAAGA GGANTCCNGN 420

配列番号:33

AGGNCCAATT NTGGGNCAAA NAGGNTN

GTCAAACTTT GNTTGGCANG NCGGGCTCAT AAANGGTTCA TTTTGGNNCA ANNGACNAGN 480

配列の長さ:508 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00040

配列:

GATCAGAAAC TCACCCTAAA TCTNAACGGG TGCCGCTATA ATTNGTNACA TCTGGCAAGA 60
TTTCCCTTTA TGTATATATT TAAACAATCC GCTTGGACAC GAACAAAGCC ACACTTCTAA 120
CTGCTTCTGG CGAACTGATT TAATTTNAA TTTTTTNCAA TAAAGATATT CTTAGATACT 180
GAAAGAAATA GTTAATGAGT TTNCATTTGT CCTTGAGAAA ATTTGGCTCA AGGCCATTTG 240
GCTGTAGTGT CAACGATGTT TCCAGTAGTG TTTAGGATTT GGTGTCTTCA AAGGTAGTTG 300
ATTAAACCAA GTGTGTCTTT AATATCTTGT ATCAGAATAA CTTTGTATGT TACCAACTTA 360
AATTGCTAGA ATAAGGGTAA ATTGGATACA CAACTGCTGA TTTTTAATTT AGGANCTTTG 420
ACCNNATTTT GGGGTTTTCA AANCCGTTTT TGGNTGCTNT GTATCCTTAT GCTGTTTGGT 480
TNATTTCCAN TAAAAANTTC ACNCGNGN 508

配列番号:34 配列の長さ:505 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00041

配列:

GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTTTA AAGNNAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAAACAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GAAGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA ANTTATACTA 240
ACTTATTTAT GTTAAAAGGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
TTTGTGCATT TGTAAATGCT GTGTTGGGTA GANTAGGTTT TCCCCTCTTT TGTTAAATAA 360
TATGGCTATG CTTAAANGGT TGCATACTGG GGCCAAGTAT AATTTTTNTG GTAATGTGTG 420
GNAAAGGATG NCCAGTTATT GGTTACCNCT TTANGNNATC CNNTAANGGG AACCTTCCCC 480
TNGGTTAAAA NCANGNNGTA NANNN 505

配列番号:35 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00042

配列:

GATCTGGAAA GAGCTGTTTT GGATGAATGC AGTATAAAAT GTAAAANCCC TGCTAAATGA 60 62

配列番号:36 配列の長さ:503 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00043 配列:
GATCGAAAGG CACTCCATGA GCTAAAACTG GAAGAGTGGA AAGGCAGACT ACAAGTTACT 60
GAGCACCTCC CTGAGAAAAT TGAAAGTAGT TTACAGGAAG ATGAACCTGA GAATGNTGCT 120
AAGAAAATTG AAGCACTGCT AAACCTTCCT AGAAACCCTT CAGTAATAGA TAAACAAGAC 180
AAGGACTGAA AGTGCTCTGA ACTTGAAACT CACTGGAGAG CTGCCATGTC 240
CGATGAATGC CAACAGACAG GCCACTCTTT GGTCAGCCTG CTGACAAATT TAAGTGCTGG 300
TACCTGTGGT GGCAGTGGCT TGCTCTTGTN TTNTTCTNGN CTNTTTAACT AAGAATGGGG 360
CTGTTGTACT CTCACTTTAC TNATCCNTAA ATNTAAATAC ATACTGATGN TTTGTATTAA 420
TCGNTCCAAT ATATGNNTAC ATGNANTATA TCNACNCNCC TTNGATNTTT AAGCANGTAA 480
ATAAAAACCAT TNNGCAATGG AAA

配列番号:37 配列の長さ:497 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00044

配列:

GATCGATAAA GAATTGGCTA GTGGTGAATA CTTTTTGAAG GCAAATCAGA AGAAGCGGCA 60
GAAAATGGAA GCAATAAAGG CTAAACAAGC AGAAGCCATC AGTAAGAGA AAACCAAAGC
AAACAAAGCA TTTATTCCAC CTAAGGAAAA ACCAATTGTG AAACCTAAGG AAGCTTCTAC 180
TGAAACTAAA ATTGATGTGG CCAGCATCAA GGAAAAGGTT AAGAAAGCAA AGAATAAGAA 240
ACTGGGAGCT CTTACAGCTG AAGAAATTGC ACTTAAGATG GAGGCAGATG AAANGAAAAN 300
GANGAAAAAN NAGTANCATA CCCAAANCTC CTTGNCTNGG ACCTATCTCC TTTTTNGTAA 360
AGGGGTTTTT TGGGGTTTTC AGGCCTTTAG GTTNCCCTTT TTTTGNGGGA AANTTTTNTT 420
GGGGGGGTTT TTTNNCNTTT TTTNGGGGGG GGNGGGGGTT TTNNTCCTTG GGNGGGGTTT 480
TCTTTNNAAA AATTTN

配列番号:38 配列の長さ:498 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00045

即列 ·

GATCTTATGG ATGCTGAGCA TGTTCTGCAC TGGTGCTAAT GTCTAATATA ATNTTATATT 60
TACACACATA CGTGCTACCC AGAGATTAAT TTAGTCCATA TGAACTATTG ACCCATTGTT 120
CATTGAGACA GCAACATACG CACTCCTAAA TCAGTGTGTT TAGACCTTTC AAGTATCTAA 180
CTCATTTCCA AACATGTACC ATGTTTTATA AACCTCTTGA TTTCCAGCAA CATACTATAG 240
AAAACACCTG CTACTCAAAA CACAACTTCT CAGTGTCATC CATTGCTGTC GTGAGAGACA 300
ACATAGCAAT ATCTGGTATG TTTGCAAGCT TTCAAGATAG CCTGAACTTA AAANGTTGGT 360
GCATTAGTTG TATCTGATGG NTATAAATTT TGCCTCCTAG GTTCACTTTG GTGTCCAGGN 420
GCTAAACCTG TGGANCCTAA CTTTCCCCTN ATTGGGGGGG GAATAACCTG GAAAATAAAG 480
GGTTTTTTTC CAGGGNTN 498

配列番号:39 配列の長さ:494 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00046 配列: GATCTGTGCT GTAGAAAAAC ATTAACCCTT GTTCAAAAAA GAAATGGATA ANCTTGGCCT 60 TTCTAAGTGG TAAGAATGAC CTGTCACTAT AATATACTGT ATGTTTACAT TTNATTTAAA 120 TTTAATCTCT TATGTATAGG GTGATAACCT TCCCCAGAAA CAACAGTGAT TGCNATTGTT 180 TTCTAGAAAC TNCTTTAAAG TGCCACATTT GGCAGTACAA ATGAGTCTGA GTGTAATAGC 240 CCAGAGATTT ATATATAGTT GAATGTCTAA NATGGTAAAA TGTGCCACTG TGTCAAGTTA 300 CAGTGGCTTA TGTTTTTCAT AGTAATTCAN ATGANCTTCC TATTTTTGNT AGTAAATGGC 360 CATTTAATAG NATTCCTTGG CCATTTGAGG CTCACTGGCA AATTTTAGGT GCNGGGGGNG 420 GAANCCANTT TTTTANATGG NAATCCTTGG GTTTTTNCCN CCNTNNTNCC TGGNCCNTTC 480 494 CCCCAAAAAN CCTN 配列番号:40 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00047 配列: GATCAGTTGA CAGTGGCAAT TAAACTGTAA ATAACTTGCC CTGGGGGCCT TTTTTTAAAA 60 AACAAAAACC ACAAAAATTC CCAAACCATA CTTGCTAAAA ATNCTGGTAA GTATGTGCTT 120 TTNTGTGGGG GTGGGATTTG GAAGGGGGGT TGGGTTGGGC TGGATATCTT TGTAGATGTG 180 GACCACCAAG GGGTTGTTGA AAACTAATTG TATTAAATGT CTTTTGATAA GCCTTCTGCT 240 244 CAAA 配列番号:41 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00048 GATCACTGTA AATGAACCTC CCTGTTGGCC GCTCTGTGGA TGANACTTTA AGACTAGTTC 60 AGGCCTTCCA GTTCACTGAC AAACATGGGG AAGTGTGCCC AGCTGGCTGG AAACCTGGCA 120 GTGATACCAT CAAGCCTGAT GTCCAAAAGA GCAAAGAATA TTTCTCCAAG CAGAAGTGAG 180 CGCTGGGCTG TTTTAGTGCC AGGCTGCGGT GGGCAGCCAT GAGAACAAAA CCTCTTCTGT 240 ATTTTTTTT NCCATTAGTA AANCACAAGA CTTCAGATTC AAA 283 配列番号:42 配列の長さ:486 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00049

配列:

GATCAGTTTT CNTTGTAACA CTGGGTTTAA TCTGAATGGC GCTGATTCTN CCAAGTGCAC 60

TGAGGAAGGA AAATGGAGCC CGGAGCTTCC TGTCTGTNCT CCCATCATCT GCCCTCCACC 120
ATCCATACCT ACGTTTGCAA CACTTCGTGT TTATAAGCCA TCAGCTGGAA ACAATTCCCT 180
CTATCGGGAC ACAGCAGTTT TTNAATGTTT GCCACAACAT GCGATGTTTG GAAATNATAC 240
AATTACCTGC ACGACACATG GAAATTGGAC TAANTTACCA GGAATGCAAG GGAAGTAAAA 300
TGCCCATTCC CATCAAGACC AGNCAATGGA TTTGTGGNAC TATCCTGCAA ANCCCAACAC 360
TNTNTTTCCA AAGGNTTAAA GGCCACATTT TGGGTTGGCC ATTGGTNGGG TTATTTNTCT 420
TGGGAGTTGG GCCCCGGANG GAANTTTGNN TNTGTTNCCN NAANCTTGGG GAACCCTTGG 480
GTTTNN

配列番号:43 配列の長さ:470 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00050

配列:

GATCCACCAG CTGAGAATTC GTCCGCTCCC GAGGCTGAGC AGGGCGGGGC TGAGTAAATG 60
CCGGCTTACC ATCTCTACCA TCATCCGGTT TAGTCATCCA ACAAGAAGAA ATATGAAATT 120
CCAGCAATAA GAAATGAACA AAAGATTGGA GCTGAAGACC TAAAGTGCTT GCTTTTTGCC 180
CGTTGACCAG ATAAATAGAA CTATCTGCAT TATCTATGCA GCATGGGGTT TTTATTATTT 240
TTACCTAAAG ACGTCTCTTT TTGGTAATAA CAAACGTGTT TTTTAAAAAAA GCCTGNGTTT 300
ATCTCAATAC GCCTTTAAAG GTTTTTAAAT TGTTTCATAT CTGGTCAAGT TGAGATTTTT 360
AAGNCCTTCA TTTTTAATTT GTAATAAAAAN GTTTACCACC TTGGATTTTT TCAANAAAGG 420
TCAACCAANC TGCAANGCAC CTGTTAATAA NGGGTCTTTA ANTAATTAAA 470

配列番号:44 配列の長さ:479 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00051

配列:

GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTNTNA AAGGAAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAANCAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GANGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA AATTATNCTA 240
ACTTATTTAT GTTAANNGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
ATATGGCTAT TGTAAATNCT GTGTTGGGTA GAATAGGTTT TCCCCTCTTT TTGTTAANTA 360
ATATGGCTAT NCTTTAANGG GTTGCNTACT GGGCCAGGTN TAATTTTTTG TAATGGNGTG 420
AAAGGGTGCC ATTTTTTTGT CNCACTTNGG GGGTCTCANT GGGGGGNTTC TNNCNGGGN 479

配列番号:45 配列の長さ:477 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00053

配列:

WO 95/14772

GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60 TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTT TTTCTTATAG GCTTTATGCT CAAATGTCAT 120 AGTCTCCTTT CAAAGAATTG TGTTGCATTT TAAATGCACC CAGCTTAAGT AGAAGACATT 180 GAAGGATGCA TTAATTTTCA GGAACTATTT TGAATTATGA AAAGATTCCC AATTGAAAAA 240 NTTATTCAAC AAGTAAAAGC TAAGAAATTT CATTGAAATC ATAAGGCAGT TTAAGCATAA 300 NTTGATAAAA ATAGCTGTGT ACTACTAATT AATAGAAAAT CATTCAACCA AGAGANGAGT 360 CANGTGAATA TCGTTTGTTT ATTTGCTAGT GAGTTTCTTT GTAACGTTGG ATTTTATTAA 420 NTGGTTAATN TTTGGTTAGG TATGTCCTAT GTTANTNAAA ANTGGNCCAA NTTTAAA

配列番号:46 配列の長さ:476 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00055

配列:

GATCACCATT AGCAAATGGA AATNACATTT GAAAGCCATT AGACTTATAG GTGATGCAAG 60 CATCTAAGAG AGAGGTTAAT CACACTATAG AGGCATAAGT GGTATCAGTT TTCATTTTCN 120 TAATTGTTTA ANCTGTGTTT TATACCAGTN TTTGCAAGTA ATTGGGTGTT AGCTTGAGAT 180 GGTTAAAGGT GGTTTGGGGA GGGACTTCGT TGTAATGGTT TTCCTGTAAA ANATGTTTCC 240 AACTCCNCTG AAATGTTGCT GAAAAGCATG GTGCTGGTAA CAGTTCAACA ATCCCGTGGC 300 TGCTCATTCT TGGCCTACTT TTACTCTCCC ACTTGNNAGC AGGTTAGCGT TTGAAGGGTG 360 GTATGGGAAA AGCCTNGCAT TGCCTGGGCC AAATTCCTTT TGGGGTTCTN CTCCNTTCCC 420 CNCTTCNCCN THTCCTTCCT TTCCCCCNTN ANGTCCNNCC NCTTNCNTTA GGTTTN 476

配列番号:47 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00056

配列:

GATCAAATCT GCACTGTGTC TACATATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ATGTTCCCAA 60 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120 AACCTTATGG CCCTTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180 CTAAAGAAGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240 TATCCAGGTC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300 ATAATTTACC ACCCACTTAT CCACCTTTAA ACTTGGGGAA GGNNGCNTTT CAAATTAAAT 360 TTAATCHING GGGGHTTITA AACTITAACC CITTINCCHI INTHGGGGIN GGNANTIGHC 420 CCCNTTAAAG GGGGNNCCCC TNCNNGGGGG AATAAAACAA NTTNNTTTTT TN 472

配列番号:48 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00057

配列:

GATCAAANCT GCACTGTGTC TACANATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ANGTTCCCAA 60 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120 AACCTTATGG CCCNTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180 CTAAAGNNGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240 TATCCAGGTC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300 NTANTTTAGC AACCCAGTTA TCCNCNTTAA NNCTGNGGAG AGTGGTCTTT ACATCTTAAT 360 TTTATTCNTG TGGTGGTTNT TACCTTTAAC CCGGTTTCTT ATTTTTGGGT TTGTTATTGG 420 CCCTTTTTAG GGGTGGTCCC TNTTCCNGGT TGGNTTTCCC TTTTTTTGTG TN 472

配列番号:49 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00060

GATCTCATGG TCCGGAATGA CACCCCCTGT GGAACCACCA TTGGACCTAT CTTGGCTTCT 60 CGGCTGGGGC TGCGGGTGCT GGATTTAGGC AGCCCNNAAC TGGCCATGCA CTCTATCCGG 120 GAGATGGCCT GCACCACAGG AGTCCTCCAG ACCCTCACCC TCTTCAAGGG CTTCTTTGAG 180 CTGTTCCCTT CTCTAAGCCA TAATCTCTTA GTGGATTGAG CCCTCTTGGA AAGACTTCTC 240 TGCCATCCCT TTGCACCTGA GAGGGGAAGT TCTCAGCTGA GCTGAAGCTG GATTATTAAA 300 319 GTGGATTGTC ACTCAGAAA

配列番号:50 配列の長さ:461 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00061

GATCTTCCTC TAATTGACAG CCTCATTACG GGTCTTACAA AATATGGAAC AGTGTCAGAA 60 AAAACCAGAG AACTCGGCAG AGTCTAACAC AGAGGAAACC TAAAAGGACT GATTTAACCC 120 AAGATGATTT CCACTTGAAA ATCTTAAAGG ATATTTTATG TGAATTTCTT TCTAATATTT 180 TTCAGGCATT AACAAAGGAG ACGGTGGCTC AGGGAGTAAA GGAAGGCCAG TTGAGCAAAC 240 AGAAGTGTTC CTCTGCATTT CAAAACCTTC TTCCTTTCTA TAGCCCTGTG GTGGAAGATT 300 TTATTGAAAA TCCTACGGTG AAGTTGATAA GGCGCTTTGC TGGATGGGCT TGGGATAAAA 360 ACCCTTTCCC AAGTTTTAAA GGGTTTCAGG TCTTTAAATC CCTGAAATTT TGGGATTTCT 420 TTCTTCTTCC AGGITGITTA AACCTTTTAT TTTTTCCTCC N 461

配列番号:51 配列の長さ:458 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00062

配列:

GATCTAGCAT ATTTCACTAT TCTGTGGATG AATACATAGT TTGTGGGGAA AACAAACGTT 60 CAGCTAGGGG CAAAAAGCAT GACTGCTTTT CCCTGTCTGG CATGGAATCA CGCAGTCACC 120 TTGGGCATTT AGTTTACTAG AAATNCTTTA CCTTAAGCAG CACACACATT TACTACACAC 180 ACAGNCCTAA CAAAGCACTG TGCTTAGAGG GTAAAAAGGA ATCACAAAAC AAGAATCTTT 240 CCAAAGTTGT CTCATTCAGC AATGTTAAGG CATCTGTATC AAATTATTTT GGATGTAAAG 300 ATTCCTGTGT CTCATAATAT GAATGTATTT TTTGATATAC AAGGAAACTG GCCATAAAAA 360 TGGTGNGGNA ANCCGCCCNN TAATTTTNCC CCTGGGGCCC CAATTGGTNN NNTCNANTCT 420 NGGNTTNAGC NTTTGTCCTC AAATGGGATN CANTTNNN

配列番号:52 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00064

配列:

GATCTATCAC CCAAACATCG ACGAAAAGGG GCAGGTCTGT CTGCCAGTAA TNAGTGCCGA 60 AAACTGGAAG CCAGCAACCA AAACCGACCA AGTAATCCAG TCCCTCATAG CACTGGTGAA 120 TNACCCCCAG CCTGAGCACC CGCTTCGGGC TGACCTAGCT GAAGAATACT CTAAGGACCG 180 TAAAAAATTC TGTAAGAATG CTGAAGAGTT TACAAAGAAA TATGGGGAAA AGCGACCTGT 240 GGACTAAAAT CTGCCACGAT TGGTTCCAGC AAGTGTGAGC AGAGACCCCG TGCAGTGCAT 300 TCAGACACCC CGCAAAGCAG GACTCTGTGG AAATTGGCAC GTGCCACCGN CTGGCGTTCG 360 NTTGTGGCAG TTACTAACTT TTCTACAGTT TTCTTAATCA AAAGTGGTCT TAGGTAANCC 420 459 TGTAAAGGNA AGGGGTTTAN NAATTTTANG GTTGGTCTN

配列番号:53 配列の長さ:458 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00065

配列:

GATCAGCTGG CCAACTCAGC CAATCCGCAC ATTTAGCTCT CCAACTACCA TACAACGTGC 60 TTGGTTTAGG TCGGAGCGCA AATNTNCTTG ACCATCTCTA CGTTGGTATT CCCCGTCCAT 120 CTGGAGAAAA ATCTATACGA AANCAAGAGT GGACTGCAAT NATTCCAAAT NCCCAGCTAA 180 TTGTCATTCC ATACCCTCAC AATGTCCCTC GAAGTTGGAG TGCCAAACTG TATCTTACAC 240 CAAGTAATAT TGTNCTGCTT ACTGCTATAG CTCTCATCGG TGTCTGTGTT TTCAATCTTT 300 GGCAATAAAT TGGCATTTTA CCATTTGNCA GGGAAAAGGA AAGGCNGGTT GGNTTGGGGG 360 GAAAACCGGC CAAGGGANGG CCCCCCGGG TTTTCNATTT TTGGNGGGNT TNTTGGGNNT 420 458 TTTGCCTTTT TAAANTTTTT CCNAANAAAN NGGGANTN

配列番号:54 配列の長さ:454 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00066

GATCAGTTNC GTGTCCGCNG GAGCAGGCCT TGCTGAGTGA AGACACTGGN ACTAGCTGGG 60 TCCTGGGGTG ACTTGGAGGC TTTGGGCCTA AAAGGGCAGC CTGAACCTGG AGTCTTATCT 120 CCCCCAGGAG CCGAAAGCAC TTTTCTTGAT TTCCCCCAGG AAATCAAGCG CTGCTTCTCA 180 GCTCCTGTGG TTTTAGTATT TATATATCTG TATCTTCTTT GTAGAAATTT ATTTATTTTT 240 GAATAAGAAT ACCTGCCTGG ACAAAATTTA AAAGGACGGG AGGGCGAANT GCAAGGGAAG 300 GCCTCTCCTA TGCCGNCCCA GAGNAGCACT GTACCAATTT CATGTGATTC CTTAACTCTG 360 TTTAAGGAAG CTCTGAAACT GTCATTTCCT TTGCAGATTG TTNTGAACCT GGAAACCCNG 420 AATTTATNGN TAANNCTCAN TTNCCACCNG GAAA

配列番号:55 配列の長さ:505 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00067

配列:

GATCGTTGGG GAACCCAGCC CCTTGGAACT TGGAAGACCC GTGTTTCCTG GACCGCGAAT 60 CAGTGTGTTG GGCATCAGTG TTTTCTGCAA GGGTTGTGAC CTGAAACTTT TTAAAAACCA 120 CCCACCTTTG GGGAAGCATT TCTGAATTTA TCCATCACCA ACCATTTCTT CTTGGATACC 180 ATCAAGTAAC AGCTATTATT TGCCAAGTGG AGCTGTCATT TAATTTGATG CACCTCTGGN 240 TTCAGATGAA ACATTAAATT GTCTTCCTCG ATTCTCCATC GGGTGTAGAG TTTTTAAACT 300 ATCANTGGCA TTTCAAGTCT TCTGANACAA CATGGCTGTA TGTGCGTGGT CCATAGCACA 360 GTACATGCAG CATCTAATAA GNGTTTCCAT TTGTAGAATT NTTTTCNNCA NACTTNTAGT 420 TAAANNCAAA ATTTTTAAT TTGNAAANAA GNGNTGNGTT GGTTATTTNN GNTGTTNTTT 480 505 GTNTNTGGTT GNTNTGTTTA TTNTN

配列番号:56 配列の長さ:450 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00068

配列:

GATCAGAGAC TGGAGAGGTG GAGTGAGAAG TCTCCGCTGC TCGGGGCCCTC CTGGGGAGCC 60 CCCGCTCCAG GGCTCGCTCC AGGACCTTCT TCACAAGATG ACTTGCTCGC TGTTACCTGC 120 TTCCCCAGTC TTTTCTGAAA AACTACAAAT TAGGGTGGGA AAAGCTCTGT ATTGAGAAGG 180 GTCATATTTG CTTTCTAGGA GGTTTGTTGT TTTGCCTGTT AGTTTTGAGG AGCAGGAAGC 240 TCATGGGGGC TTCTGTAGCC CCTCTCAAAA GGAGTCTTTA TTCTGAGAAT TTGAAGCTGA 300 AACCTCTTTA AATCTTCAGA ATGATTTTAT TGAAGAGGGC CGCAAGCCCC AAATGGAAAA 360 CTGTTTTTAG AAAATATGAT GATTTTTGAT TGCTTTTGTA TTTAATTCTG CAGGTGTTCA 420 450 AGTCTTAAAA AATAANGATT TNTANCAGGN

配列番号:57 配列の長さ:447 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00069

配列:

GATCTTTGAT AGTNGAGAAA ATTATGCAAA GTTCCTCAGA AGTNGGTTAT NATGCTATGG 60 .

WO 95/14772

CTGGNGATTT TGTGAATATG GTGGAAAAAG GAATCATTGA CCCAACAAAG GTTGTGAGAN 120
CTGCTTTATT GGATGCTGCT GGTGTGGCCT CTCTGTTAAC TACAGCAGAA GTTGTAGTCA 180
CAGAAATTCC TAAAGANGAG AAGGACCCTG GAATGGGTGC AATGGGTGGA ATGGGAGGTG 240
GTATGGGAGG TGGCATGTNC TAACTCCTAG ACTAGTGCTT TACCTTTATT AATGANCTGT 300
GACAGGAAGC CCAAGGCAGT GTTCCTCACC AATAACTTCA GAGAANGTCA GTTGGAGAAA 360
AATGANGAAA AAGGGCTGGC TTGAAANTCA CTNTTAACCN NTTANGGTTG CTTGGGTTTC 420
ANGTTGGCCA NAGTTTTNNN TNNTGGN

配列番号:58 配列の長さ:445 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00070

配列:

GATCACTGAG CAGTTTTCCC AGAGCTCCAT GGGAAGGCAA GCTCTCCCTC CCAATGGGAG 60
CCCCACTGTC ACTAACTGTA AACTCAGGCT CAGGCTTCAN CTGCCTACC CCATCCTCAT 120
ATTTCTGTCT GTCCCAGCAC CTCAGGAGCA TTCTCATTGT GGCCGGCTAA CTCCGCCTGG 180
ATGTGAACAG GCAAGCACAG TGGGAAATNA GTCACGTACT TGTATTGCAC AGTGGACACC 240
TCTAGAGGTC CATTGGTTTA AAGGGATAGG GAAGGAGGAG GGATGAGACC ATCTCCCCCT 300
CCCAGGAAGT AAATCTAAGT ATCTAAGGTT TTCTTTATNG CCTTNGAGTC AAACTANTAA 360
CTGGCTAGTA CGGGAGGTGT NTGCTNGGTT TNTTTCGGGT GGTTTTTCC TAATGNAATA 420
AACTTCATTT NTTGCNTGNT TGGNN 445

配列番号:59 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00071

配列:

GATCTTCGGT GGCCTCATGT AAACGTGGCA GCCAGCCTCT TCTAGAACCC TAGCCCAGGG 60
ACTGGAGCAG GAAAGGGACC TTCAAAGTGA AGACTGCCTT GTCCCGCAGC TCCTTCTGGC 120
TTAGATTGAA ACATGGGCTT CCTAATGGGT TAAATCCTTT AAAACAAGGA GTTGTGGGGG 180
AAGGGTGTCG TGCACTCCTA GAGAAAGGTA CACAGTTGCC CGGTTGGGAA TGTGCTTGGC 240
GCTGACCCTG CGGGCATCTG ACTGGTCTTC CAGCTCAGGA AAAAGAATTT GAAAGAGGCT 300
TAGCGTGAAG GGGAATCAAA GAGGAGGTTG TNATTTNGGT CGAAGGTGCC TTGGTTTAAG 360
TCCTNGTAAT TTGTNCTTAT TAATTTTTT TNATATAATA TNATTTNTT GGGGGGGTAAA 420
CCATTTTTAA ATTAAACCAA CCATTTGTCT TNCTNGAAA 459

配列番号:60 配列の長さ:441 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00072

配列:

GATCAGACAC TTCAAGGTCT AGGCTAGACA TGGCAGAGAT GAGGAGGTTT GGCACAGAAA 60

ACATAGCCAC CATTTTTCC AAGCCTGGC ATGGGTGGG GGCCTTGTCT GCTGGCCACG 120
CAAGTTCACA TGCNATCTAC ATTAATATCA AGTCTTGACT CCCTACTTCC CGTCATTCCT 180
CACAGGACAG AAGCAGAGTG GGTGGTGGTT ATGTTTGACA GAAGGCATTA GGTTGACAAC 240
TTGTCATGAT TTTNACGGTA AGCCACCATG ATTGTTTTCT CTGGCCTCTG GGTTGACCTT 300
ACAAAAACCC ATTTGGAACT TGNNGACTTT GAAANGGTGC TCTTTGCTTA AGGCTTNAT 360
ATNGNGCCTT GTTTAATTGG GANGGTCNCT TNAAAAAGGCC NTTTCCTTTA NTTAANGGNG 420
GGGTTNTTAN GGNTGTAGAA A 441

配列番号:61 配列の長さ:436 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00073

配列:

GATCCGTCAC TCTTCCTTGT GGTAATCCCT AGACTGGGAG CTCAGGTACT CTTTTAGTCA 60
TCTTTGTATG TCTTTAGCAG AGTTCTTGAC ATGTGGTAGG TGCTTAATAA ATNTTTGTTG 120
TTTATCAAAT TTTATGGTAG GGAGAGTAAG TCAGCATCGG TATAAAATCG CTTACTCCAC 180
GTAACTCTTC TTCTGATAGG GTTTGATTTT CTATTAGAAG CTCAATTTTA GTTTTTTTC 240
ATATTATAAC TAAATATGTT TCCTGAGAGA TAAGAGAAAT AATGTTCCTA CAATAGTTGT 300
ATGTATCTAA GATAAGACAT ATAGATGCTT AAGACATTTT GTTTCACTTG CTATTCACTA 360
GTGTACTTGA ACCATGGTCA TTTTTAGCCC TTTTCCTAGG GACCATGCTT ATTTCTCAAT 420
AAGGAAATAC CTTCCN 436

配列番号:62 配列の長さ:434 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00074

配列:

GATCTTTTC CATCCAGCAG TGGAGTTTAG TACTTAAGAG TTTGTNCCCT TAAACCAGAC 60
TCCCTGGATT AATGCTGTGT ACCCGTGGGC AAGGTGCCTG AATTCTCTAT ACACCTATTT 120
CCTCATCTGT AAAATGGCAA TAATAGTAAT AGTACCTAAT GTGTGGGGTT GTTATAAGCA 180
TTGAGTAAGA TAAATANTAT AAAGCACTTA GAACAGTGCC TGGANCATAA AAACACTTAN 240
TAATAGCTCA TAGCTAACAT TTCCTATTTA CANTTCTTCT AGAAATAGCC AGTATTTTGT 300
TGGAGTGCCT ACNATGTTAG TTCCTTNTAC TAGTTGCTTT ACATGGATTA TCTTNATATC 360
CTGTTTTAAA GNTTNTTCAC AGGTACCAGG TTTTCATGGA ATTTTCCTTT NANTAAANGG 420
GGAGGNNAAN GNTN 434

配列番号:63 配列の長さ:433 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00075

配列:

GATCTGTGAA TCTTGGCTGG GACTTCCTCT GAGTGATGCC TGAGGGTCAG CTCCTCTAGA 60

CATTGACTGC AAGAGAATCT CTGCAACCTC CTATATAAAA GCATTTCTGT TAATTCATTC 120
AGAATCCATT CTTTACAATA TGCAGTGAGA TGGGCTTAAG TTTGGGCTAG AGTTTGACTT 180
TATGAAGGAG GTCATTGAAA AAGAGAACAG TGACGTAGGC AAATGTTTCA AGCACTTTAG 240
AAACAGTACT TTTCCTATAA TTAGTTGATA TACTAATGAG AAAATATACT AGCCTGGCCA 300
TGCCAATAAG GTTCCTGCTG TGTCTGGTTA GGCAGCATTN CTTTTGATGC AAAATTTCCTA 360
TTGGNCCCTN TNTTNNTCCA AAAAGGTAAA TGNCTTNNAT TNCCCGGTTA AAAAATNNTT 420
CCCNGGNNAT TTN

配列番号:64 配列の長さ:432 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00076

配列:

GATCCTGGAG GTCTTTCTA GTCTGAGCTT CTTTAGCTAG GCTAAAACAC CTTGGCTTGT 60
TATTGCCTCT ACTTTGATTC TNATAATGCT CACTTGGTCC TACCTATNAT CCTTCTACTT 120
GTCCAGTTCA AATAAGAAAT AAGGACAAGC CTAACTTCAT AGAAACCTCT CTATTTTTAA 180
TCAGTTGTTT AATAATTTAC AGGTTCTTAG GCTCCATCCT GTTTGTATGA AATTATAATC 240
TGTGGATTGG CCTTTAAGCC TGCATTCTTA ACAAACTCTT CAGTTAATTC TTAGATNCAC 300
TAAAAANTCTG AGGAACTCTA CATGTAACTA TTTCTTCAGA GTTTGTCATA TACTGNTTGG 360
CATCTGAATG GCTACTCAGC ATTTGGTTAA CATTNGNGTA AATTTGGAAT AAANTTCCCC 420
AGTAAGCCAT TN

配列番号:65 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00077

配列:

GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAACCC ACTGAAAAAC TTGAGAATCA TGTTGAAGCT 60
AAACCCATAT GCAAAGACCA TGCGCCGGAA CACCATTCTT CGCCAGGCCA GGAATCACAA 120
GCTCCGGGTG GATAAGGCAG CTGCTGCAGC ANCGGCACTA CAAGCCAAAT CAGATGAGAA 180
GGCGGCGGTT GCAGGCAAGA AGCCTGTGGT AGGTAAGAAA GGAAAGAAGG CTGCTGTTGG 240
TGTTAAGAAG CAGAAGAAGC CTCTGGTGGG AAAAAAAGGCA GCAGCTACCA AGAAACCAGC 300
CCCTGAAAAG AAGCCTGCAG AGAAGAAACC TACTACAGAG GAGAAGAAGC CTGCTGCATA 360
AACTCTTAAA TTTGNTTATT CCCATAAAGGT CAAATCATTT TGGNCAGCTT CTTTTTGAA 420
TAAAAAGNCCT GNTTTATACC AGGGCAGTGA GGAACCAAA 459

配列番号:66 配列の長さ:626 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00078

配列:

GATCTACAAA GGCCATGGGA AAAATTCAGA GAGTTAGGAA GGAAAAACCA ATAGCTTTAA 60

AACCTGTGTG CCATTTTAAG AGTTACTTAA TGTTTGGTAA CTTTNATGCC TTCACTTTAC 120 AAATTCANGC CTTAGATAAA AGAACCGAGC ANTTTTNTGC TAAAAAGTCC TTGATTTAGC 180 ACTATTTACA TACAGGCCAT ACTTTACAAA GTATTTGCTG AATGGGGACC TTTTGAGTTG 240 AATTTATTTT ATTATNCCCG TTTNGTTTAA TGTCTGGTGC TNNCTATCAC CTCTTCTAAT 300 CTTTTAATGT ATTTGTTTGC AATTTTGGGG TAAGACTTTT TTATGAGTAC TTTTTCTTTG 360 AAGTTTTAGC GGTCAATTTG CCTTTTTAAT GANCATGTGA AGTTATACTG TGGGCTATGC 420 ACCAGCTCTC ACCTACNGGG GGNCTTACCT TGGGGGGTAGN GNCCATACCA GNCCACTGTA 480 TGTTTACTTC CTCACCCATT TGGNGTTGCC CCANCTTGGT TNAACACTNG GGCANCATTN 540 TGGTTTNAGG GGNCCTTAGG GTTNACCAGN TCNTTTTAAC NGGNTATTTN CCCGGGGTTT 600 626 TTTNAAANTG GCCCAAAATN CTTAAA

配列番号:67 配列の長さ:534 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00079

配列:

GATCAACAGT TCTAGTACTC TTCTTTGTCA GTATATCAAC CTACAGCTAT TGAATGCAAA 60 GCCACAAGAG TGTTTAATGG GGACAGTGGG CACTCTCCTG CTTGAAAACC CACTTGGGCA 120 GAATGGACTC ACCCACCAAG GTCTTCTGTA TGAAGCAGCC AAGGTGTTTG GCCTTCGGAG 180 CAGGAAGCTA AAGCTGTTTC TGAATGAGAC CCAAACGCAG GAAATTACAG AAGACATCCC 240 CGTGAAGACT TTGAATATGA AGACTGTGTA TGTTTCTGTG TTACCAACAA CAGCAGACTT 300 CTAGCATGTA CTTATCAATG TTGTTCGGTC AGCCCTTCCC TAATTACACC TATCCCCTAC 360 ACATACATGC ACATAGNCAC ACACATGNAC ACACTTGAAG GTATTTCCTT CAAGGTGTGT 420 GTAAAAATAT GCTGCTTGGN TTTGAATTCA AATGGGGTTG NTTAGGTCAA GTACTTTGNG 480 GCCTNANAGG NATCTTCACA CTTAACCTTA GGCACTTTTG ANGCATTGTT GGGN

配列番号:68 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00080

配列:

GATCTTAGTT GATATTTTGG GCTTGGGGCA GTGAGGGCTT AGGACACCCC AAGTGGTTTG 60 GNAAAGNAGG AGGGGAGTGG TGGGTTTATA GGGGGAGGAG GAGGCAGGTG GTCTAAGTCC 120 TGACTGGCTA CGTAGTTCNG GGCAAATCCT CCAAAAGGGA AAGGGAGGAT TTCCTTAGAA 180 GGATGGCGCT CCCAGTGACT ACTTTTGAC TTCTGTTTGT NTTACGCTTC TCTCAGGGAA 240 AAACATGCAG GTCCTCTAGT GTTTCATGTA CATNCTGTNG GGGGGTGACA CCTTGGTTCT 300 GGTTAAACAA GCTGTACTTT TAATAGCTGT TNCAGGAAGG GTTAAGGCCA ACTACAAATT 360 AATGTTGGTT GCAAATGTAG TGTGGTTCCC TAACTTTNCG GGGTTTTCCT GAGGAAA

配列番号:69 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00081 配列:

GATCTGCCTG CCCACCAACT GGTGATGGAA GGTTACAAGT GGCACTTCAA TGAGACGGTG 60
CTCACTGTGT GGTCGGCACC AACTACTGCT ACCGTGTGGG AATGTGGCAG CATCTTGGAG 120
CTGGACGAGC ATCTCCAGAA AGATTTCATC ATCTTTGAGC TGCTCCCAAG AGCACGGGGC 180
ATCCCTCCAA GAGCCGTGCC GCTATTCCTG TGACCCGCCG GCCTGCCCTC ACCTTTGGCT 240
CGACATGTGC TTGCATTTCT AGCGAGCTGG CGTGGGGGCT GTCTGGTTGT GTCCCAAGAG 300
GTGTTGAGGT AGGTNTTGAG AGCTGAGACT AGTCATGTCT CTCTTTCCAT TACATGAGTT 360
CATATTTTTN TTTTCTNTTT TGTGTTAGTA ATTTGGAAAT GAAATTATAA GGAATGN 417

配列番号:70 配列の長さ:415 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00082

配列:

GATCTTTCTG GGAACACAGC CCNGCTGGCG GCTAACCTGC TGTTTGAGAT GCTATGTGCT 60
CTCCCCAAAG TGACAACCGT CTGAGTCTTG TGCTCTTCAA GACAAAACAG ATTGCGTCGC 120
TGACAAGTTC TCAAGAAGAA CTTATGAGTA AGCAGTCTGA GAACTAAAGA GTTTATGCCA 180
AGAAAACTTT CTGCTGAAAG TGTCATTGCT GGCTGTGAAG TCGGGGATAAT CAGTAGAATT 240
CTCACCCAAA CAGCAACATT TCTAAGGAAC TTGGATTAAT TGGGGGGAAAA AAAANGGGGT 300
ACTTGTACTG CTTTGATTTG TTTTCCTTTG GNTGAAAAGN TGGGGGGTTA AANGGGGGAT 360
NGTGAGGGGG ANTTTNCTTN TNNAGGGNTT TNTTNTNANC CCATTTNGGN NTNCN 415

配列番号:71 配列の長さ:415 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00083

配列:

GATCAGAATC ATTAAAAAAT ATTTTTGTTT AGTAAGTTTG AAGATTTCNN GCTTTNAGGC 60
CTTTCCTATT TTGTCCCATT TATTTTTNCA GGCAATCTTT TCCATGGAGG GCAGGGTATC 120
CATTCTTTAC CATGGGTGTA CCTGCTTAGG TTAAAAAATCA TACCAAGGCC TCATACTTCC 180
AGGTTTCATG TTGCGTCTTG TTGAGGGAGG GAGAGCAGGT TACTTGGCAA CCATATTGTC 240
ACCTGTNCCT GTCACACATC TTGAAAAAATA AAACGATAAT AGANCTAGTG ACTAATTTNC 300
CCTTACAGTT CCTGCTTGGN CCCACCCNAC TGNGGGTNGG CTCCATTGGT NNGTTCCGGG 360
GCCGTNNTTT AGGGGGNANT TGGGGGNTCG GTTAGGCCTN TNGGTTTGGG GAAAN 415

配列番号:72 配列の長さ:410 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00084

配列:

GATCTCCCCN CTCTAGGGGT CAGGCTCCAT TAGGATTTGC CCCTTCCCAN CTCTTCCTAC 60

CCAACCACTC AAATNAATCT TTCTTTACCT GAGACCAGTT GGGAGCACTG GAGTGCAGGG 120 AGGAGAGGGG AAGGGCCAGT CTGGGCTGCC GGGTTCTAGT CTCCTTTGCA CTGAGGGCCA 180 CACTATTACC ATGAGAAGAG GGCCTGTGGG AGCCTGCAAA CTCACTGCTC AAGAAGACAT 240 GGAGACTCCT GCCCTGTTGT GTATAGATGC AAGATATTTA TATATATTTT TGGTTGTCAA 300 TATTAAATAC AGACACTAAG TTATAGTATA TCTGGACAAG CCAACTTGTA AATACACCAC 360 CTCACTCCTG TTACTTACCT AAACAGATAT AAATGGCTGG TTTTTAGAAA

配列番号:73 配列の長さ:406 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローシ名:HUMGS00085

配列:

GATCGTGACG CTGAATAAAT GTCTTTTTT TAATGTGCTG TGTAAAGTTA GTCTACTCTT 60 AAGCCATCTT GGTAAATTTC CCCAACAGTG TGAAGTTAGA ATTCCTTCAG GGTGATGCCA 120 GGTTCTATTT GGAATTTATA TACAACCNGC TTGGGTGGAG AAGCCATTGT CTTCGGAAAC 180 CTTGGTGTAG TTGAACTGAT AGTTACTGTT GTGACCTGAA GTTCACCATT AAAAGGGATT 240 ACCCAAGCAA AATCATGGAA TGGTTATAAA AGTGATTGTT GGCACATCCT ATGCAATATA 300 TCTAAATTGA ATAATGGTAC CAGATAAANT TATAGATGGG AATGAAGCTT GTGTATCCAT 360 TATCATGNGT AATCAATAAA CGGNTTNAAT TCNCTTGGAN TGGAAA

配列番号:74 配列の長さ:408 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00086

配列:

GATCACATTG TAAAACTATG GATGGTCTGA TAAGGCTTTN ACTGACCCCA CTGACTTCAG 60 AGTTATACTC TGTTTGCNAC ATCATAATGC TGGTTTTCCT GACTTTTTGT NTTTTAATAT 120 ATTTATAAAA AAAGAAAAAG TTGGTGATTG CATTGGGAAA TTCCCAGGGT ATTACTGGAC 180 CTATGTGGTG TATTGTTAAA CCAGTGTCCT TGTNATACTG TTGCTCTTGA TGTTCCTGAT 240 ACAGGTAAGG ANGCAGTTGG TCAACTCTNA TACAAAGTAT ATATACAGTT CAGTATTGTC 300 TCTGTTCATT TTGTTTTAAT TTCATTGGNC AAANTCAANC CAGCATTCCC CATTTGTGTA 360 AATAAATGAT TTTCCTGGAA TAAAAGGNAA AGGNCTTNAA ATTCCAAA 408

配列番号:75 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00087

GATCAAACTA GCTCAGGCCA AACTTTAAGT TCATACCTGA GCTAAGAAGG ATAATTGTCT 60 TTTGGTAACT: AGGTCTACAG GTTTNCATTT TTCTGTGTTA CACTCAAGGA TAAAGGCAAA 120 ATCAATTTTG TAATTTGTTT AGAAGCCAGA GTTTATCTTT NCTATAAGTT TACAGCCTTT 180 TNCTTATATA TACAGTTATT GCCACCTTTG TGAACATGGC AAGGGACTTT TTTACAATTT 240 TNATTTTATT TTCTAGGTAC CAGCCTAGGG GATTTCGGGT TAGGTACTCA TTTTGTATTC 300
ACTGTCACTT TTTCCTCATG GTCCTAATTA TAAATNGNCC CAAAATCAAG GNTTGCCTNA 360
AAAAGGGGGN AAAATGGTTG GCCCCNNGGT TNTTNGNNNC CCCNGTN 407

配列番号:76 配列の長さ:413 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00088

配列:

GATCTACCGA CTCACTTCTG AGAATATTTT TNACAGATTA TCTTTGGGCC TTTCCATTAG 60
AAAGCTGTTT GTTTGTCCCC CTGTTGGTAC ATTTGGTTAC CTCATTTTGC CGTTTCAAAT 120
TGTAAAAGCT CACAGGGGTG TTTTTTGGAA TCATTTGCTG AGTCATTTC TCAAATCATA 180
TTCCATTGTA TCAGTTAACA TATAGTTTTA AATGTATGTA TTATAAATNT CTGTANCCAA 240
ATCATTTGAA GGCTTGATAA ATTTNTAACA ANGTTTGTAC ATTTNTCATG AAAGTCACTA 300
GTAATGCTNG GNGNGGTAGT GCAATGGANT TTTCCNTTTT TCNTCCCTGT GCCCATTTTG 360
GAGTTGAGAG GGTTGTNGGT AATNAACTGT ATGGTGTACA NTGNANCCNA NNN 413

配列番号:77 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00089

配列:

GATCGGCAAG CCNCNCACTG TCCCTTGCAA GGTGACAGGC CGCTGCGGCT CTGTNCTGGT 60
ACGCCTCATC CCTGCACCCA GGGGCACTGG CATCGTCTCC GCACCTGTGC CTAAGAAGCT 120
GCTCATGATG GCTGGTATCG ATGACTGCTA CACCTCAGCC CGGGGCTGCA CTGCCACCCT 180
GGGCAACTTC GCCAAGGNCA CCTTTGATGC CATTTCTAAG ACCTACAGCT ACCTGACCCC 240
CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT CAGGGAGTTC ACTGACCACC 300
TCGTCAAAGA CCCACACCAG AGGTCTCCGT GCAGNGGACT TCAGGNTNCA GNTTGTGGTT 360
ACAACATAGG GGNTTTTTAT ACAANGGAAA NGTAAAGGTG NNNTTAAAGN GGTGAAA 417

配列番号:78 配列の長さ:404 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00090

配列:

GATCAGAAGA AACACTCCAA AAATTGAGAT GAAATGTTGG TGCAGCCAGT TATAAGTAAT 60
ATAGTTAACA AGCAAAAAAA GTGCTGCCAC CTTTTATGAT GATTTTCTAA ATGGAGAAAC 120
ATTTGGCTGC ATCCACATAG ACCTTTATGT TTTGTTTTCA GTTGAAAACT TGCCTCCTTT 180
GGCAACATTC GTAAATNAAG CAGAATTTTT TTTTCTCTTT TTTCCAAATA TGTTAGTTTT 240
GTNCTTGTAA GATGTATCAT GGGTATTGGT GCTGTGTAAT GAACAACGAA TTTTAATTAG 300
CATGTGGTTC AGAATATNCA ATGTTAGGTT TTTAAAAAAAG TATCTTGATG GTTCTTNTTC 360
TATTTATAAT TTCNGACTTT CATAANGTGT ACCCANGANT TTCN 404

配列番号:79 配列の長さ:622 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00091

配列:

GATCCCCGCA ACTCGCTTGT CCTTGGGTCA CCCTGCATTC CATAGCCATG TGCTTGTCCC 60 TGTGCTCCCA CGGTTCCCAG GGGCCAGGCT GGGAGCCCAC AGCCACCCCA CTATGCCGCA 120 GCGGCCCTAC CCACCTTCAG GCAGCCTATG GGACGCAGGG CCCCATCTGT CCCTCGGTCG 180 CCGTGTGGCC AGAGTGGGTC CGTCGTCCCC AACACTCGTG CTCGCTCAGA CACTTTGGCA 240 GGATGTCTGG GGCCTCACCA GCAGGAGCGC GTGCAAGCCG GGCAGGCGGT CCACCTAGAC 300 CCACAGCCCC TCGGGAGCAC CNCACCTCTG TGTGTGATGT AGCTTTCTCT CCCTNAGCTG 360 CAAGGGTCCC GATTTTGCCA TCGGAAAAAG ACAACCTCTA CTTTTTTNCT TTTGTATTTT 420 TGATAAACAN TTGAAGNTTG GAGCNTGTTA AAATTTATTN TTTGGGGGGA AACCTNAAGA 480. ACTGGGNCTT AATTTNGGNG TTCGTGGGAC CCTNTTANNT GGTTTTNAAT NAANCGGTTA 540 NGGAATTAAA CTGTTTTGGA ANANTTGGTT TAAAGNTTTA AAATTTTGGG AAAAAAAGGG 600 622 GCTTTTTAAA TTTTTTGGGT TN

配列番号:80 配列の長さ:400 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00092

GATCTTCCTT TNTTCTNTGA ATGNGCTCTG TTGNCTTTTT CTCTTTTTTC TCATGTGTTC 60 TTTTCAGTAG TACAGGCTTC TTGCCGATAT GAAGGGAACT TTTCAGAAAG AGACCTACTC 180 TGGGTCATTT AATTTTGAAT ACAGTTTTCA ATCGTTCAAG TTTTGGNNNG NTTATATCTA 240 ATGTGTGTTT CATTTTTTG GAAAGCTATA TTTTGTATTT AGGAAATGGT ATACTATTTT 300 GCTATTTGTA CTGAGTGAGT ACATTGGCAT AAATATAGAA ATTTATATAT ATACATATAT 360 400 ATAACTGTGC TNNTTGCCCT TTTTNNTGNG GGAAATTGGN

配列番号:81 配列の長さ:396. 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00093

配列:

GATCAGACTG TGGCATTGTA AATGTCAACA TTCCAACAAG TGGGGCTGAG ATTGGAGGTG 60 CCTTTGGAGG AGAAAAGCAC ACTGGTGGTG GCAGGGAGTC TGGCAGTGAT GCCTGGAAAC 120 AGTACATGAG AAGGTCTACT TGTACTATCA ACTACAGTAA AGACCTTCCT CTGGCCCAAG 180 GAATCAAGTT TCAGTAAAGG TGTTTTAGAT GAACATCCCN NAATTTGAGG GTGTTCCAGC 240 AGCTGTTTTT GGAGAAGACA AAGAAATTA AAGTTTTCCC TGAATAAATG CATTATTATG 300 ACTGTGACAG TGACTAATCC CCCTATGACC NNAAAGNCCT GATTAAATCA AGAGATTCCT 360 TTTTTAAAAA TCAANTAAAA TTGTNACACC ATAAAA

396

配列番号:82 配列の長さ:400 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00094

配列:

GATCGATGGT TGACAATCCA GAGTGGTGAA CAGCCCTACA AGATGGCTGG TCGATGCCAT 60
GCTTTTGAAA AAGAATGGAT AGAATGTGCA CATGGAATNG GTTATACTCG GGCAGAGAAA 120
GAGTGCAAGA TAGAATATGA TGATTTCGTA GAGTGTTTGC TCCGGCAGAA AACGATGAGA 180
CGTGCAGGTA CCATCAGGAA GCAGCGGGAT AAGCTGATAA AGGAAGGAAA GTACACCCCT 240
CCACCTCACC ACATTGGCAA GGGGGAGCCT CGGCCCTGAA CAGAGCAGCT GCTGATGTCT 300
GGAGGCTGAT TTTCCTGTTC TCTGTTCTCC ACTGGAAAGG TTGTTTACGA CAAACCTCCT 360
TGTCAAAAGTN TGTAAAAATA AAGGATTGCT CCATCCTAAA 400

配列番号:83 配列の長さ:397 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00095

配列:

GATCTGGGCA CTGTACTTNA GCCTGGGCGA CAGAGAGACC CATCTCAAAN AAAAAATTGG 60
AACCTGAGAA GGGGGTCGTG GGGTCCCCGG GGCCCACCGT CTGCACTTGG NATCTNAAGT 120
CGGGGTGGNC TTGTGGGACT NACCCNTTAC CCTGTGGGTT CTGTACTAGC TCCGGGNAAT 180
TGGTGACAGA NTCGAGTTAA ATTGTAGGAC ATCGCGTTGG TGTCTGAGAG GGAGTTGGAG 240
AGCTGGTTGG TGTGGAGGGA AAGGNTTACA CACATGTNAT TTCAGAAGCG TTCTGTGGGT 300
AGAGGAATCG TTTTCTCTTT GAGACTGTTA TGAGTATGTA CAAATTTTAT TTCCTGTAAA 360
AATATTTNCA TTTTTTAAAN TGGTTATTTT CTAGAAA

配列番号:84 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00096

配列:

GATCGAAGAT TTATCCCAGC AAGCACAACT AGCAGCTGCT GAGAAATTCA AAGTTCAAGG 60
TGAAGCTGTC TCAAACATTC AAGAAACAC ACAGACTCCA ACTGTACAAG AGGAGAGTGA 120
AGGAGAAGGG GTCGATGAAA CAGGTGTAGA AGCTTAAGGAC ATAGAATTGG TCATGTCACA 180
AGCAAATGTG TCGAGAGCAA AGGCAGTCCG AGCCCTGAAG ANCAACAGTA ATGATATTGT 240
AAATNCGATT ATGGAATTAA CAATGTAACC ATATGGANGC AACTTTTTTT TGGTGTCTCA 300
NGGTGAAC TGCAGCTTGG TTTGAAANTT TGTTACCTTG TTTCTTATCA TAAAATNAAN 360
NGTTATTNGC TTCCTTTTTT GGNTTGGAAA

配列番号:85

配列の長さ:392 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00097

配列:

GATCACTTC ACTNTCAATT ATTTGCCAGG NCTCACAGAA CTCAGAAAAG CTCAGANCAC 60
TCATGGTTAC TATTTAGTAA AGCAAAAAGA CACAAATNAA AATNAGCAAG TTTGGCCGGG 120
ATTGCAGGCA TGAGCCACTG AGCCCGGCCC CCAACTGTTA CATCAAAATA TTATTTGAGA 180
GTATATGTGT CCTCACGTCC CTAAAACACT AGAAACTGTC AANCTTTTAA TCTTTGTCAA 240
ACTCTCAAAA GTAGTATCTC TGCATTTGCA TGCCTTTGNG TNCTAATAAG GTTGAGTACT 300
GCTTTAAAAG TTTGCTGGNC ATCTNTTTGN TTTTTTTTAAG GACCTGCGGT GGNNAGGCCC 360
NTTCAANANA TTNTTTCNTT AATTNGGGCC TN 392

配列番号:86 配列の長さ:393 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00098

配列:

GATCAGTCTG GCTGGTGGTT TAACAGGTGT CACTCTGCAA ACCTGAATGG TGTATACTAC 60
AGCGGCCCCT ACACGGCTAA AACAGACAAT GGGATTGTCT NGNACACCTG GCATGGGTGG 120
TGGTATTCTC TGAAATCTGT GGTTATGAAA ATTAGGCCAA ATGATTTAAT TCCAAATGTA 180
ATTTAATTGC TGCTGTTGGG CTTTCGTTTC TGCAATTCAG CTTTGTTTAA AGTGATTTGA 240
AAAATACTCA TTCTGAACAT ATCCATGCGC AATCATGATA ACTGGTTGTG AGNAGTGCTT 300
TTCACTCACAAAT AAATGTAGGC TGGTGGTAAT AAA 393

配列番号:87 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00099

配列:

GATCCAGAAA TACTTAACAC GTGAATATTT TGCTAAAAAA GCATATATAA CTATTTNAAA 60
TATCCATTTA TCTTTTGTAT ATCTAAGACT CATCCTGATT TTAACTATCA CACATGAATA 120
AAGCCTTTGT ATCTTTCTTT CTCTAATGTT GTATCATACT CTNCTAAAAC TTGAGTGGCT 180
GTCTTAAAAG ATATAAGGGG AAAGATAATA TTGTCTGTCT CTATATTGCT TAGTAAGTAT 240
TTCCATAGTC AATGATGGTT TAATAGGTAA ACCAAACCCT ATAANCCTGA CCTCCTTTAT 300
GGTTAATACT ATTTANGCAA GGANTGCAGT ACAGATTTGG NTACAGTACG GATTTGNCCA 360
AATAANTTCA NTAAAAGCCT TAAAGCTGAA A 391

配列番号:88 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00100

配列:

GATCAACCCA CAGAACAAAG CGGATTTCCA AGGCATCTCC CCAGAGCGAG CCTTTGCTGA 60
TTTTCTCTTT GCCAGCACCA TCCTGCACCT TGTTGTCATG AACTTTGTTG GCTGACTCAT 120
TCTCATTTAC TTAATTGAGG AGTAGGAGAC TAAAAGAATG TTCACTCTTT GAATTTCCTG 180
GATAAGAGTT CTGGAGATGG CAGCTTATTG GACACATGGA TTTTCTTCAG ATTTGCACTT 240
ACTGCTAGCT CTGCTTTTTA TGCAGGAGAA AAGCCCAGAG TTCACTGTGT GTCAGAACAA 300
CTTTCTAACA AACATTTATT AATCCAGCCT CTGCCTTTCA TTAAATGTAA CCTTTTGCCT 360
TCCAAAATTAA GGACTCCATG CCACTCCTCN 390

配列番号:89 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00101

配列:

GATCTTTCTN AATGTGTATT GATTGGTCTT TTCAGCTACT CTGAACAGAT TACTAAGGCC 60
ATCTCCTCAT CTCTAAGGGA GAAAAATAGT CTGTAGATGA ATAATGTAAG GTAAAGAGTT 120
GCATGTCAGT CTTTGTAATN ATTTACACTT TAACTTTCTC CAGAACTCAG ACATGATTC 180
AACATGGTGT TAGATTTGTG CATTTNATTT TCCTGACCAC CTCATTCCAG CCAATGTATG 240
GTTATCCACT CTGTGTGCNA AANCCAATCA TGCNTTTCAC GGCCCTTTAG TTCAGAGAAG 300
TTCTGCACTG ATTTTTAGTC TCTTGATGTC TCAATCTTAC ATGTATACCA ATCACAATGG 360
AATAAAAAAGT GTTTGAGGTT GTACTGTGGN 390

配列番号:90 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

トホロンー: **回**類状 クローン名: HUMGS00102

配列:

GATCCGAGGA GGCGGAACAA GTCCACGGAG TCCCNNGCAG GCCAACGTGC AGCGGCTGAA 60
GGAGTACCGC TCCAAACTCA TCCTCTCCC CAGGAAGCCC TCGGCCCCCA AGAAGGGAGA 120
CAGTTCTGCT GAAGAACTGA AACTGGCCAC CCAGCTGACC GGACCGGTCA TGCCCGTCCG 180
GAACGTCTAT AAGAAGGAGA AAGCTCGAGT NATCACTGAG GAAGAGAAGA ATTTCAAAGC 240
CTTCGCTAGT CTCCGTATGG CCCGTGCCAA CGCCCGGNTC TTCGGCATAC GGGCAAAAAG 300
AGCCANGNAN GCCGCAGANC AGGATGTTNG TAAGGAAANN ATTTANAGCC CCTCCTGGGN 360
GACCTTTGGG ATTCAGTCGN CAGTCAATAA A 391

配列番号:91 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00103

配列:

GATCTGTGCC AAGCTCAGGG TGTAGCGCTG CAAACGATGA AGCAAGAGAT TCTCATTAAC 60

CTTGTGAAGC AAAAGCCACA AATAACAGAG GAACAACTTG AGGCTGTCAT TGCAGATTTC 120
TCAGGCCTGT TGGAGAAATG CTGCCAAGGC CAGGAACAGG AAGTCTGCTT TGCTGAAGAG 180
GGACAAAAAC TGGNGNCAAA AACTCGTGCT GCTTTGGGAG TTTAAATTAC TTCAGGGGAA 240
GAGAAGACAA AACGAGTCTT TCATTCGGTG TGAACTTTTC TCTTTAATTT TAACTGATTT 300
AACACTNTTT GGTGAATTAA TGAAATGNTA AAGACTTTTT ATGTGAGATT TTCCTTATCA 360
CAGAAATNAA NTNTCCTCCA AATGTTAATA N 391

配列番号:92 配列の長さ:385 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00104

配列:

配列番号:93 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00105

配列:

GATCTTTGAT AGTTTTGGTG AACTCTCTAA AATACATTCA CTGTGGGTCC GACGCAATTT 60
ATAAAAATNA TGTACTCAAG AAGGGAGACC TGTTTGTTTC ATTTCTCATC TGTTTGGGAG 120
ATGATTTTAG AGCACTAGAA AGGCACTGGG GAGATTCTCA GCTTAAAACA TCCAGCAGTT 180
TGAAGTATGA TTAGGTACAT CAGGGCTGCA TTGTCAATNT TCTCTTTAAG TCTTTTAACA 240
TTTATAGCAA TTTTTTTTTT CCCGGAGAGT TTAGGTTGCA AGTTTTGGGT TTCTTGTTTG 300
TTTTTGTTTT GCTTCCTGCT TTAATNCTTN AATTTNCAGT CATTACTGGT ATTGAAAAAT 360
AAAATATCTT TAAANCANNG N 381

配列番号:94 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00106

配列:

GATCTAAGAG ACTCAAGAGC TGGGTTTCTT TCAGCACTCT GTACTGTCCC AAATAGCAAA 60 CAAATNACTT TGTAGCCAGA TTTCTGAATG GAAATNAGAA ATTGAATTCT CCATGGACTT 120 TTAGGTTTAT GGGGGAGTTT TAGCTGTGTT TCTTGGTTTT ATTTCAGCCA AACATGTCTG 180 CTTTTGATTT TTTTTTTAAA GTATAAGTGG TCTATATATA TGTTCACCTT TTAAATGTAA 240 ATGTTTAAAA AGTAAGCATT TATGTGTTTC CATAACTGAC ATCTGATGCA GACCTCATTC 300 TCTCCCCCTC TTCTACCCTC CTCTTTTCCC CCTTTTCAAT ACTCTTGTAT TGGGTTCTAA 360 380 TAAAATGGGT TGCTTTTCN

配列番号:95 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00107

配列:

GATCCATACT TGGATGATAT TGATGATGAG ATGGACCCAG AGATAGAAGA AGCTTATGAA 60 AAGTTTTGTT TGGAATCAGA GCGTAANGNA NAACAGTAAA GTTAAATTTC AGCATATCAG 120 TTTTATAAAG CAGTTTAGGT ATGGTGATTT AGCAGAACAC AAGAGAGCAA GAAAATGTGT 180 CACATCTATA CCAAATTGAG GATGTTGAGT TATGTTACTA ATGTATGCAA CTTTAATTTT 240 GTTTAACACT ATCTGCCAAA ATAAACTTTA TTCCCTATAA CTTAAAATGT GTATATATAT 3G0 ATAATAGTTT ATTATGTACA GTTAATTCTA CTGTTTTGGC TGCAATAAAA TCGATTTTGG 360 AAATAAATGG AATGTTGGN

配列番号:96 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00108

配列:

GATCTTTGCT GGCAAGCAGC TGGAAGATGG ACGTACTTTG TCTGACTACA ATATTCAAAA 60 GGAGTCTACT CTTCATCTTG TGTTGAGACT TCGTGGTGGT GCTAAGAAAA GGAAGAAGAA 120 GTCTTACACC ACTCCCAAGA NGAATAAGCA CAAGAGAAAG AAGGTTAAGC TGGCTGTCCT 180 GAAATATTAT AAGGTGGATG AGAATGGCAA AATTAGTCGC CTTCGTCGAG AGTGCCCTTC 240 TGATGAATGT GGTGCTGGGG TGTTTATGGC AAGTCACTTT NGNCAGACAT TATTGTGGCA 300 NATNTTGTCT GACTTACTGG TTNCAACAAN CCCAGAAGNC ANGTNAACTG TNTGANGTTN 360 ATNAAAAGNC ATGTNCTGAA CAAA

配列番号:97 配列の長さ:583 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00109

配列:

GATCCTCATG AATGACTATC CTAAATTTAA GTATGCAGTT CTNTTTTTGC TGGGTTTATT 60 CGTGCTGGTT CATCGNGAGT NAGANGCCTG CCTTGCTGTT CCTGGGAAGA TGCCATAGTT 120 TTCGTTACTG GATGTTTGGA GTAGATACTG GTCTGTNATT GGTGGAATGG AGAACACACG 180 TGTTGGTGCT TCTGGGTAGC ACTGGTTTGC ATTAGTTTAT GTTTCCATGC CAGAGTTTGT 240 GTGGGCGGC GCATGTCCAC CACAGAGTGC ACTCGAGGGG ACTTTCAGTC ACAGGATTTC 300 ATAATTGTNA TTGTCACACT TTCAAATTTT TGTACATCAG TGAATTTTTT TTATATTAAA 360 AGGTTGAGCC AAAGCCCCCA GTGTTTTGTA TTTTGAAGCC AAGCTTCACT TCTAAAAGTG 420 CCTACAGAGG ACTTGTAAAA TGGAAAATGC AGCTCTGCAC GGAGTTTGAA ACCGTCATAC 480 CTCCTTCTAT TAGGGAATNG GCATATACTG AGGGTGGTCC GGAAGNNNTT AACTTCCTAA 540 AATTTTTAAA TAAAAGGCCT TTGCACCATT GGACCCCNTT AAA 583

配列番号:98 配列の長さ:370 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00110

配列:

GATCAAGAAA AGCAACTTAT GGAAACAACT ACAGAATTTA CAAAAAAGGA TACTCAAACC 60
AAAAGTATTA TTTCAGAGAC CAGTAATAAA ATTGACGCTG AAATTGCTTC CTTAAAAACA 120
CTGATGGAAT CTAACAAACT TGAGACAATT CGTTATCTTG CAGCTTCAGT GTTTACTTGC 180
CTGGCAATAG CATTGGGATT TTATAGATTC TGGAAGTAGT ATTAATGCTC ATCCTGCTGT 240
GGCTGTTGGC TTCTTAGAAC ACCAAACCGG GAGAGATTTA CTTTGAACAT TGTCAGTTGC 300
AGCAAAAATT TACTACACAA GATTATTCGA AGTGTATACG GACTAAAAGA GGAAGTGTTT 360
TAGAATGAAA

配列番号:99 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00111

配列:

GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGGC ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
CTCTCCGGGG TCACAGAGGA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA AGGCCGTGCA TAAGGCTGTG 120
CTGACCATCG ACGAGAAAGG GACTGAAGCT GCTGGGGCCA TGTTTTTAGA GGCCATACCC 180
ATGTCTATCC CCCCCGAGGT CAAGTTCAAC AAACCCTTTG TCTTCTTAAT GATTGNCCAN 240
AATACCAAGT CTNCCCTCTT CATGGGAAAA GTGGTGAATT CCACCNAAAA ATAACTGNCT 300
GTNGGTNCTC AACCCCTTNC NNTTCATCCN TGGGCCCNTN GGCTTGGATN GANAATTAAA 360
AGAAGGGGTT GNGGCTNGGG NAAA 384

配列番号:100 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00113

配列:

GATCTTTGAA ACCTTGGTCC CGTTAACTTA CTAGTCACAT TGACCAATGT TTTATAGAAA 60
TGCCTAGAAT TTTGAGACTA ATNGTAGTTA TCCATTAACA TTCCAAAAGT TTTGTNCTTT 120
TNAAAATTTG TNTTGGTAAT TATCACATTT NTNCCTCTTA CCTTCCTTTA AATGGCCACA 180
GTGTGTACTG CTGGANTGTN CCATCCAAAA GATGTAGCTT CAGANGCACA GTGATTGCCC 240
CAGGGTCCAT GAGATATTGT TTGTATTATG ANGTTGGAGT GCTGTCTACT GAAATTATAC 300
TCTTAAAATAA NTATGTATGT NGTGTGTAAT ATTTCCTAAT AAATNCTTTN GATAAACTAA 360
AAAACTNNNG CTNN

配列番号:101 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00114

配列:

GATCTGTGCA AGGTATTAAC GTGTCAGGGC TGAGTGTTCT GGGATTTCTC TAGAGGCTGG 60
CAAGAACCAG TTGTTTTGTC TTGCGGGTCT GTCAGGGTTG GAAAGTCCAA GCCGTAGACC 120
CAGTTTCCTT TCTTAGCTGA TGTCTTTGGC CAGAACACCG TGGGCTGTTA CTTGCTTTGA 180
GTTGGAAGCG GTTTGCATTT ACGGCTGTAA ATGTATTCAT TCTTAATTTA TGTAAGGTTT 240
TTTTTTTGTAC GCAATTCTCG GATTCTTTTG AAGNAGATGA CAACAAATTT NGGTTTTCTA 300
CTTGTTATGT GAAGACCATT AAGGCCCCAA GCAACAAGNC AATTNTGTAA GGGAAANTNA 360
AAGTTCCTTG CNGTAANCCA AA 382

配列番号:102 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00115

配列:

GATCTGTCTC TGCTGTTTAA CTTCATTGGA TTAATCAGCT GGTTTCAACT CTACTGCGAA 60
ACAAAAATAG CTCCTTAAAA GTACTGTTCT CCTTCAGTGG CATGTAGTTA TCTAATCAAG 120
ACACCTCATT CAAACAAAAC CTGCCTTAGG AAAATTTAAT ATATTTNAAA TNATTTTAAA 180
AGAAATACAA CATCTTATTC TTTAGCTTTC TTAATCGGTG CTTTATGGAG GCCAGTGTAA 240
CGNTACATGA CTCGTTGAGA AAGTTGAGGA ATTTCCTCTA CCACCTTTGT TGCTTGAAGA 360
AAAACATGTC TTTTCAAAAT GAGAGGCTTT CATTGAAGAA AAGAAAAAAA CAACAGTTAA 360
AAGCTAAA 368

配列番号:103 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00116

配列

GATCTCGGAT GACCAAACCA GCCTTCGGAG CGTTCTCTGT CCTACTTCTN ACTTTACTTG 60
TGGTGTGACC ATGTTCATNA TAATCTCAAA GGAGAAAAAA AACCTTGTAA AAAAAGCAAA 120
AATGACAACA GAAAANCAAT CTTATTCCGA GCATTCCAGT AACTTTTTTG TGTATGTNCT 180
TAGCTGTACT ATAAGTAGTT GGTTTGTATG AGATGGTTAA AAAGGCCAAA GATAAAAGGT 240
TTCTTTTTTT TCCCTTTTTT GTCTATGAAG TTGCTGTTTA TTTTTTTTGGG CCTGTTTGAT 300
GTATGTGTGA AACANTTGTN GTCCAACATT AANCAGGANT TTTATTTTNC NGAGTNGTNC 360
TANCAAA

配列番号:104 配列の長さ:366 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00117

配列:

GATCTTAGTA ACTATGNATG AAGATGGTGC TTGGCCTGTN CTTCTTGATG AATTTGTTGA 60
GTGGCAAAAA GTCCGTCAGA CATCATAGCA AGAACTATGT GAAGAAAATG CAAACCTTTC 120
AATTCCCACG TGTATACAAG CTAATGTGAT GAGGGGGAAA AAAATCCAAC GGGTGCATTT 180
TCATTCATAT GAAAGACTTC TCATAGTACT TTTTTTTCCN TTTTTTTAAAA GGAGGTTTTT 240
CTTGTTACAT GTGATGGGCA TTGAGCCACA CCNNTTCTTA GACTGAATAT NGAAGTTTTT 300
GTTTTGAGTT ATGTTTATAA CATTTATTC AGAACANTAA TGATTCAGAT TTGTGACAAA 360
GGCAAA 366

配列番号:105 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00118

配列:

GATCCCCGAA ATTGGTGGGC TTGACCTCCT GGCAAATTGC TGCGTCTTTC CACTTGCTGT 60
TCAGGACCAC TAAATGCTGA AATNTGGATG CATACCGAAA TAAAAGNAAT TCATTGTGTA 120
AA 122

配列番号:106 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00119

配列:

GATCTTCAAT ATGAAGACAT GAGCTTTTCT CGCAGGAAAT TTTCTTTTC ACAGAACTGG 60
TGTCAGGAAT CACTGAAGGG CTAACCGTGA TAGTCCTTGC AAGTAAGTCA AGGTTTTATC 120
CTGATTGGAA ATAGAAGACA TTTCCGGTTG AGAGAACAGA TTCGTTGGAA GCTTAACTTT 180
TGTTGCCTCT TAACGCCACC AAATTTTAGG GTAATTTGAT TATGAAAGAG TGAATTTTC 240
TGGACAGAAA AGGGAGAGCT ACCAAATTGT TTTTTCTTT TTAAAAAGGAA GTTTAATGTC 300
CGTTGTATCA CAAATCAGTG TTAAAACACC AGAACTTAG CCAAAATAAA TGTCTTACAT 360
TACN 364

配列番号:107 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00120

配列:

GATCAGCAGG GAGTTTATTT GAGGACATCA GTCACCTTTG GGGTTGCCAT GTACAATNAG 60 ATTTATAATC ATNATACTCT TCGGTGGTAG TTTCAAAAGA CACTACTAAT ACGCAGGAAG 120 CGTTCCAGCT ATTTAATGCT GGCAACTACT GTTTAATGGT CAGTTAAATC TGTGATAATG 180 GTTGGAAGTG GGTGGGGTTA TGAAATTGTA GATGTTTTTA GAAAAACTTG TGAATGAAAA 240 TGAATCCAAG TGTTTCATGT GAAGATGTTG AGCCATTGCT ATCATGCATT CCTGTCTCAT 300 GGCAGAAAAT TTTGAAGATT AAAAAATAAA ATAATCAAAA TGTTTCCTCT TTNCTAAA 358

配列番号:108 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00121

配列:

GATCTGTCTC TGGGGTCCCN CATACAGAGA AATGCATCTT GCTGAACAAG TGACCAATAA 60
TCTTAAAGAA CTTGCACAGC AAGTAACTCC AGGTGATATC GTAAGCACGT ATGGAGTTCG 120
AAAAGCAATG GGGATTTCCA TTCCTTCCCC CGTCATGGAA AACAACTTTN TGGATTTGAC 180
AGGCTGCCTG GTATTTGATT AAAAGACGGA TGTTGCTGAG TGTGGACCTG GTGGAAGTTG 240
AGGCTGCCTG GTATTTGATT ATATATATG TACATACTTT TTCATTCTTA ACTTAGAAAT 300
GCTTTTCAGA AGATATTAAA TATTTGTAAA TTGTNTTTT AATTAAACTT TGGAACAGCG 360
AATTTGGNTG TCCAGAGGT TGGGCCTTGT ATTAGGGAAA TAAAAGCTTG GACCTGGGCC 420
CTCGTGGAAA

配列番号:109 配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00122

配列:

GATCACTNGA TATTTTAGTC ATTCTGCTTC TCATCTAAAT ATTTCCATAT NCTGTATTAG 60
GAGAAAATNA CCCTCCCAGC ACCAGCCCCC CTCTCAANCC CCCAACCCAA AACCAAGCAT 120
TTTGGAATGA GTCTCCTTTA GTTTCAGAGT GTGGATTGTA TAACCCATAT ACTCTTCGAT 180
GTACTTGTTT GGTTTGGTAT TAATTNGACT GTGCATGNCA GCGGCAATCT TTTCTTTGGT 240
CAAAGTTTTC TGTTTATTTT GCTTGTCATA TTCGATGTAC TTTAAGGGTG TCTTTTATGA 300
AGGTTTGCTA TTCTTGGCAN TTAAGNTTTT TTAGGNCTTT TTAAANGNGN ANNAAA 357

配列番号:110 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トボロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00123

配列:

GATCAAGGGA CGGCTGAACA GACTTCCCGC TGCTGGTGTG GGTGACATGG TGATGGCCAC 60
AGTCAAGAAA GGCAAACCAG AGCTCAGAAA AAAGGTACAT CCAGCAGTGG TCATTCGACA 120
ACGAAAGTCA TACCGTAGAA AAGATGGCGT GTTTCTTTAT TTTGAAGATA ATGCAGGAGT 180
CATAGTGAAC AATAAAGGCG AGATGAAAGG TTCTGCCATT ACAGGNCCAG TAGCAAAGGA 240
GTGTGCAGAC TTGTGGCCCC GGATTGCATC CAATGCTGGC AGATTGCATG ATTCTCCAGT 300
ATATTTGTAA AAANTAAAAA AAAGCTAAAC CCATTAAAAA GTATTTGTTT TGCAAA 356

配列番号:111 配列の長さ:375 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00124

配列:

GATCCTACCT ATCAAGCACT AAAAAGTTGA ACCATTATAC TTTATATCTG TAATGATACT 60
GATTATGAAA TGTCCCCTCA AACTCATTGC AGCAGATAAC TTTTTTGAGT CATTGACTTC 120
ATTTTATATT TAAAAAAATTA TGGAATATCA TCTGTCATTA TATTCTANTT AANGTTGTGC 180
ATAATGCTTT GGAANAATGG GTCTTTTATA GGAAAAAACC TGGGATAACT GATTTCTATG 240
GCTTTCAAAG CTNAAATATN TAATATACTA AACCANCTCT AATATTGCTT CTTGTGTTTT 300
ACTGTCAGNT TAANTTACAG CTTTTATGGG TGGTTAACTT TTCGTNCATT TTCAAAAAAN 360
CCNGGGGNNN NNNNN 375

配列番号:112 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00125

配列:

GATCTCTGTT TTGTTGTA AAATTCATTT GTATACTTTT GTTTTNATCT AGGACTTCAT 60
GTTTTTTNAA AGCACTGGCA GCCAGGAACA AAAATCAGGA GTGTGGTAGT GGATTAGTGA 120
AAGTCTCCTC AGGAAATCTG AAGTCTGTAT ATTGATTGAN ACTATCTAAN CTCATACCTG 180
TATGANTTAA GCTGTAAGGC CTGTAGCTCT GGTTGTATAC TTTTCCTTTT CAAATTATAG 240
TTTATCTNCT GTATAACTGA TTTATAAAGG TTTTTGTACA TTTNTNAATA CTCATTGTCA 300
ATTTGAGAAA AAGGACATAT GAGTTTTTNC ATTTATTAAT GNAACTNCCT TTGAAA 356

配列番号:113 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00127

配列:

GATCACATTA TNATAAATAA ATGAAAAAAT GATTTAATCT GTAATAAACT GGTTTATTGT 60
GCAGTGACTG TAATATACTA GAGTTATAAT AAATTGTTTA CTCTGCCTCA CCAAACACAT 120
GCTAGGATAT AACCCCCAAA ATAAGTATTT AACTTTGCAT TAGGTATAAA GGAGACTGGG 180
TGCTATAATN AGATTATTTT GAGGCAGACA GAGAGCTGTT ATCCTAACTG ATTTAGTATG 240
TTCTGTAATT GAGAAAATGT TCACCAAATN ATACTTTTTA GTGATTTACA TGTACATTTT 300
ATAGGGGACA TGTTCTGTGT ATAGCGAATA AATAACTTTT ATAGTATCAC N 351

配列番号:114 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00128

配列: GATCTTGAAC CTGGTGCTCC ATCCATGGNA GCNNAAAGCC TTTGCATCCC CTTCAAACCA 60 CTCTGTGAAC TGCAGCCTGG AGCCAAATNT GTCTGTGGCA AGAACCCTGC CAAGTACTAC 120 ACCTTATTTG GTCGCAGCTA CTGNGGGATG NACGAAAGCC CCCTCTTCAA CTCCTCTCAC 180 TTTTTAAAGC ATTGATATTA GTATCTTCTC AGATACAGAC CGTTTTATGA TTTTTTAAAA 240 AGTAAAAGTT CTAAAATGAA GTCACACAGG ACAATTATTC TTATGCCTAA GTTAACAGTG 300 GATAAAAGAC TTTTCTGTAA ACAACTCCAG TAATAAATAT CATGNACTNA AA 配列番号:115 配列の長さ:348 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00129 配列: GATCAAGTCG TGCTCCTGGC AGGCGCCCC CTGGAGGATG AGGCCACTCT GGGCCAGTGC 60 GNGGTGGAGG CCCTGACTAC CCTGGAAGTA GCAGGCCGCA TGCTTGGAGG TAAAGTCCAT 120 GGTTCCCTGG CCCGTGCTGG AAAAGTGAGA GGTCAGNNTN NTNAGGTGGC CAAACAGGAG 180 AAGAAGAAGA AGAAGACAGG TCGGGCTAAG CGGCGGATGC AGTACAACCG GCGNTTTGTC 240 AACGTTGTGC CCACCTTTGG CAAGAAGAAG GGCCCCAATG CCAACTCTTA AGTCTTTTGT 300 AATTCTGGGC TTTCTTCTAA TAAAAAAGCC ACTTNAGTTC AAGTCAAA 配列番号:116 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00130 配列: GATCTCCCAC AATTAATTTA TCTTTTGACA AAGGGGATAA AGAGTTTCAG TTTAGCTCCT 60 TTTGATTGTA TATNATTTTT TCCTTTTTNA TTGTGAAAAG AGGTAGGTTT TATTTGTGGA 120 GAGAGAGTTG AAGATTAGGG AACCAGTGAT TTTAATTATG CTACTTTTCC TTCTAAGAGA 180 TAAATTGATA TATCATTCAG TGTCATGAAA AACATGAATG TNGTACAATT TTCTNCCTCA 240 AAAAACTTTT TAAATGTAAG TATCCTTATT TNNTTTTTAA AAGAGCACAA TGTAGGTGTA 300 TTTGGGTATT TCCAAGAAAA GANTAAANCC ATTAATGCAG TAAA 配列番号:117 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00131 配列: GATCTGGGCT CCAAGCCAGG AAAGGTGAAC AGAAACCACA AGTNTCCAGC CCTCGGTGCT 60 GGAGTGGACG TTAATTGTNA GCCACCAGAC TGTCCCGGCA CCTACAGAGA ATGTTTCACA 120 GTTCTGGCAT TTAAATCCTT TGATAGTGGA TTGTGCTGCT GTTAGCCTTA GTTTCAGTGC 180

TTTACAAGTC TCGCTTATNA TCTCATTGGT ATTTAGGTAT ACAAAACAGT TGATTATTCA 240 CCACGCCAAT ATCTGGGTCT CTGTAŢCTCA TGTAGAACAT AAGAAAATGG GAACTAATAG 300

GGAAATTTAT TTATAGCATG AAAATAAACC TGGTGGCTGG AGTCTGCTAA A

351

配列番号:118 配列の長さ:343 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00132

配列:

GATCCTAAGG CAATAAAAGA ATAAGGAGAT TTGGAAAACC ATTGTCTGTA ATCTCTGAAG 60
AAAAGTGGAC ATTAGGGGAG TCAGTTGAAA AGCAAAGCTA TCACCATTTT CTAAAGAGGA 120
AAAAGGTGAA CCTCACAAAC TATAGACCAA AAAAATAGGA CATCGAGGA AAGAATATGA 180
AGCATGCATA GGTTCACAAA GAATGAGTCA AATCAAACAA CATGCATTTT TTATTTATAA 240
AGCATGACTT GTTCATTGTC AATTCATGTT AGCCTTAATCA TTAGGCATTA ATGCCATCAC 300
TGCAATGCAT ATGTCAGCAA TAAATAATCA AGGCCCGGCT TCN 343

配列番号:119 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00133

配列:

GATCTTCCCA CAACACCACA GGACTGCAGG GTGCACAACT CCCCTGCCAA GGAAAACCAT 60
GCAGTCCTCC CCTCCCTGGT CTCCTGCTTC AGCTCTGTAC AACGAGGGCA AAGATGCTAA 120
ATCTTGCTTT GCATTCAGTA AAGTGTCAAG TGATTAAGTG TGTATTTGTA CCCTAGATGA 180
TATGAACCAG CAGTCTTGTT TTGGCATCAT CCTCATCATG TTGTATTCCA GCTTCTTAAG 240
TGGAAGGAAA AGAGTGCTCA GAAATGGCTC TGTATAAATCT ATGGCTATCC GAATTCTCTG 300
AAAAANTANT AAAAGTCCCC TCTNTTATAT GAGCCTGTAC AGAAA 345

配列番号:120 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00134

配列:

GATCCCCCT CTCGAGGCG ATGAGGATGC GTCTCGCATG GAAGAAGTCG ATTAGGTTAG 60
GAGTTCATAG TTGGAAAACT TGTGCCCTTG TATAGTGTCC CCATGGGCTC CCACTGCAGC 120
CTCGAGTGCC CCTGTCCCAC CTGGCTCCCC CTGCTGGTGT CTAGTGTTT TTNCCCTCTC 180
CTGTCCTTGT GTTGAAGGCA GTAAACTAAG GGTGTCAAGC CCCATTCCCT CTCTACTCTT 240
GACAGCAGGA TTGGNTGTTG TGTATTGTGG TTTATTTGAA TTNCCTTCAT TTTGTTCTGA 300
AATTAAAAGT ATGCAANAAT AAAAGAATTA TGCCCNTTTT TNATACAANA NNAANAAA 358

配列番号:121 配列の長さ:350 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00135

配列:

GATCTTCATG CCCTGGGTTC TGCCCGNACG GACCCNCATC TCTGTGACTT CCTGGAGACT 60
CACTTCCTAG ATGAGGAAGT GAAGCTTNTC AAGAAGATGG GTGACCACCT GACCAACCTC 120
CACAGGCTGG GTGGCCCGGA GCTGGGCTGG GCGAGTATCT CTTCGAAAGG CTCACTCTCA 180
AGCACGACTA AGAGCCTTCT GAGCCCANCG ACTTCTGAAG GGCCCNTTGC AAAGTAATAG 240
GGCTTCTGNC TAAGGCTCTG CCTNCAGNCA ATAGGNANGC TTTTTTAACN ATCCTAACAN 300
GGNTTGGGAC CAAATGGNAA TAAAGNTTTG TNGATGCAGG AGATATGAAA 350

配列番号:122 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00136

配列:

GATCTGAGCT GAATTTGAAG ACTATTAATA AGTTATGTTT GGAAGTTTTA ACTTCAATGA 60
AGTAATTATT TGCTGTGAAA GAAACAAACA TTGAATTACT AAACAAAGAT GGTGCAATAT 120
CTTTGTTTTT TTTTTATGAG GCTCCTGAGA ATCAACCCAA CTGAAGCATT TCAATTCACT 180
TGAATGAGAA ACGTGTTTAG TATCAAAAGA GCCCAAGAAG ACACTGGTGT GAAAGGTACA 240
NTCTCAGAGG TTGGTCAATT ACCGTGGCAC ANTTTCTGGT CACTTTGTAC AATGTAGATT 300
TGAAGTACAG TGGTGAAAAC ATTAAATGTG ACATTTGN 338

配列番号:123 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00137

配列:

GATCAAAAAA CATGAGGNAG AAGAAGCCAA AGCTGAGCGT GAGAAGAAGA NNAAAAGAAC 60
AGAAAGAAAA GGATAAATAG AATCAGAGAT TTTATTACTC ATTTGGGGCA CCATTTCAGT 120
GTAAAAGCAG TCCTACTCTT CCACACTAGG AAGGCTTTAC TTTTTTNAAC TGGTGCAGTG 180
GGAAAATAGG ACATTACATA CTGAATTGGG TCCTTGTCAT TTCTGTCCAA TTGAATACTT 240
TATTGTAACG ATGATGGTTA CCCTTCATGG ACGTCTTAAT CTTCCACACA CATCCCCTTT 300
TTTTGGAATA AAATTTGGAA AATGGAAATN AAGGAAA 337

配列番号:124 配列の長さ:336 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00138

配列:

GATCACCATT TGAGATACGC GGCTTAACGC ACATGTGAGT GTAGCTTGCT ACATGAAAAT 60 GCTAGGCTCT AGGGCATGTA AAACATGAAT ACAGAATACT AGATTGTTCT AAGTAATGTC 120 ATTTCGGTTT GTGANTTTGA TTTTTCCCTT CATTTCATGT CATATTGNAA ATGCAAACAA 180 ACTGCTCTCA AGAACACCCA GAAGCTATCT GTGTTACCAG ATGTGTTGTG NACACTCTAC 240 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

THITTTCAT AGGTGCTACC TGGNAATATA TGTCCATTGT AGTGGTGGNG NGGGNCTNGA 300 336 CTCTNTCAGG CTCTTNTCTN GCCAGNTGNC INCNGN

配列番号:125 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00139

配列:

GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCCT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60 ACAGAACACC TGGGGCTGCG GGAACAGCCT GCGTACGGCT CTCATCAACT CCACTGGGGA 120 AGAAGTGGCC ATGCGCAAGT TGGTGCGCTC AGTGACTGTG GTTGAGGACG ACGAGGATGA 180 GGATGGAGAT GACCTGCTCC ATCACCÁCCA CGTGAGTGTA AGCCGCCGTT GAGGCCGAGC 240 CTGCACTGGG GCCACCNAGC CAGGCCTGGG GGNAGCNTTT CCCNAGNNTN CNNGTGCCAA 300 338 AANTTTTTTN ATTAAAAGAT TGTTTTGGGA ACTTTAAA

配列番号:126 配列の長さ:347 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00140

配列:

GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTNCGGAC CAGGTTTAAA TANGGCAGGA AAGTTCCCTT 60 CCCTGCTCAC ACACAACGAA AACATGGTGG CCAAAGTGGA TGAGGTGAAG TCCACAATCA 120 AGTTCCAAAT NAAGAAGGTG TTATGTCTGG CTGTAGCTGT TGGTCACGTG AAGATGNCAG 180 ACGATGAGCT TGTGTATAAC ATTCACCTGG CTGTCAACTT CTTGGTGTCA TTGCTCAAGG 240 AAANCTGGCA GANTGTCCGG GCCTTATATA TCANNGNGCA CCATGGGCAA NGCCCCAGCG 300 GCTTATATTT AAGGCACATT TTNNATAAAT TCTATTNACC CGGTAAA 347

配列番号:127 配列の長さ:335 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00141

配列:

GATCAGTTGT AATCAGAATA CAACTGNGTC TTGTAGTTGT AATATGTTCT ATCTTAACCA 60 CCACTTCGT ACCAGGAACC TGCTCAGGTT TGTTCTCTAG AAGCTCCCAA CATAGATAGT 120 CTACATTICA GACTACTAAG TTATTAACAA ACCCTTTGGG CCCATGTTCA CTTTAGGGTT 180 GAGCATAGTG TGAGGAGATG TAAATTAAAT TATAATCCTA TATGTGTGTG TAATAAATAT 240 TAAAGTGTAT AAATTAAACA GCAGATTCTA AGTATCCAAC AAGAGTCAAA TAAATGATAC 300 335 AAAGTCACCA AATAAATAAT ATTTAATCTC ATCTN

配列番号:128 配列の長さ:356 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00142

配列:

GATCTAGTTA AAGTTATTCA ACAGGAGTCT TACACATATA AAGACCCAAT TACAGAATTT 60
GTTGAATGTT TATATGTTAA CTTTGACTTT GATGGGGCTC AGAAAAAGCT GAGGGAATGT 120
GAATCAGTGC TTGTGAATGA CTTCTTCTTG GTGGCTTGTC TTGAGGNNNN CATTGAAAAT 180
GCCCGTCTCT TCATATTTGA GACTTCTGT CGCATCCACC AGTGTATCAG CATTAACATG 240
TTGGCAGATA AATTGAACAT GACTCCAGAA GAAGCTGAAA GGTGGATTGT AAATTTGATT 300
AGAAATGCAA GACTGGATGC CAAGATTGAT TCTAAATTNA GGTCATGTGG TTATGN 356

配列番号:129 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00143

配列:

GATCAAAGNA CTCTGACTGC AGAACTGCCG CTCTCAGTGG ACAGGGCATC TNTNACCCTG 60
AGACCTGTGG CAGACACGTC TTGTTTCAT TTNATTTTTG TTAAGAGTGC AGTATTGCAG 120
AGTCTAGAGG AATTTNNTT TCCTTGATTA ACATGCTTTT CCTGGTTGTN ACATCCAGGG 180
CATGGCAGTG GCCTCAGCCT TAAACTTTTG TNCCTACTCC CACCCTCAGC GAACTGGGCA 240
GCACGGGGAG GGTTTGGCTA CCCNTGCCCA TCCNTGAGCC AGGTACCACC ATTGTAAGGA 300
AACACTTNCA GAANTTCAGC TGGTTCCTCC AAA 333

配列番号:130 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00144

配列:

配列番号:131 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00145

配列:

GATCTGTGAC CTTACCCCCA AACCTGTNCT CTCTGAAACA TGTGCTGTGT CCACTCAGGG 60
TTAAATGGAT TAAGGGCGGT GCAAGATGTG CTTTGTTAAA CAGATGCTTG AAGGCAGCAT 120
GCTCCTTAAG AGTCATCACC ACTCCCTAAT CTCAAGTATC CAGGGAGACA AACACTGCGG 180

AAGGCCGCAG GGTCCTCTGC CTAGGAAAAC CAGAGACCTT TGTTCACTTG TTTCTTTGTT 240 CACTTGTTTA TCTGCTGACC TTCCCTCCAC TATTGTCCTA TGACCCTGCC AAATCCCCNT 300 332 NTGATGAAAA ACACCCAAGN ATANTCANTA AA

配列番号:132 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00146

GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCNTTAAAT GCAACACGGA 60 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA ACTGGTACCC GTTGGAACAA 120 GATTGTCCTG AAGAAGTGGT ACACGATTTT NAAGGACCAC GTGTCTCTGG GGGACTATGA 180 AATCCACGAT GGGATGAACC TGGAGCTTTA TTATCAATAG ATGAGAATCC TCATCTTNCT 240 GCCCCGCTNT CCNNCTNCCA TCCTCATCCC CCACANTNGG GATAGATGCT TNGTTTGTAA 300-333 AAACTCANCN NAATAAAGAC TTAGATGTTG AAA

配列番号:133 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00147

配列:

GATCAGGTCT GTAAATGTGT ACTAAAAAAA TNAGAGTTTA TTTATAAACA AAATAGTTTA 60 TTTAAAGAGA AGGTCTCTTC CTTATTGATA TCATGGTATG CATTAATTCC ATTTGTTACT 120 ATTGTGCACA AAAGCCCTGT TCACAGGGGA ATGGTGTAAA CATTTATACT GTTTTGTTCA 180 CTGTATTTAG TAGACATAAC TGTTGAATAG TTACTGAATC ATGATGTAAA GAATATGTGA 240 CCATCTTCAG GTATGGGATT TCTGAACGTT TCAAATTTCA ATCAATGAGC ACTGTCAACA 300 330 CCCACAGGNG AGAATAAAAT TACCTGTGCN

配列番号:134 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00148

GATCGAACCA CTGCACTCCA GCCTNGGTGA CAGAGAGAGA CACTGCCTTN GAAAAAAAAA 60 GAATCTCACT CACTATCTAG AGAGGATTGT CAGANTATTC ACGATTCAGN TCTTGAAACT 120 TTGATTATGC AAAAGAGGTA TATATAAATA TTTCATTATG ATTCAGGTTT TAGGCTTTGC 180 AGCTTCTATA AGGTGTTCTC AGGTGGCCCT TGTACNNCTN AAAGCATCCT TTAGGAAATN 240 CTTTAAGGGN GGCTTTNTAT AAGGAATAGG NGGNTGTTGA ATTTTTACAG GGGGGTTTGG 300 326 GTCATTNAGN CCCCGATTNT GTANGN

配列番号:135 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00149

GATCATGANC TCTGAAAAAA AGAGAAACCT TATCTTTNCT TTGTGGTTCC TTTAAACACA 60 CTCACACACA CTTGGTCAGA GATGCTGTGC TTCTTGGAAG CAAGGNCTCA AAGGCAAGGT 120 CCACCCAGAG GGACGTTTGA GTCTGGGATG AAGCATGTNC GTATTATTTA TATGATGGAA 180 TTTCACGTTT TTATGTNAAG CNTGACAACA CCAGGCAGGT ATGAGAGGAA AGCAAGGCCC 240 GTCCATNGCT GTCCGTACNC TTACGGNTTG CTTGTNGGAG NCATTTNGGT ATTGTTTGTT 300 325 GTAANANCCA AAANGGGCTT TGGNN

配列番号:136 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00150

GATCNACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTGTCG AAATCCACCT GTCAGGACGC 60 CTAGGGGTCT GTACCGGGCT GGCCTGTGCC TATNACCTCT NATGCACACC TCCCACCCCC 120 TGTATTCCCA CCCCTGGACT GGTGGCCCCT GCCTTGGGGA AGGTCTCCCC ATGTGCCTGC 180 ACCAGGAGAC AGACAGAGAA GGCAGCAGGC GGCCTTTGTT GCTCAGCAAG GGGCTCTGCC 240 CTCCCTCCTT CCTTCTTGCT TCTNATAGCC CCGGTGTGCG GTGCATACAC CCNCACCTCC 300 326 TGCAATAAAA TAGTAGCATC GGCAAA

配列番号:137 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00151

配列:

GATCAAGNNG CCCTGGAGGC GGTGGGCGGC ACCGTGGTTC TGGAGTAGCC TCCAGCTCGG 60 AGGACTTGTN TNCAGGGGTC CTGGGCCCCG GNCAAGGTCC CGCCCTCCCG TGGTCACTGG 120 CTCCGCCCCA GCACCAGGCG CCCAGTGGAG CCGTTTGGAA GAATTGCCTG CNGCACGAGC 180 GGGGCCGGAC AGGCGCACAG ACCTACTGTN GCGGGAGGAA GGGGCGGCTG CTGCCTGGTG 240 ACGGCACCCG GANGCCCACC AGGACGCGCC ACCGGTNAAT GTNNCTCTNG TGGCTGCTGA 300 324 GAAAAATACA CTGTGCAAGT CAAA

配列番号:138 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00152

GATCTCAGCT TTTGGTTTCC CATGATACCA TCTCTAGGGG TAGCAGCTGG CTATAATAAC 60 TAATGTCTGG ATTATCCTAA CTCTTCTGTT TGTNCTTTCA GGTATTTAAC AATGTTGTGA 120 CTAATTGGCT TCCATTATTT CCCTAGAGTA GGTTCTGTTA TNACCCTGGA ATATGTTTGT 180
AATAGAGTGG GCTATTACAA TCATCTAGGA TAAAGATAAT CGTGGCTTGG AATAAGGGTG 240
GTAGCAATGG AAGTGATGAG AAGTCATTAG ATGCAGAATA TATTTTATAG ATGGANTGTG 300
ATAAANTAAA AAATAAACTG GGN 323

配列番号:139 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00153

配列:

GATCCATTCT CGGAATTCAC AGAATTTTNA TAACATCTNA CTCTCAGGGG GCATGAAGTG 60
CATAATCTTC CCTAGATTAC AAAAAACATA TAGATGACGG GTTTGCCTAT NAAACTTCAG 120
TACTACAAGA AACATAAAAAT ATTTAAATAT ATGANATTTA AAATATTTTA AAATTATTAA 180
AGTAATATAT TCTGTAAAAAA TTGTAAAACT ATATCAGCAA TTTCTAATGC CAANAANGTA 300
AAACCTNGTG TGTATAAAATG CN 322

配列番号:140 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00154

配列:

配列番号:141 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クニーン名:HUMGS00155

配列:

GATCAAGTTT AAATGACTGT GCTGCCCCTT TCACATCAAA GAACTACTGA CAACGAAGGC 60
CGCGCCTGCC TTTCCCCATCT GTCTATCTAT CTGGCTGGCA GGGAAGGAAA GAACTTGCAT 120
GTTGGTGAAG GAAGAAGTGG GGTGGAAGAA GTGGNGTGGG ACGACAGTGA AATCTAGAGT 180
AAANCCAAGC TGGCCCAAGG TGTCCTGCAG GCTGTAATGC AGNTTAATCA GAGTGCCATT 240
TTTTTTTTTT GGTTCAAANG NTTTTTAATT TNTTNGGAAT NGNNCCANTT TTTTNAATTT 300
NGCAANTAAA AANGTTTAAA ANCTTAAA 328

配列番号:142

配列の長さ:369 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00156

配列:

GATCTCTGGC AGTGGAGGAA GTCTCTTTAA GAAAATAGTT TAAACAATTT GTTAAAAAAT 60
TTNCCGTCTT ATTTCATTTC TGTAACAGTT GATATCTGGC TGTCCTTTTT ATAATGCAGA 120
GTGAGAACTT TCCCTACCGT GTTTGATAAA TGTNGTCCAG GTTCTATTGC CAAGAATGTG 180
TTGTCCAAAA TGCCTGTTTA GTTTTTAAAG ATGGAACTCC ACCCTTTGCT TGGTTTTAAG 240
TATGTATGGA ATGTTATGAT AGGACATAGT AGTAGCGGTG GTCAGACATG GAAATGGTGG 300
GGAGACAAAA TTATACATGT GAAATAAACC TCAGTATNTT AATAAAGTAG CACGGNTTCT 360
ATTTGNAAA 369

配列番号:143 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00157

配列:

GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGANNN 60
NTCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT AGACTAAGTT AAATATTTCT 120
GCACAGTGTT CCCATGGCCC CTTGCATTTC CTTCTTAACT CTCTGTTACA CGTCATTGAA 180
ACTACACTTT TTTGGTCTGT TTTTGTGCTA GACTGTAAGT TCCTTGGGGA CAGGGCCTTT 240
GTCTGTCTCA TCTCTGTATT CCCAAATGNC TAACAGTACA GAGCCATGAC TCAATAAATA 300
CATGTTAAAAA TGGGATGAAT GAAA 324

配列番号:144 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00158

配列:

GATCATTGAA CGAGACAGAA AGCGACCATC CTGGTTCACC CAGAATTGAC ACCAAAGATG 60
TTAAAAAGGAT AACTTCACAG TAAATCATTT CTCCTGAAAT AGAGGAAGAT TCTTTACGTT 120
GTTGTNCTTG TTTTTAAATC ATCAGTATAG TTTAACACAT TCTTTCTAAG CAGTTTTGTG 180
TGGGATAATT TGAAGAATAT ATTATGAGTA ANCTCCGAAA ATTTTGTTTA TCCAAAGGCT 240
CANTGGATTA TGTTTCTATT ATNTACAAGG TTTTAAGTAA ACATANNNTT TCCNGNNCNG 300
AGNTTANAGN NATTTN 316

配列番号:145 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00159

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GATCTTCATT TTATTGCATT AGTTCATGTA GATGGGCATC TCTATGAATT AGATGGGCGG 60
AAGCATTTCC AATNAACCAT GGTGAAACTA GTGATGAACC TTTATNAGAG GATGCCATAG 120
AAGTTTGCAA GAAGTTTATG GAGCGCGACC CTGATGAACT AAGATTTAAT GCGATTGCTC 180
TTTCTGCAGC ATAGCTTGTC AATAATGGAA ACACCAAAAA CTGTATTATT TGCAACTAAA 240
TTTTCTCTGC CATACACTAA CTCAAAAATT TTGATATTTT CATTAACTTG ATGATTAAAC 300
TTTATGTGAG TTAANCTTTG AAA

配列番号:146 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00160

配列:

GATCTTACTG CTTGTNACTT GAATCCCGTG ATTGTNATAC ATCTCTGGTA TAAGCAACAT 60
TTGATTTTTG AAGTGTGTAG ACCATCTCTT CATATTTCA AGATGTAATT TTACATTNCT 120
GCATTTTTAA AACAGTTTGG CCATAATCCT AGATGCACGC TTCTAATTCA TGTACCTGCA 180
CATGTGACCT TTGTGAACAG NAATTTGCAT GNATAATTNG TGTTTACTTG TAACTNTCTG 240
GTTATATACT GCTTATATCT GTGGATTCAA GTTACTGAAG TGGANTNCCA ATAGAAAGNA 300
ANCCCTAGGC CATGTTAAA 319

配列番号:147 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00161

配列:

GATCTCTGAT TACCAGCCTG ACATCAACAA ATCCCCTCAG TTACAACGTA TAGGTTAAAC 60
AAAGCTTTTA AAAGCTCATG TGGTATGACC TCAAGGTTGC TAACCTGGTC ACTCATGGTA 120
ATNAGAAACT CTGATTGGCA GCTTTGTATT TCTTGACTAA AAACCTAAAT AAACTGATTA 180
GGTTTTAGGC GTTCTTTCAA AGAGGTTCTT GAGAAGATTG AGAACTATCC TATTTGGTGC 240
TTAGTGAAAA GATTTTGAAT TACTGTACGT ACCAGTTGTT GCCATTTCTT TATTAAATTC 300
AGAAGTTTTT TTGCCN 316

配列番号:148 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00162

配列:

GATCTTGGAC AGCNTGGGTA TCGAGGCGGA CGACGACCGG CTCAACAAGG TTATCAGTGA 60
GCTGAATGGA AAAAACATTG AAGACGTCAT TGCCCAGGGT ATTGGCAAGC TTGCCAGTGT 120
ACCTGCTGGT GGGGCTGTAG CCGTCTCTNC TGCCCCAGGC TCTGCAGCCC CTGCTGCTGG 180
TTCTGCCCCT GCTGCAGCAG AGGAGAAGAA AGATGAGAAG AAGTAGGAGT CTNAAGAGTC 240
AGNTGNTGNC ATGGGATTTG GCCTTTTTTG GTTAAATTCC TGNTNCNCTG CAAATAAAGG 300
CTTTTTTTAC AGANGTAAA 319

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:149 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00163

配列:

GATCAATGCC CTCATTAAAG CAGCCGGTGT AAATATTGAG CCTTTTTTGGC CTGGCTTGTT 60
TGCANAGGCC CTGGNCAACG TCAACATTGG GAGCCTCATC TGCAATGTAG GGGCCGGTGG 120
ACCTGCTCCA GCAGCTGGTG CTGCACCAGC AGGAGGTCCT GCCCCCTCCA CTGCTGCTGC 180
TCCAGCTGAG GAGAAGAAAG TGGAAGCAAA GAAAGAAGAA TCCGAGGAGT CTGATGATGA 240
CATGGGCTTT GGNCTGTTTG ACTAAAACCT CTTTTATAAC ATNGTNCANT AAAAAGGCTG 300
GAGCTTTAAT AAA

配列番号:150 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00164

配列:

GATCCAGAAT CCACGGGGTC TGGAGCATAA GGTTTATCTC AAGTNTCAAT TGANCTGCCT 60
CCTCTTGTNA GGCAGGGACA ACTGGGAGGA TGAGCCCCAA GAGCCTCAAG AACCCAACAA 120
GGTGCCCCTA GAAGACACAG AGACAGATGA NCTTTGGGCA TCCTTGGAGG CAGCTGCCAA 180
GCGGANAGCT CTCGGGTTTG GAGCAGCCCC AAGGAGCTCT CCAAACGAGA CGGAGAAAGA 240
AGAAGCGGCC TGGGTCCACC AGCCCCTGAC GCCCCTGTNN CCACTTTGTA AATAAACTTG 300
CTGAACACCC AAA 313

配列番号:151 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00165

配列:

GATCATCAAC AAAGAAAGTC TGAGAAATTG TCCCGGAATA AAGGGGCCTA AGGAGACATA 60
ACATCTAAAT GTAATGTAGT ATCCTGGATG GACTCCTGCA ACAGAAAAAG AACTTTAAGT 120
AAAAATTAAG GGAATATTAA TAAAGTATGC ATTTTTGGTTA ATAATGTATC AATATTGGTT 180
TATTAGTTGT GACAAATGTA CCAGAGGAAT GTAAAATGTC AACAATAAAG GAATTGGATG 240
TGGGGTCCAT GAGATGCTGT ACTATTTTTG CACTTTTCTT AAATCTAAAC TCTTATAAAT 300
TTAANCATAA AGN 313

配列番号:152 配列の長さ:317 配列の型:核酸 トボロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00166

配列: GATCTGGCCA TCTACGAGCC AAAGACTTTN AAATCTTTGG CTGCCTTGGC CAGTAGGAGG 60 CGACACGAAG GATTTNCTGC TGCCTTGGGG GATGGGAAGN AACCTGAAGG CATTTTTNCC 120 AGAGTGGTGC AGTACCACTN AGGACTGTTG CTGTATTGAT TAGGAAAAGA GACAGAGTAA 180 TTTNCAGTTT GTTTGATTTA TACTTTTGTT TATCTACAAC CCAATAACAG ACATGAGGGA 240 TGGCCCTGTC TCTCTGGGAC AGAGCCTCAA AGATGATGTC CATGTTTTGT GTGAATGAAA 300 CTCAAAACACT CTTCAAA))
配列番号:153 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00167 配列:	
GATCCCCTGC CCCCTGTCCC CTGCCTCTTT TCCCAATTCC CTTCCTTATG CTGGACTTTT 60) -
AAAGCTTAAA AAAAATCCGA TTGAATATAA ATGCCTAATT TCATTCTTTG TGAAATGGTT 120)
GCTTCCTCCT GATTCCCTAA TTGTGCTGTG TTCGTGTCTT GCACTGGAAT TCAACATTCC 180	0
CTTCTCCTTT TGTACTGTGT TGTGCTTGCT GTCTCTCCCG GACANCCTTA AAGACTGTCT 240	0
TTTTAGCAAA AAATTTCAGT AAAGTGTTTT CTGTAATCTT TTTTTAAAAG GTGAGAACTA 300	0
ATTATTGTCN 310	0
配列番号:154 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00168 配列:	
GATCACCACG GITTICAGCC AIGCICAGAC AGGGTTOTT TOTALINGGIT GITTIGAGG	
GTTGTGCCAG CCTACAGGAG GAAAGGCCAG ACTCACAGAA GGGTGTTCAT TTAGAAGAAA 12 GCAACACTAA TGATTCAAAC AGCTTCCTGA ATTTTAATTT TGTGTTGTCT CACAGAAAGC 18	.∪ ≀∩
CTTATCATAA ATTCCATAAT TCTAATTAAT TTACCAAGAT AATGTAATTA CATTTGGTTT 24	ın
TGTAAGGTAT ACAGCAGTAA TCTCCTATTT TGGTGTCAGT TTTTCAATAA AGTTTTGATT 30)()
ን በ	19
ATGGGCAAA	
配列番号:155 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0169 配列:	
GATCACATAC AGGGGAAAAG CCCTATGNAA TGTAACACAT GCAGGAAAAC CTTCTCTAA	60
AAGTCAAAATC TCATTGTACA TCAGAGAACA CACATAGGAG AAAANCCTTA TGANTGATTT 12	20
GGATATTAGA AATTNCCAGC CACAAGTCAG CCTCCATAAT GCNTCAGAGT CTTCACACTG 1	80
TGGAGANGGG CCTGTTGACA TCCTGATTGT TCANTAACTA TCCACAACCT CGCCTTATGT 2	40
INDUNING COLUITORON IOCIANTIAN IOCIANTIAN IOCIANIA	^^

TACTCCANNG TAACAGTAGG GGTTAANCCC ATAGNCTACA ACACCTNTNG GNTGGCTTTT 300

NTTAGGN 307

配列番号:156 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00170

配列:

GATCCACCAA CTTTGGCCTC CCAAAGTGTT CAGATTACAG GTGTGAGCTG CTACCATGCC 60
TAGCCCCAGC TTCTACTGCT TGANGGCTCT CTTTGGCATC TCCACACATC ATCCTTAGCA 120
GCCCAGACTG CATTTCTGTA GCAGCCTCTT CCCTGGTCTC TTCTTTCAGT CTCTCTGCCT 180
CTAATCCAGT GGCTTTAAGA ATTTTTTGGC TGTGACTTCC AGTAAGAAAT ACAATTTACA 240
TTGTGACCTA GTAAATATGT GTGTAAGATT TATTAACTGA AATAAAAAATG TTATGATTTA 300
ATTTTTN 307

配列番号:157 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00171

配列:

GATCTGTCCC TGTGGTGGTG TCTAAGAATC GGACACCTTG GTTTTTGTGT TAGATTGAGC 60
TGGGCAGCTG CAATCAGCTA CTTAATATGC AAATTAGGCA CGTCCCATCT GTGGGTCCTT 120
GTTGGTGGCT AATGAAGTGA GGGGAGGGAG GGATGTCACC CCAAAAGTAG GCCCTCCCAT 180
TGGCTTTGGC CAGGCCAGAC ACTTCACATC GTTTACATGG TTCTGTGTAA TTTTAAAGTT 240
TATGTGTATA AAGCGACGGT TTTCTGTGAA CTGTATATTT TGTAAAATAAA TATATTGCTA 300
CTTTGN 306

配列番号:158 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00172

配列:

GATCTTCAGA TAAATTCTGC CATTTTNATT TCACTTCCTG AAAGTNAGGG TCGGCTTGTN 60
AAAAGTTGTT AAACAACATG CTAAATGTGA AATGTCAACC CTCACTCTAA ACTTTCCCTG 120
TTCAGAGCAT CAGATGAAGA CTTCATTGGG TTTTATAGTG GCTTTCTGAT TTTNGGTAGT 180
CCATTGAAGA AGGGAGTTTG AAAGTTGTTG TATACTGTTA ACGATTGTCT GCCCATGTCC 240
TGCCTGAAAT ACCATGATTG TNTATGGAAA GTATCTTTAA TAAAGCTGGA TACAGTTTGG 300
CTTGGAGAAA 310

配列番号:159 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00173

配列:

GATCTACTTT GGAAAAACAA AGGATATCGT CAATGGGCTG AGGTCTGTNC AGACTTTTGC 60
AGACAAATCA AAACAAGAAG CTCTGAAGAA TGACCTGGTG GAGGCTTTGA AGAGAAAGCA 120
GCAATGCTAA ACCTCTGTTT CATGCTAACC AGACACGCCG TGCACTCGTT AGATTCCTTT 180
CTTAGAAAAC TCGTTTTCTG CTCCCTTCCC TCGTCCCTTC CCTCCCCGAC AGGTCACATA 240
ACAGCTGCAT CATTGACCGC ACAGCGCCAT CTCTCCCTGA GAATAAAGCC GATAGCCACC 300
NTCAAA 306

配列番号:160 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00174

配列:

GATCTATTGG ACTTTTTTT GCAGGAAGTG CATTCTCTGG TCCTTCCCTA TTTTCTGTTC 60
TGGATGTCAG TGCAGTGCAC TGCTTACTGT TTTATCCACT TGGCCACAGA CTTTTTCTAA 120
CAGCTGCGTA TTATTTCTAT ATACTAATTG CATTGGCAGC ATTGTGTCTT TNACCTNGTA 180
TACTAGCTTG ANATAGTGCT GTCTCTGATT TCTAGGCTAG TTACTTGAGA TATGAATTTN 240
CCATAGAATA TGCACTGATA CAACATTACC ATTCTTCTAT GGAAAGAGAA ACTTTTGATG 300
ATGAAACAAT AAAGNTTTTA AATATCAAA 329

配列番号:161 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00175

配列:

GATCTGAATA AAGCAAATCT GCATAAATGG TAACCAGTAG CTCTACTTTN ATTTTNATG 60
TTGCTTAACT GTTTTATTTG AAGGAAACCT GTGTGATTTA AAAAGTTATA GCTTTTGCAA 120
CTTTATTACT GGTTATATAC ATTTGGCCAT TATNATGTGC AAGCAATTGG AAAAAAAGTC 180
AAGTAAATGC TTGTTTTTGT AGTAGTTTGT TCTTGTTAAA AATGTTTATA TGATAATGTC 240
TGTAAACAGC ATCACTTTGA TTACAATAGA TGTAGTGTTG TAATAAACTG TTTAATGGGG 300
AAA 303

配列番号:162 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00176

配列:

GATCTCTCTA GCTTTGTCAT AGTTATGTGA TTTTCCTTTG TAGCTACTTT TGCAGGATAA 60
TAATTTTATA GAAAAGGAAC AGTTGCATTT AGCTTCTTTC CCTTAGTGAC TCTTGAAGTA 120
CTTAACATAC ACGTTAACTG CAGAGTAAAT TGCTCTGTTC CCAGTAGTTA TAAAGTCCTT 180
GGACTGTTTT GAAAAGTTTC CTAGGATGTC ATGTCTGCTT GTCAAAAGAA ATAATCCCTG 240

TAATATTAG CTGTAAACTG AATATAAAGC TTAATAAAAN CAACCTTGCA TGATTAAA 298

配列番号:163 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00177

配列:

GATCTCCTTC ATCCCTCTCC AGAAGAGGAG AAGAGGAAAC ACAAGAAGAA ACGCCTGGTG 60
CAGAGCCCCA ATTCCTACTT CATGGATGTN AAATGCCCAG GATGCTATAA AATCACCACG 120
GTCTTTAGCC ATGCACAAAC GGTAGTTTTG TGTGTTGGCT GCTCCACTGT CCTCTGCCAG 180
CCTACAGGAG GAAAAGCAAG GCTTACAGAA GGATGTTCCT TCAGGAGGGA AGCAGCACCT 240
AAAAGGCACT CTGAGGTCAA GGATGAGGTG GGGAANCCAT CTCAATTAAC CACCATTTTT 300
TGGGTTAAA 309

配列番号:164 配列の長さ:295 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00178

配列:

GATCTCGGTA AAAATCTACC ATTCCCTACA TATTTTCCTG ATGGAGATGA AGAGGAACTG 60
CCAGAAGATT TGTATGATGA AAACGTGTGT CAGCCCGGTG CGCCTTCTAT TACATTTGCC 120
TAACATCTTT GGACGTGGCA GAACCTTACA TATTCTGTGA GCTTCGATGA GCCAGAGTGA 180
TATCATAACC ACCAGAAATC ATACTCTCCT TTCTTAGTCA CAACAAAATC ACACATGTCA 240
TCTTTGTCAA GGGCATAAAT ATATCATTCA TACCCCCATT AAATTTTGTT AGAAA 295

配列番号:165 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00179

配列

GATCCCCACC CCATGTGTTT TAAAAAGGCA GTAGCCTTTG CAGGGACCTG TCTGTCCCAA 60 CTGTTTGAAC AGTGTGCTCC TCAGATTCTG TGTTCAGAAG NCCCCTGNTG CATTGAGACT 120 TGAAACCTTT GGATAGGGA AAAAATTATA TATATATATA TNNNTTTGTT CTGTTTGCAT 180 TTCTTAATTT GTGCTTGGAA TGTGTTGATG TGCACAGCTA ATGATTCAAT GCGAGACAAG 240 ATTGGCGTCT GTGTTGTGA GGTTTCAAAT AAAGAGCACT CTTCATAAA 289

配列番号:166 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00180

GATCTGTAAA ATGTGATTTT TTACTTCCAC TTATAATACT TGTGATTGGG GAGGTTTGTG 60 GAAATTCAAT TATGATGAAA AACCTATCTT TTTTGTAATG TTGGCATACT TGGGGAATTT 120 AGTGGCAAAT ACATTCCCCA GCAGGCCTTT TGTTGGTTGC ACTAACTGCA AGGTTGCTGG 180 GAAGTAGAGT CCATTTGGTT GATGAGCTTT GACTGCGGTT TTGGAACCTT ACCTCTCCTC 240 CTTAGCCCAA TATGCTGTCT TGGGTCCTAT TCAAATAAAG TTATTTCTCC TGGTCTCAAA 300

配列番号:167 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00181

配列:

GATCAAAAAA CCATCTCCAC ATTTAAAAGA GATGTAAGGT GTATTCATAG GGATGGTGGC 60 TCAACAAATC AAGCAAACTG GAATCAAGGG GAGGGGGAAG GGAATNAAAT GGAAAGGGAG 120 GCTGATTCCC TTCCCCTGAC TTACCACTAA TTTACTAGGC TACCTACTTT NATGAGTAAC 180 CTCTCACAGC TACCCAGCAC ATGCCACAAT CCTATGCTCT TGCCTTCTTT NATCTGCACT 240 GTGTGAAGGG ACTCTTTTAA ATAAATNAGC AAGTGTCCTA AGCTATGTCA AA

配列番号:168 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00182

配列:

GATCTTGGCT GTATTTAATG GCATAGGCTG ACTTTTGCAG ATGGAGGAAN TTCTTGATTA 60 ATGTTGAAAA AAAACCCTTG ATTATACTCT GTTGGACAAA CCGAGTGCAA TGAATGATGC 120 TTTTNTGAAA ATGAAATATA ACAAGTGGGT GAATGTGGTT ATGGCCGAAA AGGATATGCA 180 GTATGCTTAA TGGTAGCAAC TGAAAGAAGA CATCCTGAGC AGTGCCAGCT TTCTTCTGTT 240 GATGCCGTTC CCTGAACATA GGAAAATAGA AACTTGCTTA TCAAAACTTA AA

配列番号:169 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00183

配列:

GATCCACATG AACGCACGCC TGAGATTTGG CCACTCACCT ATGTTTTGGG TGGATTGCCT 60 AGGAAAGCAA GTCATATGGC CATTGATAGT TCTCATGTAA TTAGTTTTGC TCACCACTAG 120 TACAGATGAC CCGTTTACAC GTGGCTTCCC TCGGAAGCCT CCTCAACAGT AGCTGGTGTG 180 AAAGACTAAA TCAGTAGAGT TGGAAAAGCT TTATAACCGG TGTGTCATAT GCTTGCTATT 240 TAAAGCTGTG TGTTGGTTTT GTTTTTCTGC CACATTCACT AGTTTTTTAA TAAATATTTT 300 333 CCAAAANTGG AAAAAAANAA NNCCCNCNNC CCN

配列番号:170 配列の長さ:401 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00184

配列:

GATCTGGANG GGACACGTCA TGCCTTGGGC CTAGAATACC CTGATGNGAA AAGAGAAGAN 60 AAAGGGAGGC CATATCTACA ACACAGCCTC TCGGCACTGC TGCTCCTTAT TTTAACTTTG 120 TXTTGCATTG TCCTGTATTT ATCACAGTTT CTGTTGAACA GCTTTTCAAG TATTTGGGGA 180 GTTTATCTTG CCATCCTCCC CTTCTGGTTC TCTGCACCCA CCTGTCCCAC TGCAGTTCCT 240 TCCGTGCTCT GTGACTTTAA GAGAAGAAGG GGGGAGGGGT CCCGGATTTT ATGTTTGTTT 300 GNTNTTTCTC CTTAGCAGTA GGACTTGATA TTTTCAATTT TGGAAGAACT AAAAGATGAA 360 TAAACTGGGT TTTTTTTGTT GTTTGNTTTT GNAAATTCAA A

配列番号:171 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00185

配列:

GATCGAGCTC GCCTATNAGC AAGTGGCAAA CCCCCTCAAA TAAGCCCCTC CTGGGACTCC 60 CTCAACCCCC TCCATTTCT CCACAAAGGC CCTGGTGGTT TCCACATTGC TACCCAATGG 120 ACACACTCCA AAATGGCCAG TGGGCAGGGA ATCCTGGAGC ACTTGTTCCG GGATGGTGTG 180 GTGGAAGAG GGATGAGGGA AAGAAATGGG GGGCCTGGGT CAGATTTTTA TTGTGGGGTG 240 GGATGAGTAG GACAACATAT TTCAGTAATA AAATACAGAA TAAAAATCAA GTGTTTTTAC 300 305 **GCAAA**

配列番号:172 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00186

配列:

GATCTGAGGC AAGCTGGACA GGAGAGGTGG ATATTTNTTG ATGGAAGAAT TCAAGTTTAT 60 AATCAATTCC CACTTAGCAC CTACTGTGTG CTAGGAACTT GAATGTGTAT GTTTGACAAG 120 TCCTGCTTGG CCTGATGGGT GGGAGANGGA ACCTGAGCCT GGCTGAGATG GCTAGGCGGA 180 GGGCTTTGAA GTCCAAGCAG CTGAACTGGC TGGGTGGGTT TCTACCTTTG AAACTGCAAG 240 ACTINITIE GAGCICITAA TIACAATATO IGATATITIT ACAGICIGN

配列番号:173 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00187

配列:

GATCCCTACC CTTNCCGTTG GTCTCTNTCG CTGACTCGAG GCACCTAACA TCCATTCACA 60 CCCAACACAG GCCAGCGACT TCTGGGGCTC AGCCACAGAC ATGGTTTGTN ACTNTTGAGC 120

TTCTGTTCCT	AGAGAATCCT	AGAGGCTTGA	TTGGCCCAGG	CTGCTGTNTG	TNCTGGAGGC	180
		GGGTGAAAGG				
GGCCTGACAT	GGGTAGCTGC	TCAATAAATG	CTAGTNTGTT	ATTTCN		286

配列番号:174 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00188

配列:

GATCGGGTTC TAAAGGAAAG GGTGGAGAGA TTCAACCAGT TAGCGTGAAA GTTGGAGATA 60
AAGTTCTTCT CCCAGAATAT GGAGGCACCA AAGTAGTTCT AGATGACAAG NATTATTTCC 120
TATTTAGAGA TGGTGACATT CTTGGAAAGT ACGTAGACTG AAATAAGTCA CTATTGAAAT 180
GGCATCAACA TGATGCTGCC CATTCCACTG AAGTTCTGAA ATCTTTCGTC ATGTAAATAA 240
TTTCCATATT TCNCTTTNAT AATAAACTAA TGATAACTAA TGNCATCAAA 290

配列番号:175 配列の長さ:284 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00189

配列:

GATCAAGGCG CGGACGTATC TACGACCACA TCAACGAGGG GAAGCTGTGG AAACACATCA 60
NGCACAANTA TGACAACAAG TAGTTCCTTG GNGGCCCTAT CCAGGCCAGA AGGCCANNGC 120
CACCCAGCAG CTGTTTGCCA GAGCTGGAGC TCAGTTGAAG ATGATGCTCA AGGTACTCTT 180
CATGGCCACC ATTCGTGTTG GAAGAACGNT TTACTNCNNA CAGCTCTTTA CCTTCTGTGT 240
GTTTNAGNTG TTAGNAGATN TCAGGAATAA TGTGATTGCC TTGN 284

配列番号:176 配列の長さ:282 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00190

配列:

GATCAGAACA TGAAATGCCC TCCTAAATGT CAGCTGTTGT CACACAGTAG CTCCAACACT 60
TTGAGCATTT TTAAGGGAGT GGCCTCATTT CACTAGAGAC AAATCTTTAA GAATAGTTCT 120
AAAATTGGGC TTGTGATTTC CATTTCTGAT GTCTCCAGAT TGGCACCCCT TTCTAGTTCA 180
ATGCCTCACG AGATTTTGCC AGGGGCATCC AAGGCAAACA ATCCCAATCT TTCTATATAA 240
ANTGTATTCA AGCAAACATC AAATAANTTT CTGGGATATT TN 282

配列番号:177 配列の長さ:278 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00191 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

•
配列:
CATCAGAGTT TGAAATGAAA TGTTTGTCAG GGTGTTGGAA AAATTTGGT GAGTTGTGAA
CATTTCCCCT GGTTCAGGCT GGGCATGGAC CAGCCTTCAG ATGGCAGAAG TGGAAGATGA 120
GCCTACTTGT GAGCGATGTG ACTTTAAGGA AATGAAGACT GGGGAAGAAT AATTAGTGTT 180
TATAAGACAT TTAAGAGGCC CTTTTTCATA TACTGACTCA CTGATGAATC AGCATTNGCA 240
TTNTATGGAA NAATATAAAT CCAAAGAAAT AATTTAAA 278
配列番号:178
配列の長さ:281
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローシ名:HUMGS00192
· 配列•
CATCAAAATA ACCCTCGTAA AAATATATGT ANGGGGTACA CAAAGTAAGC CTCTTTATGA OU
AACAATTGAG GATAATNATG TGAAAGGTTT TAATGATGAT GTTCTACTTC ANATAGTTCA 120
CTTTCTACTG AATAGACCAA AAGAAGAAAA ATCACAGCTG TTGGAAAACT GAAAAAGCAI 180
ATTINATIGA GAACTGIGGG AATATITAAA TITTACIGAA GGACCAATAA IGAIGAGAII 240
TGTAACTGTC AACTATTAAA TACATTGATT TTTGAGACAA A 281
配列番号:179
配列の長さ:278
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00193
配列:
CATCACCCC ACGAAGGGCA CAGGGGCIVA GCACIACAAA AGIOACAIGG GIIOICAGG
TATGCCAGGG GCAGAAACAG TACCGGCTCT CTGTCACTCA CCTTGAGAGT AGAGCAGACC 120 CTGTTCTGCT CTGGGCTGTG AAGGGGTGGA GCAGGCAGTG GCCAGCTTTG CCCTTCCTGC 180
TGTCTCTGTT TCTAGCTCCA TGGTTGGCCT GGTGGGGGTG GAGTTCCCTC CCAAACACCA 240
GACCACAGA TCCTCCAAAA ATAAACATTT TATATAGN 278
GACCACACAG TUCTUCARAR ATARACATTI TATATAGA
配列番号:180
配列の長さ:278
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HTMGS00194
配 初 •
CATCTACATT AATATCAAGT CTTGACTCCC TACTTCCCGT CATTCCTCAC AGGACAGAAG OU
CACAGRACET CETECTTATE TTTGACAGAA GGCATTAGGT TGACAACTTG TCATGATTT 120
CACCUTACC CACCATGATT GTGTTCTCTG CCTCTGGTTG ACCTCNACAA AAACCATIGG 100
AACTGTGACT TTNAAAGGTG CTCTTGCTAA GCTTATATGT GCCTGTTAAT GAAAGTGCCT 240

配列番号:181 配列の長さ:277

GAAAGACCTT CCTTAATAAA GAAGGTTCTA AGCTGAAA

- 278

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00195

配列:

GATCTCTCCC CCGTGAAGGA GTTGAGCACA TTAGCAACAA TGTACATTAA TTTTGGATTT 60
TCATTTTCAT GTTTTATTTT GTAAATATTA TCTGATGTTT GGAGCTTGAG TATACAGACT 120
GTAAATATAG TTCTTGTATT TGTACTAATT CTGATTCTTT TGCTNNCNNG CCTTAGATGT 180
GCAATGCAGA CACTATCTAA CTGTGTGTGG TAACCTTGCG TCACGGAGCT GTTAGTGAAC 240
GAGGTAAAAA TAATAAAGGT ACAGCCAGTG CATCAAA 2777

配列番号:182 配列の長さ:282 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00196

配列:

GATCAAAACN GATTTACGGT GGGGGAGGAA TNTGAGCTGG AGACAATNAC AGGGGAGAAA 60 GTCAAGACAG TGGTTCAGTT GGAAGGTGAC AATAAACTGG TGACAACTTT CAAAAACATC 120 AAGTCTGTGA CCGAACTCAA CGGCGACATA ATCACCAATA CCATGACATT NGGTGACATT 180 GTCTTCAAGA GAATCAGCAA GAGAATTTAA ACAAGTCTGC ATTTCATATT ATTTTAGTGT 240 GTAAAAAATTA AATGTAATTA AAAGTGANCT TTNGTTTTTTA AA

配列番号:183 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00197

कर हो।

GATCCAGATG ACCGTGGTNG TTGGGGTATA TCTCCTCGAG GAGCTGGTTA CACCTTTGGG 60
CAAGATATTT CTGAGACATT TAATCATGCC AATGGNCTCA CGTTGGTGTC TAGAGCTCAC 120
CAGCTAGTGA TGGAGGCATA TAACTGGTGN CNNGGCCCGG AATGTAGTAA CGATTTTCAG 180
TGCTCAAACT ATTGTTATCG TTGTGGTAAC CAAGCTGCAA TCATNGANCT TTTGCGATAC 240
TCTAAAATAC TCTNTCTTGC AGTTTCACCN AGNNNNN 277

配列番号:184 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00198

配列:

GATCTGAGAT TTCCGTGTTT GGCTGAACCT GGGAGACCAG CTGGGCCTCC AAGTAGGATA 60
ACCCCTCACT GAGCACCACA TTCTCTAGCT TCTTGTTGAG GCTGGAACTG TTTCTTTAAA 120
ATCCCTTAAT TTTCCCATCT CAAAATTATA TCTGTACCTG GGTCATCCAG CTCCTTCTTG 180
GGTGTGGGGA AATGAGTTTT CTTTGATAGT TTCTGCCTCA CTCATCCCTC CTGTACCCTG 240
GCCAGAACAT CTCACTGATA CTCGAATTCT TTTGGCN 277

配列番号:185 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00199

配列:

GATCGGTTTT TGTTTCCTGC TTACCATATG ATTGTAAATT GTTTTATGTA TTAATCAGTT 60
AATGCTAATT AATTTTTGCT GATGTCATAT GTTAAAGAGC TATAAATTCC AACAACCAAC 120
TGGTGTGTAA AAATAATTTA AAATTTCCTT TACTGAAAGG TATTTCCCAT TTTTGTGGGG 180
AAAAGAGCCA AATTTATTAC TTTGTGTTGG GGTTTTTAAA ATATTAAGAA ATGTCTAAGT 240
TATTGTTTGC AAACATAAAT ATGATTTAAA ATTCTCN 277

配列番号:186 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00200

配列:

GATCCTGACA CTGACATGAA GGCAAGCCTT GATTTCGTAT GAACGTTGCT GAAGTGGTAA 60
TTGAGGAAAA CAGTTCCCCA GATTGTTAAG AGTTCACTGA AGATATTGAC ACAATTTNNA 120
AAAATCAGTA AAGGAATGTA TATAATATTG CNCTCGTGTT TTACAGTAAG ATTTGTTGCT 180
CTCAGACTGT GTAAAACAAA ATTNATNGNT GTTTTCTGCA TNTTAAAAAA TCTTATTGTA 240
CCANCTGGTA ANCTATTAAN TGCCTATAAN NCTAAA 276

配列番号:187 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00201

配列:

GATCAAGGAN GAAAGANTGA CTTCAAATAT GCCTTGTTAG TGTAAATGTG ACTTNTNGAA 60 CTGTATGAGT ATTTTAAGAT TATTNGAGTA AAGTAAGTTT TAAAAAGCAG TCCCTAATCA 120 TCAAAAGTAA AAAACTCTTG ATGTAGTCAT ATAACCACAC TAAGAACTCT TCCAGGTGAC 180 TTCAAAACAT AGGACAGTAC ATCTCTAGTA GANTNTGCCC TGAGAATGAA AAGAATGTAA 240 CAGTGTTAGT ATTTGAATA AACATGTTAT TACTN 275

配列番号:188 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00202

配列

GATCACTTTT TTTAGAGTGA AGAAAGAACA ANCTTGTTTT TTGTGTTTTT TAAAGGAATA 60 TAAAATAATG AAGGATGTAT AATTGATGCC AAATAAGCTT GTNCTTTAGT CACACCGACG 120 TCTTATTTTT CCCTTTAGGC CAGTTCTGTT TTTAAGGTGT ACATGGNCAA TGTTACAGTG 180
TAAGAAACTC CATATCCATA TGTNCCCATT CGCATTTTGT ATTGGTTCAT GTATACCATT 240
TTTNCAAAAN ANANGGAANA ANNGGNAGTN CTN 273

配列番号:189 配列の長さ:271 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00203

配列:

GATCTGAAAA GCTCACTTTA AACTCATACT ACATTCGTNA CGAGTATTN ACGTTAACAT 60
AATTGAAAAG TACAAGGTCC AAGCTGGCTT TCAAATNATG TCTAAACAGA AATGGGACAA 120
ATAGACTTGA AAATAGAAGG GATTTATTCC ACCCCTGCAA GGGTAAGAGT CAGGTGAGAG 180
TCCCTTGGTG AGTCATTTGT ACATCAGTGT CATTTCTTCT TAACCTCTGA AGAAAGATGG 240
GCATCAGAAA TAAAGACAAA GCACTATCAA A 271

配列番号:190 配列の長さ:270 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00204

配列:

GATCTGCCAC GAGGGCAGCA GCCAAGAGGA CTTGCTCTCT CCATGTGAAT GTACAGGGAC 60
CTTGGGGACA ATTCATCGGA GCTGCCTGGA GCACTGGCTG TCATCCTCAA ACACCAGCTA 120
CTGTGAACTC TGCCACTTCA GGTTTGCAGT CGAGCGAAAA CCCAGGCCGT TAGTGGAGTG 180
CCTGGGAAAC CTTGGCCCCC AGATTGGGAG GGGNCTTTTT TTTGGNGANA TGGTNNNTTT 240
TGGGTTNTAA ATCNCCNGGG NNCCATNTNN 270

配列番号:191 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00205

配列:

GATCTCTGAG CTGCCCAGCA TAGTCCAAGA CCTAGCCAAT GGCAACATCA CATGGGCTGA 60
TGTGGAGGCC AGGTATCCTC TGTTTGAAGG GCAAGAGACT GGTAAAAAAG AGACAATCGA 120
GGAATGAGGA CAATTTTGAC AACTTTTGAC CACTTGCGCT AATAAA 166

配列番号:192 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00206

配列:

GATCTACATG AGAAGTATAG TGGCTCTACC CCCTGAAAGA GGGTGGATGC AGCTGCTTGT 60

GTTTCTTGGG GTGACTGTCA TTGGTAATAC GGACACAGTG ACCCATCCTC CATCCTATTT 120
ATAGTGGAAG GGCCTTCAAT TGTATCAGTA CTTTNTTTTA AGCTCTGGCA CATTGACCTC 180
TATGTGTTAC CAGTCATTAA TGAGCTGCTG CAGAGGTGAC TATTTGTTTT ACTTTCTTGG 240
ATGTTAACAT TACACTACTC ACTACTCAAT CTCAAA 276

配列番号:193 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00207

配列:

GATCTGACAT TTGACATGAA CACAAAGTTG CTAGATGCTC TTGTTGACTT CCAGCAGATG 60
GGATGGGGGA AACACAGCAG TTCTTGGTAA AGTCCTTTGT AATAATAGTT TGATTTTTTT 120
ATTTCGAGAG AATCTTTCAT TTTCCTATGT ATGCTTTTTN CCTTTTTTGC CCAGTTTCCT 180
TATCACTTGC TGTAGATGGC TTATNTNGCA TTCATGCAGA CTATGTTGCA AGTCTGTTTC 240
ATCTAGTAAA CTGAAAATNA TTGCTTAATC AAA 273

配列番号:194 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00209

配列 ·

GATCCCAGAG AGGGAAGAGA ACCAGGGGCC CTTTTCTCTT TNAGAATTTN CTTTTAATCA 60
GCCCACCTTT TGACTCCCCG CCCGCCCAA TCCATTATNT TTTTCTGCCT TCCGGGTCCC 120
ATCCTTAGAG CTCGAGTCGT TCCTTCCCCT CCTGGATTCC GGGTAGCAGA GGCAGCGCCG 180
CAGGAGGCGG GTGCCCGTTT GTCCCAGGNC TGGGCGTGGT GGAGNNAGGG GTGCTGGAAC 240
AATAAACGGC ACNNNCAAA TGTCAAA 2667

配列番号:195 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00210

配列:

GATCCAAAAC ACTACTCAGC TCTCTTGCAC TGAGGAAATT TTTCCCCCTA CATTGACTCC 60
TGGCCTACAT CAGCCAAACT TAACCTTGGT GGGGTTTGGA TTTGATAGCC AATTAGTTCT 120
GTGCTGGTTG CAAAGAATTG ATATTTAGAT GGTTTTTAAT ACTCAGCAGA TTGTCTTCCT 180
TTATATTGTG TCTTTTTTAT GTNGCATGTN GCTTTTGTTA TCAGCCTGAT TTTTTGCTCA 240
GTATATGATA GTNCTGCTGA TGTTTTGTTT ATTGGGCAGA CATATCTTCA TTAAGAGTTT 300
TTGGAAAACT CATCAAATTC GATGAATACA TTTTCTTCAT AACCCATTTG GAATTATTCC 360
TAATAAAATG ATAAAATACG TAAA

配列番号:196 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00211

配列:

GATCTAAAAA AATTCAGAAG AAATATGATG AAAGGAAAAA GAATGCCAAA ATCAGCAGTC 60 TCCTGGAGGA GCAGTTCCAG CAGGGCAAGC TTCTTGCGTG CATCGCTTCA AGGCCGGGAC 120 ACTGTGCCCG AGCAGATGGC TATGTGCTAG AGGGCAAAGA GTTGGAGTTC TATCTTAGGA 180 AAATCAAGGC CCGCAAAGGC AAATAAATCC TTGTTTTGTC TTCACCCATG TAATAAAGGT 240 GTTTATTGTT TTGTTCCCAC ATTTATGTTG CCTGAAA

配列番号:197 配列の長さ:271 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00212

配列:

GATCGGCGGC GCGCAGNAAC CGCTCCTACA GCAAGCTGCT GTGCGGCCTG CTGGCCGAGG 60 CGCCTGCGCA TCAGCCCGGA CAGGGTCTAC ATCAACTATT ACGACATGAA CGCGGCCAAT 120 GTGGGCTGGA ACAACTCCAC CTTCGCCTAA GAGCCGCAGG ACCCACGCTG TCTGCGCTGG 180 CTCCACCCGG GAACCCGCCG CACGCTGTGT TCTAGGCCCG NCCACCCCAA CCTTCTGGTG 240 271 GGGAGAAATA AACGGTTTAG AGACTAGGAA A

配列番号:198 配列の長さ:264 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00213

配列:

GATCCTGTAG TGTTCCTGGA GAAGCTAGAG CCTGATTGTA GGCTACTACT CATCAATTAA 60 CTTCTACAGT GGAGACTACT TCTGGGACTG GAATATAAAA AAGAATCAAA GGTTCTGATT 120 TTNAGTTGCA ATAAAGGGAA AGACCATGCT CATAGCAGTG CCAACATCTG AAGTGTGGAG 180 CCTTACCCAT TTCATCACCT ACAACGGAAG TAGTTAACTG GAAGAGATTA CCAAGAGAAT 240 264 AAAAAGAGAC TCATTCAGTG GAAA

配列番号:199 配列の長さ:257 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00215

配列:

GATCTGCCTT AAAGAAAAGA AAATTTTAGA AAGAAATATT GTTGCTCAGT GTTGTTAATA 60 TAGCTCAAGA ATTGAGTTTA TATTTGCAGT ATGCTATAAA TGATACCCCC CTACCACAEC 120 CACACACACA GTTTTTGTCT AATGAAAATG TTGCTGTGAT TATTTATAAT TGGTAGTATT 180 TCTTCCAGAA GAAGCTAAAA TAAGACTGGC ACTTACCCTG AAGTGCATTA ATAAAACCAC 240 257 . ACTTTAAAAT TAANAAA

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:200 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00216

配列:

GATCAACCTG AGCNTGGAGA ATGCCTGGGG CATTTAACGC TGCGTCATTG ACATCTGCAT 60
GAAGCTGGAG GAGGGCAAAT ACCTCATCCT CAAGGACCCC AACAAGCAGG TCATCCGTNT 120
CTACAGCCTC CCTGATGGCA CCTTCAGCTC TGATGAAGAT GAGGAGGAAG AGGAGGAGGA 180
AGAAGNGGAA GAAGATGNGG ANGAAACTTA AACCAGTGAT GTGGAGCTGG AGTTTNTCCT 240
TCCACCGAGA CTACGNGGGC CTTTNATGCT TAGTGGAATG TNTGTCTAAC TTTGCTCTCT 300
TGACATTTTA GCAGTTGAAA TTAAAATTATA TANTCTGTTT TNNGTCTTTT NAAATAAANA 360
AAANNANATT NTGN

配列番号:201 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00217

配列:

GATCTGAACT ATTTGCTTTC TCTTCAAGAT AAGTTGTATT TTACCATGGA AAAATACAGT 60
ATCTAACATT ACCATTCACG TTAAATGAAG TTTCCTCATA ACATTTATCT TTAGTTTTAT 120
GAAGTCATCG TGACCAATGT TACAGTAATT TCTGTTAGCT GATTGTGGTA AACAATGTTT 180
AATGNGAAAA GAAATTAAAA CTTTCTTCAT CTGTTGTAGA ATATTTCTCT TCTTTAAAAT 240
GGCTTCTATT CATAAA 256

配列番号:202 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00218

配列:

GATCCCCACT GGAGCAGCCT CTGCAAAAGG GAGCCCATGT AGTGGCCAGG GGCTGTCCAA 60
ACTCCAGCTT CTTCCCCTGG GAAAAAACCC AAAGAACCAA AAACAAACCA CCCCAAGGAT 120
AATAATAGCT ACACTGCTAG CTTCTCAAGT TCTTGTGAAA AACAATTTAC ATAATGACAC 180
AGTAGATGTG GAACACCTAG CCAGTGCCTG GGCAGGTCCC TATTATCATA AATGAACATA 240
AAGTGCTCTA AAAACN 256

配列番号:203 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00219

GATCCAAATC AGGAAAAGAC GGCGCCACTA CAATGGAGAA GCATATNAGG ATGATGAACA 60
TCATCCCAGA GGTGGTGTTC AGTGTCAGAC CTCTTAATGG GCCAGTGAAT AACACTCACT 120
GCTGGCATTT AATGTGCAGT AGTGAATGAG TGAAGGACTG TAATCATAAT ATGCTCACTA 180
CTTGCTCTTG TTTTTGTTTT AATAAACTAT AGTAGTGTTA TAANNNGTTA AATGAAGAAT 240
AAACGCAAAT ATAANAGCTC TGAAA 265

配列番号:204 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00220

配列:

GATCTAAAGA GACACTTAGA GACTCTTGGG GACCTCAGAT TTCCACCNCT CCACAGCATT 60
CTGCCTACAC AGTTCCCCTC ATTTTNCCTA GTTACTCGGA AGAGCGCTGG ACTTGAAATC 120
AAAATAATTG CGTTATGTCT TTGGTTATGT CGCTTCATCA TAGCACTTTC TAAAACTATT 180
TGACAAACAT GTATTGCATA CCTACNGCAT TCCAGTTCTN GTACANGTAA TTAAATGCTC 240
GACTAACGNN AAA 253

配列番号:205 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00221

配列:

GATCTGGAAT TGGACATTC TCTGTCAGAG CACAGAGGAG GCTCATATCA CCTCTTCCCT 60 CTCCTACTTG GCCCAGCTGC TTGGAGGACC GACCCCATGG CTGAGAATAT NACGGCAAGA 120 GGAACAGAGN TTGCTCCAAG TGGGAAAGGG TCCCAAGCAG TCCAGAGAAG ATGTCTGTGT 180 GGCTTTCCCT CCCTGCCTCC CCCAGCTCCC ACACTGGCCT TTGTAAATAA ATGGCGTGGT 240 CTTTGTTGTG AAA 253

配列番号:206 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00222

配列:

GATCTGCCGT CTGTCACCTC TCTCCAAGTT GAGACAGGGG CCTGGATTTC AGCCCTTCCT 60
GCCGAGAAAT CTTNTAAAATT TCAACCTACC TTTAAAAATA AAGTCTCCCT ACTTAAAATC 120
CAGTAGATAT CATGGCACTA ATGCTAACAC CCCTTTCCCC AAATTAATAA AACAAAAATA 180
AAAAAAAGAA AAAANTGCAG GCATGCAAGC TTGGCGTANT CATGGNNTNA GCTGTTTCCC 240
NGTCACGGCG TGN 253

配列番号:207 配列の長さ:251 配列の型:核酸

TTAAAACN

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00223 配列: GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCATN ACGTCCTNCC AAGTGAACAG 60 CTGCGGCAGC CCTCCCAGCC TACCCCTCCT GCGCTGACCC AGAGCCTGGG AAGGAGGCCG 120 CTATGAGGGT AGCACTGGGA ACAGGAGACC CACCTNAGNC TCAGCCTNGC CTCAGTNTAC 180 TGGGCAGTTT ACTACCTGGG GCCCANTTGA CATGCTCCAG CTACANACAN TTANTTGCTT 240 TTTTNTTGGN N 配列番号:208 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00224 配列: GATCGATTCT TGTATATTNA TTTTATCTCT TTCTGTATCT ATAGGTAAAT CTCAAGGGTA 60 AAATGTTAGG TGTTGACATT GAGAACCCTG AAACCCCATT CCCTGCTCAG AGGAACAGTG 120 TGAAAAAAA TCTCTTGAGA GATTTAGAAT ATCTTTTCTT TTGCTCATCT TAGACCACAG 180 ACTGACTTTG AAATTATGTT AAGTGAAATA TCAATGAAAA TAAAGTTTAC TATAAATAAT 240 243 配列番号:209 配列の長さ:249 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00225 GATCACANTT AATGATTCAG TATAATGTTT GAGGCCAGAC AAGATATATA TTGTGCCTCT 60 TACAGCCTTT GGNNCNNTTG TTTCCATTTT TTAAATATCT TCTATATCCA TATAGTATTC 120 AAATNATTAA TGCTCATGTA CCAAGGTTTT GCTATAAAAG TTTTGNCTGT ATGAATAATG 180 TGGCTTTAGT AAATAATCAT TTTTCAACTG TAAACTTATT CTGAAATAAA GTAAAATTCT 240 249 AATTGTTTN 配列番号:210 配列の長さ:248 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00226 配列: GATCATAGAA ATATATGTAA AGTATTCAAT TTTCAATCAT TTTCAAATNA CTGTTATAAA 60 TTGTTTTTGC TGAGTTGTAA TACTTTTNAG ATACAATGTA TTCCTTGTAC TGAAAGAATG 120 AAAAAGGACT TTTTCAGCAT TTGAGGTAAG TNCTTTAACG TTTCATTAAA ANCATTTTTT 180

248

ACAAATATTT TGTACATGCA CTTGCAGTAT TGAGGTTAAT CATTTTAATA AATNCGGAAA 240

配列番号:211 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00227

配列:

GATCTCAGCN TTGCAAACAC ANTINCTACA TAGATAGTAC TAGGTATNNT TTAGATATGT 60
AAAGAAAGAA ATCACACCAT TAATAATGGT AAGATTGGTT TATGTGATTT TAGTGGTATT 120
TTTGGCACCC TTATATATGT TTTCCAAACT TTCAGCAGTG ATATTATTTC CATAACTTAA 180
AAAGTGAGTT TGAAAAAGAA AATCTCCAGC AAGCATCTCA TTTAAATAAA GGTTTGTCAT 240
CTTTAAA 247

配列番号:212 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00228

配列:

GATCAAAACA AACAATCCAG ATGTATAAGT ACTAGGCAGA AGCCAATTTT AAAATTTCCT 60
TGAATAATCC ATGAAAGGAA TAATTCAAAT ACAGATAAAC AGAGTTGGCA GTATATTATA 120
GTGATAATTT TGTATTTTCA CAAAAAAAAA NGTTAAACTC TTCTTTTCTT TTTATTATAA 180
TGNCCAGCTT TNGGTATTTC ATTGTTACCA NGTTCTATTT TTNGANTAAA ATTGTTCTCC 240
TTCTAAANGT TTTAAA 256

配列番号:213 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00230

配列:

GATCGGCAAG CCCCACACTG TCCCTTGCAA GCCAAGGCCA CCTTTNATGC CATTTCTAAG 60
ACCTACAGCT ACCTGACCCC CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT 120
CAGGAGTTCA CTGACCACCT NGTCAAGACC CACACCAGAG TCTCCGTGCA GCGGACTCAG 180
GCTCCAGCTG TGGCTACAAC ATAGGGTTTT TATACAAGAA AAATAAAGTG AATTAAGCGT 240
GAAA 244

配列番号:214 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00231

配列:

GATCAGATTG GGTCCTGCTC CTCTCAACCT TGAAGTCCCC ACGTATGAGT TCACCAGTGA 60 CGATATGGTG ATTGTTGGTT AAGAGACTTG GACTCAAGTC ATAGGCTTCT TTCAGTCTTT 120 ATGTCACCTC AGGAGACTTA TTTGAGAGGA AGCCTTCTGT ACTTGAAGTT GATTTGAAAT 180 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

ATGTAAGANT TGATGATGTA TTGGCAAACA TTAATGTGAA GTAAATNGAA TTNAATGTNG 240 AAA 243

配列番号:215 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00232

配列:

GATCGCCAGT GGAAGAAGAT TAGTGCAATC ATTGAGAAGA GGAAGAAGAT GGAAGCTGAT 60
GGGGTTGAAG TCAAAAGACC AAAATACTAA TCACTAGTTA CAACCAGAGA TGCTCCACAA 120
GGATATGCTC CCCACGGTTT TCTTTCTACA ATTTCCAAAG GTTGCAAGAT GTTTTTTTGT 180
GGATGAATAT AAAATTTAT TGTGTAATTA CTTGGTTCCA TTAAAATTGG TTAACTTGCT 240
AAA 243

配列番号:216 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00233

配列:

GATCGTAGAT GTTAACCAAA TCTACAAAAT CCACTACTCC CCCGTTATCA ACGGGATACG 60
TTCCAAGACC CCCAGTGGAT GCCTGAAACT GGCTAATGCT GAACCCTACA TATACTATGT 120
TTTTNCTGTA CATATATAG ATAAAGTTTA AATNATAAAT NAGGTACAGT AACAACAATA 180
ACAGTAAAAC AACAGTTATA ACAATATACT GTAATAAAAG TCATGTGAAT GTGGTGTTTC 240
TCN 243

配列番号:217 配列の長さ:242 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00234

配列:

GATCTTCTCC AGATTGGCAG AAAGTTGATA TAGGTGGACT TTTTTACAGG TCAGTTGAGG 60
CAAAAAACTA TGGGTTTTTT CAGGTGAACC TCCCCCATTT AAATACTCAG AAGATAAGGT 120
GTGAATGTAT GTATTATTAG AGTCCTAAAG TATTTTATAA GTACTGGTTT CACCACGCTT 180
TGTGGGAGAG AAATCATTCA AATCATTTT TTTGTCCGTA CAATAAAGTT TACTAAAAAC 240
CN 242

配列番号:218 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00235

GATCTTCGTG ATACTGTACA TAGCTGTTTG AAATGCCAGA ATGACTTCTG ACATNCCAAG 60
TTTTTCACAA AAATATTTN ATCTGTGATT AGCCATTTGA CTAATAATAC TGGCTAACAG 120
ATGTTGAAAA AAATTGTCTG TTTTCTCATT AATTTTGGTC TAAAACATGT TTGCACTTGT 180
NTTTGACTTG TGTTTTATTA ACATTGATTG GCATATTAAA AGTCACTCNG AGCTTAAA 238

配列番号:219 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00236

配列:

GATCCAAANN ATGACTTCAG AAAAAACTTG AAAGTAACAG CAGTGCCTAC ACTACTTAAG 60
TATGGAACAC CTCAAAAACT GGTAGAATCT GAGTGTCTTC AGGCCAACCT GGTGGAAATN 120
TTGTTCTCTG AAGATTAAGA TNGGTAGGAT GGCAATCATG TCTTGATGTC CTGATTTGTT 180
CTAGTATCAA TAAACTGTAT ACTTGCTTTG AATTCATGTT AGCAATAAAT GATGTTAAA 239

配列番号:220 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00237

配列:

GATCAGAGGT GAAGGGACAG AGAGAGGAGA GGAGGAAGAT TGAGCTGGGG GCAACAGCCA 60
AGCTCACCTG GGCAGGTCTC TGCCACCTCC TTGCTCTGTG AGCTGTCAGT CTAGGTTATT 120
CTCTTTTTTT GTGGCTATTT TTAATTGCTT TGGATTTGTT AAATGTTTTC TGTCTTCTGT 180
TAAGTGTGTT TTCTCTGGAG ATAGAATGTA AACCATATTA AAAGGAAAAA GTTTCAGACA 240
AGCAATTAAA 250

配列番号:221 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00238

配列:

GATCAGCTTT GCTCCTGAAA TTGCATCCGA AGAAGAAAGA AAGGGGATGG TGGCTGCGTG 60 GTCCCAGAGG CTGCAGACCA TCTGGAAGGA AGAGCCCATC CCCTGCACAG CCCACTGGCA 120 CTTCGGGCAA TAACTCTGTG GCACGTGGGC ATCACGTAAG CAGCACACTA CGAGGCCCAG 180 GCGCAGGCAA AGAGAAGATG GTGCTGTCAT GAAATAAAAT TACAACATAG CTACAAA 237

配列番号:222 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00239

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

GATCAGTGTA GAACTGGTCA TAGAGGAAGA GCTAGAAATC CAGTAGCATG ATTTTTAAAT 60 AACCTGTCCT TGTTTTTGAT GTTAAACAGT AAATGCCAGT AGTGACCAAG AACACAGTGA 120 TTATATACAC TATACTGGAG GGATTTCATT TTTAATTCAT CTTTATGANG ATTTAGAACT 180 CATTCCTTGT GTTTAAAGGG AATGTTTAAT TGAGAAATAA ACATTTGTGT ACAAAATGCT 240 243

配列番号: 223 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00240

配列:

GATCTAATAA CAGGTTGACA TAAGAAATAT TTGTCTCAAA AATCAATGTA TTTAATAGTT 60 GACAGTTACA AATCTCATCA TTGAAAGATT TAATTTTAGT TACCTTTTGT TGATTTANNN 120 NNNATTGCAT TTGTATATTG CTAACTGATA AGACAAATTG AGTTATTGAG CTATTAANTG 180 CACATTTAA TATAANTGCA GAAATCCCAA ATAAAATGCT AACATACTGA AA 232

配列番号:224 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00241

配列:

GATCACCGTG ACATCCGAGG TGCCTTTCTC CAAAAGGTAT TTGAAATATC TCACCAAAAA 60 ATATTTGAAG AAGAATAATC TACGTGACTG GTTGCGCGTA GTTGCTAACA GCAAAGAGAG 120 TTACGAATTA CGTTACTTCC AGATTAACCA GGACGAAGAA GAGGAGGAAG ACGAGGATTA 180 AATTTCATTT ATCTGGAAAA TTTTGTATGA GTTCTTGAAT AAAACTTGGG AACCAAA 237

配列番号:225 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00242

配列:

GATCTTCACT TAANCTAAGT CTGTGAATTA CTTTTATATT ATTTTGAAAN ACTCCTTGCA 60 GTATATTGGC ATGATACAGT AAAAGCANTT TCCACAGATT GTTATCACCT TCTTTAAAAG 120 AAGTCAAAAT TTAAAAAATA CAATAGCACG TTGTTGGTGT CATATTCAAT AACATTTCCA 180 ATGCTACATA TAATTTTATA GACATAATAA AGAAGGTATT GAAAAAACTA AATAAA

配列番号:226 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00243

GATCGCCACC TACCGCCGCC TGCTGGAAGA TGGCGAGGAC TTTAATCTTG GTGATGCCTT 60
GGACAGCAGC AACTCCATGC AAACCATCCA AAAGACCACC ACCCGCGGA TAGTGGATGG 120
CAAAGTGGTG TCTGAGACCA ATGACACCAA AGTTCTGAGG CATTAAGCCA GCAGAAGCAG 180
GGTACCCTTT GGGGAGCAGG AGGCCAATAA AAAGTTCAGA GTTCAAA 227

配列番号:227 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00244

配列:

配列番号:228 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00245

配列:

GATCTGCCCA AAGAGGTGTT GGCTGAGCTT NAGGCCCTGG AGAGACGTGT GCACAAAATG 60
TNACCTGAGG CCCTAGTCTA GCAAGAGGAC ATAGCACCCT CATCTGGGAA TAGGGAAGGC 120
ACCTTGCAGA AAATATGAGC AATTTGATAT TAACTAACAT CTTCAATGTG CCATAGACCT 180
TCCCACAAAG ACTGTCCAAT AATAAGAGAT GCTTATCTAT TTTAAA 226

配列番号:229 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00246

配列:

GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCAACTCAA AGACCTGGAA AAATGGCAGA ATAATCTGCT 60
TCCATCCCGC CAGTTTGGTT TCATTGTACT GACAACCTCA GCTGGCATCA TGGACCATGA 120
AGAAGCAAGA CGAAAACACA CAGGAGGGAA AATCCTGGGA TTCTTTTCT AGGGATGTAA 180
TACATATATT TNCAAATAAA ATGCCTCATG GACTCTGGTG CTTCCAAA 228

配列番号:230 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00247

配列:

GATCTGCGAC CATTTCTGTA CAACACAAGC TGGCCTTGGC AGTTTCGGTG CATAGAAAAT 60

CAGGTGCTAC AGCTCGAGAG GGCAGAGCCA CAGTCCCTGG ACGGCGTGGA CTGAGGCCGG 120
TTCCTTCCTG GAGGCCTCCT GTCCTCGGGG ACCCCAGCAC CTCATCATCA GCATTGCTGG 180
AGCCAAGGGT AGGAGCCCTA CACTAGGAGC CCAGGATGGG ACGGNGNATN AGCCGAGAGG 240
NAGGGAACTT TTNAGTNAAA TTCCTCAAAA AGAGGNTTAG AATAAANCCT TNGGCTTAAA 300
AAGAGAAA 308

配列番号:231 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00248

配列:

GATCCAAAGA CAGACCACAG ACTGGGAAAA GTTGGAAGAT GAACACTTGA GGACTTCAGC 60
TTCTCACCTA CTTAGTACAG TTGGGAACCA TACACTTCTG GCATGTTTGG AAATCAAAAT 120
GTCACATTCT CGGGGGAGGA AGCCCAGAAA ATTGGGTATG TTCTAGAGAT TTACCACCAT 180
TGCTTATTGC TTTTNCTCTT TAATAAAGTT TAGGAAAGTA GAATTTTAAA 230

配列番号:232 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00249

配列:

GATCTAAAGA TTTCTCTATC CAATGAATCT AACAAAGTCA ATGGAAATTG AACTCTAGAA 60
TTGTCTCTAG AAAACATAGC TTCTTACTGA ACTTGAACAT TTTTACAACA TTCACTGGTT 120
TTTGTTTTGT TAGCTAATAA TCTATAATAG TTGAGTATCT CTGGGAATGG GGAGGGAAAT 180
TATATGTAAT AGAGCTTAAA AATAAAGTGT CAATTTCCAA GGNCTAAA 228

配列番号:233 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00250

配列:

GATCAATAAG CATGTCAGAC TGATTAATGT CTACTGTGAA AATTTGGTAG TAAATTTNCA 60
TTTGATATTA GATATAAATA TCTGAATATA AATAATTTNA ATATACTAGT CATGATGTGT 120
GTTGTATTTN AAAAATTATC TGCAACCTTA ATTCAGCTGA AGTNCTTTAT ATTTCAAAAG 180
AATGAATAAC ATTGATAATA AAATCGCTAC TTTAAGGGAA A 221

配列番号:234 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00251

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GATCTCTATG AATGTCAGAG CCCTAACTTT CAGGCTTTGC ATTTTGTATA TGGGAAGAAA 60
TATGACAATC CTAGGTAATT AAACCATAGA CCCAAAGCCC TTACGTTTGA TGCAATTAT 120
TTTTAAAATA GGCCTTGTTT TTCAGCTTCA TCTGCAGTTC TATGTGAAGA TTGATAAATC 180
AGTTTTTACT TGTTTATTA ATAAAACGTA ATTNGGAAA 219

配列番号:235 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00252

配列:

配列番号:236 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00253

配列:

GATCAGAATT GGCAGCACAA AGAAAACGCC CTCTCCTGAC TTGTATTGTG GCAGTCTGAA 60 CGNCCCCAGA AAATTGTGCC AAAGAGTTTA GAAAAATAAA TATACAATAA AAGTAAACAC 120 ATACACACAA AACAGCAAAC TTCAGGTAAC TATTTTGGAT TGCAAACAGG ATAAATTAAA 180 TGTTCAAACA ATCTGATAAA ATAACCATTT GGGNCTTGNA AA 2222

配列番号:237 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00254

配列:

GATCATCTTT CCTNTTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60
GTGTACTGAG CTGCAACNTC TTACTTCCCT ACTGAAAAATA AGAATCTGAA TATAAAATTG 120
TTTTCTCAAA TATTTGCTAT GAGAGGTTGA TGGATTAATT AAATAAGTCA ATTCCTGGAA 180
GTTGAGAGAG CAAATAANGT CCTGAGAACC TTCCAGACAA A 221

配列番号:238 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00255

GATCAGACGT TTTACAAATN CATGAAGCGA ATTGCTGCTT GTAAGGAGCA GATTTTAAGG 60
TATTCCTGGA GTGGAGAGCC ACTCTTTTTA ACCTGCCCTA CATCAGANGT CACCGAGCTC 120
CCAGCCTGCA GCCAGTNTGG AGGCCAAAGG ATATTNNATT TTCANCTTAT GCCAGCNCTG 180
GTCAGCATGC TCAANAGTGC TANTTTAGGT CTTNCTN 217

配列番号:239 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00256

配列:

GATCTCTCTG AGTCCTGGCA ACATCCAGCA AAACTACTGC TTATTCTCCA AAGAATATTG 60
GGAGCTCTCA ATCCTCGGTG ATATGGGAAA GAGAACTGAG TATTTGCCCT ATGACTGAGC 120
TTTCTATAGG AATTTTATTA AAGAATGTTT AATTTNGTTG TCCTNCTNAA TGTTCTCAGT 180
CAAATAAATG AGTGAGCTGG TTTCGGCTGC TCTTGGN 217

配列番号:240 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00257

配列:

GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAACTTC TGTGGCCACC 60
ACCTCCTGCT CCTGACCTCC CTGGGAGGTG CTATCAGTCT GTCCTGGCCT TTCAGTTTTA 120
TAAGTNGNTT CCAGCCCCAG TGTCCTGACT TCTNCTGCAN AATAGGAGGG AGGCCTCCTT 180
TTNGGANGGN NGTACTTTGG GNGATAGTGN GGCCTN 216

配列番号:241 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00258

配列

GATCTTTAA GTTTCCTTCC CTACCCAGTC CCCATTTCT GGTAAGGTTT CTAGGAGGTC 60
TGTTAGGTGT ACATCCTGCA GCTTATTGGC TTAAAATGTA CTCTCCTTTT ATNTGGTCTC 120
TTTGGGGCCG ATTNGGNGAA AGCGAAATCA NTAGTGCAAC TGTTTTGATA CTGAATATTG 180
ACAAGTGTCT NTTTNAAATA AAGACCCANT CCCTTCCAAA 220

配列番号:242 配列の長さ:223 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00259

配列:

GATCACTAAT CAATAATCTG ATATTTAACA AAATATGGAC AGGCCACTTA TGCTCAGTTT 60

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

TACCTTAGTT ATTCCTTGGT ATCCACAGGC CCAAGTCCCT TTAAATAAAA TACCCTCATA 120
TTTCCATATA ATCTACATAC ATTCTCCCAT ATACTTTAAA TCATCTCTAG ATTACTNATA 180
ATGTCTAATN CAAAATAAAT GCTATGTAAA TGTAATTATT AAA 223

配列番号:243 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00260

配列:

GATCAACTTA ATTCCTTTC TTTATCTTCC NTCCCTCACT TCCCTTTTCT CCCACCCTCT 60
TTTCCAAGCT GTTTCGCTTT GCAATATATT ACTGNNTAAT NAGTTGCAGG ATAATGCAGT 120
CATAACTTGT TTTCTCCNAA GTATTTGAGT TCAAAACGCC NGTATCTAAA GAAATACGGT 180
TGGGGTCATT AATAAAGAAA ATCTTTCTAT CTTAAA 216

配列番号:244 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00261

配列:

GATCTCAGAA CAATCAGATG CAAAGCTGAA AGAGATTGTA ACAAATTTCT NTGGCTGGAT 60
TTGAAGCTTA AACTCCTGTG GATTCACATC ANATACCAGT TCAGTTTTGT CATTGTTCTA 120
GTAAAATTAGT TCCATTTGTA AAAGGGTTAC TCTCATACTC CTTATGTACA GAAATCACAT 180
GAAAAATAAA GGTTCCATAA TGCATAGTTA AA 212

配列番号:245 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00262

配列:

GATCCATCTG CCTTTGTGGC TGCTGCCCCT GTGGCTGCTG CCACCAACAG CTGCTCCTGC 60
TGCTGCTGCA GCCCAGCTAA GGTTGAAGCC AAGAAAGAGT CGGAGGAGTC GGACGAGGAT 120
ATGGGATTTG GTCTCTTTGA CTAATCACCA AAAAGCAACC AACTTAGCCA GTTTTATTTG 180
CAAAACAAGG AAATAAAGGC TTACTTCTTT AAAAAGTCAA A 221

配列番号:246 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00263

配列:

 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

AGGGGGAAGT TATTAAAGAG GCTGCAAAGT CCAGCCACCC TGAAGATACT CCCCAGTGCT 180 CCCCTCCTGC TAAAGAACCA GTTACCCCAG GAAA 214

配列番号:247 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名:HUMGS00264

配列:

GATCCTCAAC TATTGGAAAT NATGGACTGG TGGCCCTGGT ACAGAACCAT GACTGGCTGC 60
TGAATTCTGA AAACCAGGAC TTGGTTCAAC ATTTAAATTT GATAGTTGCC CTGATTCCCA 120
TTTTTGGGTTT GTGAAAAGTG TATGTATTTA AATTTGCTGT AAAACATAAT CACTAATAAT 180
ATGCAATAAA TATTTCCTTG AAGGGAAA 208

配列番号:248 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00265

配列:

GATCTGTGGG AGGAATGGCA AGAGAAGCAA CCGGACCCTG AGAGAAGAGT GTTAAGGAAC 60 CTGCGCATGT GGTTAGCTTG ACCTTTCTGT TGGGCATGAC ATGGGGTTTT GCATTCTTTG 120 CCTGGGGACC NTTAAATATC CCCTTCATGT ACCTCTTCTC CATCTTCCAN TTCATTACAA 180 GGTAAGATAA ATTGTACATG AATAGTCN 208

配列番号:249 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00266

配列:

GATCAAATAT CACTAAATAC TTTAAATTGT TTTACTTAAG AGTCTAATCT GGGAAGTTTT 60
CAAATCATAC TATTAATGTG TAATCTAAGC TCTTCAGATG TATCCATGAA TAATCCTGGA 120
ACAATATTGC TTGTATTCCT GTCATAGAAC AGGTTTTGTA ATCTTTAAAA GAAATGAAAA 180
TTTATATAAT AAAGTTTCAA A 201

配列番号:250 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00267

配列:

GATCACCTTG GTGTTCCTTG TTTGGAAGAT TATTTCCTCT GAATTTCTGG GCTTGGTCTT 60 CCAGTTGGCA TTTGCCTGAA GTTGTATTGA AACAATTTAN TGAAAATATT AAATATTTGG 120 TTTCAAAAGG CAGATTTATC TTCTCCCAAC ATTCTGTTAT TTCTGATACT TTTGAAAAAC 180

	211
TAATAAAAAT TAATAAAAGA CATGAACTAA A	211
配列番号: 251 配列の長さ: 208 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00268 配列:	
GATCCAAGAA AACGCCTCAC TGCCTTAACC TTAACTGTTC TTCCTGGCGC TAAAAAGAGC	
TGTATTTTT AAAGTGCTGG GGCAAACAAA GNANCCCCAA AAGAGTTGAT GTGTGTTTTA	
AAAGNAAAAA CCCAATGAGG AACAATTGGA GATTTTTATG CAGAAACTAA ATAATCCTTA	208
ATAAATAAAT CTCTATTTTG GAATCAAA	200
配列番号: 252 配列の長さ: 205	:
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00269	
のローン名:nundsuozus 配列:	
GATCTTCTAA AAAAGGAACA GAAAATGGTG TGAATGGAAC ATTAACTNCA AATGTAGCAG	60
ACTCTCCCCG GAATAAAAAA GAGAAATCTT CATAATGAAT TATAANCTAA TTGATTAATG	120
TCCCCAAAGA AATCTGCTTT CTACTATATC TTTCAGCATT AGAGATTTTC CTGTTCTNGA	
AAATNCAGTC TGTGCTCTTT GATTN	205
配列番号:253 配列の長さ:212 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00270	
配列:	
GATCTAGGCA AAGAAGAATA CAAATNAAAC CCCNTTCTTT CTCGTTTCCN GTCCAACAAC	
TCTGTAGAGC TCTCTGCACC CGTTACCCCT TTCCACCTTT TGTATTTAAT TTTAAAGTC	
NGTGTACNTG CAAGGAATGC TGGATGCAAG ATAGATACTA TATTAAACTG TACTGTTAT	212
TAAGATGTAA TAAAGCAGTT TGACATGAGA AA	212
配列番号: 254 配列の長さ: 209 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00271	

GATCTAAGAT GATTATTTTG TAAAAGACTT TCTAGTGTAC AAGACACCAT TGTGTCCAAC 60 TGTATATAGC TGCCAATTAG TTTTCTTTGT TTTTACTTTG TCCTTTGCTA TCTGTGTAT 120 GACTCAATGT GGATTTGTTT ATACACATTT TATTTGTATC ATTTCATGTT AAACCTCAAA 180

TAAATGCTTC CTTATGTGAA AAAAACAAA

342

209

配列番号:255 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00272

配列:

GATCTGCCAG CAGTGTTCTT GCAATATGAG GAAGACAGTT ACAGCCACAT TATGGCTCTC 60
ATTGAACAGT ACGCAGCACC CCTGCCCCCA GCCGTCTTTC TGGGGCTTGC GCGCAAAATC 120
TACAAGCGGA GAAAGTGACC TAGAGATTGC AAGGGCGGGG AGAGGAGGCT CTCAATAAAT 180
AATCGTGTAA CCTTAAA 197

配列番号:256 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00273

配列:

GATCTATCAC CTGTAATCAT AACTGGCTTC TGCTTGTAAT CCACACAACA CCAGGACTTA 60 AGACAAATGG GACTNATGTC ATCTTGAGCT CTTCATTTAT NTTAACTGTA ATTTATTTGG 120 AGTGGAGGCA TTGTTTTNAA GAAAAACATG TCATGTAGGT TGTCTAAAAA TAAAATGCAT 180 TTAAACTCAT TTGAAA 196

配列番号:257 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00274

配列:

GATCTCACCA GGAGAAATGA ATATGTGAGG TGATGGATGT AACTAGCTTG ATTGTGGTAA 60
TCAATTTCGC AATGTGTACA TATATCAAAA CATCACATTG TACAAAATAC ATACAGTTTT 120
TGTCAATTTA AAGATATCAG AATTCTAGAA TATGATAAAG TTGTGTTTTC AAGCAAGTAA 180
AGATAGNTTA CTTAAA 196

配列番号:258 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00275

配列:

GATCAGATTT TNCATTTTTN AATGTTCCGT GTTTTCTTAA GTAGCATGTA TGACATTTAT 60
AATNTTAAAA AATNTTTTAA AATATGTGTA TGATACATAT TTTCNATTGT CTTAGGGCAG 120
GCTTTTGAAA ATNTCAGCCT GTAGCCAAAT GCAAGATTTT CTCCATCCTT TAATAAAAAG 180
CACACTGAGA AATCCTN 197

195

配列番号:259 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00276 配列: GATCTCTGTC TTGAGTTTCT CCTTCCCCAT CAGCTGAAGC ACTCTTCAGA GACTACGTCC 60 ACAGACACTG ATGCTGAGGC CTCCCTGGAG GAAGGAGGGT TAGGGGTGCC TATCCTCAAG 120 TATTGGAAGA GCAGAATTGA GGGAGAGACC TTTCTTCCTT GTTGAGGGTG AAAAATAAAT 180 ANGAATTACA TGTCCTAAA 配列番号:260 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00277 配列: GATCAAGAAG GCTGGAACGG AACTGGTTAA CTTCTTGAGC TATTTCGTGG AACTTGGAAC 60 ACAGCCTGCC ACCCAGTGAA GTGTCCAGAC CATTGTCTTC CAACCCCAGC TGGCCTCTAG 120 AACACCCACT GGCCAGTCCT AGAGCTCCTG TCCCTACCCA CTCTTTGCTA CAATAAATGC 180 TGAATGAATC CNNNAAA 配列番号:261 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00278 配列: GATCTGAGTC AGTCGGAATT TGTGAAACAG GGTAGCAAAC AAGATATTTT ACTTCCATGT 60 ATACAATAAT TTTTTTAAAN NNTGCAATTT GCGTTGCAGC AATCAGTGTT AAATCATTTG 120

配列番号:262 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00279

AATAATTTAA AAGGN

配列:

GATCTAGTGT AATGGAAGAC CTTTGAGAAC CTGGGTGTAT TAACTTTGTG TATATAGTGT 60
AAATATCCCC ACTGTACTGT TAGAGGCCAA CAATTCTAGT ATGGCTTGTT GGCAAAGAGT 120
GCTACACCGT TTCAATGAAA CAATGTATGT TTGTTTTAAC TGAACTAAAA TAAATACATG 180
CTTAATCCTG AAA 193

CATAAGATTT AACAGCATTT TTTATAATGA ATGTAAACAT TTTAACTTAA TGGTACTTAA 180

配列番号:263

配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00280

配列:

GATCCCTGGG ACCAACCGCA TCCTCAGCTT CTTCCCCGAG AAATGCTGGA GCAGGCTGTT 60
CAGACCGACG TTGCCATCAA AACACATACA CCCAGAAAGA AACAACAGAA ACCAAAACTC 120
ACAAGGCGCA TGATTACTTG TTTTATATTT CATGTTGGGT TTTCCCTCCC ACTATTAAAC 180
AGTCTGTTTC CGTAAA 196

配列番号:264 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00281

配列:

GATCTGTTAA AAAAGAAATC TGTTTCAACA GATGACCGTG TACAATACCG TGTGGTGAAA 60 ATGAATTCAG ACTTATTAAA TGATGAACTT GTTAAATCTN CTCAGTGTCT ATTTATCAGC 120 ACAATACACA CAGGAGANCT GTTGATGGCA TATTGAATAG ATTTNCCTGA ATAANTTGCT 180 CTGGAAACCA AA 192

配列番号:265 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00282

配列:

GATCCTCGTC TTACAGCGAA TGGTTTCAAG ATAAAATTGA TACCAGGAGT TTCAATTACT 60
GAAAATTACT TGGAAATAGA AGGAATGGCT AATTGTNTCC CATTCTATGG AGTAGCAGAT 120
TTAAAAGAAA TNCTTAATGC TATATTAANC AGAAATGCAA AGGNNGTTTA TGANTGTNGA 180
CCTCGCANN 189

配列番号:266 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00283

配列:

GATCTTTTGT ACTTTAGGAC ATTAAATTGT ACAACTTTTG TATATATAAA AGCTTAGGAA 60 CTTTCTGTTT AGCAGGAAGG CAACACATTC CTACACTTTT AATGTATATG TTTGTTATAA 120 TGTCCATGTA AACATGCCCT ATGTTTGTGC CTTTTAATTA GTTTGTCTCA ATAAACAAAA 180 TGTAGAGN 188

配列番号:267 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00284

配列:

配列番号:268 配列の長さ:190 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00285

配列:

GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAAA GCGCCANCGT 60
GCTCCACCCA GAGAAGCACA CTTTGTGAGA ACCAATGGGA AGGAGCCTGA GCTGCTGGAA 120
CCTATTCCCT ATGAATTCAT GGCATAATAG GTGTTAAAAA AAAAANTAAA GGGCCCTCTG 180
GGGCTACAAA 190

配列番号:269 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00286

配列:

GATCAAGATA TTAAAATNTC GGATTTATCT TTCCCCATAT CCAAGTACCA ATNCTGTTGT 60
AAACAACGTG TATAGTGCCT AAAATTGTAT GAAAATCCTT TTAACCATTT TAACCTAGAT 120
GTTTAACAAA TCTAATCTCT TATTCTAATA AATATACTAT GAAATAAAAA AAANNGNTTG 180
AAAGCTAAA

配列番号:270 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00287

配列:

GATCTTGTGT ATTGAGCTTA TTGTTGAAAG GGATTTTTGA AGGACAGAAC AATTACTGCA 60
TGATGAATCT TCCTNTCTCT GCCTTCTGAG CACCGNCTTT AATTTCCATA TCTTCAAGTC 120
TTGAAGAAGT TGATGTTAAT TGAAGAATTC ACTTGTCTGG TTGAAATAAA GCCTGTTTCT 180
GTTGTGAAA

配列番号:271 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00288

配列:

GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTGAGA GTTATAAACT GAGAGTGACG TCACTTCAGC 60
CAGAACATAT TCTCCATACT CTGCATATAA TTTGTGGCTG CAGAATATTG TAATTTGTTG 120
CACACTATGT AACAAAACAA CTGAAGATAT GTTTAATAAA TATTGTACTT ATTGGAAGTA 180
ATATCN 186

配列番号:272 配列の長さ:185 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00289

配列:

GATCTAAAAT GTCAGCATCA TGCAAAGTGC ACGATATATA GTGAATTTNG CTCTAAAAGA 60 GCATGAACAA GTCTTTCTAA TGTTTTGTAC AGTGCCTGGC ACTCTGTGGG TGCTCAATAA 120 ATGGATAGGA GTTTTCATTT GAAGGATATT TGAATTTTTA AAATAAAGTG TTTTATTCCC 180 NTAAA 185

配列番号:273 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00290

配列:

GATCTGGTCA CTGTGGTTCC TGCATGAAGA CAGTGGCTGG CGGTGCCTGG ACGTACAATA 60 CCACTTCCGC TGTCACGGTA AAGTCCGCCA TCAGAAGACT GAAGGAGTTG AAAGACCAGT 120 AGACGCTCCT CTACTCTTG AGACATCACT GGCCTATAAT AAATGGGTTA ATTTATGTAA 180 CAAA 184

配列番号:274 配列の長さ:185 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00291

配列:

GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTAGAG TTATAAATGG AAANATTACA CTATCTGATT 60
AATAGTTTCT TNATACTCTG CATATAATTT NTGGCTGCAG AATATTGTAA TTTGTTGCAC 120
ACTATGTAAC AAAACAACTG AAGATATGTT TAATNNATAT TGTACTTATT GGAAGTAATA 180
TCAAA 185

配列番号:275 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00292 配列: GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCCTGCTG GTAGCTGACC CTCGTCGCTG 60 CGAGTCCAAA AAGTTTGGAG GCCCTGGTGC CCGCGCTCGC TACCAGAAAT CCTACCGATA 120 AGCCCATCGT GACTCAAAAC TCACTTGTAT AATAAACAGT TTTTGAGGGA TTTTAAAGTT 180 188 TCAAGAAA 配列番号:276 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00293 配列: GATCGGGNTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT NGTCATCGTG 60 AAGGCCAAAT NCTTCAGCAG AAGAGCTGAG GAGAAGATTA AGAGTGTTGG GGGGGCCTGT 120 NTCCTGGTGG CTTGAAGCCA CATGGAGGGN GTTTCATTAA ATGCTAACTA CTTTTNCCTA 180 182 AA 配列番号:277 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00294 配列: GATCCAGCCA GAGGATGCCA CGCCAGCCCA GCGCTACCAG GCTGCCCAAG GGGGGCGGGC 60 CTGGGAAGAG CCCTACACGG GGCAGCACCT AGGATGGGGC AGAGACTTGT TGCATCTTTG 120 TCCCCAGCAA AGGCTACATG TTACCTCCTT CAATTGATAA TAAACCTTTC TGAGATGCAG 180 AGGGTCCAGG TCAAA 配列番号:278 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00295 配列: GATCCCATTA ACTCGATGCT GAGTATCTAC ATGGATACAT TAAATATATT TATGCGAGTT 60 GCAACTATGC TGGCAACTGG AGGCAACAGA AAGAAATNAA GTGACTCAGC TTCTGGCTTC 120 TCTGCTACAT CAAATATCTT GTTTAATGGG GCAGATATGC ATTAAATAGT TTGTACAAGC 180 AGCTTTCGTT GAAGTTTAGA AGATAAGAAA CATGTCATCA TATTTAAATG TTCCGGTAAT 240 GTGATGCCTC AGNTCTGCCT TTTTTTCTGG AGAATAAATG CAGTAATCCT CTCCCAAAAA 300

配列番号:279 配列の長さ:183 配列の型:核酸

AAAAAAAAN NNNTNNNTNN NNNTNNN

327

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00296

配列:

GATCCAAATC CTCATCTTAC TTTCCCGACC TTAAGGATGT AGCTGCTGCT TGTCCTGTTC . 60
AAGTTGCTGG AGCAGGGGTC ATGTGAGGCC AGGCCTGTAG CTCCTACCTG GGGCCTATTT 120
CTACTTTCAT TTTGTATTTC TGGTCTGTGA AAATGATTTA ATAAAGGGAA CTGACTTTGG 180
AAA 183

配列番号:280 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00297

配列:

GATCAAAGTG GCTGCAGCAG AGTTAGCTGT CTAGCGCCTA GCAAGGTGCC TTTGTACCTC 60 AGGTGTTTTA GGTGTGAGAT GTTTCAGTGA ACCAAAGTTC TGATACCTTG TTTACATGTT 120 TGTTTTTATG GCATTTCTAT CTATTGTGGC TTTACCAAAA AATAAAATGT CCCTACCAGN 180

配列番号:281 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00298

配列:

GATCACATGA TTTTTGTTCT CAGTTCTATT AATGTTCTTG GATTCTGTTC AATGTTCTGT 60
TCACATTGCA GAAAAAGCAT TTGACAAAAT AATTTCAGTA GCTGCTGAAA AAGCATTTGA 120
TAAAAATTCAG CATACCTTTA TGATACAAAA AACCTTCAAT AAACTGGGTA TATATGNACN 180

配列番号:282 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00299

配列:

GATCTTGAAT TATTTATAAA CTGGAAAGTG GTTTGATTAT TGTGAGTCAA AACTCTAAGT 60 GGTTAAAAAT TAGTATGAAT TTTTTAGCTT CTTAATGAAT ATGGATTTAA AACTCTCCAG 120 TTCTTATTTT ATGAAATGAC TTGCCTTTCT GGTAATACAA TGCTGATTTT TTAGTAAA 178

配列番号:283 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00300

配列:

GATCCCAAAT ATGAAGTCAT CGAAAAACCC CAGGCCTGAA GAAATAAAGT AAAAATNAAT 60

CTGGTAATTT GTCACGGATT AGTTGTACAA CTAGTTAGAA GTTTCAGAAT AAACATGCAT 120 TTCATAACTG TCAAATGTTC TTTTAATTCT GAGTCCAAAT AAATTATTTG GTGATGTTGA 180 AA 182

配列番号:284 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00301

配列:

GATCTCTGAG TGAGAGGGAA ANAGGTCAGA TTTATACAAC TGAGCGCCAG AGGGGAAAAT 60 GCACCTTGTT GGAGTGAGAA ATGTTCTGAA ACTGAATTAC TTCTTGTACA GCTGAGATAG 120 CTTCTTCTGA ACTATTATTA AATAAGTGAA TACAAAGGCC CTATGATGGG AAATCCAGN 179

配列番号:285 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00302

配列

GATCACCTGT TTGAAACCAT CTCCCAAGCC ATGCTGAATG CTGTGGACCG GGATGCAGTN 60
TCAGGCATGG GAGTCATTGT CCACATCATC GAGAAGGACA AAATCACCAC CAGGACACTG 120
AAGGCCCGAA TGGACTAACC CTGTTCCCAG AGNCCACTTT TTTTCTNTT TTTGANATAA 180
AATAGCCTGT CTTTCAANAA A 201

配列番号:286 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00303

配列:

GATCGGAGAT GCTTTGTAAT CTACTGTCCA GCTGGAAACA GCTCATGTTA CGCGGAAAAA 60 ACTACAAGTA ATGTTCAAAT CTATTTTGGG TCATTTTTAT GTACCTTTGG GTTCAGGCAT 120 TATTTGGGGG GTTTTGTTTC CAAAGGAACT AAATAAAGTC ATATTGCTTA TAGAAA 176

配列番号:287 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00304

配列

GATCTTTGCT GGGAAACAGC TGTGAAGATG GACGCACCCT GTCTGACTAC AACATCCAGA 60
AAGAGTCCAC TCTGCACTTG GTCCTGCGCT TGAGGGGGGG TGTCTAAGTT TCCCCTTTTA 120
AGGTTTCAAC AAATTTCATT GCACTTTCCT TTCAATAAAG TTGTTGCATT CCCAAA 176

配列番号:288 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00305

配列:

GATCCGCAAG ACCAAGTACC GCCCCGACCT GCGCATGGCA GCCATCCGCA GGCCAGCNTC 60
ATCCTGCGCA NCAGAAGCCT GTAATNGTGA AGAGGAAGCG GACCCGACCC ACCAAGAGCT 120
CCTGAGCCCC CTGCCCCCAG AGCAATAAAG TCAGCTGGCT TTCTNACCTG AAGAAA 176

配列番号:289 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00306

配列:

GATCTCAAAA CACAGTGAGA GGTCTGAAGG CTGGCTTCTG AAGAATCCCT GATGTCTTAT 60
TGGAACAACC ACTGAGCTAC GGAGAGCTCT GCTGTGATGG GCTAGGCACT TTATATCTGT 120
GTGAATACAG ATTTATAAAA CAGGTTAATA AACTTATCCA AGGTCACATT TCAAA 175

配列番号:290 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00307

配列:

GATCTGAATT CTTTATGTAT ATTTGTAGCT ATATTTCATA CAAAGTGCTT TAAGTGTGGA 60
GAGTCAATTA AACACCTTTA CTCTTAGAAA TACGGATTCG GCAGCCTTCA GTGAATATTG 120
GTTTCTCTTT GGTATGTCAA TAAAAGTTTA TCCGTATGTC AGAAA 165

配列番号:291 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00308

配列:

GATCATTCCT TCTGTAGCTC AGGAGAGCAC CCCTCCACCC CATTTGCTCG CAGTATCCTA 60
GAATCTTTGT GCTCTCGCTG CAGTTCCCTT TGGGTTCCAT GTTTTCCTTG TTCCCTNCCA 120
TGCCTAGCTG GNTTGCAGAG TTAAGTTTAT GATTATGAAA TAAAAAACTA ACTGACAATT 180
NTCAAA 186

配列番号:292 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00309

配列:

GATCTTGTAG AAAATTTTGA TGAGGCATCA AAGAATGAAG CTAACTAAAA GTTTGGTTTT 60
TGGAAGCTGG CATGGACTAG ATTTAACAAA TCAGCTATGT GGTTCCAAAG TTTTACAGAC 120
ATGGAGAACA TCACCTGTTA CTAGTTCAGT AATATAAATA TTTTGTATAT TAATN 175

配列番号: 293 配列の長さ: 406 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00310

配列:

GATCAGATTA CCAGGAACAT CAGGAGTGGA TTCCTGCCCC AACCAAACCG CATTCGTGTG 60
GATTTTTTA TTCAACTTAA TTGGCTATTC CAAAGATTTT TTTTTTCCTA TTTTTGACGA 120
TTGGNGCCCT TAAGATGCAC GATGGAATTG TGTTTTNCGT TTTTNGGTAA AAGGAGCAAA 180
GCGNGGNCCT GGAGATAAAC GCTGGAGCAA TCTCCTTGGA AGGATTCAGC ACGAGTAGAT 240
GGTAAACATT TAAAGGGGAA AGGGGGGTTT GTTTAAAATA GTAAATCAGT AAGTCACTTC 300
TAAATTTAAA GAAACCAAAA TTGGGAGTTG AAGAATAAGT AGGGTTTCCA ATTGGGCTAT 360
TGCCGNTTTN CTTTGNAAAA ATTAAACCAT TNTTTAAAAA CCTAAA 406

配列番号:294 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00311

配列:

GATCCCATAG ACCAGAGCCC ACCTTTINNA TAAACTTAGT AAAGTCTING AGACTAGAAG 60
CAAGATAGTT TGTGACACAT AAGCTTCCCA AAAACTNGAA TAGATTINA CTGAATAGTG 120
GTCTATCTGA TGGTATATGT TTCTTAAAGG TCCAANTGTA ATAAAAAAA TTGAAAAANA 180
GGTCTCAGTG TTTINAATGC ACTNCATATT TGTNTGCN 218

配列番号:295 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00312

配列:

GATCCACCAA GCACGCCTAT NAATACAAAG TAAACTATNA TTTTNATTGT GAAATTTCA 60 TAGATGGAAA ATTGAATATN CTGTCCATTT CATTTTACAA TNATCTTACC ACTTATTTT 120 GTACCATGTA TTTCAATTGC CTGTTTAGTG AAAAATAAAA ATTAAAAAAA CCTAAA 176

配列番号:296 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00313

配列:

GATCCCAGCA AGATAATGTC CTGTCTTCTA AGATGTGCAT CAAGCCTGGT ACATACTGAA 60
AACCCTATAA GGTCCTGGAT AATTTTTGTT TGATTATTCA TTGAAGAAAC ATTTATTTC 120
CAATTGTGTG AAGTTTTTGA CTGTTAATAA AAGAATCTGT CAACCATCTA AA 172

配列番号:297 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00314

配列:

GATCGGTGAC ATCGTCAAGA TGGGCGAGTG CCGGCCTCTG AGCAAGACAG TGCGCTTCAA 60 CGTGCTCAAG GTCACCAAGG CTGCCGGCAC CAAGAAGCAG TTCCAGAAGT TCTGAGGCTG 120 GACATCGGCC CGCTCCCCAC AATGAAATAA AGTTATTTTC TCATTCCCAG AAA 173

配列番号: 298 配列の長さ: 167 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00315

配列:

GATCGTTTCC AGATGAGAAT TCACAAGCGA CTCATTGACT TGCACAGTCC TTCTGAGATN 60
TGTTAAGCAG ATTACTTCCA TCAGTATTGA GCCAGGAGTT GAGGTGGAAG TCACCATTGC 120
AGATGCTTAA GTCAACTATT TTAATAAATT GATGACCAGT TGTTAAA 167

配列番号:299 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00316

配列:

GATCTGGTGG TGGAAGTGGT GGATATGGTA GCAGAAGGTT CTAAAAAACAG CAGAAAAGGG 60 TTGAATGAGA ACCCTACTTG CCTAAATNAG GAATGTCTTT CCTACCATCT AAAATACGAA 120 GGTTTCTGGC TGGGTAAGGT TTGTAGTTGA CAGTAAAACC TGATGACACC N 171

配列番号:300 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00317

配列:

GATCCGAGTG TGATTTGAAT TCTGTGATAT TTTCACACTG GTAAATGTTA CCTCTATTTT 60
ACTTACTGCT ATAAATAGGT TTATATTATT GATTCACTTA CTGACTTTGC ATTTTCGTTT 120
TTAAAAGGAT GTATAAATTT TTACCTGTTT AAATAAAATT TAATTTCAAA TGTAAA 176

配列番号:301 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00320

配列:

GATCTTTGTT TTGTGTTTAA CCATAATGGT TGTGTACTGA ACCACTTCAT ATTTGTAATA

TATAATATAT ATATATNIGN TNCCCTNAAG ACTCAGCCTC CTGGTTTACC CCCCGGCCT 120
GGGCATCTNA CCTCCCCCAC CCCAGTGTGA TTTAACATCC NGGNACTGN

169

配列番号:302 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00322

配列:

GATCTAGCTC TGAATGTATG TTTCCTGACG TTTTACATTT CCACTTTCCT ATTCCATTCA 60
TTAAGCTAGC CAACAATCCA CCATCCTTTA AAGATTGTTC TCATAACTGA ACAAAAACCA 120
CATAATCTAA ATAGAGCAAA GCTACAAGAA ATAAATTTAT TTAAACGCAA GAAA 174

配列番号:303 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00323

配列:

GATCCTAGCA TATGTTAAAA TTCAAATTAA TGTAAAACAG ATTAACAACA ACAAAGAAAC 60
TGTCTATTTG AGTGAAGTCA TGCTTTCTAT TATAATAACT TGGCTTCGGT TATCCATCAA 120
ATGCACACNN ATACTGTTAT CTGATTGTTT ATAATAAAGA ATACTGTACC TNNTAAA 177

配列番号:304 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WWGSCC325

配列:

GATCAGATGG TTTTAGTATT GTGGCAGAAG CGAGAAAACT TTGTTTATTG AAAAAAAAAG 60 AAAAAGAAAG CAAGAAAAAA AGATACTATG GGGTCAAGTG TAACTCCATG GAAATGCCAC 120 GTCTGCTCTT CAGTGAAGAA GCTGGTTTAG AGTCTCACAG AAAACTN 167

配列番号:305 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUNGS00327

配列:

GATCGCTCAC AATNTTTCCT CCAAGAACCG CAAAGCCATC GTGGAAAGAG CTGCCCAACT 60 GGCCATCANA GTCACCAACC CCAATNCCAG GCTGCGCAGT GAAGAAAATA AGTAGGCAGC 120 TCATGTGCAC ATTTTCTGTT TAAATAAATG TAAAAAACTGC CATCTGGAAA 170

配列番号:306 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00328

配列/:

GATCGGGAAT GGTCTGTGT TTATCAGCTG CGACTGGTTC ACTGCGNCTT AGACAAGCCT 60 CATGGGGACT GGGGATTCTG GCCAGTGTAA TTTCTGTCAA CCACGGACGT TTGCCTTCAT 120 GTGTAGAATT TACTGTTGTT ATGCAAATTA TATTTTCAAT TATAAATGAA A 171

配列番号:307 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00329

配列

GATCAGACAG AATAATATT NCTAGTTATT ATGTGTAAGA TGAGTTGCTA TTTTCCTAAT 60 GCTCATTCTG ATACAACTAT TTTCCGTGTC AAATATCTAC TGTGCCCAAA TGTACTCAAT 120 TTAAATCATT ACTCTGTAAA ATAAATAAGC AGATGATTCT TAAA 164

配列番号:308 配列の長さ:261 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00330

配列:

GATCCCCGCC CTGGGGTCTG GTCCTCGCCC ATCCTGCAGG GATTGCCCAC CGTCTTCCAG 60
ACACCCCACC TGAGGGGGGC ACCAGGTTTA GTGCTGCTGC TTTCACTGNT GCACCCGCGC 120
CCTCGGCCGG CCCCCCGAGC AGCCTTTGTA CTCTGCTTGC GGAGGGCTGG GAGACCCTCC 180
AGGACATTCC CACNNTCNCC CATGCTGCCA AGTTNNNNCT ATAGCTACAA ATAAAAAAAA 240
ACCTTGTTTT CAAGAAATAA A 261

配列番号:309 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00331

配列:

GATCGAGTCA AGATGAGTTA GTGGAGCTGG GCTTGGCCAG GGAGTCTGGG GACAAGGAAG 60

CAGATTTTCC TGATTCTGGC TCTAGCTTCC CTGCCAAGAT TTTGGTTTTN ATTTTTTAT 120 TTGAACTTTA GTCGTGTAAT AAACTCACCA GTGGCAAACC AAA 配列番号:310 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00332 配列: GATCATGCTG CTGTGATACT GAGTTTTCTA AACAGCATAA GGAAGACTTG CTCCCCTGTC 60 CTATGAAAGA GTATAGTTTT GGAGGGGAGA AGTGGGACAA AAAAGATGCA GTTTTCCTTT 120 GTATTGGGAA ATGTGAAAAT AAAATTNTCA ACTCTTTCAG TTAAA 配列番号:311 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00333 GATCTCAGTT TCCTGGCTTT TCCTCCCTCA GCCCCTTCTC ACCCCTTTGC TGTCCTGTGT 60 AGTGATTTGG TGAGAAATCG TTGCTGCACC CTTCCCCCAG CACCATTTAT GAGTCTCAAG 120 TTTTATTATT GCAATAAAAG TGCTTTATGC CGGCTTTTCT CAAA 164 配列番号:312 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00334 配列: GATCATTGAA TGTGAGACCC TTCTAACATG ATTTGAGAAG CTGTACAAGT ATAGGCAGAG 60 TTATTTTCCT GTTTACATTT TTTTTTTGTT TTGGGGAAAA AATTGGTAGG TGTCTAATNA 120 CTGTTTACTT CATTGTTATA TTGCAGTAAA AGTTTTAAAN CANCCATTGC ATGTTNGCTT 180 TTGATGTATC CCTTTGNGAA ATTAGCACTT TTGGGGCCAN TGGNGAAATG CAGCATTCAC 240 TCTCCCTGTC TTTTCCCCTT CCCTCAGCAG AAACGTGTTT ATCAGCANGT CGTGAGTCAA 300 ACTGCTGCCT TTTAAAAANC CCACAAANTT GNTNNGN 337 配列番号:313 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00335 配列: GATCCGCCGT CACTGGGGTG GCAATGTCCT GGGTCCTAAG TCTGTGGCTC GTATCGCCAA 60

176

GCTCGAAAAG GCAAAGGCTA AAGAACTTGC CACTAAACTG GGTTAAATGT ACACTGTTGA 120

GTTTTCTGTA CATAAAAATA ATTGAAATAA TACAAATTTT CCTTCAGCCA GTGAAA

配列番号:314 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00336

配列:

GATCACCTCT GAGACCCACC TTGCTCATAA ACAAAATGCC CATGTTGGTC CTCTGCCCTG 60
GACCTGTGAC ATTCTGGACT ATTNNTGTGT TTATTTGTGG CCGAGTGTAA CAACCATATA 120
ATAAATCACC TCTTCCGCTG TTTTAGCTGA AGNATTANGN CATCTTGTCT ATTAAA 176

配列番号:315 配列の長さ:258 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00337

配列:

GATCATATTT AATGAATTAT AGTATAATGC TTGCAGGCCC AGTACAAGCA TATATATNGT 60
GCCTCTTACA GCCTTTGGAA TACATTGTTT CCATTTTTA AATATCTTCT ATATCCNNNT 120
AGTATTCAAA TTATTAATGC TCATGTACCA AGGTNTTGCT ATAAAAGTTT TGTCTGTATG 180
AATAATGTGG CTTTAGTAAA TAATCATTTN TCAACTGTAA ACTNATTCTG AAATAAAGTA 240
AAATNCTAAT TGTTTAAA 258

配列番号:316 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00338

配列:

GATCTTGGAC ACTTACAGAT TGAGCTGTAT GAATTCAGCG GGTCTCACTC CAGAGGGTCA 60
GAACGTTTGC TTTAGTTTTT TCATCTGTTT TGTTCCTTGA GTCAGTGCTG TTGATGATGA 120
GTTGTCTTGA ATAAATNATG TGTTCTTTGC AAA 153

配列番号:317 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00339

配列:

GATCAAAGCT AGAAAATGNA GATTCCTTAG CCTGGATTTC CTTCTAACAT GTTATCAAAT 60 CTGGGTATCT TTCCAGGCTT CCCTGACTTG CTTTAGTTTT TAAGATTTGT GTTTTNCTNT 120 NTCCACAAGG AATAAATGAG AGGGAATCGA CTGTAAA 157

配列番号:318 配列の長さ:161

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00340

配列

GATCTCCTTA TATAGCAGCC AAAATCAATG AAGCTAAAGA TTTACTAGAA GGTCAAGCTA 60
AAAAATGAAG TAAATGTATG ATGAATTTTA AGTTCGTATT AGTTTATGTA TATGAGTACT 120
AAGNNTTTTA TAATAAAATG CCTCAGAGCT ACAATTTTAA A 161

配列番号:319 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00341

配列

GATCTGAAAA CATGTAGAGA AGATGAGTTG AGGACAGCTT TTCTAAGGCA ATGTNATGTC 60
TTTCCTTTCT NATTTCTNTT TCTCTGCGTT GTTAGTTTN AAGAGTGGAG GAGCTAGGGG 120
CTCCAGAAAG AATCTTACAC ATGTTTTGAA GACATTGATG TCATAGGGAG CGGGGAGCTG 180
CATTCCCTTC TGGGCTGTTA CTGCTAAATC TCAGTATGAA CAGACCAGGC GGAAAGCTTG 240
GTGGCCAAGC AGTCTGTGT CTTCCCCGCT GATGGAGAAC GTTGCGTTGT TCACAATAGG 300
GCCTCATGGG TGN 313

配列番号:320 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00342

配列:

GATCTTGTTC ACAAGTAATC TGTTGACAGT GCCAATAAAT NATAAAAAA AAATTAACAT 60 GTCACAATGT AACGGATGAC CATATGCACA ATTCCATGAA TTAAATCTGT TTCCTGTGTT 120 AGTCAGTATT CTTAAATAAA ATTTATAATT GAAACATGAA A 161

配列番号:321 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:PUMGS00343

配列:

GATCTATTGA NAGCCCTCTC TCNCATTCTG TAATGAGTAC AGCAGAGACC TTCCTGCTTT 60
TAACTGGGGA CTCCAGATTT TCCCCAAACT TGCTTCTGTT GAGATTTTTC CCTCACCTTG 120
CCTCTCAGGC ACAATAAATA TAGTTATACC ACTGCCCATC AAA 163

配列番号:322 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00344

配列:

配列番号:323 配列の長さ:255 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00346

配列:

配列番号:324 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00347

配列:

GATCTCTAGT ATAACACTCA GGCTACTGAG GTATTTTAGA GCAACAAGCT GGGTTACTTT 60
CAGAGCAACC AGCTTGACTG GAACTGAGAG TAAATTGGGA ATGTATGACC AATCTTAGAC 120
CCTGAAAAAAT GGCAGAAAAAT ACATGGAAAT TTGN 154

配列番号:325 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00348

配列:

GATCTAGGGA AGACAACGTA GTCACCCTCG GTGCTTCCTC TGTCTCCTCT TTCTCCCTGG 60
CCTGTGGTTG TCCCCCAGCC TCTGCCACCC TCCACCTCCT CGGTCAGCCC CAGCCCCAGG 120
TTGATAAATC TATTGATTGA TTGTGATAGT AAA 153

配列番号:326 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00349

配列:

GATCTCTAAT ATTTTTAAGC CCAAGCCCCT TGGACACTGC AGCTCTTTTC AGTTTTTGCT 60

TATACACAAT TCATTCTTTG CAGCTAAT	TA AGCCGAAGAA	GCCTGGGAAT	CAAGTTTGAA	120
ACAAAGATTA ATAAAGTTCT TTGCCTAG	TAAA A			154
配列番号:327				
配列の長さ:158				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00350		-		
配列:				
GATCAAATTC TAATGGAATT GAGCCGGTT	T CTTATCCTAA	ATGTTTCCTC	CCTTTTTACA	60
ATCTCTGTCC AGCACCTCTT GGTTAAATA				
GCCTATGGAA TAAATTATTT TAAAACCAG				158
f .				
配列番号:328				
配列の長さ:155				٠ : [
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00351				
配列:				
GATCTTAAAG CAGAATGCCN TTTNCTTT	TTTGCTTCAGT	TGTAAAGAAG	AGGGAATACA	60
TGATAAAGTA ACTGGTTTGA TTTCTCGT				
TTTTAGTTGT CTAAATAAAA TGCCTCTAA				155
配列番号:329				
配列の長さ:165				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00352				
配列:				
GATCCAAGAG GAAGAATCCA GCTGCCTA	rg aaaataacaa	ATNAGCAACG	CATCCGGATG	60
ACGGTTCCCT GTCTCTGAAA GACCTTTC	CC TGGAAGAGGA	GTCTGCATTG	TAGTGTCTCA	120
AAGACACAAT AAACTTCCTA TGGTCTGCA	AC TGTTGTGATA	TTAAA		165
配列番号:330				
配列の長さ:149				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状	•	•		
クローン名: HUMGS00353				
配列:			•	
GATCTACTTT GTTTGAGCAA AACAGCAT	TA TTTGTTATGT	TAATNATGGT	TAATTTCCAT	60
TTTATTGGTT TTATGTTTAT TTTAATTT				

配列番号:331 配列の長さ:151

NCTATATTTN CCTATTTNAT GTTGATAAA

149

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00354

配列:

GATCAAAATG CTAAAACATG ATGATTAAGT GCACACCGTG TGCCATAGAA TGGCACATGT 60
CATTGCCCAC TTCTGTGTAG ACATGGTTCT GGTTTAACTA ATATTTGTCT GTGTGCTACT 120
AACAGATTAT AATAAATTGT CATCAGTGAA A 151

配列番号:332 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00355

配列:

GATCTTTGTT CTAGGCAGCT GGGAATAGAC ATGGTACTTA CCTTAGAGTT TTCCAATTTA 60
TCTCAATTTT ATATGGCTTG TGATTCATTT NCTTAATCCA AATATATAA ANCGTGTGTG 120
GTCTNATTCT NCCCCCCGCA ANANNAN 147

配列番号:333 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00356

配列:

GATCCTTACG GAAAAGGAAC AGATTGTNCC TAAACCAGAN GAGGAGGTTG CCCAGANGAA 60 AAAGATATCC CAGANGAAC TGAAGAAACA AAAACTTATG GCACGGGAGT AAATTCAGCA 120 TTAAAATAAA TGTAATTAAA AGGAAAAGAA A 151

配列番号:334 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00357

配列:

GATCTTTGCA GTAATTTCTA GGAGCTGTTT ATGTTTGGAG GTAATTGGTC CTTTGTCCAT 60
ATATATGAGA TGTAAGTNTT ATTTTCCAGT TTATCTTTTT GCTTATTTTT TTTGACTTTT 120
TATTGTAAAA TAAAACATCA AACTGCACAG AACAGTTGAA TAGCTTAATG AATAACTACA 180
GTAAAAGCTA TGGTAACCAC TAAA 204

配列番号:335 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00358

配列:

GATCCAATTA ACATGTGGGG	TTCTTGGTNT	GGGTCTGGGG	AGCTGAAGGA	TTTNATGGAG	60
CTGGTGCTTT GGAGGAATCT	TAAGGGAAAG	NAGTAGAAGC	TCAGGCCTTT	AAAGGATTTC	120
ANCTCCTCCT CTCTGTAATT	NNTNCN				146
配列番号:336					
配列の長さ:146					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HVMGS00359					
配列:	MAGA AG MMGA	O A MO A GOMMA	0000 L 10000		
GATCGCATCT NTTAAACAGG					60
ATTGGTGGTA TTTATGCTGT ATAANCTTTG ANTTTTTCC		CCITIAICIG	ICIGINALIC	TTAATGTTGA	
AIAAMOIIIU ANIIIIIIOC	IIIAAĄ	٠.		•	146
配列番号:337				•	. :
配列の長さ:147					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUNGS00360					
配列:					
GATCAGTGTT GAAGAAAGTG	CAAAAGGAAC	TTTTATATAT	TTAACAGTGT	AGGAAATTGT	60
CTATTCCTGA TATAATTACT					
TGAAATAAAC CCAACTCTTC					147
· .					
配列番号:338					
配列の長さ:147					
配列の型:核酸	•				
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00361					
配列:					
GATCTNGAAA ATNATCATTG					60
AAGCCTCTTA ATTTTATGCT		AGTAATGTAC	CCTTTTTTTC	TGAAACTGAA	
TTAAATACTC ATTTNATCNN	NTGNAAA				147
和別平島, 220					
配列番号:339 配列の長さ:140					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00362	1			•	
シローン石 . Horosousuz 配列:	•				
GATCAGTTTT TTCACCTGGA	AGCATTTGTT	TCTACTTTGA	TATGACTGTT	TTTCGGACAG	60
TTTATTTGTT GAGAGTGTGA					
GTGTATATTT TTCCTATAAA			Jointondi		140
	•	•		•	

配列番号:340

配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00363

配列:

GATCTGAACT TTTCATCTGC AGAGGCAAGA AAAATATTTA ACATTGTGAC TTGACTGTGG 60 AAGATGATGG TTGCATGTTT CTAGTTTGTA TATGTTTCCA TCTTTGTAAT AAGATGATTT 120 AATAAATCTC TTTAAATACT TAAA 144

配列番号:341 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00364

配列:

GATCAAAAGC TTATTCATCT GTTTTNCTTT TTCGTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTCTA 60
AAAAACATAA ATTTCTTTAA TCATTTTGCC TCTTTTCTCT GTGCTTCAAT TAATAAAAAA 120
TGGAAAGAAT CTAATAGAGT GGTACAGCAC TGTTATTTTT CAAAGATGTG TTGCTATCCT 180
GAAAATTCTG TAGGTTCTGT GGAAGTTCCA GTGTTCTCTC TTATTCCACT TCGGTAGAGG 240
ATTTCTAGTT TCTTGTGGGC TAATTAAATA AATCATTAAT ACTCTTCTAA A 291

配列番号:342 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00365

配列:

GATCTTAAAC CTATGATTCA GTAACTTCTT ACCATATAAA AACGATAATT GCTTTATTTG 60 GAAAAGAATT TAGGAATACT AAGGACAATT ATTTTTATAG ACAAAGTAAA AAGACAGATA 120 TTTAAGAGGC ATAACCAAA 139

配列番号:343 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUMGS00366

配列:

GATCCGTGGC AGGGCTGCTG AGGCCTGTGG GTGGGACACC ANNTGCGAAA CCCTCATCCA 60 GTTTTCTCTC CATCTCTTT CTTTGTACAA TCCCATTTCC TATTACCATT CTNTGCAATA 120 AACTCAAATC ACATGTCTGC AAA 143

配列番号:344 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00367 配列: GATCCAGTGA CATTGTGAGT GAAGACGCAA ACAGGTTTTG ACTCCTGCAT GGCCGATGAC 60 CTTTTCTGTA GGCTTACCAG AAAAGTACAT NCAACAGTTC TTTGAGGTTT AACTAGAGCA 120 GCAAATAAAG CAAAAGTTN 配列番号:345 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00368 GATCAAGAAT CTTTTGTGAA ATTATAGAAA TTTACTATGT AAATGCTTGA TGGAATTTTT 60 TCCTGCTAGT GTAGCTTCTG AAAGGTGCTT TCTCCATTTA TTTAAAACTA CCCATGCAAT 120 TAAAAGGTAC AATGCAGAAA 140 配列番号:346 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00369 配列: GATCCAGCTT GCCAGGGACT TAGGTTTATC CTGTTTTGTT TGCTACTGGT TACAAATTCT 60 ATTTTCTGTA CAATTAGTCA GACTAAAGTT TTCACTGTGT TTGTTTGGCA AAACAAATTA 120 AACAAAAGT AAGGTTTTTA AA 142 配列番号:347 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00370 配列: GATCTCCGTN AAACACATTT TINTTCTTAG TCTATCTCTT GTACAAACGA TGTGCTTTGA 60 AGATGTTAGT GTATAACAAT TGATGTTTGT TTTCTNTTTG ATTTTAAACA GAGAAAAAT 120 AAAAGGGGGT AATAGCTCCT TTTTTCTTCT TTCAAA 156 配列番号:348 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00372 配列: GATCTACAAT NGGAGTTGTG AGTNGCAATC TTACATGGCT ACGNCTTTCG TTTGATAGCC 60

135

AGTCATGGTN ACCACATGAG AACCATATGC TGAGATGCAA TAAAGTAAGA GAATGTTTTC 120

TGACAAAAA ATCTN

配列番号:349 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00373

配列:

GATCTTAAGC GTGTCTTGAG TTCCATGCAA ATTCAATTCT GTTGATAATG TGTCCATAAT 60
CAAATCATCA TCTTGCAATG CAAGGGCTAC CCCATAATTA TCAGACATTA AAATAGTTTA 120
TTTCTTTTTC AAA 133

配列番号:350 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:RUMGS00374

配列:

GATCTCGTTC CGCCGGTTCC CCTTGGCCGC CAGTTCCGTT CTCCTCACGG GCCGAACGGA 60
ACAAGGGGTC CAGCTTGCGG GGGACCCTCC CCAGCCCATT CCTGCTGTCA AACAACAAA 120
ACCTTGCAAA GCGCAAA 137

配列番号:351 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00375

配列:

GATCAAGCGT GCTTTCCTTA TCCGAGGAGC AGAAAATCGT TGTGAAGGTG TTGAAGGCAC 60 AAGCACAGAG TCAGAAAGCT AAATAAAAAA ATGAAACTTT TTTGAGTAAT AAAAATGAAA 120 AGACGCTGTA AA 132

配列番号:352 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00376

配列:

GATCAAGTTC CCGCTGCCC ACCGGGTNCT GCGCCGTCAG CACAAGCCAC GNTTCACCAC 60 CAAGAGGCCC AACACCTTCT TCTAGGTGCA GGGCCCTCTT CCGNGTTTTG CCCCAAATAA 120 ACTCANGAAC GNCCCGGTTA AA 142

配列番号:353 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS0037 配列: GATCAAGGAT ATTTGAAATC GGGGGGCACA AAGTTAACAT AATATTGAAA CTCACCAGTA	C ACTACTGTGT I ATTCTTGGTT			
配列番号:354 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0037 配列:				
GATCTCTAAT GAAAAAGGGA ACCAGAGAGC AAACCTCTAT TTTGTTACCT TAAA				
配列番号:355 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0037 配列:	79	·	- .	
GATCAGCTCT GAGGTGCACT GCTGCAGTCT TTAATCATGC AATTTATTAA TN				60 120 132
配列番号:356 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0038 配列:			·	
GATCNGGGCT GGATTGACGG AATGGGGGGT CTGCNGTGGT TTAATAAATT GCCTTCATGT	CGCCNGTCGT			
配列番号:357 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0038 配列:	11			
GATCTAGAAG ATGATGTTCA TTTGCTTGTT TTTTTNAATT				

配列番号:358 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00382

配列:

GATCTTCTAT GTAACAGTTG AAATNTGGAA GTGACGTCAC TTACCTGTCT AACGTGGTGT 60
GGGNGAGAAT TTACAAGTCC TTTATTGNAA GAATAATTGT TGCAAAATAT ATTGCTTCTA 120
CTTTGCCTGG AAA 133

配列番号:359 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00383

配列:

GATCAAGAAT TTGGGTGGGA GAAAAGAAAG TGGGTTATCA AGGGTGATNN GAAATTTTCT 60 GCAGCATTAA AGCTGGCGCT TAATAAGAAT AAGTAATAAT AAAGAAATTT CTAACATTCC 120 ATGTCAGAAA 130

配列番号:360 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00384

配列:

GATCTGAAAC TAATAGTAGG AGTTTCCCCA GAAGTCATTT TCAGCCTTAA TTCTCATCAT 60 GTATAAATTA CCATAAATNA TGCATGTNTG TTTACTTTAG TGACGTTCCA CAGAATAAAA 120 GGAAACAAGT TTGCCATCTT GGTGTTGCAA TATGAAA 157

配列番号:361 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00385

配列:

GATCTGAAAA GGCGTCTNCA CTGCTTTATC TCATGATGCT TGCTTGTAAA ACTTGATTTN 60 AGTTTTTCAT NNCTCAAATA GGAATACTAC CTTTGAATTC AATAAAATTC ACTGCAGGAT 120 AGACCAGTTA AA 132

配列番号:362 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00386

配列:

GATCTGCCAG GNTGGGTGGT TCTACTGCTT TCTCAATTTC TAAGAACCTT TTTTTTTCT 60
NAAAGAGTTC TGCTGAATTA TTTGACAATA TTTGNAAGTA CCATGTTTCC TNGNGGGGTA 120
TGCTCTGTNC TGGTTTCTGT TTTNAAATCA AATGCCTGTT TGGGAGGAGA TGAACGNATT 180
NAGTCTATTA GATTTGN

配列番号:363 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロマン名:HUMGS00387

配列:

GATCACAGTG TCAGAGACGC GTCCTCTTC TTGGGGAAGT TGAGGAGTGC CCTTCAGAGC 60
CAGTAGCAGG CAGGGGTGGG TAGGCACCCT CCTTCCTGTT TTTATCTAAT AAAATGCTAA 120
CCTGCAAA 128

配列番号:364 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00388

配列:

GATCCCAGGA GACACCAGGG CCAGAGTGAC CACAGCAGGG CAGGCATCAT CGTGTGTGT 60
TGTGTGTGGA TGTGTGTGT TGGGTTTTNT AAAGAATTCT TGACCAATAA AAGCAAAAAC 120
TGTCAAA 127

配列番号:365 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00389

那和·

GATCTACAAA TGGGAAGCTT GTGAGTGGCC CATCTTTGTT GGCCTACGAA CTTTGGTTTG 60 ATGCCAGTCA GGTGCCACAT GAGAACCTTT GCTGAGATGC AAATAAAGTA AGAGAATGTT 120 TTCCTGAAA 129

配列番号:366 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00390

配列:

GATCAGCTAT TAAATTTATA TAAAACATAG GCATGTTTGT ACTAATGAAA CGTACTGTCA 60 ACCTCTATCA CATTGTTAAA TTAACACTTT TGGTGGTAAC TCAATAAAAT TGAGAAAATT 120

GGAAA					125
配列番号:367 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00391 配列:					
GATCTTTTTA ATTATAATTT TG GTTCTTTCCT CTTTAGGCGT GG TTAATCATCT TTAATTTGAA AC NATTTCCTGG NAGTNATATC TA TGNAAA	TTGAGAAA TTAAGNAA	AAGCAGAAAC ATGAATTTAT	TTTACATAAA TCTGTNATAT	GCTGTATTTC TTATGTAACT	120 180 240 246
配列番号:368 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00392 配列:					
GATCTAAAAT TTATTGTGGT GA ATTTTACACT TTAAATCAGT GG CAAAAAAATA AA					60 120 132
配列番号:369 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00393 配列:					
GATCTGGTAT TAGGAAATTA CT TTTGCCATGC TTTTCATCAT AT CTAAGTAGAA A					60 120 131
配列番号:370 配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00394 配列:					
GATCTGAAAA AGAACACTGT GC CAGATTGGAA CTATAGAATT TA AAA					60 120 123

配列番号:371

配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00395

配列:

GATCTAAAGA GAAACTGTAG ATTGTTTTCC TGACAGCAAA AGACTAATGT GACAAAATGA 60
AGTCATTGTA AAGAAGCGAT GCAACTTGTC AAATATTTAA TAAAGAATTA TGGAAGCTGG 120
AAA

配列番号:372 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00396

配列:

GATCACAACT GNAAGATAAC AAGAGATTTA AGTTTTAAGG GCATTTAATC AGGAGGAAAG 60 GTTTGGAAAA CTAACTCAGG TGTATTTNTT GTTTAAGCAG AAATAAAGTT TAATTTTNC 120 TTGN

配列番号:373 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00397

配列:

GATCTGTGTT AGAATGAGTG CTTTCCCTTC CTACTGATGT GATTGTGGAT TAGGAATTCG 60
TGACCGAGTG ATTTTTGGCC AGTGGTTGGG TTTAAAATTC TATTAAAATT TGTAGTTTGG 120
GN 122

配列番号:374 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00398

配列:

GATCGCCGCC CTGCTGGCCA CCTGCGNTGG NGCTGGCNCT CGTGGTCGTC GCGCTGAGAA 60
AGTTTTCTCC CTCCTGAAGC GAATAAAGGG GCCGCNGCCG GCCGCGGCGC GACTCGGCAA 120
A 121

配列番号:375 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00399

配列:

GATCAGGCCC GGTGCCTGCA GACCTGGTGC TCCCTCGGGC AGGGCTGGGT GCCGCACCGC 60 CTGCTGGCTT TTCTGGCAGC TCCTCTGTAT CAGAACCAAT AAAGTGCACT TGTTCTCGGN 120

配列番号:376 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00400

配列:

GATCAGGCAG TCCTTNAGGA TAGACAGATA TACACACCAC ACACACACAC CACATACACC 60 ACACACACAC GTCCCCATCC ACTNACCCAC ACACTACACA GNCTGNTNCC TTATAGCTN 119

配列番号:377 配列の長さ:225 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00401

配列:

GATCTNATTT GTAACCCACT GAGAGGACAG AGAGAAATAA GTGCCCTCTC CCACCCTCTN 60 CCTACTGGTC TCTCTATGCC TCTCTACAGT CTCGTCTCTT NTACCCTGGC CCCTCTCCCT 120 TGGGCTGTGA TGAAAAATTG CTGACTGTAG CTTTTGGGAG TTTAGCTCTG AGAACCGTAG 180 ATGGATTNCA GTTCTGGGAA AATAAAACCC GTTGATTACT NNAAA 225

配列番号:378 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00402

配列

GATCTTAATA TATTTGAAAA AAACTTCATT CTCGTGAGTC ATTTAAATGT GTACAATGTA 60 CACACTGGTA CTTAGAGTTT CNGTTTGATT CTTTTTTAAT AAACTACTCT TTGATTTAAA 120 GCAAA 125

配列番号:379 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00403

配列:

GATCTCAGTT CTGCGTTTAT TGTAAGTTGA TAAAAACATC TGGAAGAAAA TAACTAAAAC 60
TGTTTGCATC TTTGTATGTA TTTATTACTT GATGTAATAA AGCTTATTTT CATTAACAAT 120
TTGTATTAAA ATNTGGGTTC CTTGAAA 147

配列番号:380 配列の長さ:116

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00404

配列:

GATCACCTTT TCAGAAATTT AGATGTGAAC ACCAAAAGAA GCATTTTCTC AACAAAAATT 60 AATAGCTGGT TCTATTTTT TTAAACCTAG AAAAAATAAA GTTGATTTTT TTCAAA 116

配列番号:381 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00405

配列:

GATCAATAGG GAGAGAAAAT CCACATTCTT GGGCTGAACG CGGGCCTCTG ACACTGCTTA 60 CACTGCACTC TGACCCTGTA GTACAGCAAT AACCGTCTAA TAAAGAGCCT ACCCCCAAA 119

配列番号:382 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00406

配列:

GATCTTTATT ATGGAAANCA TTTCAAGTTT ACTCCTTCTG TTTTAAGTTT TGTAGCAGTG 60
TACCCACGCT GGGTATTACN NCCNAAATAA TCTGTNAGTG AAAGTTGCCA TTATN 115

配列番号:383 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00407

配列:

GATCGANCTG CGCAANTGNG NAAGCTGCAG AGGACATCGC GTACCANCTC TCACGCTCTC 60
GGAACATCAC CTACCTGCCA GCGGGGCAGT CCGTGCTCCT CCAGCTGCCC CAGTN 115

配列番号:384 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00408

配列:

GATCTCTCAA AAAACAAAGA ATTACATGAG TTAGTACATG AAAAAATTAT GGGAAACTAC 60 ATGAAATATA CTGTTACGTT CAATAAACAT TAGCTTCTGT ATATAATANT AAA 113

配列番号:385 配列の長さ:116

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00409

配列:

GATCTCTTCC CCCAACTTCC TAACACTTAT TAATTTATGA AACTGTTTTT CTCAGCGCAG 60
TTTTGTTTTG TGTGTCCATT GGATTACAAA CTTTATTAAA AAATATAAAA CACAAA 116

配列番号:386 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00410

配列:

GATCTCTCTC TTCTCGCGCG CGCACTCTCT CTTCAACACT CCCCTGCGTA CCCCGGTTCT 60
AGCAAACACC AATTGATTGA CTGAGAATCT GATAAAGCAA CAAAAGATTT GTCCCAAA 118

配列番号:387 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00411

配列:

GATCTATAAA AAGTCAGCAA CTGATGTGTT TGAAAAGCAT CCTTGTCTNT ATATCCTAAT 60
GTTTGGATGT GTCTTTNCTA AAGTCTCACA AAAATTAGTG GTAGCTCACA TGACCAAAAG 120
TGAACTATAT CTNCAAGACA CTGTCTNNGG GGGGCCAGGT CTTTTGTTTT TAGGNCCAGT 180
ACTTNNATAA TTTTNTAGAC GGATATGGTT GTCCTATGGA TGGCAATGGG TGNTTNCTCC 240
ATTTGNN 247

配列番号:388 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00412

配列:

GATCCTAGGA AGAGAGAACA GAGTGGCTCA CAAGCCCCAA CACAGTNAGC AGCAGATGAC 60
AGGCACNCTN AGACCACACT NTAGGCCACC CATGGGNCCA AAAGGGAACA GN 112

配列番号:389 配列の長さ:i11 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00413

配列:

GATCACCACN TAAGTCAGAA AAATGTATTT TTAAATGTTT CTTGAAGTGC CTTTTGAACA 60 TTTTTAAACA GCGGATTTAA ATAATGCATA AANTAAATTG CCATGNTCAA A 111

配列番号:390 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00414

配列:

GATCACCTTA GTTTGATTCT ATTTTTAGC TTGCAAAAAG TGACTTATAT TCCAAAGAAA 60 TTAAAATGTT GAAATCCAAA TCCTAGAAAT AAAATGAGTT AACTTCAAA 109

配列番号:391 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00415

配列:

GATCGTNACG CTCGCATCTA TAGATAACGG CTCTCCAGAC CTGAGCTTTC CGCGTCANAA 60
TGTAGGAATN GTTTTTCCTG CAGAGAATAA AAGGACCACG TGNAATACTT N 111

配列番号:392 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00416

配列:

GATCTTATTG AAGGACATCT TACAGCTTCC CAATGAGAGG CCAGGAAGTG TGAACATACT 60
GATAGAAAAA GACTATATTT TATCCCTCAT AAAATGTTTT AAATGTAAA 109

配列番号:393 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00417

配列:

GATCACTGAG TGTACAGAAG AGAGAAATTC AAACAAAATA TTGCTGTTCT TCAGTTTTGT 60
TTGTGGAATT TAAAATNACT CAAATTTAAA ATAAATNACT GGACTGTGGA AATAAA 116

配列番号:394 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00418

配列:

GATCTCAAGA GTTCACCTGG CTNACAGAAA GAAGATGCCA GATGACACTT AAGACCTACT 60
TGTGATATTT AAATGATGCA ATAAAAGACC TATTGATTTG GACCTTCTTC TTAAA 115

配列番号:395 配列の長さ:114 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00419

配列:

配列番号:396 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00420

配列:

GATCTGAATC TNTGACTTAT TGATTATGGA ACCTGTCAAG TAGTTTTNAA CTCTCCCAGT 60 GAGGATAATT AAACATGCTC AGCCTGAGCC ACCTCTAAGT NTCAAA 106

配列番号:397 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00421

配列:

GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60
TGCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT GAAGAAA 107

配列番号:398 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00422

配列:

GATCCCCTCA AAAGGCAGGA NTGCTGCCCT CTNCCATGGT GCCCGTNCCT CTTTGCTGTN 60 TATGTNAACC ACCCATGTAA GGGAATAAAC CTGGCACTAG GTCTTAAATA AA 112

配列番号:399 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00423

配列:

GATCANCTCT AAGGTGCAAC TNCCTCCACA TACTGTACAT ACCTGTNACC ACTCTTGGAA 60 GTCCTGCAGT CTTTAATCAT NCTGTTTAAN CTGTTGTGGC ACAAN 105 配列番号:400 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00424

配列:

GGCAAATGAC TTGAAGATGC CATTCATACA GCCACTTAAC CTAAAGGGAA AGCTTTGAAG 60
GGCAAATGAC AGAGGGTAAC ATAGGAGGTN GGATNCTNAA TNNN 104

配列番号:401 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00425

配列:

GATCTTTGAT ATATCATAGT CATTAAAAGA CNTTTTCGTA TTTGTATTGA TAATGTATTA 60
AAAGTNGTTT GTNCTTAATA AAAGACTTCT TTAANCATCT NAAA 104

配列番号:402 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00426

配列:

GATCCCCGGC CTCAGTCCCT ACTCTGCTTT GGGATAGTGT GAGCTTCATT TTGTACACGT 60 GTGACTTCGT CCAGTTACAA ACCCAATAAA CTCTGTAGAG TGGAACAAA 109

配列番号:403 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00427

配列:

GATCACCTGC AGCTGGCCAC ACCACAGGCC CCCGNTGCCT GCAGCACTAC TCNGTNCCTN 60 AAACACCTGG CCTGCTAGGA GGCTCCAATA AAGCTAACCC GGACCAGAAA 110

配列番号:404 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00428

配列:

GATCCTCAGA ACTTCTCTGG GACAATTTCA GTTCTAATAA TGTCCTTAAA TTTTATTTCC 60 AGCTCCTGTT CCTTGGAAAA TNTCCATTGT ATGTGCATTT TTTAAATGAT GTCTGTACAT 120

AAAGGCAGTT CTGAAATAAA	GAAAATTTTA	AAATAAA .			157
配列番号:405 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0042	9 .				
配列:					
GATCAGCAAC ATTTGCTGAG ATCAAGAATG GATTTGTAAT				TAATNTNCCT	60 103
配列番号:406 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状					<i>.</i>
クローン名: HUMGS00430	1				
配列 :	J				
GATCTGTAAG CACAGTCTTA	TTTNCTTTTG	TTGTCCAGAA	ΤΑΓΤΤΑΤΑΑΤ	ፕሮ ፕፕሮልርርርፕ	60
CCCAGAAATT GGAAGCTAAA	TAAAGCAACT	CAAGTTTCCT	TTAAA	TOTTUNUCCI	105
配列番号:407 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00431 配列:				·	
GATCAGCATC ATTGGAACAT	GGGGACGAGT	GACGGCAGGA	GGACCACGAG	GAAATACCCT	60
CAAAACTAAC TTGTTTACAA	CAAAATAAAG	TATTCACTAC	CAAA		104
配列番号:408 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00433 配列:					
GATCTATCAC TCTCGTNCTT	GTAGCTCCCA	GCCGAGGACG	TCGGATGTAA	TCGTCCTTNC	60
TGCTTTGCCA CCCCATTCCC	GTCAATAAAG	TGGTTTGAAC	CCAAA		105
配列番号:409 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00434					
阿利 ·					

GATCAAACCT TTCTGGCCTG TTATGATTCT NAACATTTGA CTTGAACCAC AAGTGAATCT 60

TTCTCCTGGT GACTCAAATA AAAGTATAAT TTTNACCTGC GGAAA	105
配列番号:410	
配列の長さ:101	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00435	
配列:	
GATCAACACA AAGCACAATG NATTACNCGN AATTCAGTAT TTTCAAATTT ACATATTT	'AA 60
AGTCATGCAA GCTGTAACTT CCCNGTCAAA ATTACTNGCT N	101
配列番号:411	
配列の長さ:100	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	٠.
クローン名: HUMGS00436	
配列:	
GATCATAAAG NNCTATCAAG GAGTTCTATC AAGGCATCCA TGTCAGTGGT GCTATGCT	GG 60
TTACAACTTG AGATTTTTGA AATAAAAAAT TTGTCATAAA	100
配列番号:412	
配列の長さ:103	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00437	
配列:	
GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGTCTAC CATGATTATN TTTCTAAGG	CT 60
GGTTGGTTAA TAAACAGTAC CTGCTCTCAA ATTGAAAAAG AAA	103
配列番号:413	
配列の長さ:99	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00438	
配列:	
GATCTTGTGC TGTGTCAAAG TAACAGACTA GAACCTTCTT TCAAGTACCT GAATTGAAA	T 60
NAAACTCATT TTGAATAATA AAAACTCTAG AAACTCAAA	99
配列番号:414	
配列の長さ:99	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00439	

配列:

GATCTGTAAT AGCATATTGT AGATGCACTT TGCAGCAGTT GGAAAAGAAA GTGTTGTGTG 60

ATTTGATTGA AATAAAACTA AATGTGTTGT CCTCCTAAA	99
配列番号:415 配列の長さ:96 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00440 配列:	
GATCCCTGTG CCAGGAGCCA ACCTGGTCTT CCCGAGGGTC AGTGCCCCAG TGAAGACAGAAGCGAGAGAA TAAAGTTCCC TGTAGGTCCT CTGTCN	4 60 96
配列番号:416 配列の長さ:97 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00441 配列:	
GATCCTCCCA TCCGTGTTGT GAGCACAGGC ATTTGTGTNT GGNCTGTCCT CCCTGTTGAT TGGTCTGGCA TTTCCGGTAT TAAAATGATA ANATAAA	60 97
配列番号:417 配列の長さ:93 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00442 配列: GATCCTGCAT ATCTCAAGGA CCCTAAAGTT TGTAACATCA GATATCGGGA ATAAATTCTA	60 93
配列番号:418 配列の長さ:97 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00443 配列:	
GATCTGTATT TTGCAAATAT TTTCTTCAAT ATGTGGCTTG TCTTTTGGTT CTCTTAACAA GGTCTCTTCC AGAGTATAAN CTGTAAATAT TAAGAAA	60 97
配列番号:419 配列の長さ:98 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00444	
記列: ATCTGGACA GAATCGCCGG ACAGGTGGCA GCTGCAACAA GAAGCATTAG AACAAACCAT	60

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00450

GCTGGGTTAA TAAATTGCCT CATTCGTAAT CCTGGAAA	98
配列番号:420	
配列の長さ:100	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00445	
配列:	
GATCTATTCT GAGTATTTTT TAGAGAGTTA ATATTTATAT TTTTAGTAAT TTTCTGGTAG	60
AAGGAAATTG CACAATAAAA TNATTTGGTT TGGTTTGAAA	60 100
配列番号:421	
配列の長さ:93	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00446	
配列:	
GATCGTTGGC ACCATAGCCT TATGGCCAAC AGGTGGTNTG TGGTGAAAGG GGCGTGGAGT	60
TTCAATATCA ATAAACCACC TGATATCAAT AAA	93
配列番号:422	
配列の長さ:94	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00447	
配列:	
GATCTGTGTT TNCCCTGACG AATGGAATTT ATCCTCACAA ATTGGTGTTC TAAATGTNTT	60
AAGAACCTAA TTAAATAGCT GACTACAAAA CAAA	94
配列番号:423	
配列の長さ:206	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00448	
配列:	
GATCCCAAAC CTTACGGCCA AGTTTCTTCT AGTATGATGG AAAGTTTCTT TTTTCTTTGC	60
CTGAATAAA ACTGAACTGT GGGTTCTCTA TAAGTGGCAT TTTGGGCTTT CCCTCTTTTT 1	20
GTAAAGCAA TGTCTGCCTA GTTTATTGTC CAGTTAACTT TAGTGACCTT TTAAAAGTTG 1	80
CATTGTAAA TAAAACAACT TGCAAA 2	06
尼列番号:424	
記列の長さ:481	

配列:
GATCTCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCTGTCTCA ACAACAACAA 60 CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTTGCTCTT TCAAGTTCTA TCACTTTTTG 120
CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTTGCTTTTCC CAAGTCTTTGC 180
TTTGCAAAGT TCAAAGCTGT ATTGTTTGGT ACATATACAT GTAGGTTTGC CAAGTCTTTG 180
TGGTGAATTG ACTCTTCTGT CATTATGTGA TGTCATTTTT TTGCCTTTTA ATAGTCTTGT 240
CAATACTTTA CCTGATGTTC TCATAGTGAC TCCTGCATAT TTTGATTAAT GTTTGCATGG 300
TTAATATTC TTCATTTTAT TTTAAAGCTT ACCTGTATCA TTACTTATGA AGTCAGTTTC 360
TTTGAACAGC ATATACTCAG GCCATGCTTT TTTTNATTCA TTCCTGCATA TGGCTCTCCT 420
TAAATTGGGA ATGGTGGAAA ATGGNTTTAC CATTAANAAT AAATTAATTG GTATTTTTAA 480
A 401
配列番号:425
配列の長さ:87
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00451
配列: GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAAG CACTGCTTCT NTATGTCTCT TGTGGTATTG 60
GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAA CACTGGTTGT ATMITTGTGT
GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA
配列番号:426
配列の長さ:93
配列の型:核酸
に列の至・核散 トポロジー:直鎖状
ケホロシー、直頭状 クローン名:HUNGS00453
のローン名:NONGSOU-100 配列:
GATCATACTT GAAAGTGAAC TTTAACATTG AAAAATCGTA CAGTCATTTC AAGAATAAGA 60
AAATAAAATT TTCTCTTTGT CTGAACCTGC AAA 93
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
配列番号:427
配列の長さ:85
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS00454
का हो .
CANCECATE GETERCADAC CATGITITIG TACAGAACTG ATGGTTGAAT CITTGTTUIC 60
TTGAAATAAA CAGAAGAAAA TGAAA
·
配列番号: 428
配列の長さ:87
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00455
配列: GATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTTTCTG AGCTGATTTT TCCATCTTTT GTAATTATCT 60
CATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTITUTU AGCTUATITI TOORTOTTIT GTHATTATA

TTATTAAAAA ATTGTACTTG GATTAAA	87
TTATTAAAAA RIIGIACIIG GAILAAA	
配列番号:429	
配列の長さ:91	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HTMGS00456	
配列:	60
GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAAATCC TGTCTTNTTC ANAAATTGAC AATGTAAATA	91
AATTNAAATA TGGTTCACTG TTACTCTTAA A	01
配列番号:430	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	•
クローン名:HUMGS00457	
配列:	60
GATCTGAGAA ACAGGTGTGA CAAGAGCATG AACCANAGGT GCACCTGGGG CAGTTCCCTA	60 84
ATAAAACTGG TTTGTACAGT CAAA	04
配列番号:431	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00458	
ari au	
GATCATGAGA GTGCCTGTCC CTTGTGAGCA CTATGAAAGT GTTAGCTGTT CTTTACCAGA	A 60
ATAAATGCAT TTCTATATCT TCN	83.
配列番号:432	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS00459	
配列:	A 60
GATCACCGAC TGAAAATATT GTTTTACAAT AGTTCTGTGG GGCTGTTTTT TTGTTATNA	LA 60
ACAAATAATT TAGATGGTGG TAAA	04
配列番号:433	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00460	
का क्रा	10 00
BLOG .	AU DU

CCTTCTTGT TTGAGGGAGN	80
error #1 P . 494	
配列番号:434	
配列の長さ:86	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00461	
配列: GATCTATGCT TGTTTGTTTT TGTAATCCAT ATCATAGTTG CTTTCTTTAA TTGTTCCTTC	6 0
TGAATAAACA GTTTATTTAA GATAAA	86
TGAATAAACA GITTATTIAA GATAAA	
配列番号:435	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	•
クローン名: HUMGS00462	
あ 」 5	
GATCCAGTCA CTGACTCTGT CTGGTGTTGA CAGAGGATTT ATTTAAGCTA TTATTTTAAT	60
AAAGNACTTT GTACATTTTT AAA	83
配列番号: 436	
配列の長さ:85	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00463	
配列:	
GATCTACATA CAAACAAATG CAACCAACTA TCCAAGTCGT TATACCAACG TAAAACCCCC	: 60 85
AATAAACCGT TGAACATGTG ACAAA	60
配列番号:437	
配列の長さ:86	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00464	
配列:	N 60
GATCTGCTTT TACTTTGTAA TTTGTAGTTC TCAAAAGACT TTTTTTTAAA AAAATAAAG	86
CCATACTTAC ACTTAGGCTT TATAAA	00
配列番号:438	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00465	
अस्य होते ।	m
GATCATTCTG AGTGTGCGAG TGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCANCTGC CATGTTAA	TA 60

AAATATTCAA TTTGAAATCC AAA	83
配列番号:439 配列の長さ:78 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUMGSOO466 配列: GATCCAAACT GTCTTTTTT TGTATCTGTT ATTTAAAGCC CAGTGGATAT TTCAATNAAA	60
AAAAAAATCT AAAGATGN	78
配列番号:440 配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00467	;
配列: GATCTGACCA CCTCTGCCCT GTCCACCAGG ATAAGTGACA CCTAGGACCC AGGAAATAAA TGCCGATGAT TTGTGTGAAA	60 80
配列番号:441 配列の長さ:73 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO468 配列: GATCTTACAG GGAĠAGAGAT TGGGTGCAAT TTGCCTCTTT CTTTGAATAA AAAGCTCTT GCTCACCCTC AAA	T 60 73
配列番号:442 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00469 配列: GATCAAAAGT CTACATAACT AATACTCACA GCTGAGCTAT GTAGTATGCT ATGATTAAA TTACTTATGT AACTTTATT GTCTTTGGCA TTAACAGTGT TTCAAAAAAAT TTCCTGTG TACCCATCAG TGATTCATTC CCAAATCTNC TAGAAGCATA AGTGTCTCAA TATATTAA CATATTGAAT AATCAAA	TU ICO
配列番号:443 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00470	

記列: ATCCAGGCG CCACGCTGGC GGTTCGTGAG TGTCGAGGCA CCACTAAATA TAGCTGTCTG	60 75
CCGTCCACTC ATAAA	10
記列番号:444 -	
記列番う・ 1111 記列の長さ:74	
記列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
アルロシー・	
配列:	
GATCANATTO TAAGCTTTTC TOTTTNATTT CTTTTAAGAA CCTTTGAATA AAAAACATCT	60
GAAATTTTAA NAAA	74
WWWIIIIM WALL	
配列番号:445	-
配列の長さ:73	•
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00473	
配列:	60
GATCTCTTTG TAGCCATCCT GTTAAATTTG TAAACAATCT AATTAAATGG CATCAGCACT	60
TTAACCAATG AAA	73
配列番号:446	
配列の長さ:71	
配列の型:核酸	
トポロシー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00474	
配列: GATCATGTCT GAATTATGTA TGAAAATTAT TCTATGTTTT TATAATAAAA ATAATATATC	60
	71
AGACATCGAA A	
配列番号:447	
配列の長さ:69	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クコーン名: HTMGSC0475	
ਲਾ ਨੀ .	
GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TCTTGGATAC TAATAAAATG ATAAGCATT	C 60
TGGTTCTCN	69
配列番号:448	
配列の長さ:68	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	

クローン名:HUMGS00477

紀列: GATCGTAATG TAAAATTCTT TTACCATGTA CAAGAATTAT TAAAATACAG GTACTTGACC ACATTCTN	60 68
配列番号:449 配列の長さ:72 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00478	
配列: GATCGGGCCC CGGGGGCCTG AGCCTGGGAC CCCACCCNGT GTTAATGAAA AATGAGTTTT GGCAGCGCCA AA	60 72
配列番号:450 配列の長さ:64 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00479 配列: GATCCTTTTG TAATGACTTA CACTGGAAAT GCGAACATTT GCAGTAAAAA AATATATATA	. 60 64
配列番号: 451 配列の長さ: 66 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS00480 配列: GATCATGCAT TTAGATTTAT ATTTTTNCCA NAAAATACAA GGTTATAATA AAACTAAGA	N 60 66
配列番号:452 配列の長さ:70 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO481 配列: GATCTCTATT GTAATCTCTA TTGGAGATTA CAATGATTAA ATCAATAAAT AACTGAAA TGAANATAAA	CT 60 70
配列番号:453 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	

ARCACRAR TTTCCATCAG TAAAATGAAT IIIIIIAAAA CCAAIAAAIC HICIDIIIIII	60 65
配列番号:454 配列の長さ:63 配列の型・核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00483 配列: GATCACAGTT GCGTCATTGT GTATTAAATA CTTGGAATAA ATCAAGCAGG TCTCAACGCC	60 63
配列番号:455 配列の長さ:68 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO484 配列: GATCATTAAT TGTAAAGCGC TTTGTAAAAT TCACATTTAC AAAATAATAA AGTCAGTTCA	60 68
配列番号:456 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00485 配列: GATCTGTGTC TGAGTCATCT TTGTATCTTG CCTAGCACCT ATCAATAAAT ACTTCTTGAA	60 63
配列番号:457 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOC486 配列: GATCATGGGA ATATGCAGAA TTTCCAATGT ATTTTAAAT ACAAATAAAA TTGTAATTTA	A 60 62
配列番号:458 配列の長さ:62 配列の型:核酸	

クローン名:HUNGS00487

GATCTAACAC TAACIGIAII GIIIIGIICA CAICAAATAA ACATOTIOTA TAATAATAA	60 62
配列番号:459 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00488	
配列: GATCTCGGCT CACTGCAATC TCTGCCTCCC GGGTTTCAAG CTTGTCCAGG NNNATCTCAA A	60 61
配列番号:460 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00489 配列:	60
GATCAACCTG AGTTTTAAAA TACCTTTAAT AAATATNAGT NGAAAAAATG TCTACTTNAA	61
配列番号:461 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00491 配列: GATCAAACAC CCCACCCTCA CAAAAATGGC CACGTTGCAA TAAAAATTGT GGCATATTAC	60 61
配列番号:462 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: TJKGS00493 配列: GATCTTTATT TTCCCTTTGT ATTCATTTTA AGCATCTAAA TAAATTGCTG TATTGTGCTT AATGTAAATA TTTGCTTTAT TACAAA	60 86
配列番号: 463 配列の長さ: 66 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状	

CATCTCTACT ACTGTGATT TTGCCCTCGG AGCAACIGA AIAAAGCAAC	60 66
配列番号:464 配列の長さ:70 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00495 配列: GATCAAACTA GAACTCATAT GCCATACTAG ATATGGTTGT CAATAAACTT ATGACGTGAA	60 70
配列番号:465 配列の長さ:57 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00496 配列: GATCCAAAAA GTGCGCGATG CGAGTAGTCA AGTCGTACTC CGCCATCTTG CCAAAGN	57
配列番号:466 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00497 配列: GATCTAAAGC TCTTTCGATT TTATACTGAT TAAATCAGTA CTGCAGTATT TGATTAACCA	60 65
配列番号:467 配列の長さ:55 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO498 配列: GATCTAAGGC AAGAGTTTCA GATTTACTGT TGGAAATAGA CCCAACTCTT CATGN	55
配列番号:468 配列の長さ:56 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0500 配列: GATCATAAAT ATTAATGGNG AAAACACTGT AGTAATAAAT TTCNATATGC CAGAAA	56

配列番号:469 配列の長さ:52 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00503

配列:

GATCTGTTCA GTGTCACTCT GTACCCTCAA CATATATCCC TTGTGCGATA AA

52

配列番号:470 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00504

配列:

GATCCCCGGT NGGTTTTGTG CTCAAAATAA AAAGCCTCAG TGACCCATGA GAAA

54

配列番号: 471 配列の長さ:57 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00505

配列:

GATCATCCGG TTATAGAGCA TAATTTGCCA ATAAAGCTTT TGGAAGCGGG AAAGAAA 57

配列番号:472 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00506

GATCCAGTGT TGGNATTCTT TGGTGTAAAT AAACGTTTGG TTTTATTTAT NCAGGTTAAA 60

配列番号: 473 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00507

配列:

51 GATCTCATTT ATTGCCACAG ATGCACAAAA TAAATAACCC AAAATCACAA A

配列番号:474 配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00510

GATCATATAT TTTGACAAAA TATATTTATA ACTACGTATT AAAAGAAAAA AATAAAATG GTCATTATTT TAAAGGTAAA	A 60 80
配列番号:475 配列の長さ:77 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00511 配列:	3T 60
GATCCAAAAC TITAATGTTG CACNTGTATT CCAAATAAAG GGTAAAAACA GAACCAAAC TATAACTCCA ACACAAA	77
配列番号:476 配列の長さ:669 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00532	
配列: GATCAAAAAG AAGGCTTAGA ATTCTGCAGT TAAGCTGAGG TTTAAACTAA AAANTGTT	TC 60
CTTGGGTCAG TGGTTTTNAG GTCCAGTAGC TAGGCTTTTT TCTTTTGTCC TTCCTGTT	GG 120
AATGAAAACA TTTCGATTTT CCTTCATCTG TGACTGGTGC CATAGACACA GGTTTATA	GT 180
TTTAACTTAC AGTATTGTTT GAAATTTACC TGTTTTTNTT GTCAAACCTG AGCACTCC	TC 240
CTGCTGAAGT TTCTTATTTA ATTCCAGAGT ACTGTCCTCT ACTCTAAGGC ATTACTT	TA 300
AGTGTATTAT GAAGGCAGTT TTCAAAGGAT ATGACCAGTT GGGGGTAATT CAAATTAA	LAA 360
AGGAAAAGAT TTGTTTGGGA AGTAACTGGG TGTCTCTAAG AGGGAATTTT TAGGATGT	CC 420
AGTTTGGGAG GCTCTTTCCC CCCTCAAATT GAGANGCTCC TTGGTTAATT CAGAGCTC	CC 480
ANGACTAGGC CCTGGGCTAA CCAANCATTN GGGNGGCCAA AGGTTAGGGA ACCATTNO	1N1 040
ACCAAGCTTT TGNANCAGGG GGNTTTNTNC CATTTGGGTA ATAGGGCCCT TTTCANG	707 SEN
TTANGGGTAN GCTTTTTTAN CCCNGAAACC NTTNNTNNNT TTGNAATTAA ACCGGAAC	669
TTTGNCAAA	003
配列番号: 477	
配列の長さ:651	
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	
トホロシー: 直頭45 クローン名: HUMGS00533	
配列: GATCAACCTG GAGCTCTACG CCTCCTACGT TTACCTGTCC ATGTCTTACT ACTTTNA	CCG 60
CGATGATGTG GCTTTNAAGA ACTTTGCCAA ATACTTTCTT CACCAATCTC ATGAGGA	GAG 120
CCAACATGCT GAGAAACTGA TGAAGCTGCA GAACCAACGA GGTGGCCGAA TCTTCCT	TCA 180
GGATATCAAG AAACCAGACT GTGATGACTG GGAGAGCGGG CTGAATGCAA TGGAGTG	TGC 240
ATTACATTE GAAAAAATG TGAATCAGTC ACTACTGGAA CTGCACAAAC TGGCCAC	TGA 300
CAAAAATGAC CNCCATTTGT GTGACTTCAT TGAGACACAT TACCTGAATG AGCAGGT	1GAA 360
VANDO	

AGCCATCAAA GAATTGGGTG ACCACGTGAC CAACTTGCGC AAGATGGGAG CGCCCGANTC 420
TGGCTTNGGC GGAATATCTC TTTGACAAGC ACACCNTGGG AGACAGTGNT AATGGAAGCT 480
TAAGCCTTGG GGNTAATTTN CCCCCATANGC NGTTGGGTTG ACTTCNCTGG TCANCAGGGC 540
AGTTCANTGA ATGTTNGGGG TTNCCTTTAC CTTTNCNTTA GGTNGTCCNA AACAATCCNT 600
NAAAGTCTTT GNTTTGNACC NTTCCGNNAA TAANGGATTN GGGCCCNGAA A 651

配列番号:478 配列の長さ:617 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00534

配列:

GATCAAGAAA GTGGGGGGAA AAAAAACAAA CGTTAAAACC TCAATCCTCA GTAGGAAGGT 60
AGATTACATT AGGTGAAATT ATAGGTAATC TATGTATGTN CTAATGGGT TGGAAAGAAC 120.
CTTACAGAGC ATATTACCTG ATAAACTGGA GTGGGTTTGG GAGAACAAAC TAATAGGATT 180
ATNGTNTCTC CTAGTTGGTA CCTGGGAGCA ATTGACATGC CCCCTTCAGA ACCTTAACTG 240
TTAGTAGCAG TGGCTGTAAC AACACAAACC AGTGACCAGA GATAACAGCT TTTNGGCCAA 300
GCTGGCCTGA CGGTATGGCT GCAGGANGTG ACTGAGCAGT AGCGGTACTC AGCCAGACCA 360
AGACGGAGAG GGGAGAGTCC ACACCTTTCT GGAGCCAAG CATTCTGGTG GTAGAAAAGT 420
GTGCCCNAAG CCTTCATNGG CGGGTTATAN GGTCTNAAGA TAAGTCTCCT CTTGTNTGGG 480
ATNCCATACT NTGCTAAATA ACCNNGGTAT TANCCGGGTT TTCCNTGTAA CNGCCTCTNG 540
GGAGGAANTG ACTNNGNAAG NTGGCACAGG TNTTTAAGCN TNAATGGAAA GGGNNAAATC 600
CTNCTCAAAN TAGAACN

配列番号:479 配列の長さ:569 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00535

配列:

GATCTGTCAG CTGCTTAATT AATTGAAACT TCTCTGTCAT TGATGTTGCA TTTCCAAGGA 60
GATAATCTCC TTCTTGGTGC CTAATTTTCT AGATGATAAT AGGCTAGTTT TGATTTCTTG 120
CTCATTTTCA GAATAACTTT CCAGGAAGAG ATGGCATTTA GAACTTCAGC TTTGGTGCTC 180
AGGTATAAAG CCAATTAAGG TACAATTGTA CCATAAAGGG AACAATCTGT TTCTGATTGC 240
ACAGTTTCTA ATTTTTAAAA CTGNNGTGGT TTGCATTTCA TAAAAGGCAA AGTTTACAGA 300
NCCATAAACA TTCTCAATTT TCTTTATGCT AGACATATAA ATTTATTTTT CCAAACTGTA 360
ATAGGATTTG GGGTAAAAAG NTTGTCTCAG GTNCCTCTNC CCANTTTGCC AATGGGGNAA 420
AAAAAAAGGCT TAATTTTTTA CCATNNTACT TNAAATTTTC TAAAACCCNT GGTAACCCCC 480
CATTGGNACC CCNATTTTC CANCTTTAAG GGTCTNGCAT NGGCNGGCTT TTTNAATTNN 540
CCCTGGGGGGG GTTTTNCCTG GGAGGGCCN 569

配列番号:480 配列の長さ:556 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00536 配列: GATCCTGAGC NTGGTGCTGT GCTGTGGCAT CCGGGAACAGC TCCGTGTACT GAGGCCCCGC 60 AGCTCTGGCC ACAGGGACCT CTGCAGTGCC CCCTAAGTGA CCCGGACACT TCCGAGGGGG 120 CCATCACCGC CTGTNTATAT AACGTTTCCG GTATTACTCT GCTACACGTA GCCTTTTTAC 180 TTTTGGGGTT TTGTTTTTGT TCTGAACTTT CCTGTTACCT TTTCAGGGCT GACGTCACAT 240 GTACGTCCC TGTATGAGTG GAGACGGGCC TGGGTCTTGG GGACTNGAGG GCAAGGGGTC 300 CTTCTGCCCT GGGGTCCCAG GGTGCTCTGC CTGCTCAGCC AGGCCTNTCC TGGGAGCCAA 360 TNGNCCAAGA GACTCAGCTT GGNCAAANTT GGGGGGGNTN TGTNCAACCA NGCCCGCNNN 420 TCCTNTTNGG GTTGAAAAGT TTAACCTTGT TTCCCTTTCT NGCCCCGGTT TTGGAGAACC 480 CGANTTTTTT GGGGNAATTT TTTGCTTTNA ATNAACTTNT NCCTTTTTTA AAAANGTGGG 540 556 TTTAAAACTN TNAATN 配列番号:481 配列の長さ:551 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列:
GATCTACTGT CTTTGTTCAA AGGTCAAATA AAAACCTAGT CTCCTTTAT TCTACTTTCT 60
ATTCTTAGCT AGAATGAAAC TCAGCATATA TACACTTCTG GACATAATAA TATTGAATAG 120
TAATTACCTT TACTAGATGA AAGAAATTTT CATTACAAAC TTAAATCATG TAAAACTCAA 180
CAACTCAGAT TCCTGGACCT GGTGTCCTGG NTGGGTCCAA GGTGATTTTA CAGAAGNAAA 240
AANCAACTNA AGCATTCTGG TGGCAACATA GAGATTGTAG GCTGCTTCTA AGGAAGTNAT 300
TAACAATTNG GAAATTCCNA AGTAGGATGA GAGTTAGTAA CTGGATACGA GTGAAGTTTA 360
TATCCAAGTT CAGNCTCAAA GGCATNATTA TGATTNGCTT CTTCCCATGT CTNCCATGGN 420
CCTGCTTCTC AAAGTTTTTC TNATCNATCA CACTGCTGCC TAACTGCTCT GAGNATGCAT 480
GNGGTNTTCA ATTCAGCGTN NTNTNAATCN GGNNTANCTN TGGATTGGGA TGGGGATACG 540

配列番号:482 配列の長さ:520 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00538

GACNTTAAGG N

クローン名: HUMGS00537

配列:

GATCTTAATT TTGAAATTGA CATGAAAGTG TCATATCAGT AATCTGTGAA CCACCAGTCC 60
TTGGTACCTA TCAGAGGGTC AAAAATCACG ATTAAATATA ACCAAAAAAC TTTATAGTGA 120
CTGATTCAAA TTTGAATACT GGTTTTAGCT AATGTAGTAG TAATGAACTG GTTTGGGGGT 180
AAGATTTTCC TGGTATCTTA TTGCTGTAGA AATTTTCCTT TAACAGTTAC AGTGTTTCT 240
TCCAAATCCT TCACTTCTCT GTCCTGGCTT GTAAAGAAAA CATCTGAGGA CTGAGGGGTC 300
ATATTTGAAT TGCTCTNTAT AATACCATAG ACTACTCATT GCTTAGACTN TACTAAGCTA 360
GAAATCACAA GAGCATAAGC NACTCTNAAA ATTNATATNA TGNGAATGTA AAAGGTACCT 420
GNCTGCAAAT ATCTNGANCN TCACTTTGGC TCAAGTNTCN NGTTAACCTG TNNNNTAATA 480
CNGNNATGTG AATTNGGCCA CCAGGTCCAT GNTTGGCAAA 520

配列番号:483 配列の長さ:517 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00539

配列:

GATCATGCTT TTNGTGCCTG TCACCAGGTC TCCCAAGTGC ACTCATCCAG GTCAGTGCTC 60 AGATGTGTTT AAGGAGACCC TATATTCAGG GAAGTTGCGT GAACACTGCA GTGGGGAGAA 120 TTGAGAATAG TCAGGCCTAT CAGTCTCACA GAATCACCCC TCTACCTTTG ATATTCCACT 180 TGATTTAAAA CAAACCAAAA AAAAAGAAAA AAACAAAAAA AAAAATCCNT CCTTTCTNGC 300 TGACCAAAAN TGTGCAGTTA ATNCTGGGNG CTTGAAANTG CAGTGGTGAA TNTGGACCAA 360 GCCTGTCTGT ATATCTGGTA GCTCTTTTCT GGCTTNGTTT TTNCTTACCA GTATTCNGGC 420 CTAACGTTTT GCTTCGGGNN TGGTAATATN NCCTNGNAAG NACANCNGTG GGTTGTGGAA 480 517 ATGGGTTNGG CAAAANGGAA NTTCCNGGGG TNTTGGN

配列番号:484 配列の長さ:515 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00540

GATCTTCTGG CTCTACCACC ACAAGATATT ATCCTTGCAT CTNATGTGTT CTTTGAACCA 60 GAAGATTTTA AAGACATTTT GGCTACAATA TATTTNTTAA TGCACAAGAA TCCCAAGGTC 120 CAATTGTGGT CTACTTATCA AGTTAGGAGT GCTGACTGGT CACTTGAAGC TTTACTCTAC 180 AAATGGGATA TGAAATGTGT CCACANNGNT CTTGAGTCTT TTGATGCAGA CAAAGAAGAT 240 ATAGCAGAAT CTACCNTTCC AGGAAGACAT ACAGTTGAAA TGCTGGTCAT TTCCTTTGCA 300 AAGNACAGTC TCTGAATNAT ACCNACAACC NGTNCTGGGA CAGTATCAAT ACTGATGAGC 360 AACCNGGCAC ACAAACTATG AGCAGACCAC TTCAGCTTGA GGAATGCAGT GGGTCTGAGG 420 ATGGTCAAGT CTGTTTGCCT TAGATTTTGN TGTCACTTGG CCACACTTGA AANCTNNTTT 480 GGAACAAAN TTTAAATTCG GGTTTCCAAG GTAAA

配列番号:485 配列の長さ:510 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00541

配列:

GATCTGCAGC TCTCAGAGGA CGACTGAGGC AGCCCATCTG GGGGGCCTGT AGGGGCTGCC 60 GGGCTGGTGG CCAGTNTTTC CACCTCCCTG GCAGTCAGGC CTAGAGGCTG GCGTCTGTGC 120 AGTTGGGGGA GGCAGTAGAC ACGGGACAGG CTTTATNATT TATTTTTNAG CATGAAAGAC 180 CAAACGTATC GAGAGCTGGG CTGGGCTGGG CTGGTGTGGC TGCTGAAGCC CCACAGCTGT 240 GGGCTGCTGA AGTCAGCTCC GCGGGGGAGC TGCCCTGACG TCAGCAGACC GAGACCAGTC 300 CCAGTTCCAG GGGGAGGCCT GCAGGCNCTG GCCCTTCCAC CACCTNTGCC CTNCGTCTGC 360 AGANCTTGGT NCATCTGCAC CAGGCTCTGC TTNACTCNNN NANAGTNTTT GGAAATTTGT 420
TCTNNTCCTN TGAAAGTCAC ATTTGNTTNT AAAAATTTTG TGGNTTGAAT CGGAAACGGG 480
AAGNAATAAA GCGGTGGGNG GNAGGGCAAA 510

配列番号:486 配列の長さ:507 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00542

配列:

GATCCTTACA TCTGCCCATT CTGTGGTTAG TCAATGGCTT GCAATAAATG TGCAAACTGC 60
ATCTATAGGA AACATTTTG TGATTACGGA ATACTTTAGT TGATTGCTGA AAATATTGAA 120
AGGTCTTCAT TTTACAGTGA TGAGTACATA TGCATGTTTC GGGGACTTGG CCCTTCTGAT 180
GAGGGGCCCT CGGTACTCTG GATAACGAAG CTTGTGCAGA GTGGTAACCA TGCTTACACA 240
CTAAACTATA ATATAAAGGA AATGAAGCCA TGTTAATCTG AGAGCAGTGT CGCCATAGTT 360
GTGTTGTTTA CAATACTCTA TAAATGGGGT TCCTGTTGCC CTGTAATTAA CCTGCTGCCC 360
GTAGAGGCCT TTCCAGTTCC TTTCTGTCC TTNCCCCTTT CTTAACACAA GCTCAAATTT 420
TCCTAACTNG GTTTTNNATT TGGAGGNCTT TTAAAANGGN CCATTTTCAA TACCATNAAA 480
ANTAACCAGG GCTTTATAAT ANTTAAA

配列番号:487 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00543

配列:

GATCCACTAC CGGAAGAAGA AACAGCTCAT NAGGCTACGG AAACAGGCCG AGAAGAACGT 60 NGAGAAGAAA ATTGACAAAT ACACAGAGGT CCTCAAGACC CACGGACTCC TGGTCTTAGC 120 CCAATAAAGA CTGTTAATTC CTCAAAAAAA NGAAA 155

配列番号:488 配列の長さ:499 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00544

配列:

GATCTTAAAA ACTAACTTCT AAGATGATTT CATCTTCTCA TAGTATAGAG TTTACTTTGT 60
ACACGTTTGA AACCAACTAC TGTAGAAGAT GAGGAATCTA TTGTAATTTT TTGCTTTATT 120
TTCATCTGCC AGTGGACTTA TTTGAAAATTT TCACTTTAGT CAAAATNATTT TTNGTATTAG 180
TTTTTGATGC AGACATAAAA ATAGCAATCA TTTTAAATNG TCAAAATTTC CAGATTACTG 240
GTAAAAATTA TTTGAAAACA AACTTATGGG TAATAAAGGC TAGTCAGAAC CNTATACCAT 300
AAAGTGTAGT TACCATACAG ATTAATATGT AGCAAAANTG TATGCTTGAT ATTNCTCACC 360
NGTGNTAATG TTNCTGCNGT ATTCCAGCNG ACCAAACCAA TATTAAGNAT GCATCTGTAT 420
AAAATGGGNG CCCTNTGGN AATGGGAATN ATTNGGGTAA TNGGCCTNTA CCNGGNTGGT 480
NATAATGGNG CCCTNTGGN

配列番号:489 配列の長さ:516 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00545

配列:

GATCTACCCC GGACACGGGA GGCGCTACGC CAGGNCCGAC GGGAAGGTTT TCCAGTTTCT 60
TAATGCGAAA TGCGAGTCGG CTTTCCTTTC CAAGAGGAAT CCTCGGCAGA TAAACTGGAC 120
TGTCCTCTAC AGAAGGAAGC ACAAAAAGGG ACAGTCGGAA GAAATTCAAA AGAAAAGAAC 180
CCGCCGAGCA GTCAAATTCC AGAGGGCCAT TACTGGTGCA TCTTTTGCTG ATATAATGGC 240
CAAGAGGAAT CAGAAACCTG AAGTTAGAAA GGCTCAACGA GAACAAGCTA TCAGGGCTGC 300
TAAGGNAGCA AAANAGGGCT AAGCAAGCAT CTAAAAAGGNC TTGCAAATGG CTGCTTGCTA 360
AGGCACCTTC AAAGGGCAGC ACCTTAGGCN AAAAGGATTT GTNTAAGCCN TGTTGAAAAG 420
TTTCCAGCTT CCCCGTNTTT TGGTTGGGAA NNGGNTAAAC CTTGGCAGGG TTTTGNTTTT 480
TTTAATTAAN AGGTTTGGGG TTTTAANCTN TTTAAAA

配列番号:490 配列の長さ:497 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00546

配列:

GATCAAGCTG ACAGACCCNN CTCTGCTCTG ACCTGGAGGT CTCCACTCTG GTCAGCAAGT 60
ATCCAGACAT CAGGGATGAC CACATCGGTG CGCTNCTGGC TGTGCGTGGG GACGCCAGCC 120
GTGACATGAA GCAGACCATC ATGGAGACCC TGGAGCAGGG CCCAGCACAG GCCAGCCCCA 180
GCTACGTGCC CCTCTTCAAG GACATTGTGG TGCCCAGCTG AACGTGGCCA AGCTGCTCAA 240
GTAGCCTCCG CGGNCTGCCT GCTCGCCCTC CACAGCTNGG TCCTGCTTTA GAACGCGGGC 300
AGTNATTGTC TCTTGGCACA CGTGTCCTTT TAGTGACGGC TGTNTTTAGG TGCANTGTNA 360
TGACNGGGTG TCCGTCGAGT GANGTCNGAG GGCACGTGCG GAGGCNGTAN TTTGCTGTAA 420
AGGCTGTGGG TTCAGNGTTT NCNGACAGCG TTNNTTGGGT GTTGTTNTTC AGNGGTGAAG 480
TGTTNGGGAA AGNGNCN 497

配列番号:491 配列の長さ:494 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00547

配列:

GATCCAAGAA ACAATTTCTG ATAATTGTGT GGTGATTTTN TCAAAAACAT CCTGTTCTTA 60 CTGTACAATG GCAAAAAAGC TTTTCCATGA CATGAATGTT AACTATAAAG TGGTGGAACT 120 GGACCTGCTT GAATATGGAA ACCAGTTCCA AGATGCTCTT TACAAAATGA CTGGTGAAAG 180 ANCTGTTCCA AGANTATTTG TCAATGGTAC TTTTATTGGA GGTGCAACTG ACACTCATAG 240 GCTTCACAAA GAAGGAAAAT TGCTCCCACT AGTTCATCAG TGTTATTTAA NNNNAAGTAA 300 GAGGAAAGAA TTTCAGTGAT GTTTATACTA ATAAGTTTGC TAGTACAGTG TCAGTTATTT 360 AAAGTGGTAA TGCCCGNTAA TGTCTTTTAA ATGTTTTGAG GGATGTTTTA AAATACATGC 420
NATTGTCTTC ACGGAGGAGG GNTGTAAAAA TTANTGGGCC AATAAATTGC GGGTGGGAAN 480
CCNTNTTCTT NAAA 494

配列番号:492 配列の長さ:489 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00548

配列:

GATCTTGACG AGGCTGCGGT GTCTGCTGCT ATTCTCCGAG CTTCGCAATG CCGCCTAAGG 60
ACGACAAGAA GAAGAAGAC GCTGGAAAGT CGGCCAAGAA AGACAAAGAC CCAGTGAACA 120
AATCCGGGGG CAAGGCCAAA AAGAAGAAGT GGTCCAAAGG CAAAGTTCGG GACAAGCTCA 180
ATAACTTAGT CTTGTTTGAC AANGNTACCT ATGATAAACT CTTTAAGGAA GTTNCCAACT 240
ATANACTTAT AACCNNAGCT GTGGTCTCTG AGAGACTGAA GATTCGAGGC TCCCTGGCCA 300
GGGCAGCCNT TCAGGAGCTC CTTANGTAAA GGNCTTATCA AACTGGTTTC AAAGCACTGA 360
GCTCANGTAA TTTACACCAG AANTACCANG GGTNGAGATG CTCCAGCTTG CTTGTGAAGA 420
TGCATGATTA GGTCCACCAG CTGTACATTT GGAAGAANTA NANCTTNTGT TAAATCAATG 480
GNGTNNAAA 489

配列番号:493 配列の長さ:487 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00549

配列:

GATCCTCTGN CACGGGATAA ATTTNCAGGN GAAGAGTGAG GTTGTCATGG CCTCAGCTAT 60
GCTTCCNGGC TCTCCCTCAA GAGTGCAACC TTGGCTAGAG AACTCACAGC TCTGGGAAAA 120
AGAGGAGCAG ACAGGGTTCC CTGGGCCCAG TCTCAGCCCA GCCACTGATG CTGGATGACC 180
TTGGCCTGAC CCTGGTCTGG TCTCANAATC ACTTTTCCCA TCTGTAAAAT TGAGATGAAT 240
TTTNGTGTTG AAAGTNCTTC CNNGAGCAGA TGTCCTAGAA GGTTTTAGGA ATAGTGACAG 300
AGTCAGGNCA CCCNAAGGGC CATGGGGAGC CAGCTGACCT GCTTNGCCGA AGGATTTCTG 360
ACAGACTATC TTTGGGGATG TTTTCAAAGA AGGGATATAG GTTATTGACN TNNGGGCATT 420
TAAAGNAAAT TNTNTCTCGG GGATTAANTT TTTAGGANAA TNAAAGCTTT NGTGTCTANN 480
GGCAAGN 487

配列番号:494 配列の長さ:481 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00551

配列:

GATCCCCAGC TGCCACTGAA TCTGGCTGCC CTTCAGGCCC ACCTGGCCCA GGAGAACCGT 60 GTGGTGGCCT TCTTCAGCCT GGCTCTACTG CTTGCCCCAC TGGTGGAGAC GCTTATTCTA 120 CTGGACCGGC TGCTGTACCT TCAGGAACAG GGTTTCCATG CTGAGCTCCT GCCCATCTTC 180

AGTCCTGAAC TCTCTCCCAG AAACCTGGTT CTGGTGGCCA CCAAGATGCC CCTGGGTCAG 240
GCTCTTTNTG TTCTGGAGAC TGAAGACAGC TGATGCAGCC TGAGGAGACA TCTCAGACCC 300
CATCATCTGA AAGTGNCCAG AGAGCACAGT GGCAGAGTAC ATCTNATCCA GAGAAACAGC 360
ATCCTGCATC CTCCAGAGTC CTGGTTCCTT CAAGTTTCAT CNCTTTTNTC TCCTTTCCAT 420
GGGNTTATGT AAATACAATT GTAAAGTTTT AATTAAATTA AAAAATTGGG TTATCTGGAA 480
A

配列番号:495 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00552

配列:

GATCTAAGCT CCAGGCACGC CTGAAGATGT GTTGCTACTC TNACATCCCG AGTTTCTGTC 60
CACACATTGC ATGCACAGCG CCCCACACAT TGGATACTGT TGTTCACGAT AATTTCTCCC 120
GTTTTCCAGA GCATTTAACA TAGCTTGGAG GCGTAAAATG GCTCTGTATT TTAATAACAC 180
AGAAACATTT GAGCATTGTA TTTCTCGCAT CCCTTCTCGT GAGCNCTTAG ACCTTTTNCT 240
ATTTTAGTCG GATTTTGTTT TGGAATTTTG CTTTNGTATG AACACTCAGC AGAAAAGTAC 300
TTACTTCTNG CCAGTTATCT ATTAACCAAA ACCNTTGATT TGTAGTTTTA AAGNTTAACC 360
GNCAAAGTTC TNTNCATAAC TGCCTTGGCC AGTNNGGGGT NGTNCCGGTN CTGGTTAATN 420
GCCTGTGGCN TTTTNGGTGG TTTGTGNTTG GTNTTTACNT GNGCANTTAA GN 472

配列番号: 496 配列の長さ: 461 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00553

配列

GATCAACCAA TTTTNCTAAA AGTTCAGTCG AAAGCTTTTA AGTATAGCTT CCTCCCTTGA 60
AAAAAAATGT AAACTATGAC TGCTGAGTGA TAAAACACTG TGGTGTGAAA GTNTCATCTT 120
CACTGCCAAT CAGGCAAAGA CCGGAAAGAT TTGCATTTTA TTATGTCTGT CTTATCATGC 180
AATGGAAATN ATGCTTTTNG TAAGTATGCA TCTTACCAAT GATGTAACGG TTTAATACCN 240
TTGAATGTTT TAATAACCAA GTNGCTGCTG AACTTATACT AAATCAGGGG CCAAAAAACT 300
NGCTCTNATC NNCTCAAATN GTATNCNATA TCCATTAATG TATCAGTTAT NCCAAAGCCT 360
TCAGGTGGAG GGGTTTACCA CCNTCCTAGG TCGTTCAACC AGGTTTTGTG AGGAATGCAT 420
TCAAAGTGGC TNTATAAAAG ANGATTTTCT TTAGCATGAA A 461

配列番号:497 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00554

配列

GATCCCAAAA TTCCACTTTT CAACACAGAT GTGGACAACC TAGAAGGGAA GACACCACCA 60 GTTTTTNCTT CTAAAGGCAA ATACAGGGCT CTGAAAATGG ATTTTCCTCT ACCCCCTTCT 120

ACTTACGNCA CCATGGCCAT TCGAGAAGTG CTAAAAATGG ATACCAGTAT CAAGAACCAG 180
ACGCAGCTGA ATACAACCTG GCTTCGCTGA GCAGTACCTT GTCCACAGAT TAGAAAACGT 240
ACACAAGTGT TTGCTTCCTG GCTCCCTGTG CATTTTTGTN TTAGTTCAGA CTCATATATG 300
GATTTCAAAT CTTTGTAATA AAAATTATTT GTATTTTAA GTNTTTATTA GCTTAAAGAA 360
ATAATTNGCA ATATTNGTAC ATGTACACAA AATNCNGGAG GTTCTTANTT TTAGCTCAGG 420
NTATAAAATNA GTCAAATNCN NNGGTNNNGG NTNNGNTGN 459

配列番号:498 配列の長さ:481 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00555

配列:

GATCCAGCAG AGAAGGATGA AAAGGGCATG CCTGTGACAG CTCGTGTGGT GTTTGTTTTT 60
GGTCCTGATA AGAAGCTGAA GCTGTCTATC CTCTACCCAG CTACCACTGG CAGGAACTTT 120
GATGAGATTC TCAGGGTAGT CATCTCTCT CAGCTGACAG CAGAAAAAAG GGTTGCCACC 180
CCAGTTGATT GGAAGGATGG GGATAGTGTG ATGGTCCTTC CAACCATCCC TGAAGAAGAA 240
GCCAAAAAAC TTTTCCCGAA AGGAGTCTTC ACCAAAGAGC TCCCATCTGG CAAGAAATAC 300
CTCCGCTACA CACCCCAGCC TTAAGTCTCT TGGAGAAGCT GGTGCTGTNA GCCAGAGGAT 360
GTCAGCTGCC AATTGTGTTT TCCTGCAGCA ATTCCATAAA CACATCCTGG GTGTCATCAC 420
AGCCAAGTTT TTTANGGTTN CTATACCAAT GGGTTTATTT AAATGAAAAT GGGCACTTAA 480
A

配列番号:499 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00556

配列:

GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT GGCTGGAATA 60
AAGGTACAGA TAGAGGCCTC ACCCCCTCTG GGACCACTGG CACTCAGGGT GTTTGCAGCC 120
TCAGAGCCCA CCTGCCCCCA GGGCCACAGC TGCATCTCCT GCCCTGCTGT CATTACAGGG 180
ATGGGCAGGC TGGCATGGGG GCACCCGCTG CCCCTGCCTG GNTGTTGCTG TGTATTCCTG 240
CCGGCCAGGG GCACTGCCAG GACCACGCCT CCNTTTTNAT ATCCNGATTC TTAAGTTCTG 300
CTATTGTGGT ATTCTGGTGG AGAAAAAAGA CCGNGTGGCT GTTTTTGAAC TGCCTGGAAC 360
CTAAGACCCT GAATTCTTT CCCCCCAAGG GAAAATCTAT ATGGAAACAT TTATTTAAAT 420
ACAGGATGAA GTAATTAAAA GNTTTAATTC AAA

配列番号:500 配列の長さ:446 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00557

配列

GATCAAAGTT GGCAAGGTGC GGACTCGAGA CATGGGCGGC TACAGACCAC AACCGACTTC 60

ATCAAGTCTG TCATCGGTCA CCTGCAGACT AAAGGGAGCT AGAGCCCTTT ATTTCTCCA 120
ACCTTGCAAG GACCACACTN CCCATACCNT TCAGTGCAGT GTACCAGGGA AGAGCCTTGT 180
GCCTCTAAGC AGTGGACCAT GGTCACCTTG CTGGGTAGAG CCTAGGTTGT CCTTGGGCCG 240
GCTTCCTTAG GGGACAGACT NTTGGGTGGT GATGGGGATT GTAGGATGGA GCCAGGCACA 300
TGGATGATGA TGATTCTCCC NCACAGGTTC GAACCTCTGA CATGGGTGGC TATGCTACTN 360
GCNATGCTTA NTGAGGNTGT CATTGCTGCT TTNCCNAACC ATAGGCCTGT CATACNNTGT 420
AAGGNGTCAA TAAGGACATG ACCAAA 446

配列番号:501 配列の長さ:434 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00558

配列:

GATCCAATTC AGGTTAGGCT TGTTTGATTT TTTTTTCAG AAAATGTATT CCATAAAGTT 60
TGTACTTAGA CCAGACGGGT GTACTAAGAA TCATTCATGA GTAAATGTGT GTTGAATATC 120
TACCCTTGAC CTTTTTTTGA GAAATAGAGT AAACACAGTC CCTGTAGTCT GACAGCTAAT 180
GGGGAGAGAG GGTAGACTTT TCATCGAATT AAATTTCTAC ATGCACCTTT CCCCCAGAAA 240
TCTTACTCAT GGCTGGTCTC AAGTAAGTCT TTATTGAAAA ATATNGACAT ATCTNCTTCC 300
TCTTCCTTCT CCTCACTGTC TTCCTTTTAG TAGTTAGGCA GAGTTAATAG GTAAGAAAAA 360
TTATCTGCAT TTATGTGTAG TTTGTAATCT ACTAAAGGGG TTCTAGAATA AATGTNGNCA 420
TNTNGTAACN GAAA 434

配列番号:502 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00560

配列:

GATCAAACAG GTTCAAAGTA AAACGTTAAA TTTCACATTT NTTTTAAAGA ACTCTTAAAG 60
TGTAACAGTT ACGCCATACT TCATAAGTGG TAAAGAAAGG TATAAAATTT GGAAACATTT 120
TGTTGGGCAT AGTAGTGATT GGGTGAAAAG GATAAATTAT ATCAAAATGA GAATGTNCTG 180
TAATTGGAAG TAGGGAGCTA AAGGATGTTT CTTTCAGTTT AGTAGAACTG GAACGTTTTA 240
CTATTAAACA TGGCTTTTAT AAATNCATGG TCCAATAATT TTATTCACTG TTAGTATTTA 300
ATTCACTGTC AGCTTATTAA TGTTTTCTGT ACCCATTAAT GAATTTTAAA TTACAAAAAA 360
TTGTCTAGCA GCTTCCAGTT TAANAAATGG AACCTAGGCC ATTAAAATTA AATTTGGTAA 420
ATTTTTTAAA

配列番号:503 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00561

配列:

GATCCTAAAT GTGTTGCTGA AATCAGGCAG CCCGAGCCTC TGGTCTCTCC AGAGAGCCCG 60

TNTTCACATT TGTNTATTCC TCAGCACTCA CCCGAAACTG AACAGATGGG GAGTGGTCTT 120
GATTGTCAAG ATAAAACTGG TGAAGAAAGC TAAATGCTGA GAAACTGAGC ATCTATTGTG 180
GTGTTTAAGC TTAGCTGGGT CCTTTCTAGT TTGTTTTTAC AGCTTACTAG GTGAAGTAGT 240
TTGCACTATT TTNGCAATAA ATTCATGGAA AACCTAACAG TTACTNGTNT NGTTTCTNAC 300
TGTGTGTATA TAANCTAATA CTAAAANGTNT GGCATAGTGT TTNTGCACCT NCNTACATAA 360
CCNCTAACAT GCACAGAATG CTGGTAAATN TGATAAANTA TGANGTGANT GATGATNNGA 420
TANAGTGN 428

配列番号:504 配列の長さ:422 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00562

配列:

GATCCTCACC CTCCTGAGGC CCAGTGGGGA AGAATGAACA TGGCTTCATC CAGGTTAACT 60
NATGCTGCCA TTTGCCCAGC CTCTTCCATC CCAGCCCTGT CAGTNAGCCC AGGTCTGGTG 120
CAACTNCTGC AGGATGCCTG TAGTAGGGAA CTCTGGAAGT GTATTGGGCT GAGGTGGGAT 180
TTTCCCTCCC CACAGTGCAC TGAGCAATGG AGGGTGGTGA GGGAGCCATG CTGCTGAATT 240
CTGGTTGGCA TTTCCCCATT ATGTAAAATG GGGTGTTGGG TAGGGCAGAC TCTGCTTGGG 300
TTTGGTTGTA AGATAAACCT GGAGGAGAAG CACAGTTGTC CCATTGAATT ATTTGAGCAA 360
AAACTACTGT AAATAACTTT TTTGGGCTNT TGTCAAATAA AATTTTTTT TGTTTNTTTA 420
AA

配列番号:505 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00564

配列:

GATCTGATTC AGAAGGGCGT CATCCAACAC AAAGAGAAAT GCAACCAATG AAGAATCAAG 60
CCACTGAGGC AGGGCAGAGG GACCTTTGAT AGGCTACGAT ACTATTTTCC TGTGCATCAC 120
ACTTAACTCA TCTAACTNNT TCCCCGGACA CCCTCCACCT CTAGTTGTTA CTAAGTAGCT 180
GCAGTAGGCA TTGCTGGGGA AGAAACAAAC ACACACCAAA CAGTACTGCT ACTTAGTTTC 240
TAAGGCTGCA CAGGGAAGGG AAAGACTGGG CTTTGGACAA TCTAGAGGTA ATTTATATCC 300
GCCCCCAGGT GGAGCAACAT GCGATTNTGG AGGCACGGGG GTAACTGAAA GTGAGTACAT 360
ATAGTNTTTC TGGTTTCTGG GGATAACCCA TCAATAAAAG CTGCTTCCTC TNGTAAA 417

配列番号:506 配列の長さ:421 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00565

配列:

GATCTTCTTT ATAATTCTAC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TNAGCAGGTT 60 GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT GGGGAGCAGA GAATTCTCTT 120

ATCCAACATC AACATCTTGG TCAGATTTGA ACTCTTCAAT CTCTTGCACT CAAAGCTTGT 180 TAAGATAGTT AAGCGTGCAT AAGTTAACTT CCAATTTACA TACTCTGCTT AGAATTTGGG 240 GGAAAATTTA GAAATATAAT TGACAGGATT ATTGGAAATT TGTTATAATG AATGAAACAT 300 TTTGTCATAT AAGATTCNNT ATTTACTTCT TATACATTTG ATAAAGTAAG GCATGGTTGT 360 GGGTAAANCT GGGTTTATTT TTNGTTCCAC AAGTTAAATA AAATCCATAA AACCTTGGAA 420

配列番号:507 配列の長さ:413 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00567

配列:

GATCCCANAC TGGTCNTTGA ACAGACAGAA GGANGTAAAG GNTGGAAACT ACAGCCAGGT 60 GTGTACTGAA ATNAGGGCAG GATTAGAGGA AGGGTGGAGG GTCCTAACAG AATTGGGCAT 120 AGGAGGTCAG GGGATAAAAC ATCCCTTGCC CCCTCCTCTG AATCCAGGNC CTAGCCAATG 180 GNCTGGACAA CAAGCTCCGT GAAGACCTGG AGCGACTNAA GAAGATTCGG GCCCATAGAG 240 GGCTGCGTCA CTTCTGGGGG TGAGTGGGGG GTCTCATCTC CCTGCCTACC TCGACTCAGC 300 ATTCCTCCTA CTCGNTCTTC TTNTTTTCCC AACCTTTTTG TTTCTTGCTT GTNCATGACC 360 TNGTGACTTN TTCNTNTTTT TACCNTGCAN GCCTTTNGTN GTCCTAGGGN CAN

配列番号:508 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00568

配列:

GATCTNAGGG TGAACCACTT CATTCTGCAG GGTTCTCCCT CCCACCTTAA AGAAGTTCCC 60 CTTATGTGGG TTGCCTGGTG AATGGCCTTC CTTCCCGCCA NAGGGCTTGT AAACAGACCG 120 GAGAGGACAG TGGATTGTTT ATACTCCAGT GTACATAGTG TAATGTAGCG TGTTTACATG 180 TGTAGCCTAT GTTGTGGTCC ATCAGCCCCT CACATTCCTA GGGGTTTNAG ATGCTGTAGG 240 TGGTATGTGA CACCAAAGCC ACCTCTGTNA TTTGTNGTGA TGTCTTTNCT TGGCAAAAGC 300 CTTGTGTATA TTTGTATATT ACACATTTGT ACAGAATTTN GGAAGATTTT CNAGTCTAGT 360 TGCCAAATCT GGCTCCTTTA CCAAAAGGAN ATTACCCTTG NGGNAAA

配列番号:509 配列の長さ:402 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00569

GATCAAACAG TTTCTGGAGT GTGCCCAGAA CCAGGGTGAC ATCAAGCTCT GTGAGGGTTT 60 CAATGAGGTG CTGCANCAGT GCCGACTTGC AAACGGATTG GCCTAATGAA GAAGTTCAAC 120 CTGGAGAGAT GGAAAATCAG CTCTCATAAC TANGTTAATT TAGTATAAAA NTAGAATTGA 180 TAGTGAGGGT ATAAAGTGTA ACCATCAGTT AAACCTCTCC TGTCATTCCT GGCTTCCTTG 240

CTTCAGANTT GAAATGGAAG TGGGGGTGTC CCTACTCTGT AGAATCTGGG NCTGGGCAAA 300
TGTTTGTTTG GCCTCCTTAA ACTAGCTGTT ATGTTATGAT TTTTNTTCTT TGTGAGTTAA 360
TTAGGAATAA AGTCATTTTC TTTCCAAGGG TATGGTTCCA AA 402

配列番号:510 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00571

配列

GATCATGAGA AGGAATGGAA ACTAGGCCGG TGCATTTTAC GGTTCCCTGA GATTCTGCAA 60
AAGATTTTAG ATGACTTATT TCTCCACACT CTCTGTGATT ATATATATGA GCTGGCAACT 120
GCTTTCACAG AGTTCTATGA TAGCTGCTAC TGTGTGGAGA AAGATAGACA GACTGGAAAA 180
ATATTGAAGG TGAACATGTG GCGTATNCTG CTATGTGAAG NAGTAGCTGC TGTCATGGCC 240
AAGGGGTTTG ATATCCTGGG AATAAAACCT GTCCAAAGNA TGTAATCCTT CATAGGTTTG 300
ACACTGTGTG TTTTACCCAA GTGGCCATTG GNACTGTTTG CTTTTTTACA ATCATGTGGG 360
CACAAGCNTA AGAAAGGAAA TTNGCAACCA GGGAAA 396

配列番号:511 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00572

配列:

GATCCAATCA GATGCAGAGA ATGTGGATAC AGAATAATGT ACAAGAAAAG GACTAAAAGA 60
TTGGNCGTTT TTNATGCTCG ATGAATGCTG GGAATTCAGA GGAATGTNTT CACTTATACT 120
TGGATTTGCT CTCTTCCCAT TTCTGATTGT NGTATAGCTT TCGATTTTNC TTACAGTAGT 180
TCCCCCTTAT CTNCGGGAGA TACATTCCAA GGCCCCCAGT GAACTCCTGA AACCTCAAAC 240
AGTACCAAAC CTTTATACAC TGTTTTTTCC ATATATATAT ACCTATGATA AAGTATAATG 300
TATANNTTAA GCATAGCAAG AGATAATAAT AATGTNATAG NCCATTGNTA CNANCTATAN 360
TAANNGGTTA TGTGANTGTG AAAA 384

配列番号:512 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00573

配列:

GATCAGAGCA AAACATGCAG AGCCCTTAGC AGAAACCCAC TTTAATGCAT TTTCTTCATA 60
TCCCTAAAGT TCCTTAAAAA TATGTGACAA TGCATCAGGA AGAGGAGAAC TGAAGAGTAG 120
AAGTTCCCTT GCAGATTTTT TTATCAGTGA CATGTAATGA GCAATTCACA GATGAGCGCA 180
GGCAGAGCTC TGTGTGCCGT GTACATATGG ACCGTGCTAT GATGTGTCTC ACATTGGATG 240
ATATTCCACT TTGGGAATTT TAGTATTTGT ATATAGAAAA TGGGTTTAAT AACTCACCAT 300
GGTTTTNATT NGTCTTATAT TCGTTATTTC TTAAAACTCT NGTATGTGTT TTATAAATAA 360
ANAATAAAAG TAAGCCATGG AAA 383

配列番号:513 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00574

配列:

配列番号:514 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00575

配列:

GATCCCCCTG GAAGAGGGAC TCCAATGGGC ATGCCCCCTC CGGGAATGCG GCCTCCTCCC 60
CCTGGNATGC NAGGCNTTCT TTNACCCTTG GCCACAGAGT ATGGAAGTAG CTCCGCAGAG 120
GCGTGGGCTC GATTCCTCAG GGCCACGTTA CCACAGACCT GTTTGTTTCT NATGCTGTTG 180
TTCGTGGAGT CTCATGGGAT TGTNTGGTTT CCNTTACAGG GCCCNCTCCC CNGGGAATGC 240
GCCCACCAAG GCCNTAGACT CATCTTGGCC NTCCTCAGCT CCCTGCCTGT TTCCGGTAAG 300
GCTGTACATA GTNCTTTTAT CTNCTTGTGG CCTATGAAAC TGGTTTATAA TAAACTNTTA 360
AGAGAACATT ATAATTGCAA A 381

配列番号:515 配列の長さ:377 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00576

配列:

GATCTGCGTE GGGCTGGTGG TGGTTGGTGT CCTGCTCATC ATCCTGATTG TNCTGCTGGT 60
CGTCTTTCTC CCTCAGAGCA GTGACAGCAG TAGTGCCCCA CGGACCCAGG ATGCAGGCAT 120
TGCCTCAGGG CCTGGGAACT GACCCAGCTG GTCCTGAAGG AGAAGCCAAA TGGCTGCACT 180
GGCCGATTCT GGTCTCCAGA GGACCTTGGT GTTTGCTCTC CCTTGACCCA CCCCAGTNAG 240
TGCCAAAGGG CAGCCCCAAC ATGTGCACCC CTGCATTTCC TGTCATGCCA CAGACTGGCC 300
CTTGAGGGCA GCCTGCTGTA CTGGCCATGC TGGGCCAGCC NCACCTGGAG CTCAGTAAAA 360
ACTGCTGTTT GATTAAA

配列番号:516 配列の長さ:375

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00577

配列:

GATCACACCA GTTCAGAGAG CTACACTTTA TGGGTAACAG TTTCACCTGT NATACAGTTC 60
CCTAGAACAT TTTCCCAAAA GTAGTGAACT GCAAAGTGCT TAGGTTTGAC ATTTATTGTA 120
GCAGAACAGT AATATCACAG TATGGGACAA AGGTTTACAC TTTGCAGGGT ATTCTTTGGG 180
GGAATGTTAA ATACTGTAAT AAAAACATGT TCAATCATGG TAAAATGTTC AACTNGTTAA 240
ANTTACAAAT GGNCAAAAAA NATTTTTTTC CTNATATATN GCCTAANTAC CAAATGAAGN 300
GCTTAANCTT AAGNTTCAAT GTGAAANCGA GTAAATNTGT TCCTAAATTT GCAGNAATAA 360
NAGATANCCN GTANN 375

配列番号:517 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00578

配列:

GATCCATGTA CTGTCATGTT TTTTTCAGG AACAAGCACA TCATGATTGA TTTGGGGACT 60
GGCAACAACA ACAAGATTAA CTGGGCCATG GAGGACAAGC AGGAGATGGT GGACATCATC 120
GAGACGGTGT ACCGCGGGGC CCGCAAAGGC CGCGGCCTGG TGGTGTCCCC CAAGGACTAC 180
TCCACCAAGT ACCGCTACTG AGGCGCCTCA GTCTGCGCGG ATAAATGTCG TGGAGCCCTT 240
TTTGTATGGA AACGTTTTAA GCTATTTAAA GCCTTTGGAA AATACAGGAN GTNCAGGGCT 300
GGAGCACCTC TGAGATGGAA TTGATAACAT GGTCTTAACT CACCGAAATA AACAAGCACG 360
TNGTGAGNGG NAAA 374

配列番号:518 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00579

配列:

GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGNAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAAG GACTCCGGAA AGGCCAAGAC AAAGGCGGTT 120
TCCCGCTCGC AGAGAGCCGG CTTGCAGTTC CCAGTGGGCC GTATTCATCG ACACCTAAAA 180
TCTAGGACGA CCAGTCATGG ACGTGTGGGC GCGACTNCCG CTGTGTACAG CGCANCATCC 240
TGGAGTACCT NACCGCAGAG GTACTTNAAC TNGGCAGGNA AATTGCATCA AAANGACTTA 300
AAGGTNAAAN GGTTTTACCC CTNGGTNANT TGCAACTTTG GTTATTTNGN TGGGGGATGA 360
AGGNTTTGGG TTNN 374

配列番号:519 配列の長さ:372 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00580

配列: GATCAGAGAG ATTAGGATTG TATTTTGACA TAGGATTTGG AACCCATCTA AATGTTGAAG 60 TTCCCTGAGA CAGCTCTCCA GCTGCTNNGC CTGCGCCAGG GGCTANGCAG CCCCTAATGA 120 GAGGCTCTGC TCCCTTTCCC ACCTCGCCAA TGTTGTTGTT GCTGCCTTTT TGATTTGTAT 180 CCTCTGTTAT AGACATTTTT NAAAAACGAT TTCCTCTTTC ATTGTGCACA AGTGCTGAGA 240 GTCTNAGGCC CCATTTCTGC TGTGTATATA TATCCTGACT CGGGGCTTTT ATTCAGCAAA 300 CTGTTCATTC TTCTGTCAGA CAATGTCATA TTCAACTCTG TTCATATTAA ACCACTTGTN 360 AAGCANTNNA AA 配列番号:520 配列の長さ:371 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00581 GATCTGGTCG CTGCCCCAGG GGGACTGATG GGCAGNGTCG CCCCTGTGGC TGGACTGTNA 60 CCATCCCTGA TGGGGCCTGA CCGCGGGAGC TGAGGAAGCG CCGCTCCACC GTCTGCCCTC 120 CAAGGACCCG CATGGAGGCA GTGGGCTGGC AGCTTCCTGC TGCTCCGTGT NAGAGTCAAA 180 GCACAAATCC TCAGGACGGG CTCAAGGGCC AGGGCAGCCG AGGGAAGTNC AGGTGGGGAC 240 CACGTCTTCC TGAGGTTGGT GCCACTGCTT GGNACCGTTT GCAGTGGGGT GGCCTCCCCT 300 CTGTTTGCNT GGTGNAGNNA GCGTGGCGTG GGGACGTGAC TGAATAAAGC ACCATGGGTG 360 371 ATGTGTTGAA A 配列番号:521 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00582 配列: GATCTNTGGG ACGTCAGCTG CTGAGAGGAG CAAGCGGTAG TACCACCCCT TAGTTGAGGG 60 AGTCAGCACA GTCCTTTCTG CAGCTTCTAA CCCAGGACCA TGAACTCAGG TGCCTAGAGA 120 AGCCAGGCAG CNNAAGGACA AGGAATGCTG GGGGCTGTGG GAACAGGAAT GCAGATACCC 180 TTTGAAGGAG CATTCCTGCT AAAAGAAGCT GAAAATGTAG ACCTATGTGA AGTGCTCTGA 240 TTTCTAAATA TTGTGAAGGT TAAGAAAAAC ATANATTTTN GGGTCTATGG GCTAGGATTN 300 AGNCCCACAG TTGGCCANTT TNTAGGNGGT NCCCAAATGG ANTGGTTAAA CCHNNGGTTT 360 382 NGNTTCCTAG CCTAGGGGTA AA 配列番号:522 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00583 GATCAAGAAC AATGCCTCCA CTGACTATNA CCTATCTGAC AAGAGCATCA ACCCTCTGGN 60

TGGCTTTNTC CACTATGGTG AAGTGACCAA TGACTTTNTC ATGCTGAAAG GCTGTGTGGT 120

GGGAACCAAG AAGCGGGTGC TCACCCTCCG CAAGTCCTTG CTGGTGCAGA CGAAGCGGCG 180
GGCTCTGGAG AAGATTGACC TTAAGTTCAT TGACACCACC TCCAAGTTTG GCCATGGCCG 240
NTTCCAGACC ATGGAGGAGA AGAAAGCATT CATGGGACCA CTGAAGAAAG ACCGAATTGC 300
ANAGNGAAGA AGGAGCTTAA TGCCAGGNAC AGATTTTGCA GTTGGTGGNN GTCTCAATTA 360
AGNGTTATTT NNCCACTGGA AA 382

配列番号:523 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00584

配列:

GATCTCCAAG CNAACTCAGC CTCCANCCAA NCTCCCTGTG GGTCCTAGCC ACAAGCTCTC 60
CAACAATTAC TATTGCACTC GCAATGGCCG CCGGGAATCT NTGCCCCCTT CCATCATCAT 120
CNCGTCGCAG AAGTCGCTGG TGTCAGGCAA GCCAGCAGAG AGCTCTGCTG TAGCTGCCAC 180
TGAGAAGAAG NCGGTGACTC CAGCTCCTCC CATAAAGAGG TGGGAGCTGT CCTCGGACCA 240
GCCTTACCNG TNACACTGCA CCCTNACGGC ACCNGACTAC TTTGCCTGCT TGGATTTCCT 300
CCAGGGGAAT GTGACCTAAT TTATGNCAAA TACGTAGAGT CAGGTATCAC TTCTAGTTTA 360
CTNTAAA 367

配列番号:524 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00585

配列:

GATCAAGAGG AAAGAGAACG TAACAACCAG AACCCCTGGA CATTTGAGCG AATAGCCACT 60
GCCAACATGC TGGGCATACG GAAAGTACTG AGCCCATATN ACTTGACCCA CAAGGGGAAA 120
TACTGGGGCA AGTTCTACAT GCCCAAACGT GTGTAGTGAG TGTAGGAGAT AACTGTATAT 180
AGGCTACTGA AAGAAGGATT CTGCATTTCT ATTCCCCTCA GCCTACCCAC TGAAGTCTTT 240
GGGTAGCTCT TAAGCCATAA CTAAGGAGCA GCATTTGAGT AGATTTCTGA AAAACAATGT 300
TATTTGTTGA TTTAAAAAGA AAACTGTATT NTTATTAAAT AAAATTTAAA CATCACTTCA 360
GGAAA 365

配列番号:525 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00586

配列

TAAACTNTAA CACCNTTNAG AANTTTCTAA CTACTTNGNA ACTGNATGGT TTANCCCGGN 360 GNTAAAAGCN GTTTTTAAAA GTNTANGTTT TCCAAA 396

配列番号:526 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00589

配列:

GATCCGCGGG CTTCCACTNC ACCATCGGAT GTTTGCCACT CAGACTGAGG GGGAGCTCAG 60
AGTGACCCAA ATTCTCAAAG AAAAGTTTCC ACGAGCTACA GCTATAAAAG TCACTGACAT 120
TTCAGGCACT AAAAGAAGAA ATCAAAGAGA TGCATGGATT GCGGATATTT ACCTCTGTCC 180
CCAAACGCTG ACCACGGCCT GGCTGCATAG ATGCTGCTGC TTAAGACCTT GGATGAACTT 240
CACTGACATC ATTCTTCCCT AAGCAĞTCAC CAAAAAATTT ATATATNTNG CTCATATACA 300
NTNCCATATN ATANTTATAG AAGATGTATA ATCTATTTTA GATGTNANTN AAAGGGTAAA 360

配列番号:527 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00590

配列

GATCGGGTTT GGCCCCCAGC CCCGCTCACG CCAGTCCCTC TTCCTCTGCC GGGAGGGTGT 60
TTTCAACTCC AAACCCCAGA GAGGGGTTGT AGATTGGGTC CAGCTTTGCT TCAGTGTGTG 120
GAAATNTCTC GTGGGGTGGC ATCGGGGCTG CGGGGTGGGG ACCCCAAGGC TTTCTGGGGC 180
AGACCCTTGT CCTCTGGGAT GATGGGCACT GCTATCCACA GTCTCTGCCA GTTGGTTTTA 240
TTTNGAGGTT TNTGGGCTTT TTTTAAA 267

配列番号:528 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HOMGS00591

配列:

GATCAATCAC CTTCTGCTGC TTGGATGGGT GGATTTGGTG CTCAGCCTCC CCAAGGACAA 60
GCTCCTCCCC CTGTAATACC TCCTCCTAAC CAAGCCGGAT ATGGTATGGC AAGTTACCAA 120
ACACAGTGAG CCGGGACTCT AAAAAAAAAT TGTAATTCAT GATAGGCTTC GATTTCCTGT 180
GACACTCTGA AGACATGAAA GTAGACATCG GAAAATGNAA ATATTTATTT TAAAAATTGA 240
AATGTTTGGA ACCTTTAGCA CAGATTTGCT TTGGTGAAGG ACACGTGTCT TCTAGTTCTG 300
CCTTTTNAAA GTTTNTTGTT CATGNTGGAT NTTGAACATN GNTTTTTNTT TN 352

配列番号:529 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00592

配列:

GATCAAGCCT TTCTTTCATT CCCTCTGA AAAGTATTCC AACGTGATAT TCCTTGAAGT 60
AGATGTGGAT GACTGTCAGG ATGTTGCTTC AGAGTGTGAA GTCAAATGCA TGCCAACATT 120
CCAGTTTTTT AAGAAGGGAC AAAAGGTGGG TGAATTTCTT GGAGCCAATA AGGAAAAGCT 180
TGAAGCCACC ATTAATGAAT TAGTCTAATC ATGTTTTCTG AAAACATAAC CAGCCATTGG 240
CTATTTAAAA CTTGTAATTT TTTTAATTTA CAAAAATATA AAATATGAAG NCATAAACCC 300
AGTTGCCATC TGCGTGACCA ATAAAACATT AATGCTAACC ACTTTTTTAA A 351

配列番号:530 配列の長さ:348 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00593

配列:

GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGGCC CTGGGCATGT NCAGCGCAGC 60
TTTGGCCTCG GGGCAGCTGG GCCCCCTCAT GTGCCAGTNC GGTCTGCCTG CAGAGGCTGT 120
GGAGGCCGCC AACANGGGCG ATGTGGAAGC GTTTGCCAAA GCCATGCAGA ACAACGCCAA 180
GCCCGAGCAG AAAGAGGGCG ACACGAAGGA CAAGAAGGAC GAAGAGGAGG ACATGAGCCT 240
GGACTGAGCC ACGCGCCGTC CTCCGAGGAA CTGGGCGNTT GCAGTGCGTT GCACACCTTN 300
ACCTTCNACN TACTGATTAT TAATAAAGTT TTTTCTTTTA CCTGCAAA 348

配列番号:531 配列の長さ:347 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00594

配列:

GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTGCTG AGAAGGCAGT GACCAAGGAG 60
GAATTTCAGG GTGAATGGAC TGCTCCCGCT CCTGAGTTCA CTGCTACTCA GCCTGAGGTT 120
GCAGACTGGT CTGAAGGTGT ACAGGTGCCC TCTGTGCCTA TTCAGCAATT CCCTACTGAA 180
GACTGGAGCG CTCAGCCTGC CACGGAAGAC TGGTCTGCAG CTCCCACTNG CTCAGGCCAC 240
TGAATGGGTA GGAGCAACCA CTGACTGGTC TTAAGCTGTT CTTGCATAGG CTCTTAAGCA 300
GCATGGAAAA ATGGTTGATG GAAAATAAAC ATCAGTTTCT ATTTAAA 347

配列番号:532 配列の長さ:346 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00595

配列:

GATCCGGTNT TGGTGCCAAT GTCTCCAACT TCACTTTTGC TCCTAGCACG ATTATATTTC 60
ACCTGGGACA TGCTGCTATG CTGGGACTCA TGTATGTCTA CTGGACTCAG CTCAACATGT 120
TCCAGACCTT GAAGTACCTG GCCATCTTGG GCAGTGTGAC GTTTCTGGCT GGCAATCGGA 180
TGCTGGCCCA GCAGGCAGTC AAGAGAACAG CACATTAGTT CCAGAAGAAA GATGGAAATT 240

CTGAAAACTG AATGTCAAGA AAAGGAGTCA AGAACAATTC ACAGTATGAG AAGAAAAATG 300 GAAAAAAAAA CCTTTATTTA AAAANGAAAA AAGTCCAGNT TGTAAA 346

配列番号:533 配列の長さ:346 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00596

配列

GATCTTGTAG CCTAGATAGG ATAGTNTGAC CTTCTAGCAT AGTCTTTTTG GCAAATNATT 60
TGTGTTTTCA GTGTGTGGGG AAGCTGTCCT GGGGGCTGGG GCGACAGATA GCACATAGGC 120
TGTTTCTGGG GCTGCAGGGG CTTCCNTGAG CTGGATGTTG TGGGTNTTGC CGTGCTTCAG 180
GAAGTNTGGC GACCAGAAAG CGTAGACCCG GGGCCCAGGG TCTGCCCGCC CCTGCAGCNT 240
GGCCTCCCCG CACAGGCTGT GGCTTGCACT CCAGCCGNTC TAGTNTCTNA GGAATTTNCT 300
TGTNACTTGT ACTGTGTAAA TAAAGCTTCC TGGTTCAATA CCNAAA 346

配列番号:534 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00597

配列:

GATCCTATGG CCATGACCCA GAAGTATGAG GNGCATGTNC GGGAGAGCAG GCTCAAGTAG 60
AGAAGGAGGA CTTCAGTGAC ATGGTGGCTG AGCACGCTGC CAAACAGAAG CAAAAAAAAC 120
GGAAAGCTCA GCCCCAGGAC AGCCGTGGGG GCAGCAAGAA ATATAAGGNG TTCAAGTTTT 180
AGGTCCCCTC ACACTAGCCC TTTTTTTGGC CCTACGTCTG GATGCCTGGG CTTCACACAA 240
GAACCACCTC TCCCGCAGTT CCCAAGGNCT TGTCATTTCA TGTTCTTATT TTAGACCTGT 300
TTTGTAAAATA AAGCTGTTTC CCAAGGAAAG AGATGAATAT TTAAA 345

配列番号:535 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00598

配列:

GATCGTGTTT ATGGTGAATC CAAGTTGGGA GGAAATGAAA TAGTATCTTT NTTGAAAGGA 60
ATATTGACTC TTTTTGCTAC TACATAAAAG AAAGATACTC ATTTATAGTT ACGTTCATTT 120
CAGGTTAAAC ATGAAAGAAG CCTGGTTACT GATTTGTATA AAATGTACTC TTAAAGTATA 180
AAATATAAAGG TAAGGTAAAT TTCATGCATC TTTTTATGAA GACCACCTAT TTTATATTTC 240
AAATTAAATA ATTTTAAAGT TGCTGGCCTA ATGAGCAATG TTCTCAATTT TCGTTTTCAT 300
TTTGCTGTAT TGAGACCTAT AAATAAATGT ATATTNTTTT TTGCATAAAG TAAA 354

配列番号:536 配列の長さ:343 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00599

配列:

GATCCGTGAC AAGCGCACAG GCAAGACCAA GGGCTACGGC TTCGTCAGCT TCAAGGACCC 60
CAGCGACTAC GTGCGCGCCA TGCGTGAGAT GAATGGGAAG TATGTGGGCT CGCNCCCCAT 120
CAAGCTTCGC AAGANCATGT GGAAGGACCG GAATCTGGAC GTGGTCCGCA AGAAGCAGAA 180
GGAAAAGAAG AAGCTGGGCC TGAGATAGGG TCTGTGGCCA GGCACCCGCT CCCACCTGGC 240
CGGGCGCTGG CTCCTCCCTC AGTTCTCTTT GGGAAAACCC CCAGCTNGTC CACCCATCCN 300
NTGCCCCAAA ACCAGTTTCA GTAAATTTAC GTTCATTTCC AAA 343

配列番号:537 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00600

配列:

GATCGAACGG ACTGTGAAAT CCGCTCTTTG TCGGAAGCTG AGCAAGCTGT GGCTTTTTC 60
CAACTCCGTG TGACGTTTCT AAGTGTAGTG TGGTAGGACC CCGGCGGGTG TGGCAGCAAC 120
TGCCCTGGAG CCCCAGCCCC TGCNTCCATC TGTGCTGTGC GCCCCACAGT AGACGTGCAG 180
ACGTCCCTGA NAGGTTCTTG AAGATGTTTA TTTATATTGT CCTTTTTTAC TGGAAGACGT 240
ACGCATACTC CATCGATGTT GTATTTGCAG TGGCTGAGGA ATTCTTGTAC GCAGTTTTCT 300
TTGGCTTTAC GAAGCCGATT AAAAGACCGT GTGAAATGAA A 341

配列番号:538 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00601

配列:

GATCCTCGGG TGTTCTTCCC ATCAGATAAA ATAGTTCACT ACAGACAGAT GTTTTTATCT 60
ACTGAACTAC AAAGAGTAGA AGAGCTTTAT GATTCATTAT TACAAGCTGT TGCCTTCTAT 120
GANTTAGCAG TGTTTGACTC TCAGCCTTAG AATTCTGAGG TTAACGTGCT AAAGTATAAT 180
TNTTAGCTCT AACGTAACAC CAACTGTTGT GAACATCCAT GTTATTGGAA AAGAACACAT 240
TTTCAGTGTA TTTTAGATGT TTAANTTCTG ACTTTTGGCT ATTAAATGGT TTACACAATA 300
AGCCAAGACC AAATCAATAA ACATTTTNTG AGAACGAAA 339

配列番号:539 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00602

配列:

GATCATCATC CGAGTGCAGA CCACGCCGGA CTACAGCCCC CAGGAAGCCT TTACCAACGC 60 CATCACCGAC CTCATCAGTG AGCTGTCCCT GCTGGAGGAG CGCTTTCGGG TGGCCATAAA 120 AGACAAGCAG GAAGGAATTG AGTAGGGGCC AGAGGGGGCT CTGCTCGGCC TGTGAGCCCC 180

GTTCCTACCT GTGCCTGACC CTCCGCTCCA GGTACCACAC CGAGGAGAGC GGCCGGTCCC 240
AGCCATGGCC CGCNTTGTGG CCACCNCTCA CCCTGACACC GACGTGTCCT GTACATAGAT 300
TAGGTTTTAT ATTCCTAATA AAGTATAGCG GAAGAGAAA 339

配列番号:540 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00603

配列:

GATCGTTATG AATATCAAAT GTCCATTTCT ATNGTAATGA ATTCAGTGGA ACCATCACAC 60
AAAAGCACAC AAAGACCTCC TCCTCCACAG GGGAGACAGA GGTGGGGAGG CTCTCTTGGC 120
TCACÁTAATC GTGTCTGTGT CACAAATAAT CATTAAATTA GCTATTTTCA GCTAACACAT 180
TTGTNGTTGC ACTTGAAAAA GAGTŤAGTGA GCCTGTCTTG GAGTTTAAGT AGTTTCAAAT 240
AAAAAAAGGC TACAGTGCCT CACAAAGGAT GTTCCCAGCA AGTNGTTTAA ATTCCCAGCA 300
AGTTGTTAAA GTGTAAATAN AANTATATGA ANTTGTAAA 339

配列番号:541 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00604

配列:

GATCCTGAAA TCTACTAGAG ACACCCCTAA GCCATGAATG AACTACATCC AAATACCTGA 60
NTTTTTGGAA TCTGTTTCAT GGATTTTNCA TCTTCTACCG TATGTNAAAT TGCAAGTNTT 120
TGAAGATTTA TAAGTACAAA TTTGGGAACA TACAAATCTT TTAGGTAGTA GAGTTTAACG 180
TGTATAAGCT AAAAGTGAAA GTAACTGAGT GTTCTCTTGT TTCTTTGCAT TAATGTAACT 240
GTGTGGTTTG CCTTTGTCCC CCTGGATAGA ACGTGCATTT AAAGAATATA TTGTACTTAC 300
TGTGACAGCA GATAATAAAC CAGTCTCTTG GAGGGCACAA CCCTTATTTG ACAAA 355

配列番号:542 配列の長さ:331 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00606

配列:

GATCTTTTT ANATAAANNT TATGTATTGT GGCATAATCC TTTTTTTGAG CTCTACAGAG 60
AACAGTCTTT TGGTAATAGT GGCAGGTATT TATTCCTTCT GAATATATAC CCCATTATAG 120
GAATAACTGT TACTTATTTA GGATTCCATC ATTGAAAAATT TTNACCCAAG GCACAGCAGT 180
GAANTTTATA GTNCTCANTT TAGTTGNCAT TATTGACAGG CATTGGNATT ATTAGTCATT 240
GCTAAGCAAC TAAAACTTCA TCAGTTCAAN TAAGTTTTAN TTGTCANATG GCNGTATAAN 300
CACATGANCT TTCTAGGAAA TATTCCCTCN N 331

配列番号:543 配列の長さ:330

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00607

配列:

GATCGGTGTG CCCCGCTGCG AGGGGCCCCC CATGGGGCTG NTGGCCCNTC CGCAGTCAGG 60
ACATCCCAAC CCCTGGNTGG GACTGAACCA CCCAGAGCGG AGGGCNTCCC TTTTNAGCCT 120
TGTNAGTCAC CTGGCAGGCC CCAGCTGGGC TGGCTGTCCG TGTCCCTCAG CCTGGNTGGT 180
GATTCCTTGC AGGCCAGAAA TNAAGAGTCC CTGTAGGTTT TGGTTTTGTT TGTTTTATTT 240
TGTTCTTTCA CCTTTTTTCC TCATTAAAAA AAAAANGNCC CTGNGGAGTG TACTNATTNA 300
TTTTTTTGATN AAAGGGANGT AAAATGNAAA 330

配列番号:544 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00608

配列

GATCCAGACT GTAAGATGTT GTTTTAGGGG CTAAAGGGGA GAAACTGAAA GTNTTTTACT 60
CTTTTTCTAA AGTGTTGGTC TTTCTAATGT AGCTATTTN NTTGTTGCAT CTTTTCTACT 120
TCAGTACACT TGGTGTACTG GGTTAATGGC TAGTACTGTA TTGNCNCTGT GAAAACATAT 180
TTNTGAAAAG AGTATGTAGT GGCTTCTTTT GAACTGTAAT ATGCTGAATA TCTGTCCACT 240
TTTCAATCCC AATTCTGTCC CAATCTTACC AGATGCTACT GGACTTGAAT GGTTAATAAA 300
ACTGCACAGT GCTGTTGGTG GCAGTNAAA 329

配列番号:545 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00609

전 전 .

GATCACTAGA TTTATGGAGG AATTNGTCAC AAATNACTTN TAGAAAAATG CTGTCATATA 60
GTTCATTTCA TCATTTTCTG TTGCAGGAAG CCACTCCACC ACAGAATGCT AATATGCCAG 120
TGGTACCCAG TACCTCTTGT ATATAGGTTA TTGCAAATAT TGTNCTGAAA TGCTTAACTT 180
CAGAATTACA TTTTTTAAAG TAAATAATTG TTTTAAATCT ATTTTGTAAA GNTATAAAGT 240
ACAATAGAAT TTCTGGAGTA CAGATTAAAC TATTTGCACT AACACACGTG CCGTGCATGA 300
TTTAATAAAAA TANCTNNACT CTCCNTAAA 329

配列番号:546 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00610

配列:

GATCACCGTG TGCTCAGGCC AGGTGTGAAT CCTGAGGTCC ATGGAGGTGC AGAGATGAGA 60 TTACTCCTAT TCACGTTGAA GTGATTTGCT TTGTTAACAA AAAATTGCAG CTATTGTCTA 120

GCTTTCATTT TTTTACTGAG AACTTTAAAT TAGTCCCCTA TTAGAATAGG GTTGCTACTC 180
ANCTNTTTTN AAAAACCGAA TTTCATCATT TATCTAAAGA GNAAATATGC AGANTAACTG 240
GTCTTGTTAA GAGTGCAATA TTATATNNN ANGTAAAACT AAAANTNAAT TTGGGGGGAT 300
TATTTATNCA GCATGANACC TANTNTGN 328

配列番号:547 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00611

配列:

GATCCCNGGG ACGTGAGACT TANNCTTCCA GCCAGTGTGA ATCATTGTAT TTTGTCTCAT 60
AATCACAGCA CNCCTGCATG ACACAACAAC GTGCAGCATT TTTTACATAA AAATATGGTA 120
GANTTAATTT ATGACATGGA AATGCCTTAC GTGGTATCAC ACTTAGTCTT GAAAAAAACA 180
CCNAGGTGAC GTTTAAAATT TTTAGTACAT ATCCTCAAAT TGGAGCTAAG TTATACTTCT 240
TTTATAACCT TTTGGGCATC TGGTCGAGAG AAGACAAGAT TTTNTCTATT TACAGTGATG 300
CAATAAATAT GTTTGCCACC TTTGGAAA 328

配列番号:548 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00612

配列:

GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
GAGGAAACAG TTAATNACCC TNAGGAGGCA GCCACAGAAG TGGCTCCAAG AAAANAAGGA 120
ATTNTCCAAA GAGGAGCCGG TCAGCAGTGG NCCTGAAAGA GGCGGCTGGC AAGANCAGCT 180
CCAAGAAGAA GAAAATGTTC CATAAAGCAT CCCAGGANGA TTAGAATCAA ATGGACANTC 240
TCTNGGAGGT GGGNATACCA TAGNCCAAGG TNCATTTCCC ACCNTGTGCC GTGTTCCCAA 300
TAAANACAAA TTCACAAGGA AA 322

配列番号:549 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00614

配列:

GATCCACCTA GCCTCAGCCT CCCAAAGTGC CGCCGGGATT ACAGGCGTNA ACACCATGAC 60
TGGCCTTCAT TATCTCTNTT TTAAAAATGA AAAAGTTTAT AATTTACATT CAGTAAAATC 120
ACCCTTTTTA GTGTCTAGTC TGTGAATTTT GACAAATGCA TGGTTTTGTA ACCAATCGAT 180
AGGNCAGTTC TGCCACCCAG GACATTCCCN TCTGTTCCTC TGTTCCTCC TTCTCCTGCC 240
CCCTAGCAAC CACTGGTGTT TTCTGTCCNT CTGGTTCATT TGACATTTAT TTTAAAATAA 300
AATATTTTAA AATCTAAA

配列番号:550

配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00615

配列:

GATCCTCACC GTGGAGGACC ATNATAATNA AGGTGGCATT GGTGAGGCTG TGTCCAGTGC 60
AGTAGTGGGC GAGCCTGGCA TCACTGTCAC CCACCTGGCA GTTAANCGGG TACCAAGAAG 120
TGGGAAGCCG GCTGAGCTGC TGAAGATGTT TGGTATCGAC AGGGATGCCA TTGCACAAGC 180
TGTGAGGGGC CTCATNACCA AGGCCTAGGG CGGGTATGAA GTGTGGGGCG GGGGTCTATA 240
CATTCCTGAG NTTCTGGGAA AGGTGCTCAA AGATGTACTG AGAGGAGGGG TAAATATATG 300
TTTTGNGNAN AATGCAAA 318

配列番号:551 配列の長さ:314 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00616

配列:

GATCCCCTCT CTGAAGAGAA AGGAGGAAAG AAAAGAAAAA AACAGAAACA GAAGCTCCTG 60
TTCAGCACCT CAGTCGTCCA CACCAAGTGA CACTACTGGN CCAGGCTACC TTCTCCATCT 120
GGTTTTTNTT TTTTNTTTTT TTTCCCCCAT GCTTTTGTTT GGNTGCTGTA ATTTTAAAGT 180
ATTTGAGTTT GANCAGATTA GCTCTGGGGG GAGGGGGTTT CCACAATGTG AGGGGGAACC 240
AAGAAAATTT TAAATACAGT GTATTTCCA GCTTCCTGTC TTTACACCAA AATAAAGTAT 300
TGACACAAAGA GAAA 314

配列番号:552 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00617

配列:

GATCCCTACT TGGNAGTTAA CCCTAACTAC TTGCTCGAAG ATTGAGATAG TGAAAGTAAC 60
TGACCAGAGC TGAGGAACTG TGGCACAGCA CCTCGTGGCC TGGAGCCNGG CTGGAGCTCT 120
GCTAGGGACA GAAGTNTTNC TGGAAGNNAT NCTTCCAGGA TTTNTTTTTC AGAAACAAGA 180
ATTGAGTTGA TGGTCCTATG TNTCACATTC ATCACAGGTT TCATACCAAC ACAGGCTTCA 240
GCACTTCCTT NGGTGTGTTC CTNTCCCAGT GAAGNTGGAA CCAAATAATG TGTAGTCTCT 300
ATANCCANTA CCN 313

配列番号:553 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00618

配列:

GATCTTAGCT AGTTCATCAC TTCCTCAGGG AAACATTCCC TAATTTCTGT CACAGAGTAA 60

GACCCGTTGT TATACGTCTC ACCTGACCAT GTACCTCTAC TTAGCATTTA ACACGTGTAA 120
TNTTGTATGT ATTGGTTTGA TTAATGTCAG ANCCACTAGA TTGTAAACTC CATGAGGACC 180
GGAATTTNGT TTCTGTCATT GTCATTGTTC AACTTTGTAT TTTTNATGCC TCATACAGTG 240
CCTGGCACAT AGTAGGTGCT CAATTAACTT NATTGGAAAG AATAAAATGA ATGGATGAGG 300
TATCAAGAAA 310

配列番号:554 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00619

配列:

GATCTGGGGG CCACCACCCT GTGCCGGTGG CCTCTGGGCT GCCTCCCGTG GTGTNAGGGC 60
GGGGCTGGTG CTCATGGCAC TTCCTCTTG CTCCCACCCC TGGCAGCAGG GAAGGGCTTT 120
GCCTGACAAC ACCCAGCTTT ATGTAAATAT TCTGCAGTTG TNACTTAGGA AGCCTGGGGA 180
GGGCAGGGGT GCCCCATGGC TCCCAGACTC TNTCTGTGCC GAGTGTATTA TAAAATCGTG 240
GGGNAGATGC CCGGCCTGGN ATGCTGTTTG GAGACGGAAT AAATGNTTTC TCATTCAGTC 300
TNCAGTCAAA 310

配列番号:555 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00620

配列

GATCCNGTGC TGAAAGAGAA ACCAAGAAAA AAGATGACAT TCCAGAAGAA GACAAAGGAA 60
ATGTAAAACA ATGTGAAATC AATTATGTAA AGAAATTTCA GAGCTTCCAA GACCACAAAC 120
TTAAAATAAG TAAAGANGAC AGTAAAATTN TTAAAAAAGGC TCGGAAAGAT GGATTTTTGC 180
ATGAGACGCT TCTGGACAGG NGAGCCAAAT TGAAAGCCGA CAGATACTGC AAGTNACTGG 240
GATTTTTNTT TCTGCCTTAT CTTNCTGTNG TTTTTTCTGA NTAAAATATT CAGAGGAATG 300
CTTTTAAAA

配列番号:556 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00621

配列:

GATCTTCCTG AAGTNTCTCC CCGTTTNGTG CAGCTGGCCA TACCCCAGGT GGACATNATG 60
AGTCAGGCTG ACTTAATTNC TCATGAGCAG ACCATCCCAG TGAATGCAAA GGGCATGGGC 120
TCCACAGCCT GGACCCTGGC ATGGAGTCCA GCNNCCTGCT CACCGGCCAG GAGGCCTGGG 180
GGCGGGTCAC TTACCCTTNT NAGCCTCANT TTCTNTTTCT GGAAGCGGAG ATGGTAATAG 240
CTTTNACATT NGAGGTGAAT GTNAGAATTA AACTTGGGCA CATGGAGGAA TACACCTAAA 300

配列番号:557

配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00622

配列:

GATCACTTGT CCTATTACCC TATACCTAGC ACTTGTGACA CCACCCCTAA ATCACTTTGA 60
GCCTGGGAAA TAAGCCCCCT CAACTACCAT TCCTTCTTTA AACACTCTTC AGAGAAATCT 120
NCATTCTATT TCTNATGTAT AAAACTAGGA ATCCTCCAAC CAGGCTCCTG TGATAGAGTT 180
CTTTTAAGCC CAAGATTTT TATTTGAGGG TTTTTTGTTT TTTAAAAAAA AATTGAACAA 240
AGACTACTAA TGACTTTGTT TGAATTATCC ACATGAAAAT AAAGAGCCAT AGTTTCAAA 299

配列番号:558 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00623

配列:

GATCTGCTTC TCCAGTTTTT GAGGAGCCAG CCAGGGGTCC AGCACAGCCC TACCCCGCCC 60
CAGTATCATG CGATGGTCCC CCACACCGGT TCCCTGAACC CCTCTTGGAT TAAGGAAGAC 120
TGAAGACTAG CCCCTTTTTC TGGGGAATAA CTTTCCTCCT CCCTGTGTTA ACTGGGGCTG 180
TTGGGGACAG TGCGTGATTT CTCAGTGATT TCCTACAGTG TTGTTCCCTC CCTNAAGGCT 240
GGGAGGGTGN TAAACACCAA CCCAGGANTT CTCAATAANT TTTTNATTAC TAAACCTGAA 300
A 301

配列番号:559 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00624

配列

GATCAGATTT TGCTAAATGG AAATAATATA ACAATGCTGG TTCCTGGAGG AGAAGGACCT 60
GAAGTGTGAA TGAGTTTCCT TGACTTACAC TAGATTTTGT TTTTGGCTTAT AATGACAAGA 120
AAATGGAATT TTTTTTTCCC ACTTTCTAAT GTTTAAATCC CATAAAGCTA AGTTTCCCGT 180
TAAAGGGAAG TGCTTTGAAG ATGTGTACCC ATTTTTGTAA GTTTATCATG ATTATCCTGG 240
AAAAAGAAGA AAAGAGCTTC TTCTTTGCAG ATGAAAATAA AGGTGTTTTT GGTTAAA 297

配列番号:560 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HVMGS00625

配列:

GATCTATTTG TAGATTAGGA TTAAAATGGA TTTAATCCAT TTTTAAGGCT GTGTGAATTT 60
TTCTAAACAA GAACCATTTG CAATATGGAT TTCTTAGAGA TTAAACCAAT TATAACTTAT 120
TAGCAGTCGC GAGCACATGT TCATATAGTC AATGTAAAAA TACACTAATG AGTATTTGGT 180

AAATCCCAGT AGGCTTTTAC CATTAGCATA ATTTTGTGTT GTACAATTAA GTTACAATTA 240 CATCTCTAAT TTTGGATAAT ATTCATTGGT TAACANTANA GTGACAAAAG CTCATGCCTT 300 CAAA 304

配列番号:561 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00626

配列:

GATCTGGAAC TTTGCACATG TCACTACTGG GGAGGTGTTC CTGCTCTAGC TTCCACGATG 60
AGGCGCCCTC TTTACCTATC CTCTCAATCA CTACTCTTCT TGAAGCACTA TTATTTATTC 120
TTCCGCTGTC TGCCTGCAGC AGTACTACTG TCAACATAGT GTAAATGGTT CTCAAAAAGCT 180
TACCAGTGTG GACTTGGTGT TAGCCACGCT GTTTACTCAT ACAGTACGTG TCCTGTTTTT 240
AAAATATACA ATTATTCTTA AAAATAAATT AAAATCTGTA TACTTACATT TCAAAAAGAA 300
A 301

配列番号:562 配列の長さ:294 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00627

配列:

GATCTNAGGA GCTTTAGGGA GAAGACTTGG TGGGGCTGGA GCACACCTTG GGNCTCANTG 60
GTTTCTGTGT CCCNGTGGTG CCANTCCTTC TGGGCAGTGC AGGCGGCTGC CAGGCCCAGC 120
CCTGACTTCC ACTCTGGCTC AGCAACCTGG TTATTTATGT GGGGCCGTGC AGGCATGGGC 180
CCACTGCCTG TCCATCCTGT TTCTNTTATA AATTGAAACT CACCATTGCC CTATCCTTGT 240
GTCTCCACCC GCTTCCATGT GTTGAATAAT AAAAGGTGGG AAAGTGCTGT CAAA 294

配列番号:563 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00628

和 万山

CATCTGCCAT AAGAAAATCT AGTTCAACTC TAATTTTATG TAGTAAATAA ATTGGCAGGT 60
AATTGTTTTT ACAAAGAATC CACCTGACTT CCCCTAATGC ATTAAAAATA TTTTTATTTA 120
AATAACTTTA TTTATAACTT TTAGAAACAT GTAGTATTGT TTAAACATCA TTTGTTCTTC 180
AGTATTTTC ATTTGGAAGT CCAATAGGGC AAATTGAATG AAGTATTATT ATCTGTCTCT 240
TGTAGTACAA TGTATCCAAC AGACACTCAA TAAACTTTTT GGTTGTTAAA CTGAAA 296

配列番号:564 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00629

配列:

GATCGACTAC AGAGTACTTN TTTCTTATGA TGATTGGTGT AGAAATGTGT GATTTGGGTG 60
GGCTTTTACA TCTTGCCTAC CATTGCATGA AACATTGGG TTTCTTCAAA ATGTGTGTGT 120
CATACTTCTT TTGGGAGGGG GGTTGTTTTC TTCTGTTTAT TTTCTGAGAC TCCTACAGGA 180
GCCAAATTTG TAATTTAGAG ACACTNAANT TTGTTAATCC TGTCTGGGAC ACTTAAGTAA 240
CATCTAAAGC ATTATTGCTT TAGAATNNNC AAATAAAATT TTCCTGACCA AATTGTTTTG 300
TGGGAAA 307

配列番号:565 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00630

配列:

GATCTTGCTC CTTCAGACTC TGACCTGAGT GGAGACCTTT CCACCAGACA CAGCTCGGGC 60
CTGTGTAATT GTAGGAGAAG ACACTCAGCA GTGATTGCCA TGGCACAGAG CCGTGGTCAT 120
TGTTGCTGTT ACAAAGAAGA AAACCATCTG AGTTCTAACT CCTTGGTTGC TTAAAAGTAG 180
TTCCCAAGAG TCTGAGAAGC TATTTCTATT TTTAAGAGTC ATTTTTTGTA ATNTTTGTAA 240
NACAAAAGTA CCAATCTGTT TTGTAAATAA AANTCATCCT AAAATTCGAN GTTAAA 296

配列番号:566 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00631

配列:

GATCTTTNGC TAGGTGGATG ACTAGTNATA TTCAAAGCCT TTTCTCAAAG CCCTTTCAGT 60
TACAACCACC CCACTATGGA ATCAGTATTT AGTTATACAT TTGTATAAGA NCCTGTATTT 120
TGAAAAAACAC ATTCATGTAT ATTTATTCCT GGAATTATTT GCCTGTTAAA CAGTGTCTTT 180
CATGTTCTCT CCCCAGATTG TAAACTCTGT AAGAAGCTGC TNGTATCTGT ATCCCTTGTT 240
GAAACTCTGA AAACACTGAA TAACTAAANT CTTCTTCTCA TCCNTAAA 288

配列番号:567 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00632

配列:

GATCTTGATA TTCTGTACAA GTTGATGTAA TACCCTGATG CGTTTTAGAG GACTTGGCAT 60
AAAATNAAAG NTTGGCAAAG GCCCTTGAGG GGCTTGGGGA TGAGAGTATG GAACTGTCTG 120
CATTGGACCC TAAACTGGAC TAGANGAGGC ATCTTCAAGG TTCATACGTT GTCCAGCTGT 180
AAGTTCATTT GAGTAGCAGA GCTAACAAAT ATTTGAGGTC AAAACCCTAC CATGTTAAAA 240
CAAACAAAAA CTTATCATGT TAATAAAAGT ATTCATTTGC TTGANANANA AA 292

配列番号:568 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00633

配列:

GATCCTGACA AGAAGAAAAT NAAGCTCAAA GTCAAAAAAT CTCGTGAAAA ACGGAGTTTG 60
GCCTCTCATC TCAGTGGATA TATCCCTNCC AAAAGGAAAC AAGGGCAAGG CTTATCTTTG 120
TGTCAAAACG GAGAGTCACC CAACTGTGTG GAAGACAAGA TGCTCTCGAC AGTTGCAGTA 180
CTTACCCTTG GCTAAGAACT GCACTGCTTT GTTTAAAGGN CTGCAGACCA AGGAGCGAGC 240
TTTCTCTCAG AGCATGCTTT TCTTTATTAA AATTACTGAT GCAGANAAAA A 291

配列番号:569 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00634

配列:

GATCANGCTG GCTGCAAAGA AGGGACTGGA CCCATACAAT GTACTGGCCC CAAAGGGAGC 60
TTCAGGCACC AGGGAAGACC CTAATTTAGT CCCCTCCATC TCCAACAAGA GAATAGTAGG 120
CTGCATCTNT NAAGAGGACA ATACCAGCGT CGTCTGGTTT TGGCTGCACA AAGGCGANGC 180
CCAGCNNTGC CCCCGCTNGT GGAGCCCATT ACAAGCTNGT NCCCCAGCAN CCTGGCACAN 240
TGAGGNACCT GCACTAAATT ACTNAAAATG TGCTGTAAAG NTTTN 285

配列番号:570 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00635

配列

GATCACCCTT GTAATGTGTT ACGGGTCCAT TTTTCCTGGA ATCGTTTAAT CTAAAGCAGT 60
TTCCCCTGTT TTGGAGATTT TNTAGTTAAT TTTAATTTTG GCTATTGTTT GGAAAAGATG 120
AGCTGTCTGT GTAGATATGA AGTATAGTTT TTNCCATAAA ACAGATGTTT ATTTTGTATT 180
AAAAAATACC ACTGTACTTG TTTTACACCA TTTGTATACA TGTGGTGATA TTAATGCTAA 240
ACTGTAAAAT TCAGGAATTA AAATGTGACC CTGTAATTCC ATAAA 285

配列番号:571 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00636

配列:

GATCTAACCA TTTTCATACT CTTAACTGAT TGAAACAGAT TCAAAGAAGT ATCGAGTGCT 60 ATGCATTGAA ACTTGTTTTT AAATGTTAGA TGGCACTATG TATATTAATG TAAANCAATG 120 TTAATTTACT CAAGTTTTCA GTTTGTACCG CCTGGTATGT CTGTGTAAGA NGCCAATTTT 180 NGTGTATTGT NACAGTTTCA GGTNATTNAT ATTCGATGTT TTGTAAANCT CAAATANCGA 240 CTATACTNAT GGGNCCAAAT AAATGGGCAT CTGCATTCTN GGTTAAA 287 配列番号:572 配列の長さ:282 配列の型:核酸トポロジー:直鎖状クローン名:HUMGSO0637 配列:
GATCTNTGGT GGCAATGNCT GACCAGTAGA CTGGTGGCTC ACTTCTNCCC ACCTGCCGGC 60 AACACCCAGTG CCAGGAAAAG GCCAAAAGAA TGTNTGTTTC TAACAAATCC ACAAATAGCC 120 CCGAGATTCA CCGTCCTAGA GCTTAGGNCT GTTTTCCACC CCTCCTGACC CGTATAGTGT 180 GCCACAGGAC CTGGGTCGGT CTAGAACTCT CTCAGGATGC CTTTTCTACC CNATCCCTCA 240 CAGCCTCTTN CTGCTAAAAT AGATGTTTCA TTTTTNTGGA AA 282

配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00638

配列:

GATCTACTGG CGAGCGATGA AAATGTTGCA GGGAGAGTCA GCAGAGGCAT TTGTAGCTAA 60
ACATGCTATG CATCAGACTG GCCATTTATG AAGATGAAGA ATACAGTCAG CTTTGTGAAA 120
TAGTATTGCA AGCAAGCCCC GTGGGCAAAT TTGTATTGAG TCCATCTGTA ATTTGCTCAG 180
TGATGGCAGA CAAGATGGCT GTCTGGTTTT GAGACACACT TTAATTTAT GTTAACTTGT 240
TAAAATCTTTT TAAAAATTAA AAAATTTATA TGATTGAAA 279

配列番号:574 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00639

配列:

GATCATTGCA TTTTCCTGTA TTTTCTAAAA TGGCTCCAAT TTTGTNTTTT AAGCTTCAGC 60
TTAAGAGGAA GTTTATGTTC TAATTCTTGA CTGAGAATAC AGTATTGAGA TTCTNTGTTT 120
TACAGATAAC AACTGGTTTT TATTACTCAT TAAGTTCATT TGCATCCCGT AGCCCTCTGT 180
AAATGTTTCC CCTAGTTGTA TGTACGTAAA TGCACGCTTA TCCAGTNTAT ATTAGACATT 240
TTTGTGCTAA AATATATTAA GTGGGATTTT TGTAGCAAA 279

配列番号:575 配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00640

配列:

GATCTTTGCA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTNTNA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG GTGAGAACAC TTGCAACAGT 120
TTATTAATGA GGTGACTTTC ACCTTAGGAC AACTGTTGCA TGCCAAGTTT TTTGTGTGTG 180
TGAAACACTN TCAAAACTGA TTTAAAAAGAT GTAAATTTAA AATTGGTTGT ATCTAATATG 240
CCCCAGGTTC GGTAAATAAA CAATTCTTTT TAAAAACAAA 280

配列番号:576 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00641

配列:

GATCTGCCTG TCCCTTTTTC CCCTGGGGTT TGACACACAG GCTCCTCTCA GCATGAGGTG 60
GAGCAGTGAC CAGGTGGAGC AGTGACCAGG ACGCCTCTGG CCCAGGTGCTG CCCAGCCTCC 120
CCGNCCGCTC CCAGGCGCCC CATGTCCTCA CAGGCCAGGA CGCCATGNCA GGATGGAGAG 180
GACTTGGTGG ATTTTTGTTT CTTGCCTGAC CTCAGTTTCA TGAAAGAAAG TGGAAGCTAC 240
AGAATTATTT TCTAAAATAA AGGCTGAATT GTCTGAAAAA TAAAATATAT TTGTATTAAA 300

配列番号:577 配列の長さ:278 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00642

配列:

GATCTGGGAC GTGGTTCGGC GGANAGTCCC CAGCCCGGCC CCCTGCCTGG GACCACCAGG 60
CCCCCAGGAG AAGCCGCCTG AGCCACAACC TTGCGGCATG CAAATNAGAT GGCCGCTCCA 120
GGCCTGGAAT GTTCCGTGGC TGGGCCCCAC GGGAAGCCTG ATGTTCAGGG TTGGGGTGGG 180
ACGGGCAGCG GTGGGGCACA CCCATTCCAC ATGCAAAGGG CAGAAGCAAA CCCAGTAAAA 240
TGTTAACTGA CTTCCAGCCT CACCCGTGGG CGGTCAAA 278

配列番号:578 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00643

配列:

GATCAGGGCC CACTGATGAT GGTGAAGAAG AGATGGAAGA AGACACAGTC ACAAACGGGT 60
CCTGAGCAGT GAGGCAGATG TATAATAATA GGCCCTCTTG GAACAAGTNT TGCTTTTNGA 120
ACATGGTATA ATAGCCTTGT TTGTNTTAGC AAAGTGGAAT CTATCAGCAT TGTTGAAATG 180
CTTAAGGCTG CTGCTGATAA TTTNNTAATA TAAGTTTTGA AATCNAAATG TCAATTTNCT 240
ACAAATNATA AAAATAAACT CCACTCACNA TGCTAAA 277

配列番号:579 配列の長さ:277 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00644

配列:

GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTTGCCC GTNTTCTCAC AGTTATTAAC CAGACTCAGA 60
AAGAAAACCT CAGGAAATTC TACAAGGGCA AGAAGTACAA GCCCCTGGAC CTGCGGCCTA 120
AGAAGACACG TGCCATGCGC CGCCGGCTCA ACAAGCACGA GGAGAACCTG AAGACCAAGA 180
AGCAGCAGCG GAAGGAGCGG CTGTACCCGC TGCGGAAGTA CGCGGTCAAG GCCTGAGGGG 240
CGCATTGTCA ATAAAGCACA GCTGGCTGAG ACTGAAA 2777

配列番号:580 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00645

配列:

GATCAGGACC CACCTNCAGT NCTTCTGAAA GTGTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60
CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG GTCTCCACTC TCCGTCTGGC 120
CTAAAGGTGA TGTATTTGGT GTTTGGCCCT GCAGTCCCCA CTCTTGAGGC TTAAGGCGCA 180
TGTGGCACAN CACTNCTTCC AGCAGTAGTC GCTTTACTGT TACCNGTTTA GGCCTAGAAG 240
TTTTCCNNCA TCTGTAAATG TGATTTAAAA TNTAAA 276

配列番号:581 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00646

配列:

GATCTACTTA CTCAAGTCTN ATGAATNCTG NGCCTTTCAT CACATTCCTA GCCCACTCTC 60
ATCATTACTG CAGAAGGGTG TTGTGATGAC CAGTNTTATA CTGTGTTTTG ATATGTCTAG 120
CAATAACTTA AAGAAAAAAA AACCTGGGAA ATCTTCAACA TGNNNTNGGA ACATATATGT 180
ATGTATTAAT GNATATACAT GGCTTAACTT ATACGGTTAT GGCAGCNCCT GTATACAGTT 240
TGAACTCATG NACCTGAAAA ANAATTCTTA ANTTN 275

配列番号:582 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00647

配列:

GATCGCCATC ATGAACGACA CCGTAACTAT CCGCACTAGA AAGTTCATGA CCAACCGACT 60
ACTTCAGAGG AAACAAATGG TCATTGATGT CCTTCACCCC GGGAAGGCGA CAGTGCCTAA 120
GACAGAAATT CGGGAAAAAC TAGCCAAAAT GTACAAGACC ACACCGGATG TCATCTTTGT 180
ATTTGGNTTC AGAACTCATT TTGGTGGTGG CAAGACAACT GGCTTTGGCA TGATTTATGA 240
TTCCCTGGNT TATGCAAAGA AAANTGGAAC CCNAACATAG NCTTGCAAGT CATGGCCTGT 300
ATGNGGN 307

配列番号:583 配列の長さ:272 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00648

配列:

配列番号:584 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00649

配列

GATCTATACC AATTAAACAT TTTCATAGTT CTGCCTATTG TCCTTCCCTG AGGCTCCATT 60
GCTGCTTGGT GGCCATTCTC TGCCTTTTTA CAGTCACCTG AACAATGACC CATCATCTCT 120
TGCTTGCTTG AAATCTTGCT GAAATGTTCT CATTTCCTGT TTGCTGTATG GGCTCGGGTG 180
GGATGTTTGT TGGCTCTGTT GTGTTTATTC ACCAATTTGT ACATTATTTG TTGTCCTTTA 240
CTACTGTAAA CAGTAAATAT AGTTTGGTAT TCTGTCAAA 279

配列番号:585 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00650

配列:

GATCCCAGAC TGGTTCTTGA ACAGACAGAA GGATGTAAAG NATGGAAAAT ACAGCCAGGT 60
CCTAGCCAAT GGTCTGGACA ACAAGCTCCG TGAAGACCTG GAGCGACTGA AGAAGATTCG 120
GGCCCATAGA GGGCTGCGTC ACTTCTGGGG CCTTCGTGTC CGAGGCCAGC ACACCAAGAC 180
CACTGGCCGC CGTGGCCGNA CCGTGGGTGT GTCCAGNAAG AAATAAGTCT GTAGGCCTTT 240
GTCTGTTAAT AAATAGTTTT ATATACCTNN AAA 273

配列番号:586 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00651

配列:

GATCTNCCAC GTCTCCATCT CAGTACACAA TCATTTAATA TTNCCCTGTC TTACCCCTAT 60 TCAAGCAACT AGAGGCCAGA AAATGGGCAA ATTATCACTA ACAGGTCTTT GACTCAGGTT 120 CCAGTAGTTC ATTCTAATGC CTAGATTCTT TTGTGGTTGT NGCTGGCCCA ATGAGTCCCT 180
AGTCACATCC CCTGCCAGAG GGAGTTCTTC TTTTGTGAGA GACACTGTAA ACGACACANG 240
AGAACAAGNN TAAAACAATA ACTGTGTGTG TTAAA 275

配列番号:587 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00652

配列:

GATCTTATGG ATAAAACTCA GAAAGTGAAG GTGAAGAAAG AAACGGTGAA CTCCCCAGCT 60
ATTTATAAAT TTCAGAGTCG TCGAAAACGT TGACGTGTTA TAGATAAGCC TTGTCATTNT 120
GTATCAAAAA TCTGTTGTCG TTTTCTAGTA ACTTCAAATT CCATTACTCC AAATGGCATG 180
GTTTTCCGGT TTGTAACCAT AACTAAATTG TCAGTCTGAC ATTTAATGTC TTTCTATGGA 240
CAACATTAAA TCNCCCTCCC TTCTGTAAA 269

配列番号:588 配列の長さ:272 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00653

配列:

GATCAAGTGG CTTTCCCTGG GACCTGCCCA GCTTTGAGAA TCTCTNCTCA TCCACCCTCT 60
GGCACCCAGC CTCTNAGGGA AGGAGGGATG GGGCATAGTG GGAGACCCAG CCAAGAGCTG 120
AGGGTAAGGG CAGGTAGGCG TGAGGCTGTG GACATTTTCG GAATGTTTTG GTTTTNTTTT 180
TTTTAAACCG GGCAATATTG TGTTCAGTTC AAGCTGTGAA GNAAAATATA TATCANTGTT 240
NNCCAATANA ATACAGTGAC TANCTGAACA AA 272

配列番号:589 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00654

配列:

GATCGTCAAA TCTTTTNCAA ATTTAATNTA TATGTGTATA TAAGGNAGTA TTCAGTGAAT 60
ACTTGAGANA TGTACAAATC CTTCATCCAT ACCTGTGCAT GAGCTGTATT CTTCACAGCA 120
ACAGAGCTCA GTTAAATGCA ACTGCAAGTA GGTTACTGTA AGATGTTTAA GATAAAAGTT 180
CTTCCAGTCA GTTTTTCTCT TAAGTGCCTG TTTGAGTTTA CTGAAACAGT TTACTTTTGT 240
NCAATAAAGT TTGTATGTTG CATTTAAA 268

配列番号:590 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00656

配列:				
GATCAAAAAT AAAATGTTAT TTTTAAAGTT 1	CTNTTTGAG	ATTTTNCTTA	AGTTTTGGTA	60
GATATTCTTA AGTTTTAGTG ACCTCAGTTT				120
TATTATNAGT TATATAAAAC TATGCTTTAG				
CTGACTGCTT TNCCATTTNT GGTTGTACAA A	AATGAATTCA	CACTTTAATG		
CTTTAAATAA AGTACAGCGT GACTAAA				267
配列番号:591				
配列の長さ:265				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クロマン名:HUMGS00657				
配列:				
GATCTAGATT CTACATGTTA CCATTGGTTT				60
GCTGTACTAA GCAAATGCAA GGTTATAATT				
TGATTATGAT TTCATTTGGT TTAACTAAGC CTGTAGACAA ATGTAAATAA AGCCTGTGAG				
ANCTAGAGAT TTTTAANCTC TGAAA	ICHAGCATCA	WAIGHIAITI	dilununulu	265
ANCIAGAGAI IIIIAANCIC IGAAA				200
配列番号:592				
配列の長さ:264				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状	•			
クローン名:HUMGS00658 .				
配列:				
GATCTGGGGC CAGCTCACCG CTCACGTCCC				60
TAGAGCATGC ACCATTTTGA ACGTGACATT				
GACTTTAAAG ATGCTCTNNT TCTGTGTGTN				
AGTGATGAAC AAGTGGGAAA GCAGATTTGA	GACTATTICC	ITAICIGAAI	MITTANATUA	264
AATACAGCAT CTTTAAAANG CAAA				204
配列番号:593				
配列の長さ:262				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クコーン名:HUMGS00659				
配列:				
GATCTTTTAA AAAGATGATG CAGTTCTGTA				
GCCAATTAAN CAGGTTTCAT ATGTATTTTN				
AAAATTTCCT TCCATCCTGA ATAACGAATA				
TTGAGATTTC ACTACCTTTA TGTTAAAAGT	TGTGTATAAT	TUTTAAAATC	1010AAAUAA	262
TAAAAAGTGG ATTTAAATTA AA				202

配列番号:594 配列の長さ:260

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00661

配列:

GATCCATCCA AAAACAAGGA CTGCAGCCTA AATTCCAAAT ACCAGAGACT GAAATTTCA 60
GCCTTGCTAA GGGAACATCT CGATGTTTGA ACCTTTGTTG TGTTTTGTAC AGGGCATTCT 120
CTGTACTAGT TTGTCGTGGT TATAAAACAA TTAGCAGAAT AGCCTACATT TGTATTTATT 180
TTCTATTCCA TACTTCTGCC CACGTTGTTT TCTCTCAAAA TCCATTCCTT TAAAAAATAA 240
ATCTGATGCA GATGTGTAAA 260

配列番号:595 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00662

配列:

GATCCCTTTA TGAAACCTTG TGAATAGATG AATGTNTGGA GATGGCGACT AGTGGACAAC 60
AGAACAATAT TGGAATGGTG GTAATACGAG GAAATAGTAT CATCATGTTA GAAGCCTTGG 120
AACGAGTATA AATAATGGCT GTTCAGCAGA GAAACCCATG TCCTCTCTCC ATAGGGCCTG 180
NTTTACTATG ATGTAAAAAT TAGGTCATGT ACATTTTCAT ATTAGANTTT TTGTTAAATA 240
NNCTTTTGTA ATAGTCAAA 259

配列番号:596 配列の長さ:257 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00663

配列:

GATCHNGGCT AAGCCAGCCA GCCCNCCCGC GCCAGGNAAA ACAGGGCTGC AGGTGTCCTG 60
TCTCCCAGCC TCATCTGGCC GGCCTCCCCA AACATTTGCC TGTCCATCAG CTCTTCCTCC 120
TTTCGAGTCA TGTGGAAAGG GACAGGNCCA AGTGGCCTTG GTGTTTAAAT CTTGCCCTAA 180
ATTGTAACTC ACATGATTAT TTAAAGTCAC TAGANATAAG TAAGCACAGC AATAAAGNTT 240
TAATGGAATA AAAGAAA 257

配列番号:597 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00664

配列

GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAAAT GTATAATGTA TTTAGCTACT TTTTGGTTTA 60
AATGAACTTG TTGGGTTAGC TTGGTAAATG TTATAATTTT NACTATTTTC TACAAAGAAA 120
ATATTTTCTA ATTTAAGTTG GAGCTATCTG TGCAGCAGTT TCTCTACAGT TGTGCATAAA 180
TGTTTTTNCT ATAAAATGAG CTAATGTATA ANATACTGCT GTATACCATA ATAANGATAG 240
TAATACTTGA AA 252

配列番号:598 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00665

配列:

GATCATTAGT TGAATCGGTA TCATCTTCAC CAAATAAAGA AAGTAATGAA GAAGAGCAAG 60
TGTGGCACTT CCTTGGCAAG TGATTGAAAC ATCTGAAATT CTGCTGTCAA GATTCCCATC 120
TCTAAGGACT CCAAGTGCTA GAGACAAGGG GGTCTATGAG CATTTACTGA CTTCCTGTTA 180
AAACTTCATT TTTTCAAACT TTTTGAGCTA TGCAATATAT AANTAAACAG TAAGAATTTT 240
AAATTACAAA 250

配列番号:599 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00666

配列:

GATCCTTCTT CCTTTCACTG GTCGTGCCTC CCANNAGGTG CAGAGATTCT TAGAAGAGGA 60
GGTGTATCCC CTGTTAAAAC CATATGAAAG CGTGATGAAG GTGAAAGCAG AATTATGTCT 120
GTAGAGTTGG AAGAGAATTA AACGAAAATC ATTGTTAATT GCTGAGGCAT GAAAATTGTG 180
TTACTATAAT GCCTTATTTT ACCTCGAGAA TTGTTACCTT AAATTAGTAC AGCACTTTCT 240
TCTTCCCAAA 250

配列番号:600 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00667

配列:

GATCCTTCAG TTACATACAA TTTGTTTAAT GAAATGTCAT GGCTCTGTTC ATATTTNNT 60
NTTGTNCTTC CAATTGGTAT ATACAACTTT CAGAGCCTCT TGTATTTGGA AGGCTGGAAG 120
GGCCCAGACT TTGGAATAGT GTCTTGGTTT CACTGTTTTN GTTTTGATTT TTTTTTTGTT 180
TNGATTTTTT TAAAACTAAA GCTATATAAA GCTTGNGGAT TAANCAGANT AAATTCCTAA 240
ATTTAAA 247

配列番号:601 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00668

配列:

GATCCAGGGT GTGTGTGAGT TGAGGGTGGG TGGAGGGGTT TGCAGTGTGG GAATGTGGCC 60 CTGCAGTTGA CCTGAGCTGC TTCACATGGT TGTCCATTCT GGGGCTTAAA GAACTGGGAC 120

CAGACCAAGT AGAGGCCTTG GTGCTGNTTG GGGTGGGGCC TGCAGANTCT TAGTTACTGA 180
TTTCATTTC AATAAATGTA GGTTTGTTAC ATGAGTTTCC CAATTAAAAA AAAAATGACT 240
TCTAAA 246

配列番号:602 配列の長さ:284 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00669

配列:

GATCAGAATT TCACCAGGGA GTAAAATTAC CTGAAAACGT AAGANGTTTT AAACAGCTTT 60
TCACACAAAT TAGATGCAAC TGTTCCCATG TCTGAGTACT TATTTAAAAG AAAGGTAAAG 120
ATTGGCCTGT TAGAAAAAGC ATAATGTGAG CTTTTGATTA CTGGATTTT TTTTTTTTNA 180
AACACACCTG GNGNGGNCAT TTGAAAACAC TNTTCTTACC CTCGANCCCT GATGTGGTNC 240
CATTATGTAA ATATTTCAAA TNTTAAAAAT GTATATATTT GAAA 284

配列番号:603 配列の長さ:249 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00670

配列:

GATCGAGGTG GAGAAGCCCT TTGCCATCGC CAAGNAGTAG GGCACAGGGA CATCTTTCTT 60
TNAGTGACCG TCTGTGCAGG CCCTGTAGTC CGCCACAGGG CTCTGAGCTG CACTNGCCCC 120
GGTGCTGGCA TCTGGTGGAG CGGACCCACT CCCCTCACAT TCCACAGGCC CATGGACTCA 180
CTTTTGTAAC AAACTCCTAC CAACACTGAC CAATAAAAAA AAATGTGGGT TTTTTTTTT 240
TTAAATAAA 249

配列番号:604 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00671

配列:

GATCGGAATG GTGGAGAACT TCAACCAGGC ACTCAAGGAA ATTGGGGATG TGGAGAACTG 60
GGCTCGGAGC ATCGAGCTGG ACATGCGCAC CATTGCCACT GCACTGGAAT ATGTCTACAA 120
AGGGCAGCTG CAGTCTGCCC CTTCCTAGCC CCTGTTCCCT CCCCCAACCC TATCCCTCCT 180
ACCTCACCCG CAGGGGAAAG GAGGNAGGCT GACAAGCTTG AATAAAACAC AAGCCTCCGT 240
TAAA 244

配列番号:605 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00672

配列:				
GATCCCCTTT CCGTAAAAGC GTGTAACAAG	GGTGTAAATA	TTTATAATTT	TTAATACCTG	60
TTGTGAGACC CGAGGGGCGG CGGCGCGGTT				120
AACAGCAATT CCAGGCTCAG TATTGTGACC				
GTTGCCTTAC CCGATGGCTT GTGACGCGGA	GAGAACCGAT	TAAAACCGTT	TGAGAAGCTC	240
CAAA				244
		•		
配列番号:606				
配列の長さ:242				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00673				
配列:	·			
GATCTTTCCC ATNTCTACCT AAGTCAGCTT				60
AATAAGAAAA TAACAAAGCC CTTATTCTCT				
TCCAGTTCCT CTTTGGTGTA CAGACTTCTT			*	
TCATAAGTCG TCACTAATAC ACAGTTTTGT	ACATGTAACA	TTAAAGGCAT	AAATGACTCA	
AA				242
配列番号:607				
配列の長さ:245				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状		•		
クローン名: HUMGS00674				
配列:				
GATCCGGGTG GATGCACAGC CCGTCAAGGT	CTATGCTGAC	GNCTCCCTGG	TCTTCCCCCT	60
GCTTGTGGCT GAAACCTTTG CCCAGAAGAT				120
CTGAGCGGCT GCGGTCCCAG GAAGGTCTTA	CCCCCTCTNC	TATTTATNAA	TTTGCAGACC	180
CAGCCCNTCC CCTACTTTTT GGTCAGCTAC	GNCTCTAGAA	TAACNCCCGG	TATCTGAAGT	240
CCAAA				245
配列番号:608				
配列の長さ:245				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				•
クローン名: MUXGSC0575				
配列: GATCTCTACC ATTTAATTAA GAAAGCAGTT	ርኒቦጥር ጥጥ ር የ	ል ር ር ል ጥር ምጥር ል	CACCAACAGA	60
AAGGATAAGG ATGCTAAATT CCGTCTGATT				
CGATATTATA AGACCAAGCG AGTCCTCCCT				
TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TOTAL CONTROL TO THE TAX TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL TO THE TAX TOTAL CONTROL				

配列番号:609 配列の長さ:241

ACAAA

· 245

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00676

配列:

GATCTAAAAT GTCACATTCA GATTTTNAGG AAGAAAATCT TCATTACAGT GGAGCACAAA 60
TNTTCCATAC AAGACATCAT TGAGGNAGCA TGCTGTCCCC TTCTAACCTG AAACACATTC 120
TTTCCCATCC NGGTTGGGCT TCTNTACCNC CTTATTAATT TATGAACCNG AAGTTGCTTG 180
AAGTGTTTTG GGCTTAATAA ATGGGGTGAA AGTATAGGTA GCAGTAACAC CTACATGNAA 240
A 241

配列番号:610 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00677

配列:

GATCTTCTGA GGTCAGGAGT TTGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCAGTCTCTA 60 CTGAAAATAC AAAATTAGCC GGGCATGGTG GTGCACGCNT GTAGTCCCAG CTACTTGGGA 120 GGCTGAGGCA GGAGAATCGC TTGAACCCAG GAGGCGGAGG TTGCGGTGAC CCTCCAGCTT 180 GGGCAACATG TTATGANTGA AACTCCATCT CAAAAAATAA AAAAAAAAAA GGGNNGCAAA 240

配列番号:611 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS00678

配列:

GATCTGTGAA GGCTTCCCTG ACCNNTGCCC AGGAAGAGTT CACTGGTCGC TCTGTTGTGC 60 CCCACAGCAC TTTGTTATAC CTCTGCCACA CACTTCACGC AGCGCGTTGT AACTCATGTG 120 TTTACATGTC TGTCCCNCCA GACTGTNAGC TCCTTGAGGG CAGGGACTGT ACATTCTCCA 180 GCTCTGTGTC CCCAGGGCCT GGCACATTGT AGACGCTTAA TAAATTTCTG TTAAATGAAA 240

配列番号:612 配列の長さ:242 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00679

配列

GATCAGCTCC TTGACCTCTG AGGGGCAGGN GTGCTTCCTG GTGTGTGTAT TAGAATCCCT 60
TCCTGCCTTG TTTCATGGCA GTGAAATGCC TCTTGGTCCT GTCCAAGTGT ATCTTCACT 120
GATTTCTGNA TCATGNTCTA GTTGCTTGAC CCTGCCANAT GGGTCCAGTG TTCATCTGAG 180
CATAACTGTA CTAAATCCTT TTTCCATATC AGTATAATAA AGGAGTGATG TGCAATAGCA 240
AA 242

配列番号:613

配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00680

萨勒

GATCGCAACA ATNAGCCATC CACATNCGTT TTTCAGGGTC ACACCCAAGT AATTGAAAAG 60
ACACTCCTCC ACTTATCCCC TCCNTAATAT GGCTCTNCGC ATGCTGAGTA CTGGACCTCG 120
GACCAGAGCC ATGTAAGAAA AGGCCTGTCN CCTGGAAGCC AAAGGACTCT GCATTGAGGG 180
TGGGGGTAAT TTTTTCTTGG NGGGCCCAGT TAGTGGGCTT NCGNANTGTN TGTATGNGN 239

配列番号:614 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00681

配列:

GATCCAAATA AACAGACCCC GTCTGGCAAG AAATGCATTG CAGCCAAAAA AATTAAACAG 60 TCGGTGGGAA ACAAAAGCAT GTCCTTTCCA ACTGGAAAGT CAGACAGAGG CTTCAGGTAC 120 AACTGGCCAC AGAGATAGTC CTGGAAGACA CGTGGCGCCT GTGGACCGGA AGCACCAAAT 180 GCTGGTGCTG CTTTTGTACA TACATATTTT TAAACCATTA AAATTCTTCC TGAAGAAA 238

配列番号:615 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00682

配列:

GATCCATAGT CAGAAAAGTT ACTGCAGCTT AAACAGGAAA CCCTTCTTGT TCAGGACTGT 60 CATAGCCACA GTTTGCAAAA AGTGCAGCTA TTGATTAATG CAATGTAGTG TCAATTAGAT 120 GTACATTCCT GAGGTCTTTT ATCTGTTGTA GCTTTGTCTT TTTCTTTTC TTTTCATTAC 180 ATCAGGTATA TTGCCCTGTA AATTGTGGTA GTGGTACCAG GAATAAAAAA TTAAGGAATT 240 TTTAACTTTT CAAA 254

配列番号:616 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00683

配列:

GATCAAAGAA AGAAGGCATA CGCNGATTTC TACAGAAACT ATGATGTCAT GAAAGATTTT 60
NAGGAGATGA GGAAGGCTGG TATCTTTCAG AGTGTAAAGT AATCTTGGAA TATAAAGAAT 120
TNCTTCAGGT TGAATTACCT AGAAGTTTGT CACTGACTTG TGTTCCTGAA CTATGACACA 180
TGAATATGTG GGCTAAGAAN TAGTTCCTCT TGATAAATAA CCANTTAACA AATNCTTTNG 240
ACAGAAA 247

配列番号:617 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00684

配列:

GATCTCCACC TGAGCCAAAG AAACCTGAGG AAAATCCAGC TTCTAAGTTC AGTTCTGCAA 60 GCAAGTATGC TGCTCTCTCT GTTGATGGTG AAGATGAAAA TGAGGGAGAA GATTATGCCG 120 AATAGACCTC TACATCCTGT GCTTTTNTCC TAGTTTCTCT CCACCCTGGA ACATTCGAGA 180 GCAAATCAAA ACCTCTATCC AGACAAGACA AAATAAAACT CAACATCTCC TGAAA 235

配列番号: 618 配列の長さ: 238 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00685

配列:

GATCTGTTCC TTGGCAGTGG ACTCAGAAAG CCAACATGTG GCTCCTCCA GCCCATAACC 60
AGTATTTTC CTGCTTCTAA ATACAAATNG GTTGGTTTTA ACTTCANATT GANCTTACTG 120
TAGCCTCAAA TGATTTCCCC CCTCCGCCTC CAGGAAGAAA GAATGTNACT GCCTTAATAA 180
AAAATGAAAA GAGAATGATG CTCAAAATCT TTCCAAAATAA AATGTTCCCT ATATTAAA 238

配列番号:619 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00686

配列:

GATCCGCCCT CGAATGGACA CATTACCAGT GAAGGGGCAT TTNTNGTCAA TGTAGGTGCC 60
CTCAATAGCC TCCTTGGGTG TNTTGAAGCC CAGACCGATG TTCTTGTAGT ACCGCGGGAG 120
CTTCTCCTTG CCAGTTTCTC CCAGCAGGAC CCTCTTCTNG TTTTGAAAGA TGGTCGGCTG 180
CTTTTGGTAG GCACGCTCAG TCTGAATGTC CGCCATCTTC CCGGCCGGCT GAAA 234

配列番号:620 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00687

配列

GATCCCCAAG CCTGGCAAGG GAATTINTTC AACTCCCTGC CCCCCAGCCC TCCTTATCAA 60
AGGACACCAT TTTGGCAAGC TCTATCACCA AGGAGCCAAA CATCCTACAA GACACAGTGA 120
CCATACTAAT TATACCCCCT GCAAAGCCCA GCTTGAAACC TTCACTTAGG AACGTAATCG 180
TGTCCCCTAT CCTACTTCCC CTTCCTAATT CCACAGCTGC TCAATAAAGT ACAAGAGCTT 240
AACAGTNNAA A 251

配列番号:621 配列の長さ:241 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00689 配列: GATCCATCAT CCGNCAATGT TAAAAGG GGAGTCAGAG CGAGAAGCCC GGAGGGT GTCGGGTTCG ACCACTTGGC CGAGGGG CCGCCACACG TAACTGAGAT GCTCCTTA	GCG CTGAGCTTGG AAT GGTCTGTCAC	CTGCTCGCTG AGTCTGCTCC	GGTCTTGGAT TTTTTTTTGT GTTAACTCAA	180
配列番号:622 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00690 配列:			•	:
GATCCTCCTG CCTNGGCCTC CAAAAGTACTTNATCT TGAATGAGTG TTGGAT				
ATCATGATTT TNNCCTCTTT AGTATC TGTTGAATCA GTCTNGCATA CCTGGA				180 231
配列番号:623 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00691				
配列: GATCTATGAA ATCTGTGTAG GTTTTA				
CTTTTAGTAC TTCAGTGTTT AAAGAA TCNCTTTTTG TTTAAACCAA GCAGTT TCTGCAAATN NTGATTGGNA TTGCAC	GANA TGGCTATAA	A GACTGACTCT	AAACCAAGAT	
配列番号:624 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00692 配列:				
GATCCCATTT AGGAANCGGC ATTCAC CTATTTTAAA TAGTTTGCTG AAAACT				

231

GCTTGTACAG TTAACCTTTA ATTTTATTTA GTAAAGTGTA TCAAAGTAGG ACTTTTTTGA 180

ATTGTAAATA GGTGGTTTTA TTAAATAAAA GTCAATGTAA AAATTGTTAA A

配列番号:625 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00693

配列:

GATCCGGAGG GAAATGTGTT AGAGGGTCTG GAAAATTCAG TGCTTTTGAG TTACTTGTTT 60
TTATTAAAAA TTTCCTCACA AAAGAGAGTC CTCAAGTTGT GGCTGTTCTT GGGAAAGGGG 120
TCACCGTGTC TGACAAAGTG TAACTTTAAA AAGCACGTTG ATTTTTTACA AATGTAAGTG 180
TGCTTGGGAA TTCCTTAAAT TTTGTGCAAT AAACTATTTT TTGGAAGAAA 230

配列番号:626 配列の長さ:202 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00694

配列:

GATCCAATCA TATTTNCTGT AGGGTGGAGG AGGTTTCAGA CCATCCCGCT CTGTTATATC 60
GAAGACCACA ATGGAAGACA AAGGCTTCTA AAGTATACCC CACAGCACGT GCATCGCGGA 120
NAGCCTNCTT GGGATAAAAT ATGTTTACAA TAACTTGCCT ATTGCTGAGA TTAAACCTTA 180
CAGGCTGCGT TATTTTAGCA AA 202

配列番号:627 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00695

配列:

GATCCATTGT ATCAGTACCT CACAATCAGA GTTGGCAAAT GATGGATGAG TGATTCAAGC 60
AGTGCACCCG GTGGAAGCTG AAATCCATCT GTGAATGGAA CTGAAGTGAA CGTGAATATG 120
CTGACTATAT CCTGGAAGCA TTTTTATACC ATCTTGAAAT TTCAACANAC TGGCTTTTGC 180
CAGTTAATCC AGCTGTCTTT CAAGAATAAA AGTTGGGGTT TTCAAA 226

配列番号:628 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00696

配列:

GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGANACCAG CCTGGCCAAC AGGGTGAACC CCGTCTCTAC 60
TAAAAGTACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCGGACGCTG TAATCTCAGC TACTTGGNAG 120
GCTGAAGCAG GAGAGGTGCT GGAACCTGGN AGGCGGAGGT TGAAGTNAGC CGAGATTGCC 180
CTATTGCACT CCAGCTCGGG CGNCAACTGC AAGACTCCAT CTCAAA 226

配列番号:629

配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00697

配列:

GATCTGTTAA TTTCCTATCT AATAAATGCC TTNAATTGTN CTCATAATNA AGAATAAGTA 60
GGTATCCCTC CATGCCCTTC TGTAATAAAT ATCTGGAAAA AACATTAAAC AATAGGCANA 120
TATATGTNAT GTGCATTTCT AGAAATACAT AACACATATA TATGTCTGTA TCTTATATTC 180
AATTGCAAGT ATATAATAAA TAAACCTGCT TCCAAACAAC AATAAA 226

配列番号:630 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00698

配列:

GATCAGAGTA ATTCTTTTGT ACATTGAAAT NAGGGGCTTG GTTTAAAAAA AGACCTTTCC 60 CTCTCCCTGC CCCTAGAACA ACCAGTATTA GAAGGTGCCA CCATTGGTGC TGCCTTCTNT 120 TCCCACAGCC TGTAACTCAG TGTTTTGTAC TTCACTGAAT TGTGATGGNT AGAAACTTCG 180 TGGGTAGNNN NTGGGAATCA TCCNGTTAAA CAANACGGGN TTTAAA 226

配列番号:631 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00699

配列:

GATCCTTGGT GTACTGAGCA GTTTCTTTGG GGCTTTTTCT TTCTGGGAAG CGGGAGGGAA 60
AGGAGCAAGG TGTCATCCTG CTCTTCATTT GTATTTTGGT CCCAAAATGT AAATACAATT 120
TNTTATGTTA CTTTTTTGTG GTAACTACCG AGATGAATAT TTTAATTAGA TAAGTTATAT 180
GAAAAGGAAA ATTCCATGTC TAAATAAAAA ACAAACTCCA AA 222

配列番号:632 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00700

配列:

GATCTTCTGG ACAAACTTCT GCGATACGAC CATCAACAGA GACTGACTGC CAAANAGGCC 60
ATGGAGCACC CATACTTCTA CCCTGTGGTG AAGGAGCAGT CCCAGCCTTG TGCAGACAAT 120
GCTGTGCTTT CCAGTGGTCT CACGGCAGCA CGATGAAGAC TGGAAAGCGA CGGGTAATGC 180
GGCATTGATG CTTNCCAATA AAACCAACCA ACCAAACACA AA 222

配列番号:633 配列の長さ:221

221

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00701 配列: GATCCACCCA GTTCTTTAGG CAACCACTGA TAGCATTTTC TTAAGTATTC TTCCAGATAT 60 CGTCTATGCA TATGTAAAAG TATCTGNCTT TCTCCNTTTA AAAACACAAT TGGNAATATA 120

AATGNGCAAA TTTTNGCATC NGCCCTAAAT ATCTACTGGN N

配列番号:634 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00702

6136L.

GATCACTCGT TTAAGTCCTT AGTTGTATGT NATCTCTTCT CTAGCAGGAA TTGGCAAACT 60
TTTTTTGTAAA GGGGTAGAAA GTGAAGATTT TAAGGCTTTG CAGGCCATAT ATCCTCTNCT 120
GCAAATNCTC AGCCCTGCTG TTGTAATGTA AAANCTNCCA CAGACACTAC ATGAACACGA 180
ATGAGTGTGG CTGGTGTTCC AATAAAACTT TATTTACAAA 220

TCATACTNGC TEETTTECAC CINCCITTIT TIGCTIAATA TATCTAGTIT ATAATGNCCN 180

配列番号:635 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00703

配列:

GATCATCAAA CCAGTCCACA AGCACAGGGA GATGCGTGGG CTGACATCTG CAGGCCGAAA 60
GAGCCGTGGC CTTGGAAAGG GCCACAAGTT CCACCACACT ATTGGTGGCT CTCGCCGGCC 120
AGCTTGGAGA AGGCGCAATA CTCTCCAGCT CCACCGTTAC CGCTAATATA NGTAAAGTTT 180
NGTAAAATTC ATACTTAATA AACAATTTAG GACAGTCAAA 220

配列番号:636 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00794

配列:

GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGGCTTCAC CAAGTTCAAT GCTGATGAAT TTGAAGACAT 60
GGTGGCTGAA AAGCGGCTCA TCCCAGATGG CTGTGGGGTC AAGTACATCC CCAGTCGTGG 120
CCCTCTGGAC AAGTGGCGGG CCCTGCACTC ATGAGGGCTT CCAATGTGCT GCCCCCCTCT 180
TAATACTCAC CAATAAATTC TACTTCCTGT CCACCTAAA 219

配列番号:637 配列の長さ:215 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00705

配列:

GATCCTCTCT CGACTNGCCA TACATTTCTT TCACAGCATT TACATAGTCC ATGATAGTTT 60 ACTTGTGGGA TTATTTGGTT AATCTTTGCC TTTAACACCA GGGTTCCTTG GGTGAAGGAG 120 CTTCTTTATC TNGGTAACAG CATTATTTCA AGCATAACTN GTAATATAGT NATATTACAT 180 215 ATATANCATA TATATATATN NCANANCANA TATAN

配列番号:638 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00706

配列:

GATCTGGTTT CTTAGCAAAT TTCCCAGTAG GATGTCATGT AAGTNCCTTC CCCCTCTTAG 60 AGATTGAAGG CTGTAAGAGT CCAGATGGTG GAGCCAGGCT GTCTGGGTTC AAATGCCATC 120 TTTGACACTT GCAAGCTAAA TNACATTACT CAAATTAATC GTTCTGCACT TCAGCTTCCN 180 TGTCTATCAA ATAAAAAGAA TAGTACCNGC CAAA

配列番号:639 配列の長さ:215 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00707

配列:

GATCATTGTA GATGANCTGA AGCAAGANGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGAACCACC 60 CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGNCTGCTGA TGGCCAGACT CTGTTTGCTG GCTACACGGA 120 CAACCTGGTG CGAGTGTGGC AGGTGACCAT TGGCACACGC TAGACGTTTA TGGCAGNGCT 180 215 TTACATGTGG GGGAATAACN TGGCTTTTCT GTAAA

配列番号:640 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00708

配列:

GATCAAACCA AGGCCCAGGC TGCAGCCCCA GCTTCAGTTC CAGCTCAGGC TCCCAAACGT 60 ACCCAGGCCC CTACAAAGGC TTCAGAGTAG ATATCTCTGC CAACATGAGG ACAGAAGGAC 120 TGGTGCGACC CCCCACCCCC GCCCCTGGGC TACCATCTGC ATGGGGCTGG GGTCCTCCTG 180 220 TGCTATTTGT ACAAATAAAC CTGAGGCAGG ATTTGTTAAA

配列番号:641 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00710

配列:

GATCGAGAAC CACATCCTCA AGCTCTTCGA GAGCAACCTG GTGCCCGCTA AACCCTGAGT 60
GAAGGCCGCC TGCCGGGGAC TCAGACACTC AGGGAACAAA ATGGTCAGCC AGAGCTGGGG 120
AAACCCAGAA CTGACTTCAA AGGCAGCTTC TGGACAGGTG GTGGGAGGGG ACCCTTCCCA 180
AGAGGAACCA ATAAACCTTC TGTGCAGAAA 210

配列番号:642 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00711

配列:

GATCTGGTTT TATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTTGT GAGGGGGGG AATAATATGT 60 GGTTTTTGTA CAAACATGTT TCTCAGTGTG TTGTNATTTT GGAAAAAATG AGGGGAGGGA 120 GTTTGGCAAG AATGGAGAAA ATGAATGAAG AAGGCCTAAT CTCTCTTTT TTCAGTNAAT 180 AAATGGAACA CCATTTCTGG ATTCTAAA 208

配列番号:643 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUNGS00712

配列:

GATCTGTACA TTGTAAAACA CCATTCAAGT GTCAGAATCA TTATTTTCCA CCACTTATCA 60
TGGTGCTTGA CAAGTCTTCC CAATAAATAC TGAATGAACA AATGAATGC AGAAACATTA 120
AAATGAACAC TATGGGGAAA GGGGAAGAGA GGCAGAATCA GAAATTATCC NGAATAAATA 180
TTTATNCCAT TTGTCATCCN NCNAAA 206

配列番号:644 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00713

配列:

GATCTATGTG GTGAAAATSC ACAGGAGCTT GGTAGACTGC GGGGGAAAGA GAGAGCTCCT 60
TTCGCCATGT TTTACCAGTN TGCTGTTATA ACCTCTTAGG TTGTATCCTT TAATTTCCAG 120
CCTTTTAGGT TAGTTTCTGT AACAGAACAA GTGAGTCTGG GATGAAGTCC TCAAAGTACT 180
TCAAATGGTA ATTTTTTGT TTTTGTAATA GCTNAACAAA TAAACCNAGG GTTTCTATAT 240
TAAA 244

配列番号:645 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00714

配列:

GATCTATGAA TGANAGGAGG GCAGACCACA TTGCTTTTNA CATCCATTTC CCCTCCTTCC 60 CATGGGCAGA GGACCAGGCT GTAGGAAATC TAGTTATTTA CAGGAACTTC ATCATAATTT 120 GGAGGGAAGC TCTTGGAGCT GTGAGTTCTC CCTGTACAGT GTTACCATCC CCGACCATCT 180 GATTAAAATG CTTCCTCCCA GCATAGGATT CATTGAGTTG GTTACTTCAA A

配列番号:646 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00715

配列:

GATCTACATC TTTTTCTAAA GAAAAGTGGA GCTTGCCTCC AGTTCAATTC ACAAGAGCAT 60 TTTCCCTCCC ATGCCCACCT TTTCTTGTGG CTGTCGCTAG GAAGGATGCA GAGGCTGTGT 120. GGTTTACCAA ATGCCTTAAC TTAGCAGTGA ATGACAACTG TCAAACACAT GTTGAGGGGA 180 200 AATTTTTACT GATTCACAAA

配列番号:647 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00716

配列:

GATCTGCCGC AAGTGCTATG CTCGCCTTCA CCCTCGTGCT GTCAACTGCC GCAAGAAGNA 60 GTGTGGTCAC ACCAACACC TGCGTCCCAA GAAGNNGGTC AAATAAGGTT GTTCTTTCCT 120 TGAAGGGCAG CCTCCTGCCC AGGCCCCGTG GCCCTGGAGC NTCAATAAAG TGTCCCTTTN 180 200 ATTGACTGGG GNNGNANAAA

配列番号:648 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00717

GATCCAGAAG GGGTTTGGTC TGGGACTTCC TTGCTCTCCC TCTTCTCAAG TGCCTTAATA 60 GTAGGGTAAG TTGTTAAGAG TGGGGNAGAG CAGGCTGGCA GCTCTCCAGT CAGGAGGCAT 120 AGTTTTTACT GAACAATCAA AGCACTTGGA CTCTTGCTCT TTCTACTCTG AACTAATAAA 180 199 TCTGTTGCCA AGCTGGAAA

配列番号:649 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00718

配列: GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTTCCCTGT CCCCACAGCA 60 GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA AACCAAGTGN NAGAGCCCCT 120 TCCCCTTGTT TTTATTTTAC TGTTATAATA ATTATTAACT TCCTTGTAAT AGAAATAAAG 180 TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA 206
配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00719 配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180
AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 配列番号: 651 配列の長さ: 198 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAAGAC CTCTTAAA
配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列:
GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA
配列番号:653 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00722

配列:

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

GATCTGGACT GTCCTGGCAT CGAACTCTCC CTCTGTGTGT AATTGGAGGA GACCACAAGC 60 TGTTGTTTTG GGTGACTGAA GTATAAAGTG TTTNCTGTAC CTTAGATTCA CAAACTTTGT 120 ATTTTNAGTA CATATTTNNA AGAATTTCTA TAGTACATAT NTNNAAGAAT TTTNATATCA 180 AATATACCGT ATACTNN 配列番号:654 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00723 配列: GATCACCGCC GCGAGTAAAA AAGGCTCCAG CCCAGAAGGT TCCTGCCCAG AAAGCCACAG 60 GCCAGAAAGC AGCGCCTGCT CCAAAAGCTC AGAAGGGTCA AAAAGCTCCA GCCCAGGNNN 120 GCACCTGCTC CAAAGGCATC TGGCAAGAAA GCATAAGTGG CAATCATAAA AAGTAATAAA 180 201 GGTTCTTTTT GACCTGTTAA A 配列番号:655 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00725 配列: GATCTGCAGT TTAAGTTGCC ATGCTGCTAG GAAATTGTCC TTTTNCTTTC TAGCTGTTAA 60 CCTACTTCCT GGAAAAAGTA GTAGCTCTCT GTAGCATTAT GGAGTTTCAG TGGAACCAAA 120 TNTTTGCCAT TAAAAACTGG CATTATACTG AACTATACAT TGAGAAATCA ATCAAAATAA 180 199 AANTTTTNAC TTTCACAAA 配列番号:656 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00726 GATCTGGTTT CTAGCAAATT CCCAGTAGGA TGTCATGTAA GTCCTTCCCC CTCTTAGAGA 60 TTGAAGNTGT AAGAGCCAGA TGGTGGAGCA GGCTGTCTGG GTTCAAATGC ATCTTTGCAC 120 TTNAAGCTAA ATGACATACT CAAATTAATC GTCTGACTCA GTTCCTTGCT ATCAAATAAA 180 196 AAGATAGACC TGCAAA 配列番号:657 配列の長さ:201 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00727

GATCTGCCTG CCTCAGCCTC TCAAAGTGTT GAGATTACAG GCGTGAGCAN CCGCTCCCTG 60

CCCAACACAT ATACCATCTG AAAATGTTAG AATTCTGAGT TGTGATTTTA TTGACTTGTT 120
GCTTGCTTTT CCTNAGGCTT TGTAACTTGT AATATGTTAA AGTGTACTAT CCTAATAAAC 180
TGAATACTTT GGTATCTTAA A 201

配列番号:658 配列の長さ:197 配列の型:核骏 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00728

配列:

GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAAATCTTTC CATCTAGGGC AAGTCCTGAA AGGCCCAAGG 60 CCCCCTCCCC AGTCTGGCCT TGGCCNCCAG CCTGGAGAAG GGCTAACATC AGCTCATTGT 120 CAAGGCCACC CCCACCCCAG AACAGAACCG TGTCTCTGAT AAAGGCTNTT GAAGTGAATA 180 AAGTTTTAAA ANCTAAA 197

配列番号:659 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00729

配列:

GATCGTNTTT GTTTTGTTTT TAAAGAAAGG TGAGATTGGC TTGGTTCTTC ATGAGCACAT 60
TTNATATAGC TCTTTTCCTG TTTTNCCTTG CTCATTTCGT TTTGGGGAAG AAATCTGTAC 120
TGTATTGGGA TTGTAAAGAA CATCTCTGCA CTCAGACAGT TTACAGAAAT AAATGTTTTT 180
TTTGTTTNNC AGAAA 195

配列番号:660 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00730

配列:

GATCTCAAAC TCCAGGCTCA GAACTGTGAA GACTGTTTCC AGCCTGGCTG TGAGCCAAGA 60 CCTGGTTCCT GGTGGACCCT GAGGACAAAG TGTGATAAAA CCTCTGGCTC AGACTTGCTC 120 TACTGAAGGC TTCTTGGTTA TAAGATGCAT AAAGTCACTG GGGCTAGCTA AACAATAAAG 180 AGTTTATTGT GAGAAA 196

配列番号:661 配列の長さ:194 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00731

配列:

GATCTAATGT ACTGTAACTT TATCAGTGAA AGGTAAAATC TCAAATAACA AGTACAAACA 60 TTGAACAATT ACCTATAAAG ATTTNTAAAA GTAAAAATTTT TCCAATAGAT TTCATTCTTG 120

TCATTTTGTA AGACGACCCT GCAGTCCACC NGTTTGTAAC TTTTTTAATA AAATAGACAT 180 CTGTATTACT GAAA 194
配列番号:662 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00732 配列: GATCAAGAAA ATAAGGACAA CGTGAAGTTT AAAGTTCGAT GCAGCAGATA CCTTTACACC 60 CTGGTCATCA CTGACAAAGA GAAGGCAGAG AAACTGAAGC AGTCCCTGCC CCCCGGTTTG 120 GCAGTGAAGG AACTNAATAA ACCAGACACA CACAGAACAG GCGATTATTT ATTTGTTTTT 180 AATTTATTTT GTCATATTTT TGTAAAACGG CAGAAATGCA ATAAAACCTA TATTTCAACA 240 GTGAAA
配列番号:663 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00733 配列: GATCATATTT TATACATGTG TAATAGATAA AAATAAACCA GATTGCAAAT CCTTTTTTAA 60 AATCCTAAAC CATGTACCAA GTTTTTGGTC CAAATTATGT AGGATAAGTT AAACTTAAAT 120 TGCATTCTAT TAACCAATAT GAGTGTATTT CTGTAAGCAT AGTTATGTTG AAATAAAGTT 180 192
配列番号:664 配列の長さ:191 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGSO0734 配列: GATCTTCACA CTAATGATGA GTGTGTGGCT ACATACAAAG GAGTTCCCTT TGAGGTGAAA 60 GGGAAGGGAG TATGTAAGGG CTCAAACCAT GAGCAACAAG TGGAATCAAA TAAAATGCTT 120 CCACNACCAA AAGACATTAG AGAAAACCTT AAAAGTAATA AAGNGAAATA TATTTNTCAC 180 191
配列番号:665 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00735 配列: GATCTGAATC TNCCGGGGCC CCAGCCCACT CCACCCTGCC AGCAGCTTCC AGCCAGTCCC 60 CACAGCCTCA TCAGCTCTCT TCACCGTTTT TTGATACTAT CTTCCCCCAC CCCCAGCTAC 120

CCATAGGGGC TGCAGAGTTA TAAGCCCCAA ACAGGTCATG CTCCAATAAA AATGATTCTA 180 CCTACAAA 188

配列番号:666 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00736

配列:

GATCTNAAAC CCAAGGGTCT GAGGCCAGGG CCGACTGCCG TAAGATGGGT GCTGAGAAGT 60
GAGTCAGGGC AGGGCAGCTG GTATCGAGGT GCCCCATGGN AGTAAGGGGA CGNCTTCCGG 120
GCGGÁTGCAG GGCTGGGGTC ATCTGTATCT AAAGCCCCTC GGAATAAAGC GCGTTGACCG 180
NCGAAA **
186

配列番号:667 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00737

配列:

GATCTGTAAA TAATCATTGC CAGTNTGACT TTTGTTCAAC AAAAGGATTG TACTGTATTA 60
AGAACCGATG AAAAAAATTN TCCTGTAACA TTTTTTTAAG AAAACTTTGT TTGTTTAAAG 120
AAAAAGTATT GTATAANTNA TAATTTTAAT TTAAATAAAC CTAAAATGCT TTGTGCTAAG 180
GAAA

配列番号:668 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00738

配列:

GATCCCAGAA AAGTTCTAAT TTTCATTAGC AATTAATAAA GCTATACATG CAGAAATGAA 60 TACAACAGAA CACTGCTCTT TTTGATTTTA TTTGTACTTT TTGGCCTGGG ATATGGGTTT 120 TAAATGGACA TTGTCTGTAC CAGCTTCATT AAAATAAACA ATATTTGTAA AAATCATAAA 180

配列番号:669 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00739

配列:

GATCTATCCA AGGTTTTGAC ATGTATCGAG AGTTTATTCC TTTTTATTGC TGAATAGTAT 60
TAATATTCTA TAGTATGGAT GTAACATAGT GTGTTTAAAC ATTCGCCTGT TGAAGGACAC 120
TTGGGTTGTT TCCAGTTTCA GGTTCTTACA AATAAAGCTA CTCTGTGTGT TCATGTAAA 179

配列番号:670 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00740

配列:

GATCAAATGC CAGTGTCATT TTGTACTTAA GTTCCAAAGT AGGAACATTN TATACTTTTT 60 NCTGTATTGT AATAGGTAGT TTTGTATGAA ATCTTTTCTC CTCTCCCGTT GTACCGCATT 120 CTTTCCAGCA TTGTGCTTTT TCCCTGGNCT TATTTGAAAA TTTTACTGTT TTATACAAA 179

配列番号:671 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00741

配列:

GATCCAAGAA ACCAGGGCCA TGACCAGGTC CACTGTGGAG CAGCCATCTA TCTACCTGAC 60
TCCTGAGCCA GGCTGCCGTG GTGTCATTTC TGTCATCCGT GCTCTGTTC CTATTGGAGT 120
TTCTTCTCCA CATTATNTTT GTTCCTGGGG AATAAAAACT ACCATTGGAC CTAGAAA 177

配列番号:672 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00742

配列:

GATCTGCAAG TCCCGGAGAG CAACAGCACA GCTCTGCCTG ACGCTCTCAT TAAAATCTAT 60 GCAGCCAAGC TCGGCACTTT GTAGCAGCCG GCCTTGCGAA GCCTCCTCAG CTCGGGGGGC 120 CGGGGACCCA GTGAGCCGAG AGCCCTCTGG NCTCCACTTA TGCATATGCA CCAAA 175

配列番号:673 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUHGS00743

配列:

GATCCGGAGA ATAGGGCNNN AATATGTGCC GCCAGTGTTT CCGTCAGTAC GCGAAGGATA 60 TCGGTTTCAT TAAGTTGGAC TAAATGCTCT TCCTTCAGAG GATTATCCGG GGCATCTACT 120 CAATGAAAAA CCATGATAAT TCTTTGTATA TAAAATAAAC ATTTGAAAAA ACCCTTCAAA 180

配列番号:674 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00745

配列: GATCTATTCA GATGGTTCTG ATGAAGTGAA ACGNGCCATG AACAAATCCT TTATCNNNGT 60 CGGGTGGTAC AGTTTTGAGT ACCAACTGGT CTGATGTAGG TAAAAGGAAA GTTGAAATCA 120 ATCCTCCTGA TGATATGGNN NGGAAAAAGT ACTAAATAAA TTAATTTGCT CTCAAA 配列番号:675 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00746 配列: GATCAÁACC AGTTTGATTT GGGAATCTTC CCCTTTCCAA ATGAAATAGA GATGCAGTAC 60 TTAACTTTCC TTGGTGTTTG TAGATATTGC CTTGTGTATT CCACTTAAAA CCGTAATCTA 120 173. GTTTGTAAAA GAGATGGTGA CGCATGTAAA TAAAGCATCA GTGACACTCT AAA 配列番号:676 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00747 配列: GATCCTAGCA TCCCTTTTCA CATGGTTTCT CCATGTATAT AACAGAATCA AGAAACAAAT 60 TTNAATTAAA CAATCTGTAA CAGAATCAAG AAACAAATAC ATTTTAATTA AACAATCTAT 120 ATGGAACAAA CATTCCCAAA TNCTAAGAAT AANTNTTCNT NTAAGTTTTC AAA 配列番号:677 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00748 GATCCAAATA ATTTATTAAA TGACTGGTCT CAGAAACTGA ACTCATTAAT GTCTCTGGTT 60 AACAAAACTA CGCATCTCAT AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGGTCT 120 TAGTGCTTTA GAAAAAAGTT AAAATTGGAA GTCATTAAAA AAAGACTGTT ATAATGGTGA 180 182 AA 配列番号:678 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00749 配列:

173

GATCTTATGA GAAGAGGAAG GAGAGANGTC TCTNCCTATG CTCACACACA AAGGAAAGTC 60 CACATGAGGA CACAAGGAGA AGCCAAGAGN GCCCTTACCA GGANTTAAAC CTGCTAATCC 120

CTATTTAAT TAGAACAGTG AGAAANTAAA TATCTGTATT TAAGCCTCAC AAA

配列番号: 679 配列の長さ: 173 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00750

配列:

GATCCAGAGA AAGCCAAAGC TCTTAGTAAA CACTTGCCAT CGTCAGTNTN ATGTCTCTAA 60 AAGTAGATGT TGAGGCTCTT NAAAATNCTC CTGGTGCTAC ATACATTCGG AAGAAGGGTG 120 GAAAAGTTAC TGGAGATAGT CAACCAAAGG AACAAGGACA GGNAGATTTG AAA 173

配列番号:680 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00751

配列:

GATCCAATCC ATTCAGCAGT CCATTGAAAG GCTCTTAGTC TAAACCTGTG GCCTCTGCCA 60 CGTNGCTCCC TGCCAGCTTC CCCCCTGAGG TTGTGTATCA TATTATCTGT GTTAGCATGT 120 AGTATTTTCA GCTACTCTCT ATTGTTATAA AATGTAGTAC TAAATCTGGA AA 172

配列番号:681 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00752

配列:

GATCAAATTT AAACTTCATT TTGGGGGGTA TTTTGGTACT GTAATGGGGT CATCAAATNA 60 TTAATCTGAA AANAGCAACC CAGAATGTAA AAAAGAAAAA ATTGGGGGGA AAAAGACCAG 120 GTCTACAGTG ATAGAGCAAA GCATCAAAGA ATCTTTAAGG GAGGTTTAAA 170

配列番号:682 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:FUMGS00753

配列:

GATCGGAACA GCTCCTTACT CTGAGGAAGT TGATTCTTAT TTGATGGTGG TATTGTGACC 60
ACTGAATTCA CTCCAGTCAA CAGATTCAGA ATGAGAATGG ACGTTTGGTT TTTTTTTGTT 120
TTTGTTTTTG TTTTTTCCTT TATAAGGTTG TCTGTTTTTT TTTTTNAAAA AATNGCANCA 180
GTNCATGGCC CCCATCATTA ANANGNGAGG ANTNCANCAG AAAATAAAAT ATNCACTCN 239

配列番号:683 配列の長さ:170 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00754

配列:

GATCCAGACA GCCATCAGGG AAAGCTTGTN TTTAACCGAA CTGTCACACT GAAGGAAGAC 60 CCAGGAAAGG TGTGAGCTGG AAGCACTGAA CCTACCTCAT CCTCCTGGAG GGTGTGGCTA 120 CCCTCGCCAC CCCAAATTCC ATGTCAATAA AGAACAGCTA AATTCTCAAA

配列番号:684 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00755

配列:

GATCTTTCCA TTGGAAATAA CTGGAAGTGA AGAGGTTTTG TTGCTTGTAC AGTGTCAGAT 60 GAGGAACACC ACTATCTTAA TTTTGTGATA CACTGCATTT GCTGGTGCTA TTTTNATACA 120 GTGAAGCAAC AGCTTTGCAG CAAAATAATA AAATACTTCT ANGTTAAA

配列番号:685 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00757

配列:

GATCCATCGT NATGTCTTAT TTAAGGGGAA CGTGTGGNCT ATTTAGGCTT TATGGCCCTG 60 AAGTAGGAAC CAGATGTCGG ATACAGTTCA CTTTAGCTAC CCCCAAGTNT TATGGGCCCG 120 GAGCGAGGAG AGTAGCACTC TTGTNCGGGA TATTGATTTC ACGGAGAAA 169

配列番号:686 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00758

GATCTGCTAC TAAACAGAGT TCAAAAACTT TCCAGAGTAA TTAATATGTA AAGCCANGTA 60 ACTAACAAAN GATTTGCTTT AGAGATAATT ATTTGGAATT TTTATAGCTN ACTTCACAAT 120 GTGCCCAGGT CAGCTGTATA AAATAAATAC TGCATTNTNG TTTCTTTCAA A 171

配列番号:687 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00759

配列:

GATCCTGACA CTAAGGAAAT GCTGAAGCTT TTGGACTTCG GCAGTCTGTC CAACCTTCAG 60 GTCACTCAGC CTACAGTTGG GATGAATTTC AAAACGCCTC GGGGACCTGT TTGAATTTTT 120 NCTGTAGTGC TGTATTATTT TCAATAAATC TGGGACAACA GCAGAAA 167

配列番号:688 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00760

配列:

GATCAGCGAT GAAGAGGAAG AAGATGATGA TTGAAGTATG AAATATGAAA ACATTTTATA 60 TATTTNATTG TACAGTTATA AATATGTAAA CATGAGTTAT TTTGATTGAA ATGAATCGAT 120 TTGCTTTTGT GTAATTTAA TTGTAATAAA ACANTTTAAA AGCAAA 166

配列番号:689 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00761

配列:

GATCTATTTG GTCTTTCTCA TGTCCCCCAC TGGTCTGTAC CCCAGGGAGC GGGTGCTTGT 60
ACTGTGTGAA TCCAGTGTTC ACATTCACAC TTAATGACTT CCTTGGCACC AATCATGTAT 120
TTCACCGTTT GCACTTNTTG TATTTCAATA AAAATGTTGA TGCAAAACTG CTAAA 175

配列番号:690 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00762

配列:

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAGCCCATGT CCCCACCCCN GNGACCCGGA 60 CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGANGGGCT GCCCGGGNCT NCTCAGCTGC CCACACCCAC 120 ACTGTCCAGC ATCTGGCACA ATAAACATNC TCTGTTTTGT AGAAA 165

配列番号:691 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00763

配列:

GATCAAGAAA TAAACATAAA CATCTCAGAA TGCTCCTTCA TTACCAGAGT CACTACCTGA 60
TTATGTCTTA ATGGGTTACA TAATGACAGA GGGTATCTCA TATATGTNCT TTTCCAAACA 120
TAAAATAACT TTTTGTTTTG TTTGATTGAA AAAAAATTTA GAAA 164

配列番号:692 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00764

配列:

GATCCAGATT CTCACTTAAT GGGGTTTATA TGGACTTTCT TCTCATAAAT GGCCTGCCGT 60 CTCCCTTCCT TTGAAGAGGA TATGGGGATT CTGCTCTCTT TTCTTATTTA CATGTAAATA 120 ATACATTGTT CTAAGTCTTT TNCATTAAAA ATTTAAAACT TTTCCCATAA A 171

配列番号:693 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00765

配列:

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAACCCNTGT CCCCACCCCC GGGACCCGGA 60 CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGAAGGGCT GCCCGGNTCA CCTCAGGGGG NCACANTTTA 120 CACTCTCCAG CATCTGGCAC AATAAACATN CTCTGTTTTG TAAA 164

配列番号:694 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00766

配列:

GATCTAATGG TCTAAAAACT GGAGTTTCCG GACACAAGCT CTCCCTTTNC CTGCAACCAT 60 CCATGCAAGA TGTNACTTGC TCCTCTNTGC TTTCTGCCAT GATTGTAAGG CCTCCCCAGC 120 TACATGGAAC TNTAACTCCA TTAAACCTCT TTNTTTTGTA AATTGAAA 168

配列番号:695 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00768

配列:

GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CTAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTGAGCCA CCCTGCCCGG 60 CCACTTTTGT ATGATTTCTA ATGTATTTGT AATTTACCTA ACAAATTGCC TAATCTGCTA 120 TGTTAATGTA TTTATGAATT AAAATAAATA CGACTGCAAA 160

配列番号:696 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00769

配列:

GATCCGTAGC GGCATGTTCT GGCTGCGCTT CTAGGCGGGA AGCCTATGTA AGCAAGAGGG 60 CAGGGCCGGG GTTTGTGGTC CCCCCCCAC CACAAACACA GCACTTCGGC TCCTCTAACC 120

TGTGCCACAG	GTGACCACCA	ATAAAATCCT	CTGCTGAGAA	A		161
配列:	: 159 核酸 : 直鎖状 : HUMGSOO779					
ACTGACTCTG	GTCTTGGGAG	AGTTCCCCAA GTGAGGCTTC TCAGGAGTCA	CCAACCACGG	TCCAACAACA AAGACTACTT	ACCAGCTCCA TAAATGAAAA	60 120 159
配列番号: 配列の長さ 配列の型: トポロジークローン名 配列:	:159 核酸	, . 1			<i>y</i>	
GATCTTTTNN TGTCCATTTG	GAAATTTGTT	GTCTCACAAG TCTATGTGTA ACGCAAGATT	CAGTTTGTCA	TCTCCACAAA GAGAAAAACA	TTTAAGTTCC AAGTTTTTGT	60 120 159
-	:161 核酸	72				
TATGTAACAC	TTCCAGTTG	GGAACCTTGG GAGCCAAGAT AAATACTCTT	TGTAACCAG	A AATTGAGGGG A GAGCAGCCAG A A	AAGTAAAAAG GAGCTTCCTG	60 120 161
配列番号:配列の型:トプロンタの列のファインの列:	:157 核酸	73				
GATCCTCTC TTGAATGCT	T TTTTATATA	T CCAAAGTGT T TTTTTGGCCA A AATNATTTN	A TTTGTATGT	G TGTAAGCCAC C ATCTTTGGAC	TGAGCCCAG' AAATGTCTA	r 60 r 120 157

配列番号:701 配列の長さ:160 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00774

配列:

GATCTGGCCG TNAGCCGCGA NCCGCTGNGA ACTCCACTCG GGGAACTCCT TTCCAAGCTG 60
ACCTCAGTTT TCTCACAAGA ACCCAGTTAG CTGATGTTT ATTGTAATTG TCTTAATTTG 120
CTAAGAACAA GTAATAAGTA AATTTTTAAA AAGCCTTAAA 160

配列番号:702 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00775

配列:

GATCAAATTG TGCAGTACTT TGTGCATTCT GGATTTTAAA AGTTTTTNAT TATGCATTAT 60 ATCAAATCTA CCACTGTATG AGTGGAAATT AAGACTTTAT GTAGTTTTNA TATGTTGTAA 120 TATTNCTCCA AATAANTCTC TCCTATAANC CACCAGGGAA A 161

配列番号:703 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00777

配列:

GATCAGAGCT TATACTTAAT TAAGGTTTTA TACACACCAG TTCCCCAGTA AATNCAAATT 60
TAACAAGAAA ATCAGACATG TCATATGTNC AAAATGCTCA TGGCAAACAA TCATTTTGCA 120
TTCCTGCAAA TAAAATTGTT TTATACTGTA GAAA 154

配列番号:704 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00778

配列:

GATCTGTTTG TTCCCTGAGC TTTTTAAATA CCCTGTGAAA ATTTTNTTTC CTCCCTTGGT 60 CATCATGCAT CTAATTGTGG GGAAATGTTT GTCAAACCAA CCTGCAAAGC AGCATGGTGT 120 AGTTGAGAAG AATAAACAGA GAAGACTGGG AAA 153

配列番号:705 配列の長さ:152 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS00779

配列:

GATCTTTGGA CAGAAGCAGC TCTTTCCCGA ACACTTGTGG CGTCTGGNAC GGCCCCACCC 60 NTCCCCCCAC ACTCCCTCCC ACGGGGCTCC GGGAGACAGG CCGGCCCTGC ACCTNACCCC 120 ₩O 95/14772

PCT/JP94/01916

ACCGTGACCT CAATAAACGT TGAAACTNCA AA

152

配列番号:706 配列の長さ:152 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00780

配列:

GATCTATCCT TTACTTGAAA GCTTTTGAAA AGTGGAAAGG TCATTTTGTT GCATTTCCCC 60 ATTTCTTGTT TTTAAAAGAC CAACAAATCT CAAGCCCTAT AAATGGCTTG TATTGAACTT 120 TTACATTTGA ATTAAAGATG TTAAACATGA AA 152

配列番号:707 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00781

配列:

GATCTAGTAT GCTCCTGGTC TAATGCATTT ACATTGTTTA GGTAACTGGT TCCTAATAAA 60 AAGAATTATA AAATACCCTC AAATTAACAA TTCAATNGCA TATAATAGCC TAACTCAGTA 120 AGANTATTAA AACTTACTAT TATNCTTCAA A 151

配列番号:708 配列の長さ:152 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00782

配列:

GATCTANTCT GTGCTACCTG ATTAACTCAC AGCAGGCTTA CTGANTGGCT TCATTTCAGA 60
TTTAGTTGAT TTCTCCACCA AATNCATGTC ATGTATTCTC AATAGGCTGT ATTCCCAGCA 120
GNCAATAAAT GGAACACCCG TANAANCNCA AA 152

配列番号:709 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00783

配列:

GATCCCCAGG GTTTCTTTGT CTTATTTATG GAGAAAAACC GGTCACTTG TCCAGCGCAC 60
TGTGAGGCCC CCACTCAGGC CAGCCCTGGC CCCCCCTTGG TACTTGGAAC CGAAGTTACA 120
GATTATATTA AAATAATAAT GTACAAA 147

配列番号:710 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00784

配列:

GATCTTATAA AAGGAAATTC TAGCAGTTTT AGAAATAGGT GGGAAAAACT CAAATATTCC 60
TCCTATCTGC ACCAAAAAGT TTATTTGTGG TATATAAAAT GAATATTGTT TTATAATAAC 120
TTGTTAATAA AGTACTTTCT AATAAA 146

配列番号:711 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00785

配列:

GATCAATGAA GTGAGAAATT GTTGAGAAGG ATACAGTTTG TTTTTAGATG TCCTTTGTCC 60
AATGTGAACA TTTATTCATA TTGTTTTGAT TACCCTCGTG TTACTACAAG ATGGCAATAA 120
ATACTATGGG ATTGTTTGTA TTAAA 145

配列番号:712 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00786

配列:

配列番号:713 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00787

配列:

GATCTAGAAG CAGAGGAATC CCAGCGCCTT TTAAAAGTTG TTATGTGGTT TTCTTTTAAA 60 AAGCTCCTGT TTTTGGAAAG TAGAATTTAT GGGTACAACG TATGTTCATT ATTTGTACAT 120 AAAATAAAAC CATTTAATAA GTAAA 145

配列番号:714 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00788

配列:

GATCTATGCC TAACAGAGCC CCAGTACAAC TATTTTNCAG AATGGCTGTT ACCCTAGAAT 60 TACTATAGCA CATATTGAGA TATAGTTGTA CTCCCTAGTA GATAGGAACT GACCCCAACA 120

ATA A ACTTTC	ATAATAAAGA	AAAAAAANCG	NAAA
AIAAALIIII	ALAMIAMAUM	AAAAAAAIIUU	HUUU

154

配列番号:715 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00789

配列:

GATCAACCTT AAAGGAAACT GCTATCCGAA CTTGGCTATC TCACAGCAGA GCCAGTTTGA 60 CGAATGGGTA AAACCTAAGG ACATGCTGGG TCCAAAGTGA TTTACATAAA TNTATAATGA 120 AAATAAACAT GTATAANATT TAAA 144

配列番号:716 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00790

配列:

GATCCGTGAT GCCACTTACC TGTGTGTTTG GTAACAACAA ACCAACATCA TGGAGGTCCC 60
TGGATTGAAA AAGGAGCCTC TCCCACTCCT CCTACCACCA AAGTGGTTAG GACNCTATAT 120
AANTAAAAAC AAGGCTTTTG GAAAATAAA 149

配列番号:717 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00791

配列:

GATCTGGCTG AACCAGTTCC ACAAGGTTAC TGTATACATA GCCTGAGTTT AAAAGGCTGT 60 GCCCACTTCA AGAATGTCAT TGTTAGACTT TGAAATTTCT AACTGCCTAC CTGCATAAAG 120 AAAATAAAAT CGTTTTAAAT CAAGAAA 147

配列番号:718 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00792

配列:

GATCTGGGGC AGCCACCTTG CTACCATGAA GGAAAGGCCA AGACAATCAT CCACAGCTAT 60
TCCCTCCAGC ATCTGGTTCT GTACAAAAAT TAAATGCTTA TTTNTTTAAG TCAAA 115

配列番号:719 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状

クローン名:HUMGS00793

配列:

GATCGCCACT GTAAAGGTCC TAGAGTTGCC TGTTTGTCTC TGGAGATGGA ATTAAACCAA 60 ATAAAGAGCT TCCACTGGAG GCTTGTATTG ACCTTGTAAC TATATGTTAA TCTCNTGTTA 120 AAATAAAATA TAGCTTGTGA AA 142

配列番号:720 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00794

配列:

GATCTGTGCC TACNTTTTAC CACCCTCTTG ATTGGAGCTT TTGTNATGCA GCTACCATNN 60
TTCAAAAAAA TTAAAAATTA AAAAAAAAAA ATCTGCCACT TATCCAAGTC CACTAGAGGC 120
CACTGTCTTC AAAGNTTNTN TN 142

配列番号:721 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00795

配列:

GATCCAGGTG ACTCTGAACA TCATTAGAAG CATGCCAGAA CAGACTGGTG AAAAGTAAAC 60 CTTTTCACCT ACAAAATTTC ACCTGCAAAC CTTAAACCTG CAAAATTTTC CTTTAATAAA 120 ATTTGCTTGT TTTAANAACA NNNGAAA 147

配列番号:722 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00796

配列:

GATCCAGAGC CTCCCGGCCC TTCTCCGGTG TCCTGTACCA ACTCTTCTAT TTAAGAGAAC 60 CTCAGATGAT GTACCTGAGC CTCAGGGTTT TGTTTCAGAG GGATATAAAT NATTTAAAAA 120 TTAAATGAAA ACGTTGCAAA 140

配列番号:723 配列の長さ:150 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00797

配列:

GATCGGCCAC TACCTGGGCG AGTTCTCCAT CACCTACAAG CCCGTAAAGC ATGGCCGGCC 60
CGGCATCGGG GCCACCCACT CCTCCCGCTT CATCCCTCTC AAGTAATGGC TCAGCTAATA 120
AAGGCGCACA TGACTCCAAA AAAAAATAAA 150

配列番号:724 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00798

配列:

GATCAGGGTA AGGCAGTCAG GCGGGTGTTC ACCACTGCCT TTCCTTCCTC TGAGCGTGAG 60
AACACTGAAC CCAGCCACTG CCCCTGGGTC CCTGTCCTGG AAATNGTCTA ATAAATCCTT 120
TNCCCTTCTT GAGCTACAAA 140

配列番号:725 配列の長さ:141 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00799

配列:

GATCCGAATC GAGGCCAACG AGGCCCGGGA TGAAGGCCCN GGAGTAGGCG AGCCAGACGA 60
CAAGGTTGAC CTCAGCTTCG GAGCCACCTC TGGATGAACT GCCCCCAGCC CACGNCCNAT 120
TAAAGACCCG GAAGCCTGAA A 141

配列番号:726 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00800

配列:

GATCAGCTTT ACCTATGGTG CTTTGCCTTT AACTAGAGTG TGTGATGGTA GATTATTTCA 60
NATATGTATG TAAAACTNTT TCCTGAACAA TAAGATGTAT GACCCGGAGC AGAAATAAAT 120
NCTTTTCCTA ATTAAA 136

配列番号:727 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00801

配列:

GATCATGTCA TTCAATTCCA GTCACCTCTT CTGCAATCAT GACCTCTTGA TGTCTCCATG 60
GTGACCTCCT TGGGGGTCAC TGACCCTGCT TGGTGGGGTC CCCCTTGTAA CAATAAAATC 120
TATTTAAACT TTAAA 135

配列番号:728 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00802

配列:

GATCTTAAAC ATTGTTTTGT AGTGTATATT ACTTGTCCAT TCCTTTAAGG GGAGCAGCCT 60 GCACTCTTTT GTAGATTACT TTTGGGGGAT ATATTTNNAG AATNATGAAA CGGAATAAAA 120 TTGTAAAAAA CTAAA 135

配列番号:729 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00803

配列:

GATCATGTTA CCATATCAAG CTGAAAATGT CACCACTATC TGGAGATTTC GACGTGTTTT 60
CCTCTCTGAA TCTGTTATGA ACACGTTGGT TGGCTGGNTT CAGTAGGGGG NTATTTNAGG 120
CCTTTCTTTT TAAA 134

配列番号:730 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00804

配列:

GATCTANGTT GCCTACCTTG AATTTTTTT TAAATATATT TGATGACATA ATTTTTGTGT 60 AGTTTATTTA TCTTGTACAT ATGTATTTTG AAATCTTTTA AACCTGAAAA ATAAATAGTC 120 ATTTAATGTT GAAA 134

配列番号:731 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00805

配列:

GATCTCACTA AAGGATTTCT ATTTGCTGTC AGTTAAAAAT AAAGCCCTAA ATACATTTTT 60
ATTCTTTCTA CTGAGGGCAT TGTCTGTTTT CTTTGTAAAT GCCGTACAAT AAACAAATTA 120
TTTAATAACC TAAA 134

配列番号:732 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00806

配列:

GATCTTGGCA CTCTCCATGT TCTCTACAAG AAGCTGTGGT GATTGGCCCT GTGGTCTATC 60
AGGCGAAAAC CACAGATTCT CCTTCTAGTT AGTATAGCGG ACTTAATAAA AGAGGAAAAA 120
ACTCTTGCTT CAGTAAA 137

配列番号:733 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00807 配列: GATCCTCGAA CGGAAAGCCA AATCTCGCCA AGTAAGGAAA GGAAAAGGGC AAATACAAGG 60 AAGAAACCAT TGAGAAGATG CAGGAATAAA GTAATCTTAT ATACAAGCTT TGATTAAAAC 120 134 TTGAAACAAA GAAA 配列番号:734 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00808 配列: GATCAGTGGC TTTGAATGAA ATACAGATGC ATTATCCAGA ACTGAAGTTG CCCTACTTTT 60 132 AAAATGCTTA AA 配列番号:735 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00809 配列: GATCHNAACC TTTTCAATAA AAGGCAAAAC AAACCAATHT CCHAACATAG CATTACAGCC 60 TTTAAAACCA TTCACTNCTC ATAGTGATTC ACAGAGGACA AGAGATTAAA GTGCTGGATT 120 132 TTAAATGTCA AA

配列番号:736 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUXGS00810

配列:

GATCANATGC AACCNCACAA CCTCGGCTGA GTCTTGAGAC TGAAAGATTA AGCCATAATG 60'
TAAACTGCCT CAAATTGGAC TTTGGGCATA AAAGAACTTT TTTATGCTTA CCATCTNTTT 120
TTTTTCTTAA N 131

配列番号:737 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00811

配列:

GATCATACAC CTGCTCACAG GCGAGAACCC TCTGCAGGTC CTGGTGAACG CCATCATCAA 60
CAGTGGTCCC CGGGAGGACT CCACACGCAT TGGGCGCGCC GGGACTGTGA GACGACAGGC 120
TGTGGATGTG TCCCCCCTGC GCCGTGTGAA CCAGGNCANN TGGCTGCTGT GCACAGGCGC 180
TCGTNAGGCT GCCTTCCGGA ACATTAAGAC CATTGCTGAG TGCCTGGCAG ATGAGCTCAT 240
CAATGCTGCC AAGGGCTCCT CGAACTCCTA TGCCATTAAG AAGAAGGACG AGCTGGAGCG 300
TGTGGCCAAG TCCAACCGCT GATTTTCCCA GCTGNTGCCC AATAAACCTN GTCTGCCCCT 360
TTTGGGGGAA GCCCCGAAGC AAA 383

配列番号:738 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00813

配列:

GATCCAGCTG CCAGAGGATG AGTGACCAGT TGCTAAGTGG GGCTCAAGAA GCACCGCCTT 60 CCCCACCCCC TGCCTGCCAT TCTAACCTCT TCTCAGAGCA CCTAATTAAA GGGGCTGAAA 120 GTCTGAAA 128

配列番号:739 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00814

配列:

GATCTGGATT ACNATGTAAA TTCACAGCAG TAAGATAATA TAAATTTTGT TGAATGTATT 60 AACATCATAT GGTCTGAAAA TGTGGGTTTT NATTTGGCAC ATTTAAATAA AATGTTTCTA 120 ACTAGAAA 128

配列番号:740 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00815

配列:

GATCAAGAAT GAAAAAGACA TCATATGAAN NGGGAGAAAC TATTTGCACA CCATCTATCT 60 CATGGTTTGG TTAATATTCA AACTATATNA GCAGAATGTG TAAGGATATC CTACAACTCA 120 ATAGCAAA 128

配列番号:741 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00816

	GAAACTGCAG TGCTTGCCGC AAANCAAA			 	60 120 138
配列番号:	:127 核酸	7 .			
GATCCCTGAG	ACTGAGGGGT CTGCTGAGTC				60 120 127
配列番号:' 配列の型:' を を を を を を を を を を を を を を の の の の の	: 124 核酸				
GATCGGGTAG	CTCAAAAGAA AATTTTCTAT				60 120 124
配列番号: ' 配列の型: ' に対しの型: ' トポロシム の列:	:124 核酸	9			
GATCAGAAAT	TCTCTTGCTT TATTTCATGA			 	60 120 124
配列番号: 配列の型: 配列の型: トポロジー クローン名 配列:	:125 核酸		·		
GATCTCATTA	CCCTGTTTCC GTGTTTTTNA				

125

CCAAA

配列番号:746 配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00821

配列:

GATCCGTGGC TTAAGACAGG AGATTATCTC TNTACTCCAG TGGCATCTCC TTAGCCAAGA 60
TGTGAAATTA AAATCATAGT TCGCCTCATT TAAAAATNCT AATAAAGCAC TCAAACTTTG 120
AAA 123

配列番号:747 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00822

配列:

GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAAACT TCAAAGATAA TTCATCTTTC AGCTAATGCT 60
TGTGGTTCTG TTGTTCCCTT GAAAAAAAAT AAAAACAGTT GCCTTCNGGG AAAANTTNNA 120
AA 122

配列番号:748 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00823

配列:

GATCTTGTGT TTTAGGNTGG GCATTTTCAC TCTTCTGCCT TAAATCCCTA ACCCCATGGA 60 GCTGACATTC TAGTGCGGCT GAGGGGAGGG GAAACATTGT AAAATAAATC ATAAAAATTA 120 AA 122

配列番号:749 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00824

配列:

GATCTCTGGG CTGGGGACTG AATTCCTGAT GTCTGAGTCC TCAAGGTGAC TGGGGACTTG 60
GAACCCCTAG GACCTGAACA ANCAAGACTT TAAAATAAATT TTAAAATGCA AAAACTCGGA 120
AA 122

配列番号:750 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00825

配列:				
GATCNTAGAA GGGCTTCCCA ACCNNA	TTTG CAACATCCAA	ATTGTCTTCA	ATTNAAGGAA	60
GGCCTTATCA GTTCATAGAT GANCTT	CATT GTAAAAATAA	ATGTACTTTG	CACCACTTCA	120
AA				122
配列番号:751				
配列の長さ:273				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00826				
配列:				
GATCCACTTC TGTNATTANG TAAATG				60
TACATCCTTT TCCAGACACT GTAGAT			•	
TTCACTTGTN CAAAGCTGTG TAATCG				
GTATTAAAAG AATCTGTTTA AACAAC		CGGGTTTAAG	AAACGTTTAT	
TGTAACAGTA ATTAAATGCT GCCTTA	ATTG AAA			273
配列番号:752				
配列の長さ:144				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00827	•			
配列:		የ ለመረጥልልልጥረም	<i></i>	60
GATCAAAAAG AAACTTTGTT TTTCCG GACCTGATGT AAACAGTGTC TTCTTA				
AAAGCCTGTA TTTAAAGAAC GAAA	MAMI CAMAIGIAN	LICANTIACAG	ATTAAAAAA	144
ARAGCCIGIR IIIAARGAAC GAAA				144
配列番号:753	•			
配列の長さ:132				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00828				
配列:				
GATCAGAGGA AAAATCCAGT GTGACA	AGAGT GCAAGTNAG	A AGACCTGGCT	TTTNATCCCA	60
GCTTTGAAAC TTGGAACTTT TTGAT				
CTCATCTGTA AA				132
配列番号:754				
配列の長さ:117			•	
配列の型:核酸		•		
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00829				

117

GATCTAGGCT TGAGCTTGGT TGGGATTGCT NTTTTCTTCT TCTTCTTTAT AAACGATTCT 60

NTGTAACTNT TTGTATTGAC AGTTTCAAAC TTACAGTAAA ATTGCAACAC GAGTAAA

配列番号:755 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00830

配列:

GATCAGTACA TAGCATTTGG CTCNTGAACN NAATTNTAAA CTTTCAGGTA TTTTTGTACA 60 AATAAGGGAC TGATGTTCTG TTTCTTGTAA TTAGAAATAA ACATTAATAC AGTGAAA 117

配列番号:756 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00831

配列:

GATCTATCAT TACTGCAAAA ACCTGCTCTG TTGTGCTGGC TGGNAGGCCC TGTGGCTGCT 60
GGCTGAGGGT TCTGCTGTCC TGTGGCACCC CATTAAAGTG CAGTTCCCTC CGGGCCAAA 119

配列番号:757 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00832

配列:

GATCTGAAAT TAAATACTCA ACAGACTCCT CCTTTTTTAG CTGTATTTTT CAGGTACTGT 60
GTGGTGACCG CCCCACTGGT GTCTATTACA GGCCACTTTG GTAGTTGTGT ATCTGNTCAT 120
GTATGTGATT TGACAAACCA GTTTTTTAAA ATAAATGGCT TTTTAAA 167

配列番号:758 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00833

配列:

GATCCAACTA GAAATGAATG GAAGATGATG GGAAATATGA CTTCACCAAG GAGCAATGCT 60
GGGATTGCAA CTGTAGGGAA CACCATTAT GCAGTGGGAG GATCGATGG CAATGAATT 120
CTGAATACGG TGGAAGTCTA TAACCTTGAG TCAAATGAAT GGAGCCCCTA TACAAAGATT 180
TTCCAGTTTT ANCAAATTTA AGACCCTCTC AAACTANCAG GCTTAGTGAT GTAATTATGG 240
TTAGCAGAGG TACACTTGTG AATAAAGNGG GTGGGTGGGT ATAGATGTTG CTANCAGCAC 300
CACAANGCTT TTCCATATTN GCNTCCTNTT AACCATGCNT GTCCATAAAC CCNGGGANGN 360
NNANTTGNGG GGTTNAANN 379

配列番号:759 配列の長さ:121

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00834

配列:

GATCTACTAC TNGGCCTTCA GTGCGAAGAG CCACATCCAG GCCTGAGGGC GGCACCCCAG 60 CCCTGCCCTT GCTTCCTTCA ATAAACATCA CAGGACCTGG GACTGCACAG GNCCTGGGAA 120 A 121

配列番号:760 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00835

配列:

GATCGAAGCA ATTGANGTAT CATGGATTGG ATTGTTACTG ATTTCAGTAA AGTATGTTTT 60
GCCAATTAGA TACATATATA CAAGATAAAG GAATAGGATG GTAATATATT TGTNTGAAAT 120
TAAAATTACTG TTTTNATTAA AAAATACTGC TTCATTGGGC TGATTTTGTA AAATGTAATG 180
AGTAAAAATGA ATTACTGTAT TTNCCCTTTT ATGTCCACAG AATGAGAGTC ATATGTNGTN 240
ATATNCTAAA TNTNCATTAA ATATTCATGT CACCTTGAGT TGTCATGATA AGTATGTTTT 300
AAA 303

配列番号:761 配列の長さ:373 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00836

配列:

GATCTACTAT GTNATGTCAG GGCCTGCGTG GCAACTCATG CAGCAATTCC AGAACCCTGA 60
CTTCCCACNC GAAGTAGAGG AACAGGATGC CAGCACCCTG CCTGTGTCTT GTGCCTGGAA 120
GAGTGGGATG AAACGCCACA GAGCAGCCTG TGCTTCGGCT AGTATTAATG TGTAGATAGC 180
ACTCTGGTAG CTGTTAACTG CAAGTTTAGC TTGAAATTAAG GGATTTGGGG GGACCATGTA 240
ACTTAATTAC TGCTAGNNNN GGAATGTCTT TGTAAGAGTA GGGTCGCCAT GATGCAGCCA 300
TATGGAAGNC TAGGGTATGG GTCACACTTT ATCTGTGTTC CTATGGAAAC TNATTTNGNA 360
TATTTNGNTT TGN 373

配列番号:762 配列の長さ:406 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00837

配列:

GATCTAGGGA GATGTGGAAG AAACTGTGAC TACTATAGAA ATTGATGAAG AAACATATGA 60 AGAGATATAT AAATCAACGN AACGGAATAT TCCAATGCTC TTTGTCCGGG GAGATGGCGT 120 TGTCCTGGTT GCCCCTCCAC TGAGAGTTGG CTGAAACAAA GAATTTGTCC TGTATGGAAA 180 NCGNNNNNNN GGTGTACAGT GGCCTCTCTA AAAGTACAAA ACATTCATAA GAGAAACCCG 240

CATACATTTT GATATTAAGA AATAATTCCG GGGATTCTTC CACTCCTGAA ATGAGTTGAT 300
TTGCAGATAA CTCACAACTT CTTAAGCTAA ATGGTATTT CATTTTTCTC AAGCTCCN 360
ATAANTATGG CCACCNNNGG NNANNGNGTG GGGAAAAAAA NAATTN 406

配列番号:763 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00839 配列:

GATCCCCACG CCACAGCCCT TTTGTCTCTG CAAACTGCCT TCTTCGGAAA GAAGAAGGTG 60 GGAGGNTGTN AATTGTTAGT TTCTGAGTTT TACCAAATAA AGTAGAATAT AAGACGNAAA 120

配列番号:764 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00840

配列:

GATCTTGATG GTGTTTCTTT CCCCAAAAAT TGACTTAGAT ATTAAAATTT GGTGCTTATA 60 AGAGAGAGTT AAAAAAAAA AGGATTGCTT CAATTAAAAT TACAAAAGAG NCAAA 115

配列番号:765 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00841

配列

GATCCAGTGA CAGCAGGTGT CATGGGTCAA GCATAAATCA TATATAGCAT TTTCAGGCAT 60 GTTCCTGGTA GTTCTTTTGA GTCTGACATT CTAATAAAAT AATTTGTAGG AAA 113

配列番号:766 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:!!!!MGS00842

配列:

GATCTTTGTG AGGATTAGGA ATTAGGTTAA AAGAAATTAA GAACCATCTT CAAGCAAAAN 60 TTAAACTTTA TTTCTNCTTA ANCAATAAAT ACACCTGANT TAGTTTTCCA AA 112

配列番号:767 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00843

配列: GATCAAAGAC CCAAAGGAAT GCAACANTTT ATCTNTTATC TACCTATNAC CTGCGAGCTG 60 CCCACCACCC CCANGTTGTN GCGCCTTTCC AGACAGAACC AGTGTACATC TN 112 配列番号:768 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00844 GATCCAAAAC TTAAATACAT CTATGAATTT CCTGGGGCTA TTGTGAGTAC TGTGTATGTA 60 TTTAGCAAAT ATTTAAGACC TAGTAAGTGC TCAATAAATT GTAGCTGTTA TTGCTGTTGT 120 NGTTTGTAAA 130 配列番号:769 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00845 GATCGTGCCA CTGCTCTCCA GCCTGCATGA CGGGAGTNAG ACACCATCTC AAAAAATACA 60 TATAATAATA TAAATAAAAA TATCTTTTTN GAAAATAATT TAATATNNCN N 配列番号:770 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00846 配列: GATCNAGTAN TGNAGGGGCT GTTAGGAGCT TCCTGCAAAT CCCTGAGAGG GCAGAAGATA 60 GCTTCTGTTA ATTCATTATT CTTCCAATAA ATGTTGATTG AGTACCTAAA 110 配列番号:771 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポコジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00847 配列: GATCACCGNC CAGTAATGGG CTCAGAGCAG GTCTTCATCA TGCCTTGTCC TTTTTTAACT 60 GAGAAAGGAG ATTTTTTGAA AAGAGTACAA TTAAAAGGAC ATTGTCAAA 109

配列番号:772 配列の長さ:109 . 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00848

配列:

GATCTTCTTC AATATGTGAA TTTGGGCTCA CAGAATCAAA GCCTATGCTT GGTTTAATGC 60
TTGCAATCTG AGCTCTTGAA CAAATAAAAT TAACTATTGT AGTGTGAAA 109

配列番号:773 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00849

配列:

GATCAACAAG GTTTGCCACT GCTTGTATTA CCAGGGACTG GTTACAACCA TTATTCTNT 60 TCATTTGCTT GGCTTATCTC ATATTAAAGT GAGTTTGGAG TTCTCCAAA 109

配列番号:774 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00850

配列:

GATCCAGTTC TAAACTTTGG GATATTTTT TTCAATTTTG AAGAGAAAAT GGTGAAGCCA 60
TANGAAAAGT TACCCGAGGG AAAATAAATA CAGTGATATT CTTACGCAAA 110

配列番号:775 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00851

配列:

GATCTGTGTG CTCTTATCAC CAATCAGTTC AGACCTGGTT GATTTTGTAC TTTGGAACTG 60
TACCTTGGAT GGTTTTGTTT ATTAAAAGAG AAACCTGAAG TACTCAAA 108

配列番号:776 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00852

配列:

GATCACCATC TTTAAATTTA CTTCAAAATA AAAGCATGTA AGTNACTGTT TTTCAAGAAG 60 AAATGTGTTT CATAAAAGGA TATTTATATC TCTNTNGCTT TGACTNNN 108

配列番号:777 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00853

配列:

GATCCCCCTC GGAAGAGGGA CTCCAATGGG CATGTCCCCT CCGGAAATNC GGCCTCCTCC 60 CCCTGGAATG CNAGGNCCCC CTCCCCCGGN AATNCGCCCA CCAAGN 106

配列番号:778 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00854

配列:

GATCCÇATCA TGAATTCATT GGAATTTGTG TTGCATGTAA GGCAATCTTT TCCNTGTTGT 60
AAATCTTCCG TTTTTTAATG TACATAȚATT TTGAAAAATA TGAATAAACA TGAAATTTTA 120
AAAGCTGAAA 130.

配列番号:779 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00855

配列:

GATCATGGTG GGTCAGCTGT ACTGATTGTN ATCCTGACTT TGGCATTGGC AGCTCTTATA 60
TNCCGACGAA TATATCTGGC AAACNNATAC ATATNTAACT TTAN 104

配列番号:780 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00856

क्रका.

GATCTTTTTA CAGTATCCAT TTATTATGTA ATNCTTNTNA GAAAAGAATC TTATAGTACA 60 TNTTANTATA TGCAACCAAT TAAAATGTAT AAATTAGTGT AAGCAAA 107

配列番号:781 配列の長さ:109 配列の型:核談 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00857

配列:

GATCAAAATG AAAGAAAATC ACAGAAATTA TCCTATGTGT ACTCCTCATC CCTCCTGCTG 60
TATATNTTCT NATTTTTTGC GTAATAAATN ATGTTAATTA CCAAATAAA 109

配列番号:782 配列の長さ:125 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00858

配列:

GATCTCCAAT GTTTTGGGGA TGCTTTGAGT CTCAAAAAAA ATTGATAATC AGAAAAGTAA 60
TTTTTGTTTG TTTGTTTAAT GTATCCCTGT TCTGTTTTTA ATTAAACTCC AAGTCTCATT 120
TTAAA 125

配列番号:783 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00859

配列:

GATCGAGGTG ACAAATANTC AGTCCNTANG TCCCCACAAT GACCTCACCA NNATGGCTTT 60
GGGGAGCTCT TCACCCTAAA GATTCGGTCT GGTTTGCTAA TGN 103

配列番号:784 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00860

配列:

GATCTGGAGG CAAGATGCCA GGCCCCACAG GTGTTCTCAG GGCAGTTCTT GGTGTCTGCT 60
TCTCAGATAC CAAGGACTGG AATTAAAACC TTTCCTGGGA AA 102

配列番号:785 配列の長さ:99 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00861

配列:

GATCACAGCC GAAGAGTGAA AGGTGCTGCA ATGAATGTTA GCTGTGGCCA CTGTGGATTT 60
TTCGCAAGAA CATTAATAAA CTAAAAACTT CATGTGAAA 99

配列番号:786 配列の長さ:94 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00862

配列:

GATCAAGTTA TTTTNAATTT GGTTTTCACA TTGGAAACAA GTCAGTCATT CAGATATGAT 60 TCAAATGTCT ATAAACCGAA CTGATGTAAG TAAA 94

配列番号:787 配列の長さ:102

配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00863				
配列:				•
GATCTCTTCT TCTCCCTGTG GCCCC			C CCCGCCCGNN	60
ACTGAAATNT ATAATCTGAC TTCCTO	TACA GAAACO	CTGCA AA		102
配列番号:788				
配列の長さ:93				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00864				
配列:			٠	
GATCTTGTTA GCAATGCTGT TTTTNO	CTGTT AGTCG	GGTTA GAGTTGGCT	C TACGCGAGGT	60
TTGTTAATAA AAGTTTGTTA AAAGT	AAA TAATI			93
配列番号: 789				
配列の長さ:100				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00865				
配列:				
GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCC			C TTCAGGGAGA	60
TGGGGGTCAT TAAAGGAAAC TGAAC	ATTGA ACCCT	ГТААА		100
配列番号:790				
配列の長さ:92				
配列の型:核酸	-	·		
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00866				
配列:				
GATCAGAATT TAAAATGTGT GATTC	TTTTT CTTTC	TGTAA GTATGTATT	G CTATGATAAA	60
TAAAAAATGG CAGGACCATT NTTTT	FATNA AA			92
配列番号:791				-
配列の長さ:93				
配列の型:核酸				•
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00867			• .	
配列:	•			
GATCTCCAAC CAGGCCAGAG AAGAT	TCTCA CAGAA	GGTTT TGAACTCTA	A GAAATAAATT	60
GGTTTGGTAA TAAATGGCTT CTGGT	CAGAT AAA			93

配列番号:792 配列の長さ:114

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00868

配列

GATCTTGTAT CTTTGTATAA CGGATGTNAT TTGTACGAAG GGCAGTTCGT AAACAGCACT 60 TGTNCTTTTA ATAAAAGAAT GTTTTGCAAA AAAAAAAAA AAANCCCNAG GAAA 114

配列番号:793 配列の長さ:90 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00869

配列:

GATCTGTTTT GTACTTTTA TACTGTTGGA TACTTATAAT CAAAACTTTT ACTAGGGTAT 60
TGAATAAATC TAGTCTTACT AGAAAATAAA 90

配列番号:794 配列の長さ:88 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00870

配列:

GATCCATTTC ATAAAGTATG ATTTGCCCAA ACCTGTACCA TTTCCGTATT TCTCCTGTAG 60 AAGTAAGAAA TAAATTTCCT TAAATAAA 88

配列番号:795 配列の長さ:89 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00871

GATCTGGCGC TTGGGGGTAA GTGGNATGAT TTGCTAATAT TGAGNATCTG TTGTATCAAA 60 CATAATAAAC TTTTTTTTGA GATGTGAAA 89

配列番号:796 配列の長さ:89 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS00872

配列:

GATCAGGGTG TCTCCTTGTC CTTCTNAGAT GTGGAGAAGA GGCTGCTGGC TACCCTAAAA 60 NTTGAAATAA AAGATTTTTG CCTTTGAAA 89

配列番号:797 配列の長さ:86

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00873 配列: GATCCATTGA GCCCAGCAGT CCAACCTGGG CAAAATAAGT GAGAGACCCT GTATCTGAAA	60 86
配列番号: 798 配列の長さ: 86 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00874	00
配列: GATCCTTTTT GATAATCTCA TTCCTAGAAA TTTAACCTTA ATGAAATCCC TAATAAAACT CAGTGCTGTG TTATTTGTGC CTCAAA	60 _.
配列番号: 799 配列の長さ: 87 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00875 配列:	
GATCGAACAT TTCACCTCTC ATATTAAGTC TGGCAATGAT GACTATATGT ATTCCTGCCT AAATAAATCA TCTATTAATC ATTAAAA	60 87
配列番号:800 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00876 配列:	
GATCTCCGAG TCAGGACGGT CGGCCAGACC CACGGGGTAA CGGGTCTAAT CGTGTAGGAA TAAAGCTGTA TTCCAGTGCT TCCAAA	60 86
配列番号:801 配列の長さ:84 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00877 配列:	
GATCCCCGCG ATACTTCAAC GCCTTCTGAC TTCCAGGTGA TGACTGGGCC CCCAATAAAT CCCGTCTTTG GGTCTCTCTG CAAA	60 84

配列番号:802 配列の長さ:84

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00878	
配列: GATCCCTCAA AACCTCACTA ACTGGAAGGA TGATTTTGTC TCAGTTTGTA CTCCTAA AAAAGTAAAC ATGACACCTC TAAA	ATA 60 84
配列番号:803 配列の長さ:88 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00879 配列:	·
GATCTGTGAA GAAATGAAAT AAAATGGTAT TTAGTAAGAA ATCTCTATTT TAAGAAA AGTAAAACCT GTTATAAACA CATGCAAA	AAA 60 88
配列番号:804 配列の長さ:82 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00880 配列:	
GATCGTGCCA TTGTGATATG AATATGCCTT ATATGCTGAT ATGAATATGC CTTAAAA AGTGTTCCCC ACCCCTGCCA AA	TAA 60 82
配列番号:805 配列の長さ:81 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00882 配列:	·
GATCTTAAGT CATACATTTN AATTGTNTAG AGGTTGTTCA ACTGAAGGAA TAAATGT TNAANCTAAA ACAAATGGAA A	CTA 60 81
配列番号:806 配列の長さ:78 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00883 配列:	
GATCAAGTTT GTACATAACA CTAGTGGCAT TTCTTATCAA AAGGATTGGA TAATAAA AAGTTTCTAC TGGGTAAA	AAT 60 78
配列番号:807 密列の長本:78	

配列の長さ:129

配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSOO884 配列: GATCCCCCCA GCAAGGATAN CATTCAAAGG AGCTCACATT TATGGAATGG ATGAATCAAT AAATTAATTC ACTTTAAA	60 78
配列番号:808	
配列の長さ:77 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クロ て ン名: HUMGS00885	
配列:	
GATCCCATTT CTGATGGATG TGTCACACCT TTTCTGTCAA AATAAAATGT CTTGGAGGTT ATGACTCCTT GGTGAAA	60 77
AIGACICCII GUIGAAA	11
配列番号:809	
配列の長さ:77	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00886	
配列: GATCTGTGTT AATCTGAGTA ACTTATTGCC TAGCCTATAA ATAAATTCCA AAATATCCAA	60
TTCATTTCTT CTTGAAA	77
	•
配列番号:810	
配列の長さ:75	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00887	
配列: GATCATCCTT CCTGGCAAAT AAATTCCCGT TTCTATCCAA AAGAGCAATA AAAAGTTTTC	60
AGTGAAATGT GCAAA	75
配列番号:811	
配列の長さ:76	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00889	
配列: GATCTGAAAG CCTGAGTGTG TGTACGTGCG CGCGTGCGTG AAGGCCCTGC CACGATTAAA	60
GACTGANACC GGCAAA	76
	. •
配列番号:812	

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00890

配列:		•				
				AAATGTTAAT		
CAGGTAATTT	TAACTGATTA	TTTCTTTTGC	TCTTTTAACT	TAAGTTATTA	AAGTTTAAAA	120
GTTCGTAAA						129
和利亚里。	019					
配列番号: を配列の長さ						
配列の投ご						
上ポロジー	-					
	: HUMGS00891	1 ;				
配列:		• •	•			
	CGGTGGTCCT	TCCCCGCAGG	CAGGTGTCAG	GACCGGCCTA	ATAAACATGT	60
GTGGCCTCCT						74
配列番号:	814					
配列の長さ	: 82					
配列の型:						
トポロジー		_				
-	: HUMGS0089	2	•			
配列:	001mm1010m	mam		mama amu i ma	7777 A 7777 A A A A A	~~
			AATAAAATTT	TGTACTNATA	TTATTAAAAA	
ICACATTITI	AATATTTGTA	AA				82
配列番号:	815 ·					
配列の長さ			•			
配列の型:						
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUNGS0089	4				
配列:						
		GCCTCTCAAC	ACTCAGACCT	TCAACTGTTT	TTNAATAAAT	
CTACTTTTTA	AA				•	72
	040					
配列番号:						
配列の長さ 配列の型:						
上ボロジー					•	
	: HUNGS0089	5				
ション つ 配列:	. Hondovýco	·				
	CCNGAGCCTC	AGAGCACTGC	TACTTTTTAA	AATACTTCTT	TCTCTTAAAA	60
GTCTTTACCA	•		•			72
配列番号:	817				•	

配列の長さ:71 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00896 配列: GATCAGATGT TAAGACTGAC ATTTCCAAGG TTGGCTACTA TGTAAAATTA AAATTACAC AATTGTGCAA A	A 60 71
配列番号:818 配列の長さ:71 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00897 配列:	
GATCTGAAGT AATTGTGCTG TATTTATGTT TATTCACCAG TCTTTGATTA AATAAAAAG AAAACCAGAA A	6 60 71
配列番号:819 配列の長さ:84 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO898 配列: GATCTAGCTC TCTGATTCCA TACATTCCAG ACTTCTCAGT GGATTTGTAA TAAACTATA	AA 60 84
配列番号:820 配列の長さ:73 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00900 配列: GATCATGTCT TTTCCATGTG TACCTGTAAT ATTTTTCCAT CATATCTCAA AGTAAAGTC	ŽA 60 73
型矿 悉是,821	

配列番号:821 配列の長さ:69 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00903

配列

GATCTGATTA TTTACTTTGT TTATTGTCTA TATGCCTTTT AAAAAAATAA ACTTGTTATG 60 CAAAATAAA 69

配列番号:822

配列の長さ:69 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00904 配列: GATCCAGTTG TAGCTGCCAT CAGATGCCGG AGACT TAGCTGAAA	CGCCC NTCAATAAAA AAATCTCTTC 60 69	
配列番号:823		
配列の長さ:72		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名: HUNGS00905	•	
配列:		
GATCACTGTA AATGGTAATC AGTTGGAATT CTCCT AACGACCTGA AA	AAATG TCTTCCAGAC ACTAGTAAAA 60 72	
AACGACCIGA AA	12	
配列番号:824		
配列の長さ:68		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUNGS00906		
配列:		
GATCTTTCTA CCTGCCTTTC CATGTCATGA GAGGA	AGAAA CAAGAATGAC AAGTGTATGA 60)
CTNCCAAA	68	Š
配列番号:825		
配列の長さ:67		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS00908		
配列: GATCACGTAC CTGTGCAGAA ACCGCCTCTG TGGCT	GCATT TGAAATAAAA CCCGACCCAG 60	1
CAGCAAA	67	_
Ontonia		
配列番号:826		
配列の長さ:342		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS00910		
配列:		
GATCATATTT TATGAACAGA AAGACTCAGG ACATA		
ACTITIGCCC CTGACTGATA GCATTICAGA ATGT		
TATTAAATAG TGTTTTATTT TAAAAACAAA ATAA	•	
GGGCACTATA TTACAAATAT TACTNNGTTA TTACA	ACAAAA AGTGATAAGA GTAACATTTG 240	J

CTATACTGAT G GCACTTAAGT T					TNAGTTCACT	300 342
配列番号:82 配列の長さ: 配列の型:核 トポロジー: クローン名:	72 酸 直鎖状				·	
配列:						
GATCTAAGAA G GCAGTGTGCA A		TTGTTAATCA	TTTAGCCGTT	GCAATAAATG	TAGAGGAAAT	60 7 2
· 配列番号:82	28	j		•	٠	
配列の長さ:						
配列の型:核	酸					•
トポロジー:		•				
クローン名:	HUMGSO0912	2				
配列:						
GATCACCTGA G ACAAA	GCCATGAGT	TTNAGACCAG	TCCTGGTAAC	ATAGCAAGAC	CTCCATCTCT	60 65
配列番号:82	og.					
配列の長さ:						•
配列の型:核						
トポロジー:	直鎖状				•	
クローン名:	HUMGS00913	3				
配列:						
GATCCTAGAC A	AGCGCCTTAT	CTATGATTGA	GTGTCCGTGT	AAATAAATTC	CTACTTAGAC	60 65
配列番号:83	30		•			
配列の長さ:	65					
配列の型:核		•				
トポロジー:					,	
クローン名:	HUNGS00914					
配列:						•
GATCTGGGAA C TTAAA	TTTTTNCTG	TACAAATCTG	TTTAAAAAAA	AAAAAAGGNA	CCNCATTGAT	60 65
配列番号:83	31					•

配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00915

配列:

GATCCAAATT AA	AAACCTGGT	AGAATCTAAT	ACATTGACTG	CAATTAAAAT	GTTTGCCTGG	60 63
配列番号:83 配列の長さ:(配列の型:核) トポロジー: クローン名:] 配列:	68 酸 直鎖状	,		•		
GATCCAGTTC TA	AAGTGTCAT	CTTTTATNAT	NAAGACAATA	AAATCTTGAG	TTTATGCTTC	60 68
配列番号:83 配列の長さ:(配列の型:核) トポロジー: クローン名:(配列:	63 酸 直鎖状	;				:
GATCCACGGT TO	GTNACCATG	TATTACCACA	AATTTAACAA	TAAAAAATTG	TTTTAAGAGT	60 63
配列番号:83 配列の長さ: 配列の型:核 トポロジー: クローン名: 配列:	109 酸 直鎖状 HUMGS00919					
GATCTACTGT C AATGCAGTGT G					TGTTAACAGG	60 109
配列番号:83 配列の長さ: 配列の型:核 トポロジー: クローン名: 配列:	62 酸 直鎖状	ס				
GATCCAATTA C	ACACATTCG	TTCACAACTC	AACACAAATT	CCTATTAAAT	ATTAAAAGTA	60 6 2
配列番号:83 配列の長さ: 配列の型:核 トポロジー: クローン名: 配列:	61 酸 直鎖状	2		,		

GATCTTAAAC ATAGGAAAAC CATACGTGT A	T CATGATAATA	AAATGCTTTC	TATGAAATAA	60 61
配列番号:837				
配列の長さ:56				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00924				
配列:				
GATCATACCA CTGCTCTCCA GCCTGGCTA	T CAGAGTGAGA	CTCTGTCTCA	CAGAAA	56
配列番号:838				
配列の長さ:56				
配列の型:核酸	•			
トポロジー:直鎖状				•
クローン名:HUNGS00925				
配列:				
GATCAGACAC TTAACCCTTA TAANTTAAA	G TCAATAAAGC	ACCTTTTTAA	AGGAAA	56
配列番号:839				
配列の長さ:57				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00926	•			
配列:				
GATCAAAGTG AAACAATGTT TGGATGCAA	C GCAGAATAAA	AGAATATAAG	AAATAAA	57
配列番号:840				
配列の長さ:52				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00929				
配列:				
GATCTAATTA AAAGACCTTC TGCACAGCA	A AAGAAACTAA	CAACAGAGTA	AA	52
配列番号:841				
配列の長さ:52			•	
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00930			•	
配列:				
GATCCCGGCA GAAGCTATGA AAGGGAATA	A AGAGAAAAGA	AGTACCCAGA	AA	52
配列番号:842				
配列の長さ:52				

₩O 95/14772

PCT/JP94/01916

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00931 GATCTTTTAG TTTCAACTCA GCTTTTACAA TAAAANGGAT TTGTATTGCA AA 52 配列番号:843 配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00932 GATCTCTTTT CAGAAGTGTC TATAGAACAA TAAAAATCTT TNACTTCTGA CCTTGAAA 58 配列番号:844 配列の長さ:53 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00934 GATCCTAAAT CATGACTTAC CTGCTAATAA AAACTCATTG GAAAAGTGAG AAA 53 配列番号:845 配列の長さ:52 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00935 配列: GATCAAGCTG TAAAAAAACN AAAAAATTAA TAAAAATTTC GAGAAATANA AA 52 配列番号:846 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00936 GATCAGCATT GTGACTTGGA GATAATAAAA TTTAGACTAT AAACTTGGAA A 51 配列番号:847 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00937

GATCTGAGGT AAACTTTGAA GTAAAATAAA AGCTGTGTTT GAGCATCATT TGTATTTCGA 60

配列:

WO 95/14772

AA				62	
配列番号:848					
配列の長さ:59					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00938					
配列:					
GATCCTCCCT CCCCTAATTA AAGTCTCTTT	TTGCCCCTTT	GGGCTGNCAT	GAGGTCAAA	59	
配列番号:849					
配列の長さ:71					
配別の刑・技能					
トポロジー:直鎖状	•				
クローン名: HUMGS00955				•	
配列:					
GATCAGAATT TTAAATNAAA GGTTTTTTCT	77 4 4 4 MM 4 MM		m.mm		
CTGATATTAA A	IIAAAINAII	IGIATIACTI	TATTAAAACT	60	
CIUNINIINA A		•		71	
配列番号:850					
配列の長さ:661					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00972					
配列:					
GATCCGGTTC TGGGACAGCA GGGGGCCCCA	CTGCACCCAG	GTCATCCCTG	TGCAGGGCCG	60	
GGTCACCTCC CTGAGCCTCA GCCACGACCA				120	
CACACTCAAG GTCATCGACC TGCGTGTCAG					
CTTCAAGTGT GGTTCTGACT GGACCAAAGC					
GGCAGGCTCC TGTNATGGGG CCCTTTACAT					
CAGACTACAG GGACCCCATT GCGCTGCCGT					
CCACATGGTG AGCGTGGACC AGGGCAAGGA	AGGTTGTGCT	TTTGGCAGTA	GGGCCACGAC	420	
CTGCCTGCTT GGGNTGGAGN TTTTTNCCCG	AAGCTNAAAG	TTTCTTNNGG	GGCAATGAAG	480	
GGGTTTGGGG TTTGGGATTN GAGNTTNGNC					
AAGACCTTGN CTTTTTTTTT TAAAANTNAA	GTATTGGTTT	GGGGGNTTAA	GGTAATTTTT	600	
TTTTNGAATT TTAANTTNAT NTCTAAATTT	TTTTCCAAAT	TTTGAAAAAT	TNTTTTTNAA	660	
A				661	
配列番号:851		•			
配列の長さ:641					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00973					
配列:					

GATCTTGGAT GTCTATTATA GGAGAAGTAT GTCCTGCCAA TGTACAAGAA GGCAGCATTG 60

TAGGATTAAC ATTCTTGTCT ACTGTATATT ATCTTGGAAG GCTCTTGTTA ATATGTTACA 120
CTTAATATTC TCCACAGTTA CCTTTAGAGA GAATTTATGA GAAGTTAGTT TCTGATGCAG 180
AGGTTTTTAG GCTGTGATTT CACCAAAAGT CCTAATAGCA TCCTACCTCA AAGGGACACT 240
TAGNATGCCT AAAATTTATT CACCTTAGTTT TCCTTTTTTA TTTGAAAAAA TACATGACAT 300
GTAATCTTTT TTTCTTGAAT TCTTTCTCAG ATTTTAAAGT ACTATATTAA AGAAAAAAAT 360
TAATGTCTAA AGGCCTAGCA TCCCTTGCAG GACCCCTATA CTAACCATGG TAATGGGGGA 420
GAGGGGTGGG GCAGNTNNGT AGGGGNACCA GGTTCCAGGC CTCAAGCTTC CCAAAGCCAT 480
TTTTTTNTAAA TGGGAAATCC NTNAANTTNT GGAACCCGCT TTGNTATNGG NGCCCCTTTT 540
TTTAAAAATTC CNGGCCTTTT TTTNNTTGGT AATGGGGGTT NCTGTTTGNG GTTTTAACCT 600
NANCCTGGNC CGGGGGGTT TAAAAGGAATG CTGNCTGCAA A 641

配列番号:852 配列の長さ:627 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00974

配列:

配列番号:853 配列の長さ:617 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00976

配列:

GATCAGANTG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA NCCNCTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTTTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300
CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAAACAG CACTCAGTAA 360
TCCTAAAATG GATTTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGNCCTG CAAAGTCTTA TTTAAATTTA 420
AAAGGCCTTT CTCATTTACC AGGGGTTTAG GTCAACGNNG GCAAACCCCT GGGGGAATTT 480
AAATTGGGAA GGTTANTTNC CTTTNGTAAA TTCATAGGGN CCAAANGGCN GGGNAGTTAA 540
TTTTTCCATN GGGTTGGTGG CNCCCGGGNT TCATTGGTNT TNGGCCCCAN GGAATTTAAT 600

TTTTTTAAAN CCTTAAA 617

配列番号:854 配列の長さ:602 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00977

配列:

GATCCCGTGC GGCGCGCTGC CCGAGGGGAG CAAGGACAGC TTTGCAGTTC TCCTGGAGTT 60
CGCTGAGGAG CAGCTGCGAG CCGACCATGT CTTCATTTGC TTCCACAAGA ACCGCGAGGA 120
CAGAGCCGCC TTGCTCCGAA CCTTCAGCTT TTTGGGCTTT GAGATTGTNA GACCGGGGCA 180
TCCCCTTGTC CCCAAGAGAC CCGACGCTTG CTTCATGGCC TACACGTTCG AGAGAGAGTC 240
TTCGGGAGAG GAGGAGGAGT AGGGCCGCCT CGGGGCTGG CATCCGGCCC CTGGGGCCAC 300
CCCTTTTNAG CCGGGTGGGT AGGAACCGTA GACTCGCTCA TCTCGCCTGG NTTTGTCCGC 360
ATGTTGTAAT CGTGCAAATA AACGNTCACT TCCGAATTAA GCGGTNTATT TNTTGAANGT 420
TTAATAATTG TGTTTTNTGA ATACTGAAGT ATTTGGCTTT AAATTCTTAA NTTAAAAATT 480
NNGGGGGANG TTNTTATTT NGAGTCTTTN NGGAANAGNC TTNAGGCTTT TNNACTTNGA 600
AN

配列番号:855 配列の長さ:595 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00978

配列:

GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GGCAACAATT TTATGTACAG GTGTATATAC CTCTATATTA TATATCGACA TACATATATA 120
TTTTNGGGGG GGGGCGGACA GGAGATGGGT GCAACTCCCT CCCATCCTAC TCTCACAGAA 180
GGGCCTGGAT GCAAGGTTAC CCTTGAGCTG TGTGCCACAG TCTGGTGCCC AGTCTGGCAT 240
GCAGCTACCC AGGCCCACCC ATCACGTGTG ATTGACATGT AGGTACCCTG CCACGGCCTA 300
TGCCCACCTG CCCTGCTTCC TGGCTCCTTA TCAGTGCCAT GAGGGCAGAG GTGCTACCTG 360
GCCTTCCTGC CAGGAGCTTT NCACCCACTN ACATTCCGTC CCCGCGGCTT AACTGNAGCA 420
AGCGTGGNCC TAGGACAGNA GGAGCTTCGG GCCCNGTTTN ACCTTGCGGT GGGGCTNANG 480
GGTTGGCATT TCTTGCCTGG GGCCACTGGG TTNAAAATTTT GGGNTGATNA TTGGGGNGAG 540
GGGTGGGATA ACAAAACCAN TTTTGGNNAA GNTTGGGANG NTTTTGNCTT TTAAA 595

配列番号:856 配列の長さ:581 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00979

配列:

GATCTGGAAT TGCAGCCCAC ATAAACATAA AGGAGGATGT CCCTGGTCTG TTCCATCCCC 60 ACGGATGGTG TTGCTGCTGG GCAACAGTGT TGGCTTCTTT NAAGTACCCC CTTTCCTCCT 120

CACCCACCTC CAAACTGACT AGCACTCAGA GGGACTTATG ATAAAGGTTC AGCTCCAGGG 180
GTAGTACCTG AGTGTGTGCC ATGCCCCTTC AGACCAGCTG CTTCCATCAG AATTCCAGGG 240
TCACAGGCCC AACAGAAGCA GCAGTGCCTC TGTAGGAGGG GTGCTGGGCT CTGGNCTTCT 300
NATGCAGAGA GGTCCGGGAC AGGGTCAGTA TCGTGGGCAT GTNTATAGCT TCCCAAGTTC 360
TTTTACAAGT CCCNTGCTGG GACTCCCTGA NTTTACTTTT GGTNGGNTTC CTAGGTNCTA 420
ATTGGTTTTA CAAACTTACA NTTTNTAGG AATTTGANTT ANGATTANCT TGNTTTAATT 480
TAATTGTAGA NTTTNGGGGC CTTTTTGGGN CTCAAATTTT NCCATTACAA GGNNTTATTN 540
GGGAAANAAA GNNGTTTNAA TNAAAATCCT TGGCCAGGAA A 581

配列番号:857 配列の長さ:569 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00980

配列:

GATCTAAATC AGACAGGAGT TGGTCTACAT AGTAGTAATC CATTGTTGGA ATGGAACCCT 60
TGCTATAGTA GTGACAAAGT GAAAGGAAAT TTAGGAGGCA TAGGCCATTT CAGGCAGCAT 120
AAGTAATCTC CTGTCCTTTG GCAGAAGCTC CTTTAGATTG GGATAGATTC CAAATAAAGA 180
ATCTAGAAAT AGGAGAAGAT TTAATTATGA GGCCTTGAAC ACGGATTATC CCCAAACCCT 240
TGTCATTTCC CCCAGTGAGC TCTGATTTCT AGACTGCTTT GAAAATGCTG TATTCATTTN 300
GCTAACTTAG TATTTGGGGT ACCCTGCTCT TNTGGCTGTN CTTTTTTTTGG AGCCCTTCTC 360
AGTCAAGTCT GCCGGATGTC TTTTTTTACC TACCCCTCAG TTTTCCTTAA AACGGGNACA 420
CAANCTCTAG NGNGGTGTTA NGANTAATNG TTACTNGGGT TANTGGGGTA NTTNNTGGGG 480
TNTNGGTTTG GGGCTAGGCA TTGTGGTAGG TTTTNAANAA TTAGNGGGTT GGNCCCCNTT 540
NGNTGGGGTG NTTTCANGGT NGAATNAAN 569

配列番号:858 配列の長さ:566 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00981

配列:

GATCCCACCC NGGCCTCTCC TGGAACTCTG AACCTGCTGT GGAAGGAATT GGCCATGACC 60
TTCACCTCTG GAGAGTAGGG TCTATGGCGA GGGAAAAGGG NNTTCACCAT GATAACCTAG 120
TGCCTCCATA GAGGGGTTTG GAAAAATTCC AGTCCGATTT CTTTGTGTGT CAGCTGACTT 180
CCTTAGCTGA TTGTTCCCAC TTGCACCTCT CCACCTTTGG CACTAGAACT CCTGAGACAC 240
CACTTCTCAT GCTTCTCCCT CCCTACCAGC GGTCAAGGCT TTGGAGCCAC TCTTTTGTAA 300
CTCCAGATTA TTTAAAGAGA AAAGTACAAG ACAGAAATCT TCTAGCACTT TGTAAACACA 360
GTTGATTAAC CCTCTTGGGN GTATTTTTTG GGCTTTATAT AAAANCANGG TTTTTTAATT 420
NGTAAAGTNT AAGTGCCATT AGGAANATGC ACCAGGGCAT ATTTTTGGTT NAAGGTGGTT 480
TTTTCAATGG TTTNCAGGN TTNCATTTC AAAAAAANGG TTTTTTTAAT GGAGGTTGTT 540
NTTNAAANNT TCNTGANTGG TGGAAA

配列番号: 859 配列の長さ: 556 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00982

配列:

GATCTACAAT TACTAATTAA AGCTGTGAAT CTNTTCCCTG CTGGAACAAA TTCAAGATGG 60
GAAGTTATTG CTAATTACAT GAACATACAT TCTTCCTCTG GAGTCAAAAG AACTGCCAAA 120
GATGTTATTG GCAAAGCAAA GAGTCTCCAA AAACTTGACC CTCATCAAAA AGATGACATA 180
AATAAAAAGG CATTTGATAA GTTCAAAAAA GAACATGGNG TGGTACCTCA AGCAGACAAC 240
GCAACGCCTT CAGAACGATT TGANGGTCCA TATACAGACT TCACCCCTTN GACAACAGAA 300
GNACAGAAGC TTTTNGAACA AGCTTTGAAT ACATACCCAG TAAATACANC TGAAAGATGG 360
GNANAAATAG CAGTAGCGGT GCCTGGCAGG NCAAAGGAGG GNCTGCATNN ANCCGGTTNC 420
AGGGGACTTT GTCGNGNTGG GTAAAGCCAA AGGAAGCTTG TTCCAGGTCN ANGTGCTGGA 480
TGCAAGTTGG GCCNTGGNAT TNNCNATTTT TTGTTGGGGT GTTCCTTTTT TTANAAACC 540
TGNANTTCTT TTTAAA

配列番号:860 配列の長さ:555 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00983

配列:

配列番号:861 配列の長さ:554 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00984

配列:

GATCCATGTC TCAGCCTCCA CCCCGCCACA CCTGTCTGTG CAGCCCACCG GCCTTACCTT 60
CTACCCTGCC GTGGATGTCC AGGCCTTTGC CGTCCTCCC AACTCCTCCC TGGCTTCCCT 120
CTTCCTGATT GGCATGGTAA GCAGTTCCTG GGTTGGACAG ATGAGGAGCC CCAGACAGTC 180
CCAACAGCAC TGTCTTTGGA GTCAGGAGAC CATGTGAATC CTGTCTGGAT TCAAACCTGG 240
ACTGTGTCAC TCCGGAGCCT GAGGCTTGAG TCACTGTACT CAATGGTGCC GACTCCTGGA 300
GGTATTCATT CACCCAGCCA TTCACTAGTG CGTTTGTTTA CTTATTCATT CAATTATTCA 360
TTCAGTCAAT TTCTCATTCA TTCANTTATT CATTCCATGT TGGCTTGAAA TATGTGTACT 420

GTNCCAATTN ATCCATTTAT ATCTTTAGTC ATTCAATTAT GCATTNGTGG TATTTGTTCA 480
TTNATTCANT TNTTAATTTN ATTNAGTTAN TNNNTNGGTT GGTGNCTTGG NGTANNGTNA 540
TACATTTGNG GAAA 554

配列番号:862 配列の長さ:549 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00985

配列:

GATCCTATGG TTCAGGAGGC CAGAAATTC CACCTCTAGG AGGTGGTGGT GGCATAGGTT 60
ATGAAGCTAA TCCTGGCGTT CCACCAGCAA CCATGAGTGG TTCCATGATG GGAAGTGACA 120
TGCGTACTGA GCGCTTTGGG CAGGGAGGTG CGGGNCTGTG GGTGGCAGGG TCCTAGAGGA 180
ATGGGNCTGG AACTCCANCA GGAATATGGT AGAGGGAGAT AAGAGTACGA AGNCCAAACA 240
AAAAACCCCG ATTTAGATG TGATATTTAG GCTTTCATTC CAGTTTTGTT TTGTTTTTTT 300
GTTTAGATAC CAATCTTTA AATCNTTGCA TTTTAGNAAG AAGCTATCTT TTAATGGTTG 360
TAGCAGTTAT TGACCTAATA TTTGAAATGG CTGTTGGCAG TAAATTATGA ATCAGTTTTT 420
GACCAGGNGA TTTTTTNCN TNTATTCCTT ANTTTCCTGT TNCTGATATN CCCCCAAGTA 480
TGCAGTTNCT NNNCNCTNAA TTCCANGGNN CCATTTTTT TTCNGGGTTC AANAATNGAA 540
TNGNTTAAA

配列番号:863 配列の長さ:543 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00986

配列:

GATCAGCAGT CTTCTGCTGC CTTCTTAATG TTTCACCTAA GTTCCCATAG TTGCTCTCAA 60
AAAGTTTCTT GGCCCTCGTG GGCCAGTNTG GAGGGGCTGT ATCATCATTC ATNAGGAGCG 120
TCACTTGGTG GTTTAGGGGG AAATAATCTA TTCTNAAGAT TGAAGAGAGT GCAGGATTTG 180
GGGGGTTGAC TCTACATCCT TCAGTATCAG GGCTTATCTC CTTGTNTTAC CTCCTAGGAG 240
ACCCTCCTGT TCTTAACTGT GGGCGATGAG AAAGGTGGTG GACTCTTCTT ACTGGCAGGG 300
CCACCTGCGT CTGTGGAGAC CCTGGGGCCC AGGGTGGCTG AGGTCCTGGA AGGCAAAGGA 360
GCAGGGAAGA AAAGGCCGTT TTTCAGGGCA AGGCCACCAA GATGAGCCGG CGGATGGAGG 420
GCGCAGGCGG TTCTCCAGGN CTACATCAGC AACGNAGAGT NCTAAGNANT TANGGCTTTA 480
GGGCACTTAN CTNCTGGTTT CCACAGGAAT CTTTTNGTCA ATNAAATTAG TTTGCCTCAG 540
AAA

配列番号:864 配列の長さ:538 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00987

配列:

GATCATTTCT ATAAAAGAAA TGGTCATTTT ACTTAGATGC CAGTCTACTT TATAAAGACA 60

AATGGATTAT AGACTTAAAA ATAGTCATTT TTCTTATTCA TAAATCTGAC AGGCATAAAC 120 CCAAATCAAA GATAATTTGG TGCCCATTAT GAATTTGAAG TTAAGTGATA GCTCACTTGT 180 AAAGTGACTA CCTTAATGTG TATAGAGACC CCAGTCTACT ATTATTTGGG AAAATTGTTT 240 AGGTTATATG GGAAAAGTAG CTCTTTAAAA ATCATATTGC CCAACAGAAA CCTTAGGCTG 300 AATTTACAGG TATGATAATT TTTGTAATTA ATTTTCTTAG AATTGTGCAG GCTGGGATGG 360 GGATAATGNC ATACTCTTTT ACACTGTACC AGCAGCATTT ATTNNCCTNG GACCTTTTAA 420 CCNTTTTAGG GGTTAGGGTN CTNGGGGAAC CAACCTTAAT TNGGNCATCC TCCATTTNC 480 TNTNTNTNCCN NNNNCCCNNT TTTTTTTTTG GNCCCCCNTTN GGNCCCCTTA AACNACCN 538

配列番号:865 配列の長さ:533 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00988

配列:

GATCAAAACT ATANGTGGCT ATGGCGGATA TGATTATACT GGGTATAACT ATGGGAACTA 60
TGGATATGGA CAGGGATATG CAGACTACAG TGGCCAACAG AGCACTTATG GCAAGGCATC 120
TCGAGGGGGT GGCAATCACC AAAACAATTC CCAGCCTTTC CACATTGGCT TCCCATGTA 180
GTCCTTAGTG TGTCTGCTNC TCCTCTCTT CCTCATCACA GTTCCCAGCC CCCACCTTCA 240
ACTGAACTCA ACAAAATCTT CAACTTCATA CAGTAGTCAC ATTGTTAGTA ATAACACTGG 300
GCATTTTTAT TTTGATANAN TAGACCGTTT AAATTTTTGA GATTCTACCT TATATTTTTT 360
GAATTATATA CTAAAGCANA TAAGTAGGTG NTGTAATGTC CATTGGGGNC CAAGNTTTT 420
AGGTGTAAAT GGNAAAAGGG TANCAAATTT NAANCTCAAG TAAACACCCT GTAGGCTTTC 480
CCCATGGNTT GGGGNATNTC CGGATTAAGG NCAGGGTTTT CCNTTTTCTN AAA 533

配列番号:866 配列の長さ:532 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00989

配列:

GATCTGAAGT GGTGGATTCC TTGTTTTTGC TAGTATCTCA TTTAGAGTTG AGATGGACCT 60
TAAAACTCAT CTGTTTTAAC TCACTTTTTA ATAGATGAGT TAAACTTAAT TTACTTAAGG 120
ANNNNCAGTT AGAGCCTGGA ACTTCAACCA TTATTCACTC CCCATGCCCT GTTTCCCCCC 180
ACTTCGAAAT TAAATGCGGT TAGCATCATA TAGTTCATTT TCCCCCTCCA TGCTGCTGTG 240
TGATTCTTGA CCTTGGGTAT GAGTTTTTCA TCCTTCATGC AGGGTTCTGT CAGTTCATGG 300
TATAGTGATT CAGTGTTAAA ATGGTGGTGT CTCAGCTGTG CTGTGCACAT TTCCAACCTT 360
GTCAAAATTAA TAGTCCTGAG CAAGCAAGAA AAAGAGGTAA TAACATACCC ATTTTCTTTT 420
ATGGANTATA AGCTTAATAA TATTTTTTC NATGNGCCTA TTTTTACCT GNGCAAATTN 480
GTATGGNCTC ACATGGTTAA CCCCCAATNAA TTANTCTTGG NCAATTTTTA AA 532

配列番号:867 配列の長さ:528 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00990 GATCGCAAAT NCACCTAAAC AATACATTTA CAAAGCCATC TTTACATGCA TTAAACGAGG 60 GCTACAACAA TATTGTTTTA CAAATACTAG CACTTTTTTC CTGTTATGTA CTTAGTGTTA 120 GAGGGTCAAA ATAATCTTTC TGCTTAGCAT CTCTTAAACC ATACCTGCAA ATATAGCAGG 180 ATTNTTACAT TTACAGTACT TTAATACTTG TATAANCTAT GCAGAAATTT TTAATAAAGT 240 GTAATATAT TNATAAGCTA ATAAGACTGA ATGGGTAAAG GTTTTTNGCA TGCGTTAGTA 300 TACTTGCAGA TACTGAAACA TTTTGGTAAT CTTTCTTACT AAAGGATGTG AATGTTTAAT 360 GTACCTTCTC TGTTTCTACT CTGTAGTCCA ATGGGAATTC AGTAATGNCA TTTTGNCATG 420 TCAACCTGGG GACCATAAAN TTGGTCCTGG TCCAGGCCCT CATNTCCTAT ATCCAGTATG 480 CAATNTTATN TNNTNTNCCT GGTNAATNAA CCCCTCCGGG NTTTTAAA 配列番号:868 配列の長さ:526 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00991 GATCTTTCCT CAGTATGTGC TGATGTTTGG GTTGCTTGTG GAATCACAGA CACTCCTAGA 60 GGAGAATGCT GTTCAAGGAA CAGAACGTAC TCTTGGATTA AATATAGCAC CTTTNATTAA 120 CCAGTTTCAG GTACCTATAC GTGTATTTTT GGACCTATCC TCATTGCCCT GTATACCTTT 180 AAGCAAGCCA GTGGAACTCT TAAGACTAGA TTTAATGACT CCGTATTTGA ACACCTCTAA 240 CAGAGANGTA AAGGTATACG TTTGTAAATC TGGAAGACTG ACTGCTATTC CATTINGGTA 300 TCATATGTAC CTTGATGAAG GGGATTAGGT TGGATACTTC ANGTGAGGCC TCCCNCTGGA 360 AACAAGCTGC AGTTGTTTTA GNTANTCCCA TCCNGGTTGA NATTGGGNGN GGNCCTTGNN 420 CCTAGCATTN CGCATCACNA AGGCAATGTC NGCNTCACAG TTANGGCATT GNGGGGCCGT 480 526 TTTNCCATGN GNACTGGGTT ATTGGGGNCT NACCAGGTCC AANTTN 配列番号:869 配列の長さ:526 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00992 GATCCTGTTG CTTCTGCAGG CCATTTTCTG AAAACCCCTG TTAGGAAGGT TGGATTTGGC 60 STGACTTGCT TGAGCAAGAG TCCTGGGGAG AGATTTTNAG GTTTAATTTA ACGGTATATC 120 CAGAGCTAAC AGTGACTCAA CTCGTCTAGT TCTGCAAGTC AGATGTACAC TTAGAGTCTC 180 TCTGTGAAGG GTTTGGGTCT GAGCTGTATA GTATGTCAAA CTGCCAGTAA GCCAGCCCCT 240 CACCNTCTGA TAGATATTCC TTTAATGCAC CAGACTTCAT GTTTGATAAA TGATTAATGG 300 TTGAAATTGT TTCTCTTCTT TTGTGTTTTC CCAGTTAATA GATGGTCACT GTTTCCACAA 360 TGTTTTATAC TTTCCAGCTT TTNGTAACTN AACCTATAAT TACTTNAATT TTAATTTTT 420 TTAAAGCTTN GTTGGTGGNC CTAATGNGAA GGTNTTTTTC CAGTGCATNA ATGGTTTTTT 480

NTGGNGCTTC TGNNAAATGN CCNTCCCAAT TGTGGGTTGG GTTTTN

配列番号:870

配列の長さ:520 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00993

配列:

GATCAGGACG GCTGGATTCA GGTGTCGTAC GAACAGTACC TGTCCATGGT CTTCAGTATC 60
GTATGACCCT GGCCTCTCGT GAAGAGCAGC ACAACATGGA AAGAGCCAAA ATGTCACAGT 120
TCCTATCTGT GAGGGAATGG AGCACAGGTG CAGTTAGATG CTGTTCTTCC TTTAGATTTT 180
GTCACGTGGG GACCCAGCTG TACATATGTG GATAAGCTGA TTAATGGTTT TGCAACTGTA 240
ATAGTAGCTG TATCGTTCTA ATGCAGACAT TGGATTTGGT GACTGTCTCA TTGTGCCATG 300
AGGTAAATGT AATGTTTCAG GCATTCTGCT TGCAAAAAAAA TCTATCATGT GCTTTCTAG 360
ATGTCTCTGG CTCTATAGTG CAAATGCTTT TATTAGCCAA TAGGAATNTT AAAATACCAT 420
GGACCTTACA CAAAAGGCTT TCATGNCCTT ACTTNTNAA AAGGGGTTAT TGTATTCATT 480
GGATATGTGC CGTAGCAATN NNGGGNTGTT AGCGGNTAAA 520

配列番号:871 配列の長さ:517 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00994

配列:

GATCTCCGTG GCTTTGGGTT AAAAGACACA CTTGTCCACA TAGGTTTAGA GATAAGAGTT 60
GGCTGGTCAA CTTGAGCATG TTACTGACAG AGGGGGTATT GGGGTTATTT TCTGGTAGGA 120
ATAGCATGTC ACTAAAGCAG GCCTTTTGAT ATTAAATTTT TNAAAAAGCA AAATTATAGA 180
AGTTTAGATT TTAATCAAAT TTGTAGGGTT TCTAGGTAAT TTTTACAGAN TTGCTTGTTT 240
GCTTCAACTG TCTCCTACCT CTGCTCTTGG AGGAGATGGG NACAGGGCTG GAGTCAAAAC 300
ACTTGNANTT TTGTATCTTG ATGTCTTTGT TAAGACTGCT GAAGATTTAT TTTTTTCCNN 360
ACTTGTATAATANG GGGNTAANCC CCACCTTNAT TCCTTCAATT CANCCTACCA TTTTCNNGGG 420
TTCTTNGTGT TGGGCTTGTG GCAGGNCCAG CTTNTGGGTT TTCCTTTTN CCATGCCAAN 480
NTTNTNAATT NCCCATGTAC CAGTTTGNTN CAAAGGN 517

配列番号:872 配列の長さ:517 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00995

配列:

GATCAGAAAT ACAGATTTG ATAGCAAAGC GACGTTAGNT NGANGCTCTT GTGAGGAAAG 60
TCATTGGCTT TATCCTCTTT AGAGTTAGAC TGTTGGGGTG GGTATAAAAG ATGGGGTCTG 120
TAAAAATCTTT CTTTCTTAGA AATTTATTTC CTAGTTCTGT AGAAATGGTT GTATTAGATG 180
TTCTCTATCA TTTAATAATA TACTTGTGGA CTAAAAGATA TAAGTNCTGT ATAAANNCNN 240
CCAATTATGT TAAACTAGCA TATCTGCCTT TATTGTGTTT GTCATTAGCC TGAGTAGAAA 300
GGCCTTTAAA ATTTTTTTAG AAAGCATTTG AATGCATTTT GTTTGGTATT GTATTTATTC 360
AATAAAGTAT TTAATTAGTG CTAAGTGTGA ACTGGACCCT GTTGCTAAGC CCCAGCAAGC 420
AATCCTAGGT AGGGTTTAAT CCCCAGTAAA ATTGCCATAT TGCACATGGT CTTAATGGAN 480

GTTTGAATCT TAAATAAATT GGATATTCAC TTTTAAA

517

配列番号:873 配列の長さ:515 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00996

配列:

GATCTGCGAA AGACCAACTT TTAGGCAGTG ATACTTTCT CCCATTCCCT GGGGTGGGGG 60
GAGTATGCAG TTGGTGCTTT CTGTAATTCC CTTGTNCTGT TTTGTTTCTG TAAGCTTTTC 120
CCCTGGTGTC ATGGAAAGGA CTTCTTAAAT AACCACATTG TGGGTGGCTG TATCCAAAGT 180
CTTAAATAATT GGCCAGAAGT GCAGAGTATC CTTTCCTGGA TTCGTGTCAG AAAAGGGCTC 240
CTTGCCACAA CTGAACTTAC TGTATAAAAA CCTGGCTAGG GAGATTTAAT TTTACTAAAA 300
TTACAGTTTA ATGTTACCGT CTAGCCACAA ATCAAGCAGC AAAAGCTATT TTGATGATGA 360
AAGGGGGTCC CGTTGAGCTG GCCATCTAGT GCAGTTGCT CTCAGATNCC ATGTTTGTTG 420
ATTGTGTGCT TCACAAGNCC NTCTCTGGTG CTTGAATTGG ATTTGAATTC TTGGTNAGAA 480
GNCTCAGCAT CTCCTTGGGG TNGGCTTGGG CCAAA 515

配列番号:874 配列の長さ:514 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00997

配列:

GATCAGNNAA TNAAGTGCAG CAATATCATG AATTCTCAGA AGCCCTTTCA GGGAGCCAGT 60
NAGTCATACA GTATCCACAG TTGAGTCACT TAAAGATGTC AGTATACGAA ACATTATTCA 120
CAATCCTTGG GCAATCTCAT TTTTTTTTCC TTCTCCCCTC CTCCCCTGCC CCCCATACAT 180
TTNTATCCTT GAGTTAGTTT TGGNGGGGCA GGAAGTACTT AACATCTCAG AAGCTAGATT 240
GGGAAACATG CTCAGCTATA AGAACTGAGC TTTAAATTTT GAGTTTAAAA ATGTACATCA 300
GGAGCAGNTG GGGAGGGTCT TTTTTTTNAA AAAAATCTTT CCAATTTTTGG GTTTTCTNTG 360
CCATATGGCC GTTTTGTAAA TNCTTTNGGG GTTTTTNATT NTTTTNGAAA GTGGNTGAAA 420
TCTTGTTNTG GGNTTTTTTT CCCCGAAACA TTTNNAATAT AACCCNGTTT ATTTTNNAT 480
GNAAATTAAA CCTTNTTTGG GTAAAAAGGGT TAAA

配列番号: 875 配列の長さ: 513 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS00998

配列

GATCTTCTAT TAAANTGATT CCTCTTTATT AGAGAAGGAA AATTTAGTTG CTATACATCT 60
TATATTTNCA CAGTTTATTA AAGTCAGTNC CCTAAAGGTA CCTNCTTTNC TTTGTGGCAT 120
ATATGGCATC TNCTGTCTTC AGATTTNCTT ACACTTTTGT GATTTATAAT GTTAGTGATT 180
GGTGCCTTAT TCTCTGAGGA AAGATGGAGG GTTCATAAAG CAATGCCTTA TCCACAGCAG 240
ATTTNCTTGT ATATTAAGTT AAACAGAATT CTGTAAATTA TTATGAAGGG TTCAAGCTCT 300

TTAGGGGGAG TTTTTTTTC TTGTTGGTTA ACAAATTGGT TGCAATCTNT TATATTTCGC 360
AATTGGNTTA GATATTACAG TCTACTTATT TTTNCANGNG TAAATTAATT GTNTAAGGTT 420
TGGGTTNGGT ATAAATGGNT AAAATATTAA TATNGTGGGG GGTAAAATTT GATTNGGNGT 480
TTTTTTTTTTT NAAGGCCNNN GGNTTTANGG AAN 513

配列番号:876 配列の長さ:510 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00999

配列:

GATCAGTATG AGANGCAATA CCTAATCCTA TGTTGCTATT GTATTTTTNC CTAGTTGGTG 60
TGCCTGCTCA GAAAACATA TACTGTATGT GTATACATAC CTGTGTATAT ATAAAAGGTC 120
AATTTATATA TNTNCCTATA GGAAAATGGA GTAACAAGTT CCCTATCTCC CATATTTATT 180
TGTCCATAGT AAAATGGCCA CATTGATGAT AATTTCTAGA ACTAGTTTCT GAGATTGTCA 240
GCCCTTTGTC TAAAATAATG GCAGTATTAA TGATTGACTT CTGTCACTGC CATAGTTACC 300
TGGATTGTCA GCCTNGGTAG CCTTTGTCTA AAGTCCTAAA GAGTTCCAAA AAAAATGTGT 360
TGAAATAATT GCTAAATAGT GGTGGGTGAT TCTTNCAGTA GGNATTTGTA ATAATTTCNT 420
GGCAAANAAG GTTATTNCCT GCTATTGGTA TTGGATNATT NGNCTTNTAT NCNGGTATTT 480
TNNAAAAAGGC AGGNNTATAN GGNTNNNCCN 510

配列番号:877 配列の長さ:504 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01000

配列:

GATCTTCCAT CCTCAAATGA CTCTTTTTC TTTATATGTT AACATATAA AAATGGCAAC 60
TGATAGTCAA TTTTGATTTT TATTCAGGAA CTATCTGAAA TCTGCTCAGA GCCTATGTGC 120
ATAGATGAAA CTTTTTTTA AAAAAAAGTTA TTTAACAGTA ATCTATTTAC TAATTATAGT 180
ACCTCTGAAA CANTCTACAT ATACTTATTA CCCAGTACAG TTTTTTCCC CCTGAAAAGC 300
TGTGTATAAN ATTTATGGTG GATAACCTTT TATGGTTTCC CTTTCCAAAG GCCCAGGGTG 360
GGAGGGGGGA TTAAGGGGGC CTAAGGTNTA TGCCTCCNNG GTTTTAAANT TAAATNCCCT 420
CNNGGTATTT AAATTANNTT TTNCCNANGG TTTNTNGGGG GANTGGGGGG GTTTANANTT 480
GCCTTNTTTN GGGGTTTGGG GAAA

配列番号:878 配列の長さ:500 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01001

配列:

GATCTGGGCT CTGAGCACAA GTCAGGAAAC ACCAACATAT TCACACTCTC CCAGTAGGTT 60 CCTCAGTCCG ATGGTGAATG GCTATTCGTA AATGGCTGGT CTGGCTCTTT GGTGTTGGAG 120

CCTTTCCAAT AGCCCCATGA AAAGAAGCAT CACCCAAGGA TATTGTAAAA AGGATGTAAC 180
AAGGAGATAG GGTAGACATT GTACTCAGTG GGCCTTGGGG CCTAGCCCAG CTCTGAGCAG 240
AGGACTGTGG CATTCACTGT CCTTGAGTGT TTCACCTTCT TGGATAACAC ACGGCCCTTC 300
TCTTCTGGAT TTCATCAGAG ATTACAGCCA GATGGGGGCT GAAGACCATC CTCTTTGACC 360
ACAGAGGGTG TGACTGTGGG GAATTCCTCC CAATTTATGG TTTCCNAGGA AAATCTTAGT 420
TCCTTTTATT TATAGGAATG CATGNCNTTT TGGTGTTAAG GAAACCCAAG GGGNANTTAA 480
NGGGACCANT CCTANTNAAA 500

配列番号:879 配列の長さ:500 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01002

配列:

GATCTCCAGC CTCCCAGAAG CCTGCTGTGC TTTCGTCCCA CAGCTTTCTG CCCATTGTTT 60
CTTACTAGTT TCTTGAATTG TNCTTGTGA CTTTNCCTCA GGGATACATT GGCCTGCAGG 120
TCCCAGTTCA CATGTAGTCC CCTGCTCACC ATTGGAGAAT CAGCTCACTG CTCTCTAGAA 180
ACGTGGCGTT GGTGAACGGA CCATGCTTCC GTAGCTCTGA CCTGGGCAGC TTGGACCTGG 240
TCATCCTCTA CTGCCATACC TTTCCCTGGG GGCTTGAACA CAGAACAGGG AGATGGACAA 300
CCACTTCAAA GAAAGACCCA CCGAATGCAG TTTCTGCTTG ANTGACTGGG NCTGCAGTTC 360
CNTTNTCCTG GGACTTAGAG GTGGNCAGAT NTANGGCCCC TTTACTCATC CANCTTNGTN 420
TTCAACTGGN ACTNCCNAAT NANTNAAAGA GCCTNAAATT TTAAACTNGN TGTGGATNGG 480
GNATATGGGA NTAGGGTTGN 500

配列番号:880 配列の長さ:500 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01003

163 Ed .

GATCGTCAGC AAGTACTGTA NCTGTAAAGG AAAATCTCTC TCTCTGGAGA ACCCACACAA 60
ACCATTGACC TGAGTGCGCA TGACAGCCAC TGGNNATNTT TTCTATGATT GAAAATCTGC 120
CATCGCTGAC TGTTGGCCAG TTTCAAAGGG ACCCATTGTA TACAGGGTGC AAATGTATTA 180
TACGGATGTT TCCTTTTGTA CACTTCATTT TTACAAGTTT TGCTACTCAC AAGCTTTATG 240
TAGTGGAGGA TAGAGGTATT TTTGGTCTTT AGAAGCTTGT CGGGGTGAGG GCTGCTAACT 300
TACACTTCAG AGGCCTGTGT CCCCAAAGGCC TGGCTGCGTT TGCCGTGCTG TGCGAGGACC 360
TGTGTACACA GGCAGGTGTT CGCCTGCCCG AGCGCGAGTA GCTCTTTGTG TAGTNGGTGA 420
AAATGCTTGC AGGCATCTGT TTAAATAAAA ATTNCCTGCT GTTAAAGNCA GGGGTTAAAA 480
ATNTCCACAA TTTAAGGAAA 500

配列番号:881 配列の長さ:498 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01004

配列: GATCAGGATT CAGANGTGGA CATCTTCCCC GCAGACTNCC CTACTGAGCC ACCTAGCACT 60 GCCACGAACC GGTCGGGCTA GGAAAGAAGT AAAATATTTT GCAGAGTCTG ATGAAGAAGA 120 AGATGATGTT GATTTTGCAA TGNNNTAATT AAGTGCCCAA AGAGCACAAA CATTTTTCAA 180 CAAATATCTT GTGTTGTCCT TTTGTCTTCT CTGTCTCAGA CTTTTGTACA TCTGGCTTAT 240 TTTAATGTGA TGATGTAATT GACGGTTTTT TATTATTGTG GTAGGGCCTT TTAACATTTT 300 GTTCTTACAC ATACAGTTTT ATGCTCTTTT TTTACTCATT GAAAATGTCA CGTACTGTCT 360 GATTTGGCTT NGTAGGAATT GTTTATAGGN CTGCCCGTGC ATTAGGCACA GGATTTTTAA 420 ATTGTCCATG GGTTNCCANC CTACCAGACC CTGCTTTTTT NGNNAATNGG AATTTTNAAC 480 CATTNANAAA TNGGGAAA 配列番号:882 配列の長さ:494 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01005 配列: GATCTTACTC CACGNATACT TTTTGGTNTG TGAAGGCATC GGTTAAGGGC ACAAAGACAG 60 CCATGGGGAC ATTTATGTAA ATACGTCTCT AATTGCCACA CTGCAGCTGA ACAGTGTGTA 120 GTATTTTCCC AGTCAGCTTT GCCATACTGA CGTCAATCAT TTGAGAGAAA TTATTCAGAT 180 TTNATTTTTG TATCTGTGGT AACAAAACAT TAACCAAAAG ATTTTNTGTC CAGAAGCCTC 240 CCCGNCCCCC CAAGCTATTT GCTCACATTA ACANATTAAA GTGCCTGAAG CATAATTCAT 300 TCTTTACCTG TATACTAAAA ACCCTGTTGT ATTGGTTTTT TTTNTAATAA GCCTTTTTAC 360 CTCTGTGTAA ANANATATAT ATACCAGGTG TATGATGGTN CATTTTGGGT CTTNANCTTT 420 TTTTTAATGG TTTCTAATNT GTNTGNCCNA ATGTTGGCNT TGNTTTTANA NTTGTNCCGG 480 494 GGTNNATTTT TANN 配列番号:883 配列の長さ:493 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01006 GATCTTGATG CTGTGGAAGT AGTTTGAGGA ACATCCTATG AGTTTNCTTA GAATGTATAA 60 AGGTTGTAGC CCATCCAACT TCAAAGAAAA AAATGACCAC ATACTTTGCA ATCAGGCTGA 120 AATGTGGCAT GCTTTTCTAA TTCCAACTTT ATAAACTAGC AAAAAAGTGT TTGCTTATTC 180 CACCAGTTCT ACTGTGACAT ACTCGAGTAT AAAGACATGT AGCAATAACG GGGAGTGGGG 240 GGGGAGTCTC ACAGTGCCTT TGGAAGGGCC CGAACTTGCC TTAAATCTTC CTCAACCAAA 300 TAAGTATTTT ATTAGTGCTT GAGAGAATCT GGAATGTAGG NTGGGTTCAA CTGCACAAAN 360 GGAAAANGNT TTTTACCACT NTTTTTATAT AGNTATAAAG TGNAGCAACC GCCTTAGTGC 420 CTGAATATGT AGTCCATGAN TATGCCTTGT NTAATTTCCA GAAATTCCAN ACCTTGTACT 480 493 GTTTTTTTC CCN

配列番号:884 配列の長さ:492

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01007

配列:

GATCAGCACT GCCAGTGGAG ATGGGCGTCA CTACTGCTAC CCTCATTTCA CCTGCGCTGT 60 GGACACTGAG AACATCCGCC GTGTGTTCAA CGACTGCCGT GACATCATTC AGCGCATGCA 120 CCNNNGTCAG TACGAGCTGN NCTAAGAAGG GAACCCCCAA ATTTANTTAA AGCCTTAAGC 180 ACAATTAATT AAAAGTGAAA CGTAATTGTA CAAGCAGTTA ATCACCCACC ATAGGGCATG 240 ATTAACAANG CAACCTTTCC CTTCCCCCGA GTGATTTTGC GAAACCCNCT TTTTCCCTTC 300 AGCTTGCTTA GGATGTTCCA ATTTTAGGAA AGCTTAAGGC GGCCTACAGA AAAGGGANAA 360 ANGGGCCACA AAAGTTTCCT TTTAACTTTT NAGTAAAAAT TAANTTAAAN CAGCAGCAGC 420 AACCANTTTA AATTGGATTT AANGGGTCCN AATTGGAATT NAATTTTTTG GNTTNNNNCG 480 492 GGNTTTNAAA AN

配列番号:885 配列の長さ:490 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01009

GATCGAGTTT NATGCATCAC AGTTAACATG TCAGCTGGCC CTCCAGGCCC CCGCCCCCAT 60 CCCGTCCACG TTGCTGTGTC GTGAGGTGCA GCGGGTCACC CTGTGGCCCG TCCTGTGACC 120 CATATTTAGC CGTGTTTGGG ACTCCGTGTC TTCAATGGTT TGTTAGTTGC CATTACAACT 180 TTGTCTGGGT AGAGTTTTTG AGTTTTTNCA GTTCAGTATC CCTCTGTCTA TTCACACTTC 240 GTGTTAGTGG TAACTCAGTT TGTCTTTAAA TAGTTACAGA AGGGATACGT CATTTGTNAA 300 TGCTTTTGTG AAGTGAGTTA AACGAGCTTT CTGTATTTTA ATGCTTTAGT GTTTCAGTTT 360 TATAAGTGAA GATTTTATTT TAAAAACCAG TGGGAAAGAG TGGGGGGTTT CTTTTTATGT 420 CTGGGTCATT CAGGCAGTAC ATCTGNTTTA AAGCTGAATG TAGGACANTT AATGAAATCC 480 490 ANATCTGAAA

配列番号:886 配列の長さ:487 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01010

GATCAGCTAT ATACTATTTA TATACAAGTN ATAATACAGA TTTGTAACAT TAGTTTTAAA 60 AAGGGAAAGT TTTGTCCTGT ATATTTNNTT ACCTTTTACA GAATAAAAGA NTTACATATG 120 AAAAACCCTC TAANCCATGG CACTTGATGT GATGTGGCAG GAGGGCAGTG GTGGAGCTGG 180 ACCTGCCTGC TGCAGTCACG TGTAAACAGG ATTATTATTA GTGTTTTATG CATGTAATGG 240 ACTATGCACA CTTTTAATTT TGTCAGATTC ACACATGCCA CTATGAGCTT TCAGACTCCA 300 GCTGTGAAGA GACTCTGTTT GCTTGTGTTT GTTTGTTTGC AGTCTCTCTC TGCCATGGCC 360 TTGGCAGGCT GCTGGAAGGC AGCTTGTGGN NGGCCGTTGG NTCCGNCCAC TCANTNCTTC 420 TGGNGCACTG GTTTNTNCTT TANAGTTANG GTNCCATGNN NCAAGGGGGG TTCCNANGNG 480 487 GAGGNCN

配列番号:887 配列の長さ:485 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01011

配列:

GATCGCAAAT ACACTAAATG TGGAGTGTAG GAACCAAAAT GAAACCTGCT GTATGGAAAC 60
TACTTTCACT TATGGTTCAT TGGTTTTTT ACCAATATT TTTATGCACT TCAGTGCAAG 120
TNTTGTCAGT TAACCTTACT TTATGAGTAA GCTAAATAAC CCAAATTACA TTTNTTTAAA 180
CCTGTTTTAC TACTATGGCA CTTTGATAAA ATGGTCAGGA ACCAACTTTA CTGGCAAAAG 240
GGTCCATGTA CCACCATGTG CTGGAGCATC TGTTCTACAT GTGGATATCT ATGANTGGTA 300
ATGTTTTCCT TCATGTAAGT GCCTATTCAG AGTTTCAGAA TTTTAAAATG CCAAATATTT 360
TCATGGGTCA TTTGCATGTA GTAAGCCAGA AAATATTCAA NGGGATTTTG GAAAACCAAT 420
TGGTATTTAA CCAGCCTCAA ATTGTGCAAC CATGGTTGTA TAATAANGGA TTTGGAACCC 480
GGAAA 485

配列番号:888 配列の長さ:485 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01012

配列:

GATCTAATGN CATATTCCAA AAGCTCAACA GCAACACCCA GGTAGTTTTG CTGTCAGCCA 60
CAATGCCTTC TGATGTGCTT GAGGTGACCA AGAAGTTCAT GAGGGACCCC ATTCGGATTC 120
TTGTCAAGAA GGAAGAGTTG ACCCTGGAGG GTATCCGCCA GTTCTACATC AACGTGGAAC 180
GAGAGGAGTG GAAGCTGGAC ACACTATGTN ACTTGTATGA AACCCTGACC ATCACCCAGG 240
CAGTCATCTT CATCAACACC CGGAGGNAGG TGGACTGGCT CACCGAGAAG ATGCATGCTC 300
GAGATTTCAC TGTATCCGCC ATGCATGGAG ATATGGACCA AANGGAACGA GACGTGATTN 360
TNTGGNANTT TCGTTCTNGC TCTAGCAGAG TTTTGATTTC CANTGACCTT TTGGNCAGAG 420
GAATTNTTGT TTNNGAAGGT TTTTTTTTAG TCATCANNCT NTTGTCCTTT CAACTATCAG 480
GGGTN 485

配列番号:889 配列の長さ:492 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01013

配列:

GATCGCAACG CCAAAGGTGA AGAACCANCT CAAGGAGACC ACTGAGGCAG CCTGCAGATA 60
CGGAGCCTTT GGCCTGCCCA TNACCGTGGC CCATGTGGAT GGCCAAACCC ACATGTAATT 120
TGGNTCTAAC CGGATGGAGC TGCTGGCGCA CCTNCTGGNA GANAAGTGGA TGGNCCCTAT 180
ACCTCCAGCC GTGAATGCNA GATTTTAAGA TTGCCCGGAG GAAGCAAACT TTTCGTATAA 240
AAAAAGCAGG CCATCTGCTT AACCNTTGGN TCCACCATAA GGCACTGGGA CTNGGATTTT 300
TNTATCTGAT AGAGGTATTT NTTGTGGCCC TGGGAGCTGT CTGNTTTTCC CCTACCCCCA 360

AGGNTGCCAG GAAGACGTCC ACCATTAGCC ATGTGGNAAC CTTTACTTCT ATGCTTACAA 420 GTGCCTTTNA GNGAGCCCCA ATTCTGGTTT TNCCACAAAA TAAACCTAAT GCNNTCAGGG 480 492 AAAACNNTTA AA

配列番号:890 配列の長さ:478 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01015

配列:

GATCTTGCTT CCAGGCAGCA GCTTGAATTC CCGAATCTNC CTGCAAGCNG CATACAAATG 60 CAGGGTGAGA ATCCATACAC GTAATCCATA TTCACCTTCC CATCCATCCC GCAGAAGAGG 120 CATGGTGACA CCCAGGCTAC TGTCCATGCT TGAGAGGACG TATTTGAAGG TTCTGTTACT 180 ACAAGTTGGG AATATTCACG GGCCATGCCT GAATACCCGG NCTGTANCTC ACACNGTGGT 240 CTGTGTAAGG GGNTACCCTN GGGGCGGCCT GGTTTAATCN TGATTAATAT CTGAAAGCNT 300 GGGTTNNNTG GGGAATGTNA GGGTTTTCCT AATGCCATTA AATTTTTTTT TAGGCNGTAA 360 AAATTAAAAT NCATTTTNTT ATCCAGCAGG CCTCTTTTAT ACCTTTATNG GGGAATCTNC 420 CATACTTACT TTCCGGCCAN NTTTTCAATA ATNAAATTTA TTTTGGAAAN TTTTTAAA

配列番号:891 配列の長さ:474 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01016

GATCTTACAC TCTGCTTTTG TCCAAATAAA ATGCAATAGT ATCAATATCA ATTTCAGAAA 60 AATGGACTGA ATATGCTTTT TTGGTGATGA AATCTCATGT ACGATATTTA TAGTGATGTG 120 CTTTTATTTN CTCATGAGAT ACTAAATATT AATTGTGTTG TACATTTGTN CTTAGCATAT 180 ATTAAAGTTT TGAACCAAAT GTGTTAAAGC TTACGCTTTG CCATGTAAAT TTCCCAGAAG 240 TTGTTGAGCT CAAATGTATC CTACATCCAG CTGTAGAAAT TTGTCAGAAA TTGTTTAAAT 300 TTTGTATATA ATTGTACTGT TTAATTCTAG CCATTGCGCT GAACAGTATT TGAGTTACCA 360 TATAATATGG CTTTACACAA NGGNAATGTG TGGCTTTTGT TTTGGTATTT TTTCCAGTAT 420 AGGAAGTTCC CTGTGGCCTT ATTTAAAATA AAGGTTATTA GGTAAAACTG GAAA

配列番号:892 配列の長さ:473 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01017 /

配列:

GATCACAGCT CACTGCAGGT TCAGCCTTCT GAGTTCAAGC AATCCTTCTG TCTCAGTCTC 60 CTCAGTAGCT GGGGCTTTAG GTGGGCACTG CCACACCGTA CTAATTTTNG TATTTTTTGT 120 AGAGACGAGG TCCCACCATG TTGCCCAGGC TGGTGTCAAA CTCCTGGGCT CAGTCAGTCC 180 CCCCATCTCA CCCTCCCCAA GTGCTGGAAT TACAGGCGTG ANTTACTGTG CCCAGCCTTA 240 CGGACATCCT TTTGAATTAT CTTTTTCACT CATAGAATAT GAATACATTT ATTTAGACTT 300

TTTCTAGAAC TTTCCTGTTT TCATGTCTTT GNTTCACCTG GAATTGGGTT TAACACCCTT 360
TTATAAAGTT TGTGGTTTGN AAAATTTCCA TTGGGGCCAT CAATACGGAA ATATATTTGG 420
TAANATTNGG GGGTTCNATT TTTTAATTAA AATGGCAAAT GANNGGCAGG AAA 473

配列番号:893 配列の長さ:473 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01018

配列:

GATCGGGTTG AGGATTGGGG CTAGCTCGAT NACANTAAGG CCCCAACATC GNGGGACCTG 60
CTGTGGCGCG GATTCTTAGG AACGCTGTTC TAGCCGGCCC CCTCTCCAGG GGTCGCCGTG 120
GCCGGCATTA TTTCCTAGTT CTTCTTGTAA CCCTGAGGTG CCAGCGCGGG GAGTGAGGAG 180
GGGTCAGGGG GCTAAGGATG CAACCTCTGA CGTTCTGCGC CTTCCTAGGA GAGTCTTACA 240
TGTNTTGAGA TTTCACAAGC AATGCGAGTT GTAAAATACC AGCTCTACAN GAAGCTAGGC 300
TCTGTGACGG CATAGTTTTC AGTAGCTNTA TCACAATATT CACAATGGAG AATTATATGA 360
CATGGTAAGC AGAAATAGGC CCCTTTTAAT GNGNTGCTTC TATTTTACCT CANATTGGTG 420
GNTNTAGGNT AATCANTAAA AATCNATCCA NNGCNTTTCA CAACACTNNN AAA 473

配列番号:894 配列の長さ:468 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01019

配列:

GATCAGGGGG CCAGGCCAGC AGCTCGGGGG CCACAAGGAG ATGGATAATG TGCCTGTTTT 60
TTAACACAAC AAAAAAGCCT ACCTCCAAAA TCCCCTTTTT GTTCTTCCTG GACCTGGCA 120
TTCAGCCTCC TGCTCTTAAC TGAATTGGGA GCCTCTCCCA CCTGCCCCGT GTATCCTGGC 180
TCTCAGCTCA TGGGGAAGCC ACATAGACAT CCCTTTCTTC CCTTGCACGC TCGCTAGCAG 240
CTGGTAAGGT CTTCACACCC TGATTCCTCA AGTTTTCTGC TTAGTGGCAC TGACATTAAG 300
TAGTGGGGGG ACAGTCCATG CCAGGACACC CTGGAGTAGC CTTCCCCCTT GGCCGTGGGG 360
CAGGNCCTAA CTCACTGTCG CTTTGGAGTT GAGGGTGTCT TTTCTTNTTC TTTCTTTAGT 420
TCCTGTATTC TAAACATTAG TAAAAATAAA TGTTTTTTAC ACAGGAAA 468

配列番号:895 配列の長さ:462 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01020

配列:

GATCCTGCAG GACTACAAAT CCCTCCAGGA TATCATTGCC ATCCTGGGTA TGGATGAACT 60
TTCTGAGGAA GACAAGTTGA CCGTGTCCCG TGCACGGAAA ATACAGCGTT TCTTGTCTCA 120
GCCATTCCAG GTTGCTGAGG TCTTCACAGG TCATATGGGG AAGCTGGTAC CCCTGAAGGA 180
GACCATCAAA GGATTCCAGC AGATTTTGGC AGGTGAATAT GACCATCTCC CAGAACAGGC 240
CTTCTATATG GTGGGACCCA TTGAAGAAGC TGTGGCAAAA GCTGATAAGC TGGCTGAAGA 300

GCATTCATCG TGAGGGGTCT TTGTCCTCTG TACTGTCTCT CTCCTTGCCC CTAACCCAAA 360 AAGCTTCATT TTTCTGTGTA GGCTGCACAA GAGCCTTGAT TTGAAGATAT ATTCTTTCTG 420 ACCAGTATTT AAGGGTTTCC AATAAAATGT ACACCNCTCA AA 462

配列番号:896 配列の長さ:462 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01021

配列:

GATCTAAATC CTCATTTATC TCTNCTATGT CTAGTATTTT ACTGTCACTG GAGGCTCTGT 60
GGGCTGTCAT AGTTAATTGA CCATAATTAG CAATATACTT TTAAAGTGGG AAAGCTGAAT 120
GACACTNTTT AAGACAATGA ACATTATCAA AACAAAATGT ATAATTNCTT AATTTGAATA 180
ATAAATTAGG CGTTTAAATG CTATTTGTAG TCTTGATATA CAGAAATAAA ATAATTAGGG 240
TTGGTCTTTT TTATTTTAGG TTGTTTTATG TTGAATGTTC TATATCTTAT TAGTTAATTN 300
GTATATTTNA TTAGTATTTN GGGAAATAGC ATATCTGAGA CTGAAGGGGA AATTGGCCAA 360
TTCACTTATT TGTGGTTTTT TTCCTCAGCT ATTCTGAGCT TATTTATTAA TTGNATGGCC 420
TAATGGCTAA CCATTTACAT TAAAATGGTT TTTTNCCCCA AA 462

配列番号:897 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01023

西河 五月 ・

配列番号:898 配列の長さ:457 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01024

配列:

GATCCACCTG AGCGACCTCC GGGAGTACAG GCGCTTTGAG AAGGAGAAGC TCAAGTCCCA 60 GTGGAACAAT GATAATCCCC TTTTCAAGAG CGCCACCACG ACGGTCATGA ACCCCAAGTT 120 TGCTGAGAGT TAGGAGCACT TGGTGAAGAC AAGGCCGTCA GGACCCACCA TGTCTGCCCC 180 ATCACGCGGC CGAGACATGG CTTGCCACAG CTCTTGAGGA TGTCACCAAT TAACCAGAAA 240 TCCAGTTATT TTCCACCCTC AAAATGACAG CCATGGCCGG CCGGGTGCTT CTGGGGGCTC 300 GTCGGGGGA CAGCTNCACT CTGACTGGCA CAGTCTTTGC ATGGGAGACT TGAGGAGGGG 360
AGGGGNTTNA GGTTGGTGAG GTTAAGGTGC GTGTTTCCTG GTGCAAGTCA AGACCATCAG 420
TCTTATTAAA AGGTGGGTGC CAATTTTTT TACNAAA 457

配列番号:899 配列の長さ:457 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01025

配列

GATCCAGTAT CTTCCTCGGC TTTTTAGGGA GCAGGAAAAA TGCGTCTNAN AGCAACTTTT 60
TTTAAAAACC TGCCCTGTTG TATATAACTG TGTCTGTTTC ACCGNGTGNC CTCCCAAGGG 120
GGTGGGAACT TGATATAAAC GTTTAAAGGG GCCACGATTT GCCCGAGGGT TACTCCTTTG 180
CTCTCACCTT GTATGGATGA GGAGATGAAG CCATTTCTTA TCCTGTAGAT GTGAAGCACT 240
TTCAGTTTTC AGCGATGTTG GAATGTAGCA TCAGAAGCTC GTTCCTTCAC ACTCAGTGGC 300
GTCTGTGCTT GTCCACATGC GGTGGGCGTC TTGGGACCTT GAATGCCTGC CCTGGTTGTG 360
TGGACTCCTT TAATGCCAAT NATTTCTTCA NTTTCTCTTG GGACACCNAG GGNTGCCNGT 420
TNGACAAAGT TTTGGNGAAC NTCCTAATTT AAAATGN 457

配列番号:900 配列の長さ:454 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01026

配列:

GATCCGANGA CCACATCAAT GGGCGCGTGC TCTACTATGC CACCTGCAAG TAATGCTACA 60
GCTTCCAGCC CGTTGCCCCA CTCATCTGCC GCCTTTGCTT TTGGTTGGGG GCAGATTGGG 120
TTGGAATGCT TCCATCTCC AGGAGACTTT CATGTAGCCT AAAGTACAGC CTGGACCACC 180
CCTGGTGTGT AGCTAGTAAG ATTACCCTGA GCTGCAGCTG AGCCTGAGCC AATGGGACAG 240
TTACACTTGA CAGACAAAGA TGGTGGAGAT TGGCATGCCA TTGAAACTAA GAGCTCTCAA 300
GTCAAGGAAG CTGGGCTGGG CAGTATCCCC CGCCTTTAGT TCTCCACTGG GGAGGAATCC 360
TGGACCAAGC ACAAAAACTT AACAAAAGTG ATGTAAAAATT GAAAAGCCAN ATAAAAATCT 420
TTGGAAAAGA GCCTTGGAGG TTCAACGGGG GAAA

配列番号:901 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01027

配列:

GATCTTNCTT NTTAAGTGGA TAAGACAGTC CCACAGTCCA GCCTAACTAT GGGACAGCTT 60
TACGAGAAGG AAAAAGATGA AGATGGATTC TNATATGTGG CCTACAGCGG AGAGAACACT 120
TTTNNAANCT GAGGGCCATT GCTGGGCTAG GTGCACCGTA ACTGCTTGTG TATCTTGTAA 180
ATAGCCAGCC ATTTNCAGTT ATTATACCAG AACCTCTTCA CATAGACCTA TTAGTGCATT 240
TGTAACTGGN TTTATTTCTT AATATATTGG AAGGTTTGTT TCCTTAGNCT AGTAAATTAT 300

CATACAGNGT TTTATTTTGA GGTTTTTCTT NNNTGTGCAT TNTCCTCATG GCCTGTAAAC 360 CNCCAGGAAA CCTTTTCCTT CTNGGAAATC ATATTTGAAA TGATAATTCN TATATCCGAN 420 453 GTGAGGNTAG GNNCCGGGTC CTCCCAATAA ANN

配列番号:902 配列の長さ:452 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01028

GATCTTAAGT GAAGAAGGAA GACTTGGCCT TTTGTATTGC TTGAATATTA ACTGTCTTGG 60 AAGGAAGTTA TGCTACAAGA AGTCATACTT TCATAAAATT ATTTGCATCT GTGTCAAATG 120 CAGTTTAGTC AGAACGTAAG ACATAATAGG TGTGGACATG AACTCTGGAG TGTGAAATAA 180 AATCCACAGT TACTTAAGCA GTCTGTTTTG ATGGAAAGTA TCTTGGGATA ATACTTTCCT 240 CTGTGGGATT TTGTTCATTT TAGATGGTGC ANGGNAGTAT CAGTCTTAA TTTTTTTTTT 300 GTTGTTTTTA TCANTCATTT GCTCTGATGG TATGATGCAT GGGCTTCAGG ACTCCAGCTG 360 CACCACTGTA TAAAACTCAG TTCAGGTTTN CTAGCGGTCN TTGGNTAATT TTCGGGGCNT 420 ANCCCGATNC CAATTNTTTT TAATGTGNTA AA

配列番号:903 配列の長さ:448 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01029

GATCAGGGAC CCTCCCNGCT TTCCTGGGCC TCTNAGTTGA ACAAAGCAGC AAAACAAAGG 60 CAGTTTTATA TGAAAGATTA GAAGCCTGGA ATAATCAGGC TTTTNAAATG ATGTAATTCC 120 CACTGTAATA GCATAGGGAT TTTGGAAGCA GCTGCTGGTG GCTTGGGACA TCAGTGGGGC 180 CAAGGGTTCT CTGTCCCNGG TTCAACTGTG ATTTGGCTTT CCCGTGTCTT TCCNGGTGAT 240 GCCTTGTTTG GGGTTCTGTG GGTTTGGGTG GGAAGGAGGG CCATCTGCCT GANTGTAACC 300 NGCTAGCTCT CCGANGCCCT ACGGGCCTGN CTNGTGTGAG CGTGTGGACA GTGGTGGCCG 360 GCGCTGTGCC TNCTCGTGTT GCCTACANTG TNCNTGGCTG TTGAGGCGCT GCTTCANGCC 420

TGCAACNCGT CCNTNGTCTC ANTACAAA

448

配列番号:904 配列の長さ:461 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01030 📡

配列:

GATCGGTTTA CAGATGAGGA AGTGGATGAG CTGTACAGAG AAGCACCTAT TGATAAAAAG 60 GGGAATTTCA ATTACATCGA GTTCACACGC ATCCTGAAAC ATGGAGCCAA AGACAAAGAT 120 GACTGAAATA ACTTCAAATT CCAGCCAAAC GTTCCTTGTT GCCACTTTGG GTATTCTGAG 180 ATTTTCTCTT GCATGCCCTT AGCTTTACAG CTTTTGCATT TCCTGTTGTA TTTATTCTCA 240 GCCATTTTGG GCATATGTAT CTTTATAATC AGACTGGAAA CGGGACTTTC TATTAATATC 300

ATTTTTCAGA ATAAAAAATA GGGTAATTTA ACCTACCAGC CCTTCTCCCC CAATAACTGT 360 GGGCCTATAC AGNGTCAATA TATTTTTTNC AGNGAAAGGT TTATTCGGCT CGATTTTTT 420 CTGGAANTCC ATAATTTAAC CTTTTATGGG TTAAANTTAA A 461

配列番号:905 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01032

配列:

配列番号:906 配列の長さ:445 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01033

配列:

GATCCGATGG AGAAGGGGG ACCCAGGCCA GCAGGAGACA GGACCCCCGA AGCTGAGGCC 60
TTGGGATGGA GCAGAAGCCG GAGTGGCGGG GCACGCTGCC GNCTTCCCCA TCACGGAGGG 120
TCCAGACTGT CCACTCGGGG GTGGAGTGAG ACTGACTGCA AGCCCCACCC TCCTTGAGAC 180
TGGAGCTGGC GTNTGCATAC GAGAGACTTG GTTNAACTTG GTTGGTCCTT GTNTGCACCC 240
TCGACAAGAC CACACTTTGG GACTTGGGAG CTGGGNCTGA AGTTGNTCTG TACCCNTGAA 300
CTCCCAGTTT GCGAATTATA GAGACAATCT ATTTTGTTAC TTGCACTTGT TATTCGACCA 360
CTGAGAGCGA GATNGGGAAG CATAGATATC TATATTTTA ATTTCNCTAT NGAGGGCCTN 420
GTAAATAAAT TTCTAAAAGC CTAAA 445

配列番号:907 配列の長さ:444 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01034

配列:

GATCTCAATG AAATTAAATT AATAACTATA TCTAGAAAAA CTCCCAATAT GTGAATATTA 60
AGCAACATAC TTATAAAAAA TTCATAGTTC ATGGATGAAA TCAAAAGAGA ATTCAAAATA 120
TTTCAAAATA AATTATGATG ATTATATAAN ATGTAGAAAT GTGTGGGATG CCACTACACC 180
AGTTCTTAGA GTGAAATGCA CAGCTTTCAA GGCTTCTGTT AAAAGAGTTG GGAATTACAA 240
AACAAGGAGC AGCGACTGCC AATGGGTGTG GAGTCTTTTT TGGGGTGATG ATGAAAATGT 300

TCAAAAATTG ATTTTATTGA TGGTTACACA CGTCTATAAA TATATTTNAN CGGNAGAATT 360 ATATGGATAT ATATGTGATA TATGGAGGTA TATCCTCTGT AAAATTCCTA NGGGTTTAAN 420 GGAGGATTGG GTATCCACAC CAAA

配列番号:908 配列の長さ:440 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01035

GATCCCAGTG TTGCCTTAAC AGGGTGTCTG TCGTGCCGCA GTAGAGCACT GCTGCTTCCT 60 CCAACCCCAA AATTTATGTT CCTAAGTAAG TCAGGTCCCT AAGCCCCGTC CCAAGAAGTG 120 ACACAAGTGG CCAACATCCA CACTGTAGGC TTGCAGGCTA CCCGCCCTGA GATTTGGTAA 180 AGAACACTGC CTTGTTCCCC ATCAGTAAAC AAGGTTACCT ACCTCAGGAG GCTGCTTGTG 240 AGAGAGCAAA TGCAGTATCT TCAGANTGAT TTATTTTTTT ANTTAATTGT AAAGACTTGT 300 GCCATTGGCT GCTCTTTCTA GTCCCCTAAN TTTCTGTTCT AGTTTTAANT TTCTCTAGAN 360 CTTGCAATNG TTGGGGGGTT TTTATANTGG TGTTTTTNCA ATGNTTTGTT TCNTTANNNT 420 AAANCCTTAA AAGTTCCAAA

配列番号:909 配列の長さ:439 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01036

配列:

GATCGGCGTG GGGGTGCTGC TCATCTTCCT TGTCAAGTAC GACCTTAACA ACCNGGACAA 60 GCACGCCAAG CTGGACTTCC TCAACAACCT GGCCACGGGN CTGGTGTTCA TCATCGTGGT 120 AGTCAACATC TTCATCACGG CCTTCGGGGT CCAGAAGCCC TTGATGGACA TGGCACCCCA 180 GCAGTAGGAC ACCCAGGACC NTGGATGCTG CCTGCCNNTG CAACTCAGCT GCCCGACCCC 240 AGGAGTOGCO ATACCTGTNA GGTGTCCACC TCCCTGCACA TGGCACTACC CAGANTGCCA 300 GAGCCCAGGC TGGNCTCATC TGCACCATGT CCCCGGACCA GCCCTTGCTC TGANTGCGGG 360 CCAAGNACCA NGTAGGAGGN CACTNTTGTT TNTNAGCAGN TTTTTCCAGG NGGGNAGTTN 420 NNTTCTGGGA AATTGGGGN 439

配列番号:910 配列の長さ:435 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01037

配列:

GATCCAAGGA CCCACACTTT GTCACCTCAT ATCTCTCTCT CTCTCCCACT TTCGCTTTCT 60 CTGTCTCTTC TTAGTTCTGC TTTCCTCCAC TGTGCCTTCG CTCTCAGAGA GAGCTCTCCC 120 CTGGCAGTGA CAAGATGGCT GCAGCAGCTC CAGCAACCTC AGAGGACTCC CCCATCCAGG 180 GTCCTTGTGA GCTCCTCATC TGTAGGATGT GCAGTAAACA CTCACGTGTC CTTTCCTGAG 240 GAGCCCAGTG GCTGGGGTGG GGGCTGAGGG GCAGCCCCTA TGCCCTCACA GTGCAGCAAC 300

CTTGGTTAGC TCACCCATCA GGGCAGACTT GGGCAGAAAT CATGTCTTGG CATATTGTTT 360 TGTAATCTGC TTTTTAAATT GTCACTATAT ATTATGAGCA TTTCCCTATA ATATACAATA 420 TTCTTCCACA TTAAA

配列番号:911 配列の長さ:433 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01038

配列:

GATCATATGA AAAAGTAACA AGCTGTTCCN TGTTTCTGAT ACATAAAATN ATTTTAAGCA 60 TTTTATCAAT CATTAAAATT TACTGCCAGT TGTGAGTGGC TTTTTAATTA ACTTGTCTTT 120 CATTGCACTT CACTCTGCCT GTTTTCAAGG GGAGTAAGAT TGGTAACATT TGGGGAGACT 180 GTATCTGTCT ACTTAGCGTG GCTGTTTTGA GGGACTGTCC CATCAGTGAA CAAACTGCAT 240 GGCCTTGGAG AGAGACTCTG GGCTCTTGGC TCAGATGTGT TCATCAAATA CTCCTTTCAG 300 AGCTGTTGTG GGTGTAAGTG ACATGATGTG GCCAAAAAAT CCAAACTGTG CAGTTGCGNT 360 TGTGACAACC ATGCAATGTG NCTGTAAAAA TTNANTTNCA GTTTAAATTN ANATNNTTTA 420 433 TATTNNGTGG AAA

配列番号:912 配列の長さ:431 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01039

GATCTTTCTA ATTCGAAAGC TGTGTTCTTT TTGAATACCG TGCATGGGGG TTAAGCTGAT 60 GTTAAAACAG TTTGCAATAA AAAAAATGA ATNAGCTTAA GTCATTTAAT CATTTCAAGT 120 GCATTCTGCA TCCTTTAAAA ATAAGTTTAA GAAATTTAAG AGAATTGTGT TTTCATTAAG 180 TTTTGCATAT CTTTTGTTAT GCCATGTAAA TNCCCTTTTN CGTATGATTA AAGGAAGGTT 240 ATGATAAAAT GATTAGTTCA TTTACATTCA CTTGTAGCAA TTACATGAGA ATTTGAATTT 300 NGTCGTGTTT GGGTTTGTNC ATTCCTGTGA ATGATGGTNC AGTTAGGTGA GATTTNCTGT 360 TATGGNACCC CAACTCACCA TTTGGNCCTC TTTAATCTTT GGGGGGTTCC AATAAAAATT 420 431 GGTCACTNAA A

配列番号:913 配列の長さ:431 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01040

- companies . . .

配列:

GATCCAAANT TTAAGGGATA TTGCCTATTT TGGAAGAATA AAACTAAAAT GTTAAAACTG 60 TTGAATTACA GAGAACAGAT GTACTCTGAG ACATAATTTT AAACAAATAT TTAAAATANG 120 GCAGGTTAAC ATTTGCGTTT AGGCACAATA AATCTGTATT AAAGGGAAGC ACATCAAGGA 180 AATATATACA TGTTGANTAA TGTAACTNAA AAATATTTTT TAAAAANCCAC TTAAAAATGA 240 NAAATAATTI GATGGGTACT TTAAGCATIG TAGATAGAAA TTAATGTATA ATAGTGTCCT 300

CCCNGTCTTT GTATGAAAAN TTAAAANCTC TCTAGTCCTT TAATGAGCAT GANTTTTATA 360 CTTCTACATT TTGTTGCCTA GGNAAAATTN TCCTCNNGTA CCTTTGAGGT NATTCCGGAT 420 TTTATGGTTT N 431

配列番号:914 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01041

配列:

GATCTATAGA GAGAGATATA TACACTTTTG ATTGTTTTCT AGATGTCTAC CAATAAATGC 60
AATTTGTGAC CTGTATTAAT GATTTAAAGT GGGGAAACTA GATTAAAATA TTTGTTTTTT 120
AACTAGTTTA TTAGTTTCTN TGGAATCTGC CTGTGTCCCT GGGTTTGGGT TTTGCTCCTTG 180
GCAGCAGCAG GTGCCTCTTG GGTGCTCCTC CTGCTCCTGC CTGCAGCCCT AAGAGCAGGT 240
GGGTGCCGAG TGTCTGGCAC AGCTTGGATG CCGCCCACTG AAGACAGCAG AGGGGGGTTG 300
TNTTGAAGCT CCCGNGACAC AGTCAAGCAT CTTCTGAGNC TTCGATGTCT TCGGNAAGTA 360
AAAATGGGGN TTTAGTAAAA CCCTGCCCCN GTTNTCACA GGGGGTTNTT TTGCAAGNNA 420
AANTGATAAA

配列番号:915 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01042

配列:

GATCAGATTC
TAATTTGACA GGCAACCAGT CAATGAAACA GACACACCTG CACAGTTGGA 60
AATGGAGGAT
GAAGATACAA TTGATGTGTT TCAGCANCAG ACAAGAAGTG TCTACTGNAA 120
AAGGANCCTG CTTCTTTACT CTAGAACTTT GTTCTTATAG ACCAAGATTA CATTCTCAAT 180
TAGAAAACTG CAATTTGGTT CCACCACATC ATGACTATTA CTATAGTATA GTTTTCTCTA 240
TTCTTTTATT TTTCCCTTTA CCCATTCCCT TATTTGTACA TAAAATAATG GGTGTATGTT 300
CACAAGCATT TTGCTGGTTT TNAAATATTA ANTGGCCAAT GACATCCACT TGATGTCANT 360
CAANACNATA TCTGTGGGGG NAAANTACCG NTTCTTNGAA ATTTNCCTCC NNTTTTTCCA 420
TNAGTGGN 428

配列番号:916 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01043

配列:

GATCGCCAGG TTCTACAAGC TGCACGAGCG GAGGTNTGAG CCCATTGCCA TGACAGTNCC 60
TCGAAAGTCG GACCTGTTCC AGGAGGACCT GTACCCACCC ACCGCAGGGC CCGACCNTNC 120
CCTCACGGCT GAGGAGTGGC TGGGGGGTCG GGATGCTGGG CCCCTCCTCA TCTCCCTCAA 180
GGATGGCTAC GTACCCCCAA AGAGCCGGGA GCTGAGGGTC AACCGGGGCC TGGACACCGG 240
GCGCAGGAGG GCAGCACCAG AGGCCANTNG CACTCCCAGC TCGGATGCCG TGTNTCGGCT 300

NNGAGGAGGA GATGCGGGAA GTTCCAGGCC ACGGTGCAGG ANCTCCAGAA GNNGTTNGGA 360 CAAGGNTTGG AGGAGACAAG TCCAAGNNCA AGTAGNAGCC CCTGAAGGNN TTTNCATCAN 420 GGTTTCAN 428

配列番号:917 配列の長さ:424 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01044

配列:

GATCCAATAT TCAATTCATT TGTGTACTCC CACATGCAAA ATGCTAAATT ACAATGCAGA 60
CATTAAGAAA AAGTATTGAC TGGAGGGGTT GAATTCCTTG AGAATTTATT TTATAGTCTA 120
AATCACAAAT ACTTTACTCA ATTTAGTTTT TAAAATAGTA AACTGAATAT TTTTGTTGTA 180
AGCCTATCAG AGTCAATCCT TCGTTTGGAA TTGTTTTCCT GTTTTNCCTT ACTATAAATC 240
ATTTAAAAAC TGAATTCATT TTCTTAGATG GCATAAGTCT GTCTCTTGAG AAATAAGTAA 300
AATACTCCTA TTTTCAGTAT CTGTAGCACC TGAAATAGGT CTTTGTATAG CCAGAANCAA 360
GTTATGNTTG AAGTTAGCTT TTCTTTGTCA CCAGTTTTGG NCAATAAAAA TCTGAANGTT 420
TAAA 424

配列番号:918 配列の長さ:422 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01045

配列

GATCAACATA ATGGACCACT CCTGAATGAG ACTTAATTTT GTCTTTCAAA TTTACTGTCT 60
TAAATCAGTT TATTAAATCT GAATTTTAAA ACATGCTGTT TATGACACAA TGACACATTT 120
GTNGCACCAA TTAAGTGTTG AAAAAATATCT TTGCATCATA GAACAGAAAT ATATAAAANT 180
ATATGTNGAA TGTTAACAGG TATTTTCACA GGTTTGTTTC TTGATAGTTA CTCAGACACT 240
AGGGAAAGGT AAATACANGT GANCAAAATA NGCAACTAAA TGAGNCCTAA TAATTGGCCT 300
TCGATTTTAN ATATTNGTTC TTATAAACCT TGTCAATAAA AATAAATCTA AATCAAAAAA 360
AANTTGGTTC CACCTNTGCA GGTTTTTATA ANTGGTGCCA ATTAAAGGTT TTTGTTTTTA 420
AA

配列番号:919 配列の長さ:422 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01046

配列:

GATCCTTACT AAGTNTTCA TGGGAGACTT CCTTCATCAC ATCTTATGTT GAAATCACTT 60
TCTGTAGTCA AAGTATACCA AAACCAATTT ATCTGAACTA AATTCTAAAG TATGGTTATA 120
CAAACCATAT ACATCTGGTT ACCAAACATA AATGCTGAAC ATTCCATATT ATTATAGTTA 180
ATGTCTTAAT CCAGCTTGCA AGTGAATGGA AAAAACNNC AAGCTTCAAA CTAGGTATTC 240
TGGGAATGAT GTAATGCTCT GAATTTAGTA TGATATAANG AAAACTTTTT TGTGCTAAAA 300

ATACTTTTTA AAATCAATTT CNTTGATTGT AGGTAATTTC TATTTGCACT GGGCCTTTCA 360
ACTCCAGAAA CATTCTGANG GTGGTACTTG GGGTTTAANT TAAAAAGGTC CACTTTGGTA 420
AA 422

配列番号:920 配列の長さ:410 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01047

配列:

GATCGCTGTT TCCAGAACGG GGAGGAGTAT CTCATTGTGA AACAGACTCT AGAGTGGTTC 60
TATTTGGTCT TCAGTGTTTT AGCCTCATTA GTTCATATTT GGCATGCAGC TTGTGGTGAG 120
TACTGTTCTA GGACTGGCCA AAAATGGGCA AAATGTATCA CTCCAAACAC TACTGATTCA 180
GCATTGTTTT CATGTCTTAA AATTGCCACC TGCACTTGT TTCTGCACTA TTATGTAGTG 240
CATTTTAACT TAAATTTTTT CCAGCAACAT GTTACTTATT TANGATACAT TACTGATATT 300
TCATTATAAT TANGTTCATC TTCCCTGTGA AACAAGAGAA TTGTAAAATG TTGTGGGAAA 360
ATGATACATA TGTGGGATGC TAATGNAAAT CATAGGTATT TTTGTGTAAAA

配列番号:921 配列の長さ:409 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01048

配列:

GATCACANTT GANCTGGCAG CGGGATGGCG AGGACCAAAC TCAGGACACC GAGCTTGTGG 60
AGACCAGACC AGCAGGAGAT AGAACCTTCC AGAAGTGGGC AGCTGTGGTG GTGCCTTCTG 120
GAGAAGAGCA GNGATACACA TGNCATGTAC AGCANGAGGG GCTGCCAAAG CCCCTCACCC 180
TGAGATGGGA GCCATCTTCC CAATCCNCCN CCCCCATCGT GGGCATTGTT GCTGGCCTGG 240
NTGTCCTAGC AGTTGTGGTC ATCGGAGCTG TGGTCGCTGC TGTAATGTGT AGGAGGAAGA 300
GCTCAGGTGG AAAAGGAGGG AGCTACTCTN AGGCTGCGTG CAGCGACAGT NCCCAGGGCT 360
CTTAATGTGT CTTTNACAGN TTGAAANGCC TGAGACAGCT TGTTTTGTN 409

配列番号:922 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01049

配列:

GATCCAGGCT GTCATGTGAT TTATGGTGGC ATGTGTTGTG TATTTGTTGG CTACTTGTGT 60
CTTGAAATCT AGAATTATTT CACGCAGAAT TGTCACTGTT TGTCAGGAAG AGAAAATGGG 120
CTAGTGGAAG CCCAGTCTTG AGTTCTTGTC TTGTTACCAT TTAAAAATTGA CATTTAATTT 180
TCAAATCACT GTTGGTGCCT AATCACTNAA GTTATTAATT TATTCTGTTG TATTCTTTTT 240
TTTNAAATNG TAACATATTT ATCCGGTGGG TGGGACAGGA GTGTGTTCAA GTGGGTCATG 300
TTTTTNCTGT GGTGACACAT GGTACAGGCT TGGAGCTTGC AGGTCCCTTT CTACTGTGGT 360
TTTTGGAGCAG GNCAATTAAA GTCCACTANG AAATNCACCN CTTTAAA 407

配列番号:923 配列の長さ:411 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01051

配列

GATCCAGGTT CCTCCAGAAA TAAGATATAC AGATTACTTT GTNATTGTAA GTGGAACTTC 60
TACCCGACAC TTACATGCCA TGGCCTTCTA CGTTGTGAAA ATGTACAAAC ACCTGAAATG 120
TAAACGTGAC CCTCATGTTA AGATAGAAGG GAAGGACACT GATGACTGGC TGTGCGTGGA 180
TTTTTGGCAGC ATGGTGATTC ATTTGATGCT TCCAGAAACC ANAGAAATCT ATGAATTAGA 240
GAAATTATGG ACCCTACGTT CTTATGATGA CCAGTTAGCT CAGATAGCAC CTGAGACAGT 300
ACCTGAAGAC TTTCATTCTT GGAATAGAAG GTGATACTTN ATCTGTNACT NCANTGGGNG 360
TTAAAAATGTG GATTAAATTN TTTTANTGCA NTGNNGTTAG TCATTTTCAA A 411

配列番号:924 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01052

配列:

GATCAGAGCN TATNTTATGA TTGTTGATAA CTAACCAAAG TAGNTGCCTG CAGAGACTTT 60 AAAATGTAAA ATAAAGATGT ATGCTGCCTG TCAGCTATTC TCATTTAAA 109

配列番号:925 配列の長さ:405 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01053

配列:

GATCCGAGGC TGGGAAGAAG GGGTTGCCCA GATGAGTGTG GGTCAGAGAG CCAAACTGAC 60
TATATCTCCA GATTATGCCT ATGGTGCAC TGGGCACCCA GGCATCATCC CACCACATGC 120
CACTCTCGTN TTCGATGTGG AGCTTCTAAA ACTGGAATGA CAGGAATGGC CTCCTCCCTT 180
AGCTCCCTGT TCTTGGGTAA GGAAATGGAA TACTGAAGGG CCCTTCACTG CCTTTGCTCC 240
TCCCCATGTTA TGCCCAGCGT TTGATGGGTA GCAGAGAGGA CANANATCAC CACATGGCTA 300
TTTTTCCCNC TGAATNCTGT CTNGNATTGN GTACCTNTCA AGTGTTATTA GTGNATGCTT 360
TNGAAATGAA AAATTTGGGC NACCTTATGG GNAGGGNGTN GGAAA 405

配列番号:926 配列の長さ:405 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01054

配列:

GATCTTAAGC AGTAATCTGT CAGTGTTTGT ATTTGTATTC TCTGCAATTT TACTGTGAAA 60

AAAAATTTGT TTTCAACAAT TGGTGTCATT TTCTTGATGT CACTATTTGT NGGAGAGTTA 120
AATGGTCTCT NCCCTTTGTG TATCTTACCT AGTGTTTACT CCTGGGCACC CTTAATCTTC 180
AGAGGTGCTA AATTGTCTGC CATTACACCA GAAGGATGCC TCTGATAGGA GGACAACCAT 240
GCAAATTGTG AAATAGTCCT GANGTTCTTG GATTACTTTA CACCTCAGTA TTGATTTGTC 300
CCAGAATTTN CTGGCCTTNC ATGGCANTGA AANTNTTNGG GGGAAAGATT TAANGTATTT 360
NANTTTTAAN GAGTGTGTTA TAANNATANT TGTACTGNNT NCTNN 405

配列番号:927 配列の長さ:404 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01055

配列

GATCTATGTT ACATTTACCA CACTGAAGTT TTTTTTGTTG TTTTTTGTTT GTTTTTAAAG 60
AATCACCCTC ATTGTTGAAA GTAAATGTAC TCTTAGGGTG CGAATATTAG TGTTCCAATA 120
AGCATGTGAT TATATTAAGG TGGTGGTAGC GGGAAGATAA TTCTGATTCC ATTGGGAATC 180
TTAGGTTTTC GTAAATTTAT TGGGAAAATA GTTTTTCCTG TACTGCTGAA GTTTCTTTTT 240
GGTAAACAGT ATCTTTCTAA AAGAAAAAAG CATGAAGGGA GAAATTGAGG TGTGTATACA 300
TTTCCTCAAA TGACCAGCAT TGTATTCGTG AATACTGTGT ATCTTGCAGT GAACAGTGTG 360
GAAGCTGTTC ATTTTCAAT CTGAAGTAAA ATACTTTCAA GAAA 404

配列番号:928 配列の長さ:399 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01057

配列:

GATCANGTGT AAATGTGACC TTGTACAGTT TACTAAAATT ACTGATATTT TTCACTACAT 60
TGAGACAGTT ACTGTGAGAA TAGGACACAA ACACCAGCTA TTGCCTGCAT CTGGGAAATT 120
GCTGAATCGC ACAGCAGTCA TGTCATAATC AGAAAATTAC TGCCAAATAA TTGTAAAAATT 180
TGTAAAGTAT AAAGTATATA AAGTAGATAC TAAATACAGN CACTTCANTA TTTTGTTGAA 240
GCTATTGACT GTACANTTAG ACATTTTCAN ANGGGTGTAA TTTATTTANN GTTGTCTCAT 300
TTTTGGTAAAA TTTATGTGAA CTTTTAAAGC TAANTATTAA NCCTTAATAT GCTATGTAAA 360
TNTTTTCCNT NTATACCATT TNCTGGTGGT NTTTTTTN 399

配列番号:925 配列の長さ:397 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01061

配列: .

GATCTGCAGA AGGTATCTGG TGATGCAGAG ACTCTTTCCC CGCATCCNTC ACATGAAAGA 60 CCCCATCGGT GACAGCTTCC AAAACGACAA GCTGGTGGTC TGGGAGGCGG GCAAAGCCGG 120 CCTGGAGGAG TGTCTGGTGA CTGAAGTACA GGTCGTGCAG AAAACTTGAG ACTGGGGTTC 180 AGGGCTTGTG GGGGTCTGCC TCAATCTCCC TGGCCGGGCC AGGCGCCTGC ACAGACTGGC 240

TGCTGGACCT GCGCACGAGC CCAGGAATGG ACATTCCTAA TGGGTGGTGG GCATGGGAGA 300
TGCCTGTTTA ATTTCGTCCG AAGCTGCCAA GGAAGAAGAC CAGAACTTTG TGTGTTTATT 360
TCATGATAAA GTGATTTTT TTTTTTTNA ACCTAAA 397

配列番号:930 配列の長さ:402 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01062

配列:

GATCCCCAAC AATGTCAAGA CAGCCGTCTG TGACATCCCA CCTCGTGGCC TCAAGATGGC 60
AGTGACCTTC ATTGGCAATA GCACAGCCAT CCAGGAGCTC TTCAAGCGCA TCTCGGAGCA 120
GTTCACTGCC ATGTTCCGCC GGAAGGCTTC CTCCACTGGT ACACAGGCGA GGGCATGGAC 180
GAGATGGAGT TCACCGAGGC TGAGAGCAAC ATGAACGACC TCGTCTCTGA GTATCAGCAG 240
TACCAGGATG CCACCGCAGA AGAGGAGGAG GATTTCGGTG AGGAGGCCGA AGAGGAGGCC 300
TAAGGCAGAG CCCCCATCAC CTCAGGCTTC TCAGTTCCCT TAGCCGTCTT ACTTCAACTG 360
CCCCTTTNCT NGTCCNTCAA GAATTTNGTG TTTTGCTTGC CN 402

配列番号:931 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01063

配列:

GATCTGCCGA CCTTGCTATA GATGCCATGT TACCAATGAT TTCCTGTGGT GGGGGCTTGC 60
CATTNTTTAC TCTCTTATTT ACCAACTTCT GGCCTAGGCA TGACAGTGGG CACCTTCCCC 120
CAGCCCTGGN TGGGCCCAGC GCCTNTTTC TGTGTTAGAA AGGTTTATA TATATATAAA 180
ATTACATATA TATGTAGAAA TATATGTAAT NTTGGGGGCC CTGTTCCTTG CACATTTAC 240
AGTTACCTCA TTTTTNCCCA TGTATGTATT TGAGAAAATG CTAATATATA GNGAAAAAAA 300
TGGGTTCTTA AAGCTNAAAT GTGNGGTTTT TNCCATTCCA GGGGNTCACA TTNGGTTTGN 360
GGCATNGACN ATACCTNGTA TGTCGNNNTA TAAANN 396

配列番号:932 配列の長さ:394 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01064

配列:

GATCCGTGGA TTTTTGGTGC AATTCCCCTT TTATTTCTTG TCTGAAGAAA GCCTACTGCC 60
TTCTGTTGGG ACCAAAGAGG CCATAGTGCC CATGGAGGTT TGGACTTAAG AGATATTCAT 120
TGGCAGCTCA AAGACTTCCA CCCTGGAGAC CACACTGCAC ACAGTGACTT CCTGGGGATG 180
TCATAGCCAA AGCCAGGCCT GACGCATTCT CGTATCCAAC CCAAGGACCT TTTGGAATGA 240
CTGGGGAGGN CTGCAGTCAC ATTGATGTAA GGNCTGTAAA CATCAGCAAG NCTTTATAAT 300
TCCTTNTGCC TAANTTGTAA AANGGGGGNC TGCATTCTTG TTGGAAGNAT GNACTNTNTT 360
TNNGGAAAAC CACATTTTA AAANTTCCCG TAAA

配列番号:933 配列の長さ:393 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01065

配列

GATCCACAGG CTTTTGTACT CAACGCTGAC AACAACCCTA AGAGGTAGGT ATCATTATAT 60
CAACCATTTT ATGAATAAGA AAACAACAGC ACAGAGAGAT GCAGTCACTT GCCCAAGGTC 120
ACACAGGGCC AGGGGTTGGG CCAGGATTCG AAGCAGGCAG GCTGTCTCCT GGGTCTGAAC 180
TCTCAACTAC TACACCCTAA TCAAACAATC CCTCTGGTCA AATGTGAGTG ATAATAATAG 240
TACCCACCTC GTGGGTGTTG AGGGTGAGCC CAAGTTAGCA TTCAGCGTGG GCATGTGAAC 300
AATTATAGTC AATATTGANT GGAGGCCTAT GATGCTTTTA TGAAGGTTTC TATTTTGGGT 360
TAAAAAATGC ATAAAATTTC TCCTGACCAG AAA 393

配列番号:934 配列の長さ:393 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01066

配列:

GATCACCTTA AGTGAAATNA TTTNCCTTTA ATCTTTNATG TATTTATTCA CTTTTGGAAG 60
CTAGGAATGA GCAACACAAA TTTTACTCTG AAGTCAGAAG AGCTCATATA TAATANTTCT 120
AATGTCCCAC CTATTTTCAC TTGTCCATTC CATGTACCAG CTTAGTTATG ATANNNNGTC 180
ACATAATTAT CTTTGATAAA GGTAGAGGCA CAAAGAGGCA AACTAAGCAA GTCAAATTCT 240
AATGTGTGTA CTTCATAATA ATTTTTTATC CATTTTCATC TTTATATTCT GTAACATGAA 300
NCTTACCTAA TCTTCAAATG TTAGCTTCCA TTTTTTACCT TTGAAATACT TAAATCTTTC 360
TGGANTAAAT ATAATGGGGC CTNTAAAAANT AAA 393

配列番号:935 配列の長さ:392 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01067

配列:

GATECTGTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCANTCA AATTTCATGG TTTTAATTTT 60
NAACTCAGAA GCACTCAAAA ATGCAAAATG TGATAATGGG CACTTGTTTA AAAGANTTAG 120
TGTATCCAGC CTTCACTCCA GCTGGTTAAA AATGTTGCAC TTATCAGCAA CCNNACCACT 180
TTCATCTGCT GAAAGGNCAA ATGTGCTTGG TTTTACTATT ATGTAATCAC AACTTTCTTT 240
NTATNTGATT ATTACNGCAG TAGGTTGCCT NTCCNGTATG GGAAAAATAA AGTGGAATNG 360
CCCNAATTAA ACCNCCTCTN TCTTAAGGTA AA 392

配列番号:936 配列の長さ:391

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01068

配列:

GATCAGGCAG CCTCCTGATG CCAGANCACC TCAGGCAGAG CCTACTCAGC TGTACCTGTN 60
TGCCTGGACT GTCCCCTGTC CCCGCATCTC CCCTGGGACC AGCTGGAGGG CCACATGCAC 120
ACACAGCCTA CCTCCCCCCA GGGAGCTCTG CTGCCCTTGC TGGCCCTGCC CTTCCCACAG 180
GTGAGAAGGG TCCTGTCCAC CAGCACACTC AGTTCTNTTC CCTGCAGTGT TTCATTTNAT 240
TTTAGCAAAN ATTTTGCCTG TTNNTGTTNA AACATGATAG TTGATATGAG CTGAACCCCT 300
GGGTTNGGNG GGAATTGGTC AGAGTGGCAA CCTGGGACTG TGAGCCCTGT TCGGNACAGN 360
NTATGGATAT GAAAANTCTG NCCNNNGCNA N 391

配列番号:937 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01069

配列:

GATCTTTCCC AAGATTGTAA CTGAAAACTG CTGTCTCTTG TTTTTTTCGT TTTGGGGGTG 60
GTGGTGCTGG CTGGGCCATG CTTGTAAAGT GATGTGTCC TCTGATTTAA CGGATTCACT 120
GTTTTCTCTG CTAATTGAGA GAGCGTTATT TACATTATTT ATTTGTTTTG ACACAAGTNC 180
TTTCAGTGTT TTATCCTAGC TAATGGCTTC TTAAAGGTAA TAAAACCCTT CCAACGTAAT 240
TGGTCAGATA AAACTTTTTT CCTTGTATGC TTAAATAAAG CAATTAGTGA AGCACTTCTA 300
TCCAAAAATGA CTTTTTTGTC CTTTTTTAAA ACCAATTTAC TGTTACTGGA AACTTTGTAC 360
AATAAAGCAA ATCACGCAGA TTAANGGAAA 390

配列番号:938 配列の長さ:389 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01070

配列:

GATCAGAGGG AAAGAATGAC CAACCNNGCA ATAAGTGTAC TAAACTCTAC GCTCTGGTTA 60
ATGTAATGTA CTCTCCTGGA CTGAATGCAG TGTATAATTN CTGTCTACAG CTAGAAGCTG 120
TGCCCCAGTT CCACATTTGA TTACACATGT NAGATTTGCT GCTGTTGCAG TATAAACACT 180
AGGTATAAATA GGATTTGAAA TTGCATTACA GTTCATAAAA NTNGAAAATG AGGAATTAAA 240
CCNGCAAGTG AACATTTGAA CGNTTATNCT NTCTACATAA GACATGGTTG GGACATCAGT 300
ACTNACAAGA TGGTTTANGT ATGGTACTAG NGNANTTAAG NTTTCTTTCT CTCTGGTTTA 360
TNGATNGGGT TATTTCCATT ATGTATTNN 389

配列番号:939 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01071

配列: GATCTCACGC TGCCTCTGTG GTTCCCTCCC TCATTTTTCC TGGACGTGAT AGCTCTGCCT 60 ATTNCAGGAC AATAATGGCT ATTCTAAACG CTAAGGAAAA AAAACAAACA CAGAACTGTT 120 TCAAGTACTC AAGACTGACT TACAGACCAA CCAACCACCT TGCTGGAACC CTTGCTAGCA 180 GGCATTCTTA TAAAAGAAAC TTTCGAGCCT CCTTATATTG CTGGAAACTC AGCTGTGCTC 240 CAGACTAGAG CCTCCTTACC TATGCTATGG ATTTTTAATT TATTTTCTCT TATTTCATGT 300 ACACTECTTT TTTTGGTTAC AGTGTATGAT GGATGTGTAT GAAAAAAATG TATCTTTGGG 360 GAACCAATTA CAGTTTTGTT AATTTGGAAA 390 配列番号:940 配列の長さ:543 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01072 配列: GATCCACACA CGTTGGTCTT TTAACCGTGC TGAGCAGAAA ACAAAACAGG TTAAGAAGAG 60 CCGGGTGGCA GCTGACAGAG GAAGCCGCTC AAATACCTTC ACAATAAATA GTGGCAATAT 120 ATATATAGTT TAAGAAGGCT CTCCATTTGG CATCGTTTAA TTTATATGTN ATGTTCTAAG 180 CACAGCTCTC TTCTCCTATT TTCATCCTGC AAGCAACTCA AAATATTTAA AATAAAGTTT 240 ACATTGTAGT TATTTTCAAA TCTTTGCTTG ATAAGTATTA AGAAATATTG GACTTGCTGC 300 CGTAATTTAA AGCTCTGTTG ATTTTGTTTC TGTTTGGATT TTTGGGGGAG GGGAGCACTG 360 TNGTTTATGC TGGAATATGA AGTCTGAGNC CTTCCGGTGC TGGGGACCAC ACANGNGTTN 420 GTTGNAAAGT TTGACCAAGN AGNCCTGCGC ATNNNCTCTG GATGCCTNTG GTATCCATTC 480 TTNGANGCAA TCCGCTCGGG NCCCGTGGGC CCAATAAANC NGGTATTTNT CCCAANGGGG 540 543 配列番号:941 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01073 配列: GATCTCAAGA TTTCTAAATT GTCAAGATTT ACATGGCATT GTGGTGGAAC TAGTTAACAC 60 TTAGAGCTTT TGGTATGTAA TAACTATTTG CTATGGACTG ATTAAATGTT TCAAAAGATT 120 132 GTGTTCTTCA AA 配列番号:942 配列の長さ:387 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01074

GATCAGCACT AAGTCCTGCA TTCCTGTTAA AGCCACTTGG GTCATAAGAA GGGAGTAAAA 60 AATGAAGTCT GACTAGNAAC CTATTGCAGA GGCCAAGTAC ATTTAGTATG GCATTGAGTT 120 GTGATATAGT TTTACTTTGA TGTGCATTTT GAATTTCAGC TACACCTAGA TAGACGTAAA 180

配列:

ATGATAATTA AAATGCTGTA ACCAACTTAT CTAATAAAAT TGGCAACCAG CCACTATTIT 240
GTTGACTATG AGAAAGTTAA AAGTTTATGT TAATTTTTNG GGTCTGATAG AATATTCAT 300
GTGTATTACA GTGGTATTCA TATGCTATGT CTCTAAACTT TATTTTCAAA AGCTTANGGC 360
CCANATACAA NCTTCTCTGG GNNTAAA 387

配列番号:943 配列の長さ:386 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01075

配列:

GATCAGANAA AAAGTCCATA TGGACTGTGG ATACCTATCT AAAAGAAGAA AACTGATGGC 60
TAAGTTTGCA TGAAAACTGC ACTTTATTGC AAGTNAGTGT TTCTAGCATT ATCCCATCCC 120
TTTGAGCCAT TCAGGGGTAC TTGTGCATTT AAAAACCAAC ACAAAAAGAT GTAAATACTT 180
AACACTCAAA TATTAACATT TTAGGTTTCT CTTGCAGATA TGAGAGATAG CACAGATGGA 240
CCAAAAGGTTA TGCACAGGTG GGAGTCTTTT GTATATAGTT GTAAATATTG TCTTGGTTAT 300
GTAAAANTGG AATTTTTTAG ACACAGTAAT TGAACTGTAT TCCTGTTTTG TATATTTAAT 360
AAATTTCTTG GTTTTCATTC TTTAAA 386

配列番号:944 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01076

配列:

GATCTTCTAG CTACCATNCA TTTTCTTCAC TGTTCACAAA AGATGAGTGT GAAATTCAGT 60
GAATGCTGTT ACTAATCCTG TTACGAGATG AATCTCATTT CACCAAAATT AAATTATGTT 120
TTTCCGCTAA AATGATGATA CAAGTTGAAG ACACATCACT CTGAAATTGG AAGACCTCAC 180
CACTTAAGGC TCCACAGTGG CTTACTCAGC TGAACTCTAG GTTACTACTC TTTACTTTGT 240
TCACCCATTG GGGGGTGCAG TTTTTTTAAA ATGTTGGGAG ATGGCCATTC TAACTACTGT 300
TGAATGTCTC TGTTTTGGGA AGGTATAACA NGAANTAAAA ANGNNTATAT ATGANGGGAG 360
AGNCTGGTTA TCTCCTCCCC AAA 383

配列番号:945 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01077

配列:

GATCTCTCCA TGTACCCTGC AGGGGGCTTG GTACTGTGAA ATNAGTAACT TAATCCTGAC 60
AACCGTAGTG CAAGGTATGG CCCATCTCCT GTACGCTTGG AGCGACCTTT GGCTACGTGG 120
CTGGCCTTGT TATTTCACCA CTCTGGATAT ACTGGAATAG AAAGCAACTT ACATACAAGA 180
ACAATTAACT GGAGCAAAGG GAGATATTTC TTTGTGCAGA TTCTGTAAGG GCTGGGCAGA 240
AATGTGTATG GTCAAAGCCA AGCAGTTCCA TTTACAGCTC TGTTTTTAC GTAGTTACAA 300
CATGATGTGA TTGTAGCTTT TTAAACTATG AAACCCCTGA GAGATTGTAC CTTCCTAGTT 360

GAAATAAAGT ATTTATAATA AA

382

配列番号:946 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WWGSC1078

配列:

GATCCGAACA CCTCCAGATT CCGGCTTCTA CATGGNNCAG ACGGGACGC ACAGGCCACC 60
TTCCTTCTGG CAGGGACTCT TATTTATTCC CATTGCTCTA GGGCTTTCNN TTTCCCNTTC 120
TTCCGGTAGG CCGCGTAGAG GCATGCACCG GGTAGGTTTC CGCGGTGACC CCGCGGCGC 180
CTGAGGGACG CTCCCTGCCC CATCCCGGCT GTTGGGCTGG GCCGCTTTGC CTCTGCTTCG 240
NCCTGTGCTG TGTTCTCCAG CTTTGTAGCA GCAGCTTGAC AAACCCAGGC GCACTGTACC 300
AAGGCAATGT AACTTTTNAT TTTCGGTCAA TTTAAGTTCT TTTTGTCACC AAATATTAAT 360
AAACCAGTTT TGGACTTNAA A 381

配列番号:947 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01079

配列:

GATCTGAGTC CAGAGTTGGC CACTTTGTGT GGGTCCTCAC AAGCAAAGAG AGCACTAAAC 60
TTGACATTGG GGGTCCACCA CTCCAACTTT NCTTTCTGAA GGTTTTGGTG TACATTGAGC 120
CCCAGAAGGA AAGGAGAGTA TCTGTGAGTG GGGGCCTCCC TTGACCCCAG TACGAAGTCT 180
ATGCCCTGAA TCCCCAGAGT AGCCCTTCCT GGTGCCCAAC TGGCCTGGGG ACAANCAGCG 240
TCCACTACAT CTAGGCTGCC GGCTAAGTGG CACACTTCTT GACCTCCTAC CAGGACTTTG 300
GTAAAAGCTA GCTTTGGGGA GGGGTGGGTT AAATATGAGA GGTGGAGGNG CCANTGGTAG 360
AATAACATGG GTAGACTAAA

配列番号:948 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01080

配列

GATCTGCATC AGTTGTAAAG GGGAATTGGT ATATTCACAG ACTGTAGACT TTCAGCAGCA 60
ATCTCAGAAG CTTACAAATA GATTTCCATG AAGATATTN NNNNCAGAAT TAAAACTGCC 120
CTTAATTTTA ATATACCTTT CAATCGGCCA CTGGCCATT TTTTCTAAGT ATCAATTAA 180
GTGGGAATTT TCTGGAAGAT GGTCAGCTAT GAAGTAATAG AGTTTGCTTA ATCATTTGTA 240
ATTCAAACAT GCTATATTTT TTAAAATCAA TGTGAAAACA TAGACTTATT TTTAAAATTGT 300
ACCAATCACA AGAAAATAAT GGCAATAATT ATCAAACCTT TTAAAATAGN TGCTCATATT 360
TTTAAAAAATA AGGTTTTAAA

配列番号:949

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

配列の長さ:399 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01081

配列:

GATCAAAGCA TGCAATAAGC AATACAAAAT ACCAAGCCTT ATACTTAAAA GAAGTTTAAC 60 ATATTGGTTA ATATACTGGT TAATATACTG GTTAAACATA TTGAATGTAT ATAAGTGGCA 120 AAACTAGATT TTTAAGGAAG TGTACATTAT AATATTGGAG CTCAGTACTG CATGANGAGA 180 CTTCATTAAA ACTAAGAAAN CATTTATTTG GGGAGAAATT TTAGGCATTT AAGANCTTGT 240 ATTITICTAT TITAAAAAGT TAAATTATIC CGTAATTIGG ANGGAAGTIT CGTIGAATGT 300 AGGCCATAAC COTTTGANGG GTTTTCCTTT GGANAACTTG GTGTNTTTNG GTGCCCTTAN 360 TATTITGGTC CITTIAATAA AAATGCNCCT GNATTITCN

配列番号:950 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01082

配列:

GATCAGGCCC TGGGCCCCCC TGCATCTTTT ATAGCAGTGG GTGTCCAGTC CAGGACACTG 60 GTGCTTTTT ATACAAGAGA ACGAGCCAGA GTTCACTCCT TCCTCCTGGC TCTCTATATA 120 CCTGTGAATA TGTGAAATAG TGTAAATATG AAAGAACTTG TACCTATCAC TTCAACCCCT 180 GCCTTGTACA TAATACTATT CCATCCACAC AGTTTCCACC CTCACCTGCC CCNTCATACG 240 GAGTTGGATG GGGGCCGAGT NAGGTAACCA GGTGGCATCT ACCNNATGTT TTATAAGGAA 300 TTTTGTACAG TCTTNGTGAA ATAAAATAAC GTGCTTCATT TGNAAAAATN NNGTTNNNTT 360 379 TNTNTTTNNT NGNGGGTTN

配列番号:951 配列の長さ:376 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01083

GATCTAGTAG AAACTAAGGG ATGGGAAAAA CCTTTTCATT TTTCATCTNC TTTCCAACAA 60 TATGAATTTC TTAGTTTTCA AACTATACTC AGGAAAGCTG GGCTTTAGGA TTTAACATGT 120 AGTGATGAGT TCTGTGTGTA TTTTAATATT TNACTCAGGA TTCCTATTAA TTGAAAAAAA 180 TTTTTAACTT TTTTATTATA AATCTTTTTT TCAGGGAGGN GATATCACCA AACATGATGG 240 AACAGGCGGA CAGTCCATTT ATGGAGACAA ATTTGANGAT GAAAATTTTG ATGTGAACAT 300 ACTGGTCCTG GTTTACTATC CATGGCCANT CAAGGCCAGG ATTACCAATA ATTCNTCATT 360 TTTGTTATAC CACTGN

配列番号:952 配列の長さ:375 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01084 配列:

GATCAAGCCA CCACGTGCCC TACGATGGCC TAACAGGAGT GCCCATTGGC AGATTACACA 60
TGTAAATATG ACCTCAGACA AAAAGGAACC AGAGGCCCAA GGGCAATAAT AAGGTGGAAT 120
TTNCAGGTCA GCCCAGGAAT TGGCAGAGGA AGTAGGTGTC TGATAACCCT TTGTGGAGAA 180
TGAGAATTCCC CCCACCTGTG TGAGAAAAAT AAACAGCTCT GGAGTCTTGT NCCTGACTCC 240
AGAGGAACGA GAGCATTCCA GGAAAGAGAG ATTCCCTGGA AAATTGAAAA TGTGAATCCT 300
AGGGGGAAAT TGGGGATTGT NTCTTTCCCT GTTGAAAATG TTTNGNTGGG AATAAATATC 360
TTCAGGAACC ATAAA 375

配列番号:953 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01085

配列:

GATCTTCTNC ACACACCCCA TCACCCAGAT AATTTACAGT TCTGTTAACA GTGAGGTTGA 60
TAAAGTATTA CTGATAAAAA ATTATCTAAG GAAAAAAACA GAAAATTATT TGGTGTGGCC 120
ATCTTACCTG CTTATGTCTC CTACACAAAG CTAAATATTC TAGCAGTGAT GTAATGAAAA 180
ATTACATCTT ACTGTTGATA TATGTATGCN CTGGTACACA GATGTCATTT TNGTTGGTCA 240
CAGCACTACA GTGAAATACA CAAAAAATGA AATTCATATA ATGACTTAAA TGTATTATAT 300
GTTAGANTTG ACAACATAAA CTACTGTNGC TTNGAAATGA TGTATGCTTC AGTAAAATCA 360
TATTCAAATN TAAA

配列番号:954 配列の長さ:376 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01086

配列:

GATCAAAGCA AAGAGCGCCT TTCCATGTAT CTCATGAAAG CTGACCTGAT GCCTTTCCTG 60
TATTGGAATA TNATGCTAAG GGGTTACTGG GGAGGACCAG CGTTTCTNCG CAAGTTGTTT 120
CATCTAGGNA TGAGTTAAGN ATGGCTCAGC ACTTGCTCAT CTTGGATGGC TTCTGGGCCA 180
AAACTGCAGT CACTGAATGA CCCAAGAGCAG CACGAAGGAC TTGGAACCTA TCCTTGTAAA 240
GAGTTCCTTG ATGGGTAATG GTGACCAAAT GCCTCCCTTT TCAGTACCTT TGAACAGCAA 300
CCATGTGGGC TACTCATGAT GGGCTTGATT CTTTGGGAAT ANTAAATTGA AATANTACTT 360
TTNTTTTCTG AATAAA 376

配列番号:955 配列の長さ:371 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUHGS01087

配列:

GATCAGAACC TCCAAATACT GCCATGAGAA ACTAGAGGGC AGGTCTTCAT AAAAGCCCTT 60

TGAACCCCCT TCCTGCCCTG TGTTAGGAGA TAGGGATATT GGCCCCTCAC TGCAGCTGCC 120
AGCACTTGGT CAGTCACTCT CAGCCATAGC ACTTTGTTCA CTGTCCTGTG TCAGAGCACT 180
GAGCTCCACC CTTTTCTGAG AGTTATTACA GCCAGAAAGT GTGGGCTGAA GATGGTTGGT 240
TTCATGTTTT TGTATTATGT ATCTTTTTGT ATGGTAAAGA CTATATTTNG TACTTAACCA 300
GATATATTTT TACCCCAGAT GGGGATATTC TTTGTAAAAAA ATGAAAATNA NAGGTTTTTT 360
NAANTGGNAA A 371

配列番号: 956 配列の長さ: 368 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HDMGS01088

配列:

GATCTGGGGA GGGCTAGCCC AAAACCTCCC GCATCGGCA GGCACCCCCT GAAGTACTTC 60
CTTCAGGGTT TCCCCTTTGT NAGGGTGTCG AGTAGCCTCA CCGGCCTGTN TGGAGGAGCA 120
GCTGGCTCTG CTCTGAGAAA CTCTGGCAAG TGGACGCCAT TCTNTTGCCC TTAGGATTCA 180
CTGCTCTCTC CTACAGCCGC CAGNCCTGGG GTCCTGAAAG ACCTTGGGTG GTAAAGCTGT 240
ACTTGGTGGG AGTNAGGGCG TGGGGAGGAA CCATGCAAAT CGCCTTCCAT GGGTTTTTAA 300
NTGCAGTAAA TAACATTTCT GGATGAGACT NGTTTCCAAA NTAAACCNNG CTATTATCTG 360
TTTTTGAAA 368

配列番号:957 配列の長さ:369 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01089

配列:

GATCCGAGCT CTGGAGCGTG GATACCGGAT GTCTCGCCCA GAGAACTGCC CAGAGGAGCT 60
CTACAACATC ATGATGCGCT GCTGGAAAAA CCGTCCGGAG GAGCGGCCGA CCTTCGAATA 120
CATCCAGAGT GTGCTGGATG ACTTCTACAC GGCCACAGAG AGCCAGTACC AACAGCAGCC 180
ATGATAGGGA GGACCAGGGC AGGGCCAGGG GGTGCCCAGG TGGTGGCTGC AAGGTGGCTC 240
CAGCACCATN CGCCAGGGCC CACAACNCGN TTTNCTACTT TCCNAGACAA CNACCNTCGG 300
TTTCAGGCCA CAGTTTTCTT CATCTGTCCA GTTGGGGTAG GTTTGGGACT TGGNAAAATN 360
TTTTTTTTTN 369

配列番号:958 配列の長さ:366 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01090

配列:

GATCGAGCCA CTGCACTCCT GGGGCAACAG AGCAAGACTT CGTCTCAAAA TAAATAAATA 60 AATAAAGTGG CTCTTGGGGA AAAGCAATTT AATGTACCAC GATGAATAGC TAACTGTTCC 120 CAAGTGTTTG CTATGTGCAA CACACCGCGT GAGAGTGTTA CCTGCATTAT TACATTAGGC 180 TGAGAGGTAA AATAATTTGC CCGAAGACAT ACAGCTAGTG ACGAATGGAC TGATGGTTTG 240

AACTTAACGT CTATTTGACT TAAGGTCCTG CACCCTGCCA CTTGTAATTT TCAGANTCAC 300
TGATAATCTG AAATAATGCA GCTTAAACCA TGTTTTCTTA ATTAAAAGTA TAATTGGATG 360
GTGAAAA 366

配列番号:959 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01091

配列:

GATCCTGAAG GTGAAATGAA ACCAGGAAGA AAAGGTATTT CTTTAAATCC AGAACAATGG 60
AGCCAGCTGA AGGAACAGAT TTCTGACATT GATGATGCAG TAAGAAAACT GTAAAATTCG 120
AGCCATATAA ATAAAACCTG TACTGNTCTA GTTGTTTTAA TCTGTCTTTT TACATTGGCT 180
TTTGTTTTCT AAATGTTCTC CAAGCTATTG TATGTTTGGA TTGCAGAAGA ATTTGTAAGA 240
TGAATACTTN CCTTTAATGT GCATTATTAA AAATATTGAG TGAAGCTAAT TGTCAACTTT 300
ATTAAGGATT ACTTTGTCTG CCCACCACCT AGTGTAAAAT AAANTCAAGT AATACANTCT 360
TAAA

配列番号:960 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01092

配列:

GATCTGGGGC CGNCCTTACG GGGCAGGGCT CAGTCCTGAC GCTTGCCACC TGCTCCTACC 60
CGGCCAGGAT GGCTGAGGGC GGAGTCTATT TTACGCGTCG CCCAATGACA GGACCTGGAA 120
TGTACTGGCT GGGGTAGGCC TCANTNAGTC GGCCGGTCAG GGCCCGCAGC CTCGCCCCAT 180
CCACTCCGGT GCCTCCATTT AGCTGGCCAA TCAGCCCAGG AGGGGCAGGT TNCCCGGGGC 240
CGGCGCTAGG NTTTGCACTA ATGTTCCTNT CCCNGCGGGT GGGNGCGGGG AAATTCATAT 300
CCCCTGTTTC GTNTNATGTT GTGTCNNNCG NNCCCAAATT TAAAAAAGGNA ATTTNAAAAN 360
GGTN 364

配列番号:961 配列の長さ:362 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01093

配列:

GATCGAGGGG CGGGGTCAG CTATGCAGCC CATCACGTGT GTTTTTCATC TGGGATGAAA 60
AAGCCTGGTT CTCTTTTGAA ATGCTTGATT GTACTTATTG AGCTAAACAA GNCTTGGTGA 120
CTNTTGTTGA TTTGCCTCAA AAGTTTTAAG TCCTGGGTT TCAGACTACT GTGTAGCAGC 180
TGTGTGTTTA ACATACTGTA GCTTTTTCTC CCTTGGGGGC ACATACAAAT AGGATGTGTT 240
GATGTGGACT CTAAACTGTA ATTTTCCTGT AACTATTTTG GAATGATGCA TATTTCTAAT 300
GTTTGTTATA CTTGTACAGA GTATTTGCTG TTGGTTGCTT TTTTTTTTTN TTCANNGGGA 360
AA 362

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

配列番号:962 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01094

配列:

GATCCAGGCC AAGGCACTGG CTGTNAGTGG CAGAGTTTGG CTGTAACCTT TGCCCCTAAC 60 ACGAGGAACT CGTTTNAAGG GGGCAGCGTA GATTGTNTNA TTTGCCACCT GGATGAAGGC 120 AGACATCAAC ATGGGTCAGC ACGTTNAGTT ACGGGAGTGG GAAATTACAT GAGGCCTGGN 180 CCTCTNCTTT CCCAAGCTGT GCGTTCTGGA CCAGCTACTG ANTTATTAAT CTCACTTAGC 240 GAAAGTNACG GATGAGCAGT AAGTAAGTAA GTNTGGGGNT TTAAACTTGA GGGGTTCCCT 300 CCTGACTAGC CTNTNTTACA GGANTTGTGG NAATATTAAN TGCAAATTTA CAACTGCAAA 360

配列番号:963 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01095

配列:

GATCCAATTT GTAGCTTCCT GCCTGGCTTC AGAGAGCCCA GCAACCTTCT AGGCCTGCTT 60 TCCAGACTTC TGAGATAGCC TGGGATGAGC AATCCTGTTA TAGTACATCT GGACCTTCCC 120 TACCTGGGCT CTGGGGAGGC TGTGGGCCTG GAGAGGGAAA AGGAGGGAGG GGGTGTCTGC 180 ACCACCTGGG AAGATAGCAC AAGGCCTAAT GAGGTCACCC TGACTCCCCA CCCCAGCATT 240 TCATTCATAC CAGATAATAG CTGCATTACT GCCANCTGAC CTTATAACCC TCTGCACCTT 300 CAAAAAGGTT CATGGTTTTT AATTGCTGCT TTTTAATAAC ATTTTGTTNA AGNTTAAA

配列番号:964 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01096

配列:

GATCGGCCCT ACTAAGATGC AGAGACCCCG NCAGAGCTNG CATTGACTAC CAGATTTATT 60 TTTNAAACCA GAAAATNTTT TAAATTTATA ATTCCATATT TATAATGTTG GCCACAACAT 120 TATGATTATT CCTTGTCTGT ACTTTAGTAT TTTTNACCAT TTGTGAAGAA ACATTAAAAC 180 195 AAGTTAAATG GTAAA

配列番号:965 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01097 .

配列:

GATCCAAGAC TGGCTGACTT CATTTGAAAT GGTTGAATCT GCTGTGTAAT AAAGTGGTTC 60

AACCATGATT AGGAACTGAA ATTTAGTAGA AGAGGGAAAA GGAGTTAATG TAACAAATTA 120 TTTTAGCTAC AAACCCCGGT AATAGAGCAC TTGGGGGGATG GGATGGGGTG GGTTGGTGAG 180 ACAATCAGAA TGGTAAATTG ATTAAATGCT CCTAACCCTG TAATTTTGTG CATAGAGCAC 240 CCTATGCTGT GGAAATAACT GTTCTTAGAT TTCATTGTAA CTGGACTGTT CAGGTTGCCC 300 AGAGGGAAAG ACCATTCCTA ATTCTAATAA AATAACCTTT TATTTTGTTA TTCAAA 356

配列番号: 966. 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01098

配列:

GATCTCCACC ACCATCTCCC CTCTACTTCT CATTCCCTAA CTCTCTGCTG AATATGGGGT 60 TGGTGTTCTC ATCTAATCAA TACCTACAAG TCATCATAAT TCAGCTCTTG AGAGCATNCT 120 GCTCTNCTTT AGATGGCTGT AAATCTATTG GCCATCTGGG CTTCACAGCT TGAGTTAACC 180 TTGCTTTTCC GGGAACAAAA TGATGTCATG TCAGCTCCGN CCCTTGAACA TGACCGTGGC 240 CCCAAATTTG CTATTCCCGT GCATTTTGTT TGTTTCTTCA CTTATCCTGT TCTCTGAAGA 300 TOTTTTGTGA CCAGGTTTGT GNTTTCTTAA AATAAAATGC AGNGACATGT TTTAAA

配列番号:967 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01099

GATCTTCCAC AAAACATCTA GCCATCTAAA ATGGAGAGAT GAATCATTCT ACCTATACAA 60 ACAAGCTAGC TATTAGAGGG TGGTTGGGGT ATGCTACTCA TAAGATTTCA GGGTGTCTTC 120 CAACTGAAAT CTCAATGTTC TCAGTACGAA AAACCTGAAA TCACATGCCT ATGTAAGGAA 180 AGTGCTATTC ACCCAGTAAA CCCAAAAAAG CAAATGGATA ATGCTGGCCA TTTTGCCTTN 240 CTGACATTTC CTTGGGAATC TGCAAGAACC TCCCCTTTCC CTTCCCCCAN TAGGNCCATT 300 TAAGTGTGTG TTAAACANCT ACAGNATACT ANNTAANAAG TTTGGCCAAN NCCAAA

配列番号:968 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01100

GATCAGATTT TTGGGTCATG TCTGTTGTAT TTTCAGTAAT GTGATTTCAG ATGGTCATCT 60 GGATTCTCCC ACTTCTCTAC TCCATTATTT CTCTACTTTT CCTTCCAGCA NACCTGANNC 120 GTGAGGGAGA TGGATTAATG TGAGTAACAG GAATGTGTCT TTAAAAAGCT AGAGTGGTTA 180 CATTTAATCA GGCAGTAAGA TAATTTGGGT TCTTGAGTTG TTTTGGNGTA ATATCCCACA 240 ACTGGGGTAG GAAGCTCAGG ACTTTTTTNT TTAAAGCTAG TCATTTCAAA AGCATATTGT 300 ATTTTTTTGA NTGACTACAG TATGCCCAAN TTCAANANCC AAANCCCNCT TTGGGN

WO 95/14772

配列番号:969 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01101

配列:

GATCCAACAA TTTTNAAGAG CTCTCTCTTA ATCTCTGACA TAATGAGTCT GAAACAAAGA 60
AAAGTTACCT TACCGTGTCT TTACTTCCTT TCTTCTGGGC TGTGAACTCA AGTGCCTTGA 120
GGGCCAGCTA AGAGCTTTTT GGGATATTTG TCTAACTTAA TTGAACTGTT ACTGAAAGAT 180
AAATTAACAA AATGGTTCAG AGTTTTGGAT TAAGACCTTT GTAACTAACT GACCGTCAGC 240
ACAGGAGCTT CGGTTTCCTT CTCTGTAAAA CAGGGCTCCT CATTCCAATT CCACCTATCC 300
TGTAGCCTTG TGGGAATAAA AGGAGGCACC ACGTGGAGGT GCTTGGCAGG NTGAAA 356

配列番号:970 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01102

配列:

GATCATANAA NGGCCATCTG GGCCCAGCTN GTGTACAGCG AGGGNGGGCA GCCCCCTCCA 60
CTCCACTCTG CTTCCACAAA GTCGGCTCCC GAGAGCTCGA GGCTGCTTCT TTTTATATGT 120
GCAGGGCCCG GGCGGGTGAA GGGTCAGAGA GACGGACACA AGGAGCCGGC AGGAGNGCGG 180
ANCGAGGATG TCCTTTCCCG GGAGACAAGT CGGGAAAGCC TGGCTGGACT GCCTCAGCCC 240
CGNGTGANTC CTGGNCTNAA GGNTTCCCCG TCCTGAGCTC GGGAGATNTT CAGAGTCACA 300
CTGNCGNCCT GTCTTGCCAC GGAGAGGTCA ACTTGCCACC GGNAGTNCNT GGTAN 355

配列番号:971 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01103

配列:

GATCCAAACA ATATCTTCAA GGCATTCTTT GGCGGTCCTG GCGGCTTCAN CTTTGANGCA 60
TCTGGTCCAG GGAATNNTT TTTNCAATTT GGCTAATGAA GGGCAACCAC CCAGAACCCA 120
GAAAATNCAG ATTCACTCAG TTTAATCTTG AATGTGGAAA CAGTTCACCT CCTCCCTTCA 180
TCACGTCTCC GTGTGCTTAG AGCAGTTTCG TTTTCTCAGT TGGATGCCCT GTGTCTCTGT 240
GAGTGGGGTG GAGCAAAGGG AACCAATGCC GAAGACCGAG GGCAGGGGAG GGGAGGCGGG 300
GGTNGGACAG NGAGGCAGCT TGTGAATTTT TGTTTTACTG TTTAACTTTA TTAAA 355

配列番号:972 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01104

配列:

GATCNTAGGC TGGGGCCAAC TGGAACCATT GGCAGCTGCA CGCTCATTAC TACCCTCCGC 60
TCCTGCGCTC TGCCACTGTC CGGAAATTCA TGGTTGGCTA CGAAATGCTT GCTCAGGCTC 120
AGAGGGACCT CACCCCTGAG CAGGCTGCAG AGAGACTAAG GGCACTTCCT GAGGTTCATT 180
ACCACCTGGG GCAGAAGGAC AGGGAGACAG CAACCATCGC CTGACCACGC CGACCACAGG 240
GCCTTGAATC CTTTTTGTT TTCAACAGTC TTGCTGAATT AAGCAGAAAG GGCCTTGAAT 300
CCTGGCCTGG AATTTGGGCA GATATAGCAT TAATAAAACT GTGCATCTCA AA 352

配列番号:973 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01105

配列:

GATCAAGGGG GTTGGGAGGG GGGAAAGAGA CCAGCCTTGG TCCCTAAGCC TCCACNNAAC 60 GTCTTCTTAA TCCNCACCTT TTCTTACTCC CAAAAAAGAA TGAACACCCC TGACTCTGGA 120 GTGGTGTATA CTGCCACATC AGTGTTTGAG TCAGTCCCCA GAGGAGAGGG GAACCCTCCT 180 CCATCTTTTT TGCAACATCT CATTTCTNCC TTTTGCTGTT GCTTCCCNCN TCACACACTT 240 GGTTTTGTTC TATCCTACAT TTGAGATTTC TAATTTTATG TTGAACTTGC TGCTTTNTT 300 TCATATTNGA AAAGATGACA TCGGCCCCAA GGNGCCAAAA NTAAAATGGG ANTTGAAA 358

配列番号:974 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01106

配列:

GATCTTAGGC AAAATACCAG NTGATGAAGG CATCTGATGC CTTCATCTGT TCAGTCATCT 60
CCAAAAACAG TAAAAATAAC CACTTTTGT TGGGCAATAT GAAATTNTTA AAGGAGTAGA 120
ATACCAAATG ATAGAAACAG ACTGCCTGAA TTGAGAATTT TGATTTCTTA AAGTGTGTTT 180
CTTTCTAAAT TGCTGTTCCT TAATTTGATT AATTTAATTC ATGTATTATG ATTAAATCTG 240
AGGCAGATGA GCTTACAAGT ATTGAAATAA TTACTAATTA ATCACAAATG TGAAGGTTAT 300
GCATGATNGT AAAAAATACA AACATTCTAA ATTAAAGGCT TTTGCAACCA CAAA 354

配列番号:975 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01107

配列:

GATCAGAGCT TGAACACAGG CTTATTTTA AAANNANAAA TATTTTTAAC ATGGGTTTCC 60
TTATTGAAAA ATCAGTGTAT TAGTCATAAA ACACCATCAT TAAGAATAAT TGAACAATAA 120
AGTTTGCTTT CAGATGCAGT TTTCAAATTA TAATCTCATT TCAATTTATA ACGTTCTCAG 180
TCCTTTGTTA TAATTTTCCT TTTTCATGTA AGTTTAATTA TCTGCATTTA TCTTTTTCC 240
TAGTTTTTCT AATACTAATG TTATTTCTTA AAATTCAGTG AGATATAGGG NTAAAATAAT 300
GCTTTGAGGA GNATGTTTAA TAGGAAATTA AAATAACTTT TTCTGGCCAA A 351

配列番号:976 配列の長さ:420 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01108

配列:

GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTNA CTGTNTACAT 60
CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA AGAATAGAAC CTGTACCCAG 120
TTCTTCAGGC TGATTTCCCT GACCTCTTGG GCATTTGTAT TTGTAGTAAA GTATTGCAGA 180
GATTCCTAAG TNTTTTATAG CAGCCATCAA ATTTGGACTT TGTATTGTTT ATTCATAAAA 240
GACACTTGGT AATAGACTTC AGTGAACTCT GTATGAATGC AGTAGTGTGC GTGCAAAATC 300
CGCTTCCTGA GCGTAGGGTG CTGAGCTGGC GCTAGGGCTC GGTTGTTGAA ATACAGCGTA 360
GGTCAGCCCT TGCGCTNAGT GTAGAAACCC ACGGTCTTTA AGGTTCGGCC CTTGGTCCAN 420

配列番号:977 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01109

配列:

GATCCTCATG TACTCAGAGG CACTTCCCTC CTAAGTCAAA GACCATCCTC ACTGACTATG 60
TGCCAACGCC TCGTTTCAGG CTTGTNACTC AACAAAGGGC TTTTCCATTG ATAGAAGCAG 120
TTTGGGATTT GTAGTTGCGA CTTCTTCGAT AGTTACCTGC ACGTCCATTG CTGGCAACTG 180
ACTTGTCATT AAAACCTGGC TCTTTGGTTA AGGGAGCTAC GCTGTGGTTT ATTCTTAAGT 240
TACGTGGATA AACTAACCTC TAACAGAAAT ATACTTTGGT TAATTTTGAA ATGTGTCATT 300
TTTAAACAAT CTTAAAAGTA ATACAGAATT GTGATTTATT AATTTTAAA 349

配列番号:978 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01110

配列:

GATCAGAGTG GGTTAAGCTG ACCAGGAACA CCCATTTAAC CCCTTTTNCT TTTTGCTTTC 60
ATTTTTATAA AGGAAAAGAG GACCTGTCAG ATAGGCAGCC CCATGCTACG TGATTCTTTA 120
TGTTGTGTTG TTTTGTTTTG TAAATTGTAT AATTTTTAAA TATCTGAGTT TTAAAAAAAG 180
AAAAAAAGTAC AAAAAAATCT TGTTATGGCC TTAAGAAGAG NNTAGTGCAT CTTTCAGGGG 240
TCACTCTGCC ATGGGGATAA AATAGCTGTT TCACAAACAG TTTTATTTAA AAAANCAANN 300
ACCANNAAAN ANTCAAAAATN TCATGNAANN TNTTNAACCT TCATTTNN 349

配列番号:979 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01111

起到。

GATCACGTGG GTGTCAGTAT CTTTAACGGC CTTCATTCTT GGTTGTNAGA TTTTATTTGA 60
TATGCCCACT CACCCTCGAC GAATCTGCC GCTTTGGGCT GTGGTGCCTG TGTATCTTTG 120
CCCGTCTGGT CTCCAGTTGG TGGAATNACC TTTTTTTGTAC TGCCACTTCT CAGCATCTTT 180
NAAATTTGAC ATAATGTTGC TTCATTTCAG TTTTTTAAGT TCTGTAATTT GTTGATTGTA 240
TTTAACTATG TYAGTTCTGT TGTNATGTTT ACTGTATTGT AAAGCACCTC ATTCATGTNA 300
TGAGTGCTCT ATAAATCAAT AAATGATGAC TTAGAGGGCCT GTAAA 345

配列番号:980 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01112

配列:

GATCTGCTTG GNGTTTTCTN CCCCCCACCC CAAACTTCTG TCGAGGAGCA AGGCTTGCCA 60
GCAAGTCAGA AGGATTGAA CCGAGCAGCC AATCTTTCCA GCCCTCCCNT ACCGACCTCT 120
GTCTGGAGAC GCAGCAGCCT GTGTCCTCCA GGGCCTCTGG TTTGTNGTAT TATAGTATAT 180
TTNGCTGTGG AAAATGTCAC GTTTAGTCAC CTTGGAGCCA CTCACCTGGT CCTGTTGTTT 240
TANCCCATCC CTTCTNTNGN GGGCTATTGA TTTNTTCTNA GGAGAGTACA NCGTCACTAT 300
TGTAGNGTAA CCCTGTACTC AATATTACCA TAGNNCGNTG NCGN 344

配列番号:981 配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01115

配列:

GATCAGAAAC CAACCATGAA TGAACCCCTG GCTCCTTCAC CACCCCACG ATTGGTATGA 60
TGCTGCCGGC ACAGNTGGGA TACACACGGC TCCCCCAGGC CTGAGCTGCT TCACTAGGGA 120
ATCCTGCCAC CACCCTGTCT TCCTCTGCAA GTGCTCAGGG AAATGGCCTT NCCGCCGGAG 180
NCATNCTATC TGNCTGACAG GCTGTGACTC TTCTCTCAAC CTTGGCCTTC TCCCCTCTTC 240
TGAGCTAGTT GGTTGAATNN NNGTTAATGC TTAAGATTTG TTTTTCTCTT TTCACAGCAA 300
CATTTTCTTG AATTTTTTC TGCACAGCTT TTCCAAAAATA AAAACCTTCC AAACAAA 357

配列番号:982 配列の長さ:340 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01116

配列:

GATCAGAAAT AAGATTGACT TGGGTGTTAT ATTTCATCTC TCTCCAGACT CTAGGTATAT 60
TTCCAACTTT ATATATCACA GTATTTAAAA AGACATGTTT GCATTGAGAA ATTAACCCTA 120
AAGGGTTTTC AATAGGGTGT AGACCTCCAG TACCTTTGTA ACTAAAGTCT GTCTAGTCAT 180
NGTAAATATT TATCTGTCAG TTTTGACAGA TTGGGGCCAG CTTGATGTTT TAAATCTTCA 240

GCCCGGTATG AAAACTTAAA GGTATATATT CANTTTTTTA CCATTTTATG GAAAATATTT 300 340 AAAATCTGTT TTTACAGGGT TTTTTTTTTT TTTTTTTTT

配列番号:983 配列の長さ:340 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01117

配列:

GATCTGGTTC GGCTGCTGTC GGATGAGGAC GTAGCGCTCA TGGTGCGGCA GGCTCGTGGC 60 CTCCCCTCCC AGAAGCGCCT CTTCCCCTGG AAGCTGCACA TCACGCAGAA GGACAACTAC 120 AGGGTCTACA ACACGATGCC ATGAGCTGAC GGTGTCCCTG GAGCAGTGAG GGGACACCAG 180 CAAAAACCTT CAGCTCTCAG AGGAGATTGG GACCAGGAAA ACCTGGGAGG ATGGGCAGAC 240 TTCCTGTNTT TGAGGCTAAT GGACCCGTGG GGCTTGTAAT CTGTCTCTTT CTACTATTTA 300 340 CATCTGATTT AAATAAACCA TTCCATCTGA AAGGGGCAAA

配列番号:984 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01118

配列:

GATCTATGTA TTATTAGAAA AATGAAGTAT TTCTGACATG GAACAAAGAA AGTGGAAACT 60 GGTACTTAAT GGGGGAAGCA AAATTAGCTG GGACTAAAAC GGACATGTTT TGTTTTGTGA 120 ATTCTACCTA AATGTCTCTC TATCCACAGA GAAACTAGTA TTACTTGAAG ATGTGAAAGT 180 TCCTGTGGTA GCCATACCTT GAAGCACAGT GTTTGTACAT AAGTAAATAT CTTGATTCTA 240 AATTAAATCC AGATTTATCT AATATATATN ATTTNATATC TTTGTTGTAT TAAANTGGTT 300 TAATANTCAC TANAANTANN ACATTTTGNA TGTTGGAAA

配列番号:985 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS01119

配列:

GATCTCAGGA ATTTTTGTAG GGGATTGAAG CCAGANCTAG TTGCGTCCCA GGGACCAAGA 60 GAAAGAAGCA GATATCCAAA GGGTGCAGCC CCTTTTGAAA GGGGTGTTTA CGAGCAGCTG 120 TGAGTNAGGG GACAAGGGGC AGGTCCCAGG AGCCACACAC TCCCTTCCTC ACTTTGGACT 180 GCTGCTTCTN TTAGCTCCTC TGCCTCTGAA AAGCTGCTCG GGGTTTTTNA TTTATAAAAC 240 CTCTCCCCAC CCNCCACCCN CCAACTTCCT GGGTTTTCTC ATTGTCTTTT TGCATCAGTA 300 CTTTGTATTG GGATATTAAA GAGATTTAAC TTGGGTAAA

配列番号:986 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01120

配列:

GATCCTTTCC GACACACATG TCTGAAGACT TATTTCAAA GNCAGCACAT TTTTGGAAAC 60
TAATCTCTTT TCCGTAATAT TCCTTTATT TCAATGATTC TCAGAAGGCC AATTCAAACA 120
AACCCACATT TAAGGTTCTT TAGGATTATA GAATAAATTG GCTTCTGAGT GTTAGCTCAG 180
TGAGCTAGGA AAGCACCAAT CGATATTTGT TTCCTTTAGG GATACTTTGT TCTCACCACT 240
GTCCCTATGT CATCAAATTT GGGAGAGATT TTTTAAAATA CCACAATCAT TTGAAGAAAT 300
GTATAAAATAA ANTCTACTTT GAGGACTTTA CCAAGTAAA 339

配列番号:987 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01122

配列:

配列番号:988 配列の長さ:371 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01123

配列:

GATCGGCCAG CCCCACCTA CAGCAACATG GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
TGGGGGGGAC TGGGTTTGGG ACACCCACAC AGNGGGCCAG CTCCTTGCCG CTTCTCCTTC 120
TCTAACCCAG AGGACACTGG CTCTGTCAGT GGGAAGCTGA GGGGTATGAT TTGGGTGTGG 180
AGACCTCTCA GGTTGGGACT TCTTGTCAGC TTGGACCCCT GACCAGTGGG CTTTGGCTTC 240
TCCAGCCGCC TCCAGTGCTG CGTGATTTGA TTCTGTTGTA CCTTCAATTC TTCTGACCCG 300
CATTATAAAC ATTATAATTN NATTCTAAAA ATTGTAATTT TTTTTGCAAT TTTGGAAGTG 360
ACTGCTGCTG N 371

配列番号:989 配列の長さ:334 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01126

配列:

GATCTTCTTT ATATTCTACT TGAGTGCTGT CTCCATGTTG ATGTATCTNA GCAGGTTGTC 60 CACAGGTAGT CTAGGAGGGT GGCAACTTAG AGGTGGGGAG AGAGATTCTC TTATCCAACA 120

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

TCAACATCTT GGCAGATTTG ACTCTCAATC TCTTCACTAA AGTTGTTAAG NTCNNCCGGT 180 GATAAGTACT TCAATTTCAA CTTGTAGNNT GGGGAAATTT AGAATTATGC AGNTTATGGA 240 ATTGTATATG ATGACATTTG CAATAGGTCT ATTCTCTATC ATTGTAAGAA GNTGTGTGTA 300 CTGGTATTTG NCCCAAGTAA TAANCTAACT GAAA

配列番号:990 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01127

配列:

GATCTONCGT GCCCACCAAC TGGTGATGGA AGGTTACAAG TGGCACTTCA ATGAGACGGT 60 GCTCACTGTG TGGTCGGCAC CCAACNACTG CTACCGCTGT GGGCGTGTGG CAGCCATCTT 120 GGAGCTGGAC GCGCATCTCC AGAAAGATTT CATCATCTTT NAGGCTGCTC CCCAAGAGAC 180 ACGGGGCATC CCCTCCAAGA AGCCCGTGGC CGACTACTTC CTGTGACCCC GCCCGGCCCC 240 TGCCNNTTNC AACCCTTCTG GCCCTCGCAC CACTGTGACT CTGNCATCTT CCTNAGACGN 300 AGGNTGGGCG TGGGNGGGNN TGTNCTGGNT NTN

配列番号:991 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01128

配列:

GATCGGACTG AACAGGAATC CTCGGGGGGT GAACAGCCAT TCCTTCGTGA CCTGTGCACG 60 NCTTCTGCAA CCCTGGAGCT CTGCTCGGCT AGTCTGACTC GAAAAGGGCG TGACTCAAGC 120 TGACGGGACT CCAGTAGGGA CTTTGAGAGC ACATTTTGTA AAAATATTTA TCTAGACGCA 180 AATGCTTATC CATGAATGTC CTCTTAGACC ATTTGGGGAT GAAGCCATCT TAATAATTAG 240 TAATAATTAA TTAGTAATAA TTAGTAAGCA TTTTCTCAAT GCTCTGATTC CATCATGTTT 300 329 TCTTAACATG ATAACTTAAA AAATTGAAA

配列番号:992 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01129

配列:

GATCCTCCTC AGAAACTACC GGACTTGTTT TCTGTATTGG TGTGTTTTGT ATCTTGCTTG 60 AACTTCCTGT TCTTCTTGGT ATACTTTAAC ATTATNATNA TGTGGGATTC CAAAAGTGGA 120 AGAAATCAGA AGAAAATCAG CTAGCTGTAT TCCTAAACAA ATTGTTTCCT AAACAAATGT 180 GAAAATGTGA ACAGTGCTGA AAGGTTTTGT GAACTTTTTG CTATGTATAA NTGAAATTAC 240 CATTTTGAGA ACCATGGAAC CACAGGAAAG GAAATGGTGA AAAGTCATTG TTGTCTACAC 300 332 AAAATAAATG TATATGGAGA CCAAAGACCA AA

配列番号:993

配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01130

配列:

GATCAAGAAA TCAGGATGGC CATTTATTTA ATATCCATTC ATTTCATGTT AGTGGGACTA 60
TTAACTTGTC ACCAAGCAGG ACTCTATTC AAACAAAATT TAAAACTGTT TGTGGCCTAT 120
ATGTGTTTAA TCCTGGTTAA AGATAAAGCT TCATAATGCT GTTTTTATTC AACACATTAA 180
CCAGCTGTAA AACACAGACC TTTATCANGA GTNGGCAAAG TTTTCCAGGN TTCATATACA 240
GNTAGGCTAT NNGNCATGTA TTTTGAAACG CAGTGTTNCA TNATGAAAGN GCTCTCAAGT 300
NGCTTNAAAG NTANTTTATT AAANGGGTNN 330

配列番号:994 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01131

配列:

GATCCGGGCC TTGCGTGCAG CCTCCCAACC ATGGGCTGGG TTTNGTGCTT ACTGTATGTT 60
GGCGACTTGG NNAGGGCAGG AGACGCAGCG TGGAGCCTAC CTCCCGACAT TCACGCTTCG 120
CCCACGNTGC TCCGACTGGC TGCAGCGGAC ACTGCCCAAA GCAGAGGGGA GTCTCAGTGT 180
CCTGCNAGCC AGCCGAACAC TTCTCTCCGG AAGNAGGCTG GTTCGACTGT NAGGTGTTGA 240
CTAAACTGTT TCTCTGACTC GCCCANAGGT CGTGGCTAAA GGCACTTAGG CGNCTTAAAT 300
TTGTAAATAA AATGTTACTA CGGTTTTAAA 330

配列番号:995 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HVMGS01132

配列:

GATCTGAATG ATGATGGAAA CATGCAGACA GCCTCTCAGT CTTACTATTT AATGTTGTAG 60
CTGGGAAAAA ACCCAGAGAG GTTAACTGAT ATACTGGGTT GGGACTAGGA TGTGGGTTTT 120
GTNACTCTNA ATCCCATGTC CTCAAACTAC GCTGCCTTCC GAAGTCTGGC ATTTGTNAGC 180
TCATGCTTCC TTGTAGTCCA GCTTCTTATG TGCCTGTAAT ATTCTCCAGT ANGATTGTAA 240
GCCCCTTAAG GGCAGGGACG TCTTTNCATC TCTAGCACTG CTATAGTGTT CTATCCTTAG 300
TTATGGACCT AGATAAATAA NTNGGTGGTG GCAACAAA 338

配列番号:996 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01133

配列:

GATCTTTATA TTTNATACTC TAAANTCGTA CAAGCCAATC TNCATTTCNA CTAGTGGAAA 60

CTGTATAGCT GGTCATCTTT CCAGGACCCT TTTATCAAGA AACAATGCAG CTTCTACATT 120
TGTNCTGCTT CTACACCAAA ACAGCTGGAA TGTATATNGT ATGGTTCTGG ATGCTCTTGT 180
ATACCTNACT CTTCATTTCT NACCTAACCC ATGTGCTATG ATTTGAATGT TTCTCCCCTG 240
CAAAACTCAT GTTGAAATGT AATTGCCATG NTAACAGTAT TANTAGGTGG NNTATTTNAG 300
NGGTGNTTAG GGTGGGATTG GTGNTGTN 328

配列番号:997 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01134

配列:

GATCTTGTGT CTTAGAGAAG CCCCCATACC TGGTAGAGCA TGTACCATCT TACATGCTTA 60
AATAACTCCA CATTTATTTG TGTTTATNAC TCTGTGTTAT AAATATACAT TTGTNGGTCT 120
CTCTCTTGGA TTATTTTGTT TCTTTGTCCT GTAACTACCA CTGAAAGGGT GCAATACAGC 180
CTGCTTATNC TTAGAAAAAG AATCTAAATN GTGACAAATC AGAATTGAAA AANGTATTCT 300
AATAAAGANA AACANGCTTT TATAAA 326

配列番号:998 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01135

配列:

GATCCCCAGT GTTGGAGGTG GGACCTAAGT GGCAGGTGTT TGGGNCATGG GGATGGATTC 60
CTCACAAACG GCTCGGTGGC CTCCCTGCAG TAACGAGTGA GTTCACACAC TATTAGCTCA 120
CATGAAACCT GGTTATTAAA GAGTCTGGGA CCTCCCTCCA TGCTCTCTC CTTGCTCCTT 180
TCTCTCACCA CATCACACGT GGCTCCCCTT GCCTTCTGCC ATGAGTGAAA GCTTCCTGAG 240
GGCCTCACCA GACACAGATG CTGGTGTCAT GCTTTTTGTA CAGTCTGCAG AACCCCGAGT 300
CAAATAAACC TCTTTTCTTT ATAAA 325

配列番号:999 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01136

配列:

配列番号:1000 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01137

配列:

GATCTTAGAA ACCTCTGCAC AGAAGCTGCT TTGCTGGCTC TGCAAGAAAA TGGACTAGAC 60
GCAACTACAG TNAAACAAGA GCACTTCTA AAATCACTTA AGACTGTAAA ACCGTCGTTA 120
AGTTGCAAGG ACTTGGCTTT ATATGAAANC TTATTTAAGA AAGANGGATT TTCTAACGTG 180
GAAGGTATTT AAAANTCACC TTAAACTCTT GTNCAGTTCA CATTAATTGA AATGTGAACT 240
TGCCTGTCGT TTGCAACTTC ACACTTTTAG AATTTGTGTT TATATTTCCT GTANGTGAAT 300
AAATANANCA NNNCAGNNCA AA 322

配列番号:1001 配列の長さ:353 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01138

配列:

GATCTCAGAA CAACCTTTCT TGTTAGTAAC ATATTTTGG CAATACATAN CAACCTGGGC 60
CTGGTGGATA ACCAACAAGA TGGGGAAGAA AAGNATTGAG AACTTTAAGA GTGGTGTGGA 120
TGCAGACTCT TCTTATTTNA AAATCTTTAA GACAAAACAT GACTGAAAAG AGCACCTGTA 180
CTTTTCAAGC CACTGGAGGG AGAAATGGAA AACATGAAAA CAGCAATCTT CTTATGCTTC 240
TGAATAATCA AAGACTAATT TGTGATTTTA CTTTTTAATA GATATGACTT TGCTTCCAAC 300
ATGGAATGAA ATAAAAAATA AATAATAAAA GATTGCCATG GANTCTTTGC AAA 353

配列番号:1002 配列の長さ:320 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01139

配列:

GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTGATGA CCTCATCAAA AAATAAACAA TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT CGCCCCTAGC AACTCCACCA 120
TTGGGCACTG CCATGCAGAG ACGTGGCTGG CCCAGAATGG CCTGTTGCCA TAGCAACTGG 180
AGGCGATGGG GCAGTNAACAA GANTAACAAC AGCAACAATG CCTTTGCAGG CAGCCTGCTC 240
CCCTGAGCGC TGGGCTGGTN ATGGCCGTTG GACTCTGTNA GATGGAGAGC CAATCTNACA 300
TTCANGTNTT CACCAACCNN 320

配列番号:1003 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01140

配列:

GATCCTNCNA GTTAGCCTAG TACTGCTGTA CTGGCCTGTA TGTACATGGG GTCCTTCAAC 60 TGAGGCCTTG CAAGTNAAGC TGGCTGTGCC ATGTTTGTAG ATGGGGCAGA GNCATCTAGA 120 ACAATGGGAA ACTTAGCTAT TTATATTAGG TACAGCTATT AAAACAAGGT AGGAATGAGG 180 CTAGACCTTT AACTTCCCTA AGGCATACTT TTCTAGCTAC CTTCTGCCCT GTGTCTGGCA 240 CCTACATCCT TGATGATTGT CCTCTTACCC ATTCTGGAAT TTTTTTTTT GNNGATANNT 300 ACAGAAAGCA TNTTGAAA 配列番号:1004 配列の長さ:320 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01141 配列: GATCTTTCTG TCTTCTGGGT TCCATTTTTN AAATGTTTAA AAATATGTTG ACATGGTAGT 60 TCAGTTCTTA ACCAATGACT TGGGGATGAT GCAAACAATT ACTGTCGTTG GGATTTAGAG 120 TGTATTAGTC ACGCATGTAT GGGGAAGTAG TCTCGGGTAT GCTGTTGTGA AATTGAAACT 180 GTAAAAGTAG ATGGTTGAAA GTACTGGTAT TGTTGCTCTG TATGGTAAGA NCTAATTCTG 240 TNNCGCCATG GTNCATAATT NCCTATNCAC CTTNCCTNCC CCTTTNCAGC CCAATTAAAG 300 320 GTTGGGGTCN TAACCTCAAA 配列番号:1005 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01142 配列: GATCTGGGGG CTCGAGACTC TGAAGGCAGG GACCCTCTGA CCATCGCCAT GGAAACAGCC 60 AACGCTGACA TCGTCACCCT GCTACGACTG GCAAAGATGA GGGAGGCTGA AGCGGCCCAG 120 GGGCAGGCAG GAGATGAGAC GTATCTTGAC ATCTTCCGCG ACTTCTCCCT CATGGCGTCA 180 GACGACCCGG AGAAGCTGAG CCGTCGNAGT CATGACCTCC ACACGCTGTN ACCCGAGGCC 240 CACGGGGCCG CGCCTGCNTC CCTTCCCCGN NACCGNGCNN TCTGCCATTA AAGCCTCCGT 300 315 GCTTCGNTCT. TCAAA 配列番号:1006 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01143 配列: GATCCCTTGC NTGCCCCTCC CTGTGGCAGG GCTAACTGCC TGGCCCTCCT GGCTCGCAGC 60 CAGCCAGNCC CCTGGCAGCA GGTTCTCCTC AGGGCTTGGN TCTTCAACCT GTGGCGACAG 120 GAGGCAGGGC AGACTGTGGA GGACAGGATG CAGGTCAGGG AGAGGGAAGG CAGGGGTGGA 180 CCGCCATGAG CATGAAAAGC CCGAAGCAAG TTGACTCTTN AATTTGCAAC TGTTATGNTC 240 TGAAAATGAG AACGATGTAT CAANTTGATG CANTTTNGAT GTTGTACTTA CAATAANGTT 300

TTAATGTGTN TTAAA

315

配列番号:1007 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01144

配列:

GATCTGAGGN CAGGANTTAA ACCACAGAAT GTATNTGCCT GTAAAGCACA GGGGAAGAAA 60 CGACTCATTA GAACTACACC TGTTACATAC CATTCGGTAA ATGNTTTAAG NGGGGAATGG 120 TGTGACAAAC CTTCAAAAAA NATGAACACC TTAATGTTCA GGACTGAAGC TAACTCCCTA 180 TGNTTAGGCA CAGCTTGATA CGAGCGGAGA CTTGGCAGTC AATTCCANGT CTTTTATACT 240 NATTÂCCTCA TCGTNACTGT NAGTGCAACT ATAGTCTGTT GTNGGAATTT GGNCATCCCT 300 315 TAGTNTCNGA TGGTN

配列番号:1008 配列の長さ:314 配列の型:核酸・ トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01145

配列:

GATCAGAAAA AACAGAAGCC AAACTCGGGG TCATCTTTGT TTTTAAAGCT GAAGTGGGAC 60 TGTCTGGCAC TCTGTGTATT TATGCGTTCC AGCATCTGGA ACCTCCCATC CCTGCCCTCC 120 TCCTGTGTAG CTGCCACCTC CCCGCTGGGC CCAGCATGGC TCACCTGTCC CGTGGGCTGT 180 GTTTCTTGTT GTTTTCTCT TTGCAAAGAC ATAGCTAGGA AAGCGAATGA TAAGGGAAAA 240 GTTCTCAGGG AATTGAAGTG TTGTTGCTAT GGTGACGTCC TTTTGCTGTG AATAAAGGTG 300 314 CTCTTTGCAG CAAA

配列番号:1009 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01147

配列: GATCCACAAT AGTGGCATGA GGCAGGCGAC TGTNTGTNAC CTCTATGTCC GCAGAGTCCA 60 GCACGCTAAC AGCTGGGAGA TAAAAGCAGT GGAGAGGGCT GTTGGGGGGAC ATGCCATGGA 120 AACTACCTAG GACCTGTTCC CTGAGTTAAC ATTCTAGCCT CATCTACTTG TNTTGCCCCT 180 GCAGCTCATA TACANACTGG CCCACCATTT ACGNACCATC CCCTCAAGTA ATCTTAAAGG 240 TTCTCAGCCC ANACANATTA ACTGTTCTGA CCCCACCTNC TTAATAAACA ATCCTGGGNT 300 313 CAGCCATNTG AAA

配列番号:1010 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01148

配列: GATCTGGCAG TTGAAAATTG TGGGAAAGAG AATTTGTATG GGCACTGTAT CTATGAAATA 60 CCTCATAACT TACGTTTACA TGTTTTCCTA ACTTTTNGTA TTTTCNTNGT ATAGCCACCT 120 AGAGAATTCT TCATAGATTA AGAACTACAG TTTTNACCAC TTAACATAAG TAAAACAAAG 180 TCCTTCATAA TTNAACCATT AGCATCTTTG GCCAAACCAA AATAAAGANA AGCATCTNCT 240 CCTAGTTGTG TGTGGGCAAC AGANACANGT TAAGGNAACA NAAATACTTA TATATACACN 300 311 GANCANANGT N 配列番号:1011 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01149 配列: GATCTCCCTT GGTCTTCCAT GGGATGGTTA GTGTGGAGGG GAGATATAGA TTGTCCGGCC 60 GNTTTGTGAT TCCATGGGAT TGATTCAGTC TTCTGGATTT TTTTTNCTGT ATATTTNGGG 120 TACTGGAGCT TTTAAAAATG CTTGGNTTCA GGTATTTTNA TTCATGTGAA GTGTATATGA 180 TTCTNTTGAG ATAAGGTTTT AAGCTAAAAT GTNACTCCCT GNTTNAGCNT CTGAACCCTG 240 ACAGATTNAC AGGGACTTTG CTGGTGTAGG CTTTTTAAAG GGNTTANTAN TCCACTTTGA 300 308 GCCTNAAA 配列番号:1012 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01150 配列: GATCTGGAGT TACCTGAGGC CATAGCTGCC CTATTCACTT CTAAGGGCCC TGTTTTGAGA 60 TTGTTTGTTC TAATTTATTT TAAGCTAGGT AAGGCTGGGG GGAGGGTGGG GCCGTGGTCC 120 CCTCAGCCTC CATGGGGAGG GAAGAAGGGG GAGCTCTTTT TTNACGTTGA TTTTTNTTTT 180 TCTACTCTGT TTTCCCTTTN TCCTTCCGNT CCATTTGGGG CCCNGGGGGT TTCAGTCATC 240 TCCCCATNTG GNCCCCGGGA CTGTCTTNGT TGATTCTAAC TNGGNNNGGA AAGAAANTAT 300 308 TATTCAAA 配列番号:1013 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01151 配列: GATCCATGGG GCCGCAATGA AGCTTGGAGA TACATGGGTG GCTTTGCAAA GAGTGTTTCC 60 TTTTCTGATG TATTCTTTAA AGGATTCAAA TGGGGATTTG CTGCATTTGT GGTAGCTGTA 120 GGAGCTGAAT ATTACCTGGA GTCCCTGAAT AAAGATAAGA AGCATCACTG AAGATAATAC 180 CTGGAAGCAT CATAGTGGTT TCTTAACTCT CCAAAATAAG ATTTCTTCTC TGTAGCCTAC 240

TTGTCTGGTT TATCCCTTAC AGAATATTAG TAAGATTTAA TCAATTAAAA TATATATATA 300

TGCCAAA 307

配列番号:1014 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUMGSC1152

配列:

GATCGGTCCA CGAAAGTTAG CCCATATGTA TATCTTGAAT AGTATAGGGG AGGGTATTCA 60
TAAAGTCCTT ATGTGGTTTT AACTAAGTGA AATTATGGAC AAGAGAANNN NTTGTAAAAT 120
CGTCTTAAAG GCAAATTTAA TTTTNACTCC TGTTTATGGG ACATTCGTTC TATTAACTGT 180
CAGACACAAT TTCTGTTTTC ATCTGAGAGC CAGTTTTCCT TTATTTCTAC ATCTAAAATA 240
AGANCATATT GTACACTATT ATATATACA GAATTGTCTT AAACTTTAAT AAATTCGCAT 300
TTTAAAA 306

配列番号:1015 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01153

配列:

GATCTCAGCA GTGGGGCAGG AGGGTGCCTG ATTTCGGGGA GTCCTGACCC GAGCCTGTTG 60
TCAGAGTTGG GAGGGGCTCT GAGCAGTGTT GGGCAGGCCG GGTCTCCCAT CCCGAGGCCA 120
GCGTTCCTGT GCAGAGCCCC ATCCACTGGT TCTTGCCCTG AGCCACATAT GTCTGTNCCA 180
TGGGCTGAGT GCCACGACAG GCCCGTGTGA CAGCTGCTGC CCACGCATNT NGAAGCTAGG 240
TGGGACTCAT TCCTAATTCT GCCGTTGTAA TGAGACTTGA TTAAAACACC GCCACTTTTT 300
TGCAAA 306

配列番号:1016 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01154

配列:

GATCAACAAG AAATGTTATG AAATGGCCTC CCACCTTCGG CGTTCCCAGT ACTGACCTCG 60
TCTGTCCCTT CCCCTTCACC GCTCCCCACA GCTTTGCACC CCTTTCCTCC CCATACACAC 120
ACAAACCATT TTATTTTTTG GGCCATTACC CCATACCCCT TATTGCTGCC AAAACCACAT 180
GGGCTGGGGG CCAGGGCTGG ATGGACAGAC ACCTCCCNNT ACCNATATCC CTCCCGTGTG 240
TGGTTGGAAA ACTTTTGTTT TTTGGGGTTT TTTTTTTCTG AATAAAAAAG ATTCTACTAA 300
CAAA 304

配列番号:1017 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01155

配列:

GATCTAAAGC AGGTNGTGTT GTTTACATGT TTCTACACAT TTCATCCTTT AAAAAAGTTGT 60
TGAGAGAGGT TGTATTTACC TTCCCAAGGT TGGAAAGCAG GGGAATTTCC CAGTGTCCTA 120
GTTTTCCACC AGAGGAATAT GTGTAAGTAG CAAAGTATTT GCTGCTTACA TATAGTGTGT 180
ATGTATGTAT ATATGTAAAT NGTGTGTTAA AGAGCTGATA CTGATTTTCA TATGNCAATG 240
TTAAAGGCAAA GGCCTCCCTG CATTTGANGA GCAGGTNTTC ATTTATATGT ATTTNGGGA 300
TAAA

配列番号:1018 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01156

配列:

GATCAGAAAT NAAGTGCAGC AATATCATGA ATTCTNAGAA GNCTTTAAGG GAGCCAGTNA 60
GTCATACAGT ATCCACAGTT GANTCACTTA AAGATGTCAG TATACGAACA TTATTCACAA 120
TCCTTGGGCA ATCTCATTTT TTTTCCCTTC TCCCCTCCTC CCCTGCCCC ATACATTTNT 180
ATCCTTAANG TAGTTTTGGA GGGGCAGGAT GTACTTAACA TCTCANAAGC TAGATTGGGA 240
ACATNTCANT ATAAGACTGA GTTTAAATTT ANGGTTAAAA TGNCATCAGA ANANTTGGGN 300
GGGN 304

配列番号:1019 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01157

配列:

GATCTAATAC TACTGTCAGT TTTAATGTGC ACTGTGTTTT ATACAGTATC TTTTTTTGTT 60
CACTINGGAA ATTTTTACTA AAAATTGCAA AAAATAAAGT ATTGTGCAAA GATGTAAGGN 120
TTTTTTGANAC TTGNNGTGCA TTAATAANTA GACGATTAAN TCAAGGAAA 169

配列番号:1020 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01158

配列:

GATCCTCTAC CACAGACATT AATAGCTGAG CAGGAGCCAC ATGGATTGAT TGTATCCACT 60
CACCATTGAC GATGGCATTG AGCGTANTAG CTTATTTCCA TCACTACGTG TTTTTGAGCT 120
TGCTCTTACG TTTTAAGAGG TGCCAGGGGT ACATTTTTGC ACTGAAATCT AAAGATGTTT 180
TAAAAAAACAC TTTTCACAAA AATAGTCCTT TGTCATTACA TTATTTACTC ATGTGTTTGT 240
ACATTTTTGT ATGTTAATTT ATGAATGATT TTTTCAGTAA AAAATACATA TTCAAGAACC 300
303

配列番号:1021 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01159

配列:

GATCCTTNGG CTCAGAATCT CGAGAACCGC CTGCTCCTAA CAATTCAGCA AGTCAGGGGC 60
TTCCTCTCTG TTAGTCCCCA AATCCTTACT TATTTTAAAA AGACTAGACC CTCTCTAAAG 120
ACTGTTCCAT TTTAACATGT CCTGATTCTG CATCCGTGGG TTTTGTGAAA GAGAGCTAGC 180
TGGCGGTTAG AGCCTGGAAG AAGGAGGGAA GTGGCACCTC ACTAGCATTT ATCACTTTTT 240
TCCTTCTCTT TTTAAAAATA AAACCAGACT CTGTTCTGAA AATAAAAAAC TTGAGACTTG 300
AAA 303

配列番号:1022 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01160

配列:

GATCTGNCTT ATCCGAGCTT GTTATTGGGG AGCCATAAGA GTCAGTTATC CAGAACACAG 60
TTTTGCATAA GCTTGTTTAT GATTCAGTAA TGCAGGTGAG AGTGTCTAGC AGTTCTTGGT 120
AAGCTACTCT GGACATCTTT AAATTATTTA TCCTAATGGA TTCCATTCTG GTTTATGTAT 180
AATCGTTTCA AGACTTTGGG AGTCTTTAT GAACAAATGC TCATTGCACT ATATTATATG 240
CAAATTGTNN NGCTGCTAGG TTTTCAAAAT TTGAATAATA AAGCCTTTTC ATGTTCTTTT 300
AAA 303

配列番号:1023 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01161

配列:

GATCAAAATC CTGTACAATA CTATAAATAT ATATTNATNT TTTCACAGTC ACCAAGTGTA 60
TTGTAATGTA TACTTGAAAA ATGTTATAAC TTATGAAGTA AAGTTTCTNA TAGTAGTCTT 120
TAAAAAGATAT AAGACTTAAT ATGTTTTATT CAGCTTCTAT AAGTGTGACC AGTTTTNATA 180
TTTATTTATE CTAATATTT TAACAAGTCA TTTCAAAATA TGTGTATCTC AAATCCTCCC 240
NAAAGTGTTG TGGCCTTAAC TGTTCAGTAT TGCAATAAAA NATATATNTN NNTATGTGGT 300
AAA

配列番号:1024 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01162

配列:

GATCTATGGA AAACTGGGAA TGTAATGTAG GATTCTGTCA GAGCTCCTAC AGAGCACAGT 60
TGCCTTTAGT TTCCTTTAAA GATGTAAAAA TATTGTATAA TACAGTTTTG TCCCTACACA 120
ATTGTATTTG CCAAGCTTAG TGCATTATGA TACCTTTATT TATTTGTTTT GGGCAGTATT 180
ACTATATATA TATAANCATA CAGTTACTGT TTTATATATT CTTAGGTCAT TCAAAGCCAT 240
GTATGCTGTA AATGTGCTAG TCTTTAGAAT GACACATAAT AAATAACTGA CAAGATATTA 300
AA 302

配列番号:1025 配列の長さ:435 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01163

配列:

GATCGAGCCA TTGAAAGCTC ATTACCAGTA GGACATAATT TTTGGCTCTC CCTATTCACA 60
ACCAGTGCAC AGTTTGACAC AGTGGCCTCA GGTTCACAGT GCACCATGTC ACTGTGCTAT 120
CCTACGAAAT CATTTGTTTC TAAGTTGTGT TTATTCCTGG AGTGACATGC CACCCCGAAT 180
GGCTCACTTT CACTGAGGAT GCTGTCCTCT GATTTAGCTG CTGCCTCCAG CCTCTGGCTT 240
GAGAACTTAC TAAAGGCACT TCCTTCCTGT TAAACCCCTG TTAACTCTCC ATAAATTTGG 300
TGATTCTCTG CTAGGCCTAA GATTTTGAGT TAACATCTCT TGAAGCCAAA CTCCACCTTC 360
TGTGCTTTTT TGCTTGGGGA TAATGGAGTT TTTTCTTTTA GGAAACCAGT GCCAAGGAAT 420
GNCAAAGGTN TTAAA 435

配列番号:1026 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01164

配列:

GATCCACATC CTCTACAGGT CGGGGACCAA AGGCTGATTC TTGGAGATTT AACACCCCAC 60
AGGCAATGGG TTTATAGACA TTATGTGAGT TTCCTGCTAT ATTAACATCA TCTTAGACTT 120
TGCAAGCAGA GAGTCGTGGA ATCAAATCTG TGCTCTTTCA TTTGCTAAGT GTATGATGTC 180
ACACAAGCTC CTTAACCTTC CATGTCTCCA TTTNCTTCTC TGTGAAGTAG GTATAAGAAG 240
TCCTATCTCA TAGGGATGCT GTGAGCATTA AATAAAGGTA CACATGGAAA ACACCAAA 298

配列番号:1027 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01165

配列:

GATCCACTTT GTTGGTTGTT GTTGCAGAAG ACTGAACTGT TTTGGAATAN TTAACAATTA 60
CAGAAACAGT CAAGTGTTTT CCAATGTGGT TGTCCGGTTT CTATGGCCTT GCTGTGTACT 120
TTCCCTCTTT TTGACAGTAA ACTTCTGCCT ATGGCTTACA GTTTGACATT TAATTTATTA 180
GCGCTGCTCT GCACCCCTNC CTTGGGAGGG AGACTTCATG TGGTTTATTG CGAGTTTTTT 240
TGTTTACTTT TCAGGGTTNG TACCTACAAA GGTTTTAATA ATAAAAANCA AAGNTTTTTT 300

NGGCNATTNG TCTTGTCTTN GTGGGAAA

328

配列番号:1028 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:MUMCS01167

配列:

GATCTACAGT GCTGATGAGA AGAGAGCCCT TGCATCCTTT AACCAAGAAG AGAGACGAAA 60 GAGAGAGAAC AAGATTCTGG CCAGTTTTCG AGAAATGGTT TACAGAAAGA CCAAAGGGAA 120 GGATGACAAA TAAAGATTTT NTGATTGTCC AGAAGACATT TTTAACAACA AAAAAGAAAG 180 TCTGGGTTCC ACACATACAT AGAAAAAGAT TATTATGTTC TGAGAAAGCT TTACAGTGCT 240 ACTGTGCCTT CTATTTAATT CTTTCAGTCC TTCAATAAAA AGCTGCTTAT TGATAAA 297

配列番号:1029 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01168

配列:

GATCCTGCTG AAATACATCT GCAGCTGACA ATGAGAGAAG AAACAGAAAA TGTCATGTGA 60
TGTCTCTCCC CAAAGTCATC ATGGGTTTTG GATTTGTTTT GAATATTTTT TNCTTTTTC 120
CTTTTCCCTC CTTTATGACC TTTGGGACAT TGGGAATACC CAGCCAACTC TCCACCATCA 180
ATGTAACTCC ATGGACATTG CTGCTCTTGG TGGTGTTATC TAATTTTTGT GATAGGGAAA 240
CAAATTCTTT TGAATAAAAA TAAATAACAA AACAATAAAA GTTTATTGAG CCACAAA 297

配列番号:1030 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01169

配列:

GATCCAGAAC ATGGGAAGTT AGGGAAAATG TGTGATTTTG TGTTTTGAAT TACTGTCAGA 60
ATTACATACA CAATTACAAC AAACTTTTTT TAAAAAGACAT TTCATTGTAC TGCAAAAATC 120
TGAATATTTA TATTTCTNGT TTTTTTCTTT ATATTGTTTG CATTTTANTA TGTTGAGCCA 180
CTGGAAAATT TGTAACAGNT TANTTTGTTA TNGGCGTTTA ANTGTGTTGT CATTGNCTCC 240
ATTGTCTTTG TCCAGAGCCT ATTATTATGG AACCAATAAA NTTTAATGGG GTCAAA 296

配列番号:1031 配列の長さ:294 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01170

配列:

GATCCTAGTC CCCTGCCCTC TGGCACAGCT GCTTCCTGCA AGANAGCAAG TNTTTGGTCT 60

CCCTGAGAAG CCATGTCCCT CGTNCTGTNT CTTGCCTGTC CCACCTGTGC CCTGCCCTCC 120
AGCTTGTATT TAAGTCCCTG GGCTGCCCCC TTGGGGTGCC CCCNGCTCCC AGGTTCCCCT 180
CTGGTGTNAT GTCAGGCATT TNGCAAGGAA AAGCCACTTG GGGAAAGATG GAAAAGGACA 240
AAAAAAATTA ATAAATTTCC ATTGGCCCTC GGGTGAGCTG AGGGTTTTTG CAAA 294

配列番号:1032 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01171

配列:

GATCTTCAAG AAGTGAAAGA GACCGAAAAT CAGACAGGAA AGACAAAAGG CGTTAATGGA 60
AGAAGCCAGG CTTTCTTAGC CATTCTTTGC AGCAGAAGAT TTCTTGATAA AAAAGGATTA 120
CCTTTCCTTG TAAAGAGGAT GCTGCCTTAA GANTTGCATG TNGTAAAANN NCTTTTTGGA 180
AAATACAGAC TGTTTGTTTA CCAGACATTC TNGTACTGNT NGCATAATNN GGTAAGAGTT 240
ATTNATCAAA ATNATGTGAG GTTCCAAAAT ATGTAAAANT GATATNATAA AAN 293

配列番号:1033 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01172

配列:

GATCAGCGGT TCTTTTTGCA GCAAAGCCTG CATCTGTGTT GACTTGCAAG ATTTTGCGTT 60
TATTCAGGCA AAAACTGGTC AAAATGGTTA CTACATGATT TGTTCCCAGA GGTTTGAAAC 120
ATTCAGTGAA ACTTTTTAAA ACTTTGATTG CATGATGTAT TTTTTTTTTAA GAAAGTTATT 180
GTTTGAGAAT AATGTCTTTT TATACCAGGA AAATAGTTAT CCNGAATGAC GTTGAAAACT 240
CCCCCTCCCC TTNATTTTTN TTTAATCANT ACATGTGAAA GTNNCCANGC AAA 293

配列番号:1034 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01173

配列:

GATCCCAATT CCACATAAGC ACTTTTGGAA GAAAACAGCC AAAGTTGGCC TAAAAATTGGC 60
GCTGGAATTT GGNCTGGGAA AAATCTTGTG GTTATTTCCT TTAAAAAGGA ACAAAACTTT 120
AGTATTTAAT TAGTTGATTT ATTTAATGTA ATTNCAAACA ATTAAATTAT GAATAATGCA 180
ATGTACAGTA GAATCACGTT TTGATTTTAT TAACACTGAC CAAGTTTAAC TCCATATGAN 240
GTGTAAGCTT GATATCGTTT ATGATGTCTA TCAACTGTAC CAAAAGTAAA ACATTTAAAA 300
NCANNAAA 308

配列番号:1035 配列の長さ:292 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01174

配列:

GATCTCAAGT GACCCGCCTG TCTCGACCTC CCAAAGTGCT ATGATTACAG GCATGAGCCA 60 CTGCACCCAG CCAAACATGA CTTTTCCATC CAGAGTAAAT CCAACTAACA AGAATCCACC 120 CTTGGAGTTC ATGTAAAAAT ACATGACACA GGGTGATGAA AGTGCTTTGA AACTAGATAC 180 AGGCAGTGGT TCTATAGCAT GGTGAATGTA CTCAAGGCAA CTTCTTTACT TTAAAATCGT 240 TAATTTTATG CCATGTGAAT TGCATCTCAA TAAAAATTGT TTTCATTTTA AA 292

配列番号:1036 配列の長さ:363 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01175

GATCGGGAAC TCCTGCTTCT CCTTGCCTCG AAATGGACCC CAACTGCTCC TGCTCGCCTG 60 TTGGCTCCTG TGCCTGTGCC GGCTCCTGCA AATGCAAAGA GTGCAAATGC ACCTCCTGCA 120 AGAAGAGCTG CTGCTCCTGC TGCCCTGTGG GTGTGCAAGT GTGCCCAGGG CTGCATCTGC 180 AAAGGGACGT CAGACAAGTG CAGCTGCTGT GCCTGATGCA GGACAGCTGT GCTCTCAGAT 240 NCCNNTTTGT AAAATTTTTT TTTNNNTGAA ATANGNAANG GNAATAATTN ATCNGGNNTN 360 TTN

配列番号:1037 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01176

配列:

GATCTTGGAA AGCACTAGAA ACTAAACATC TTCACCAGGT GCTGAAGAAA AGTGTCTTCG 60 TTTTAATTGC CAAGCAGGGA TGTGGACATT TGGATGGTGA CTTTCCTGGG TGGTTCCCCA 120 TAGATTCACC ATTGCCTCTA ATGGTGTCTA CACCCGTCAT ACTACCAGCT GAGATGGTGG 180 TGGGCATAAG GAGAATTTGT GCCTATAACC CTTAGTGTGT TCTGGTTTTT TTTCTTTTAA 240 TTTTTAAATT GTCGTAAAAT ACTCATAAAA CATACTGTCT TCACCAAA 288

配列番号: 1038 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01177

配列:

GATCACCTTG TAGTCTTTAA ATTCTTGGTC CCTGAGGCCA AGTCCACAAC TTGCCTTCTA 60 GTCACTTGCC TGCCCGCAGT GGTGGTGGAT GTGTTAGCTG GTAGATTTGG AATCAGTCAC 120 CAGTCTTTCT GTACTGTCTT GGTTAGCTCT ATATAAGTAG GGGCAGCTTA GCCCTGAGGC 180 CCAGAGACCT GCTGTCCTTT TTCTCCTTGA GGGAGGAAAT AAAACTGCGG AATACAATGT 240 CCTTCCATAG CATGGGAAGA AGAAAATAAA CATCTCCTTT CCAACAAA

288

配列番号:1039 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01178

配列:

GATCCACCCT CCTGTAAATA TGGAACAAAT ATCTGAATGA AATCCACCCT AGGAGACGGA 60
GCAAACTAAA CTTGTGGTTT TNCATTTAAC TTTTGACTAC AGCATGGCCC CATGGCATCC 120
ACACCAAGAG GGTGTTGTGA TGAGGTGCCG GTGTGCAAAG GGAACTTTAG TTTTTCCACT 180
GGTTGTTATC TGCTAGCCTT TTACATACAT GTGTACTATA TTTGTTTATA GACTGTAGGT 240
GGATATATAA TTTAAAAGCT TGATTTAATA AACATTTAAC CCCNTAAA 288

配列番号:1040 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01179

配列:

GATCTTCAAG TATTTGCNAC TTTCGAGTAC AGCTAATTGG ATAATCTCAA ACCCTTTAGT 60
GAAAATATCT TAAATGCATT GAGAATATTT CCTAATTACC TGTGTATGCT ACAGTACAGA 120
CATTAATTCT ATAAACATGT TCATAGGTCT TCCCCCTCGC CCCGNCCGTC TTCTAAGGGC 180
ATTTCCTGTT TCTNTTNAGT GAGTTCATGN ATGTTTACCG GTTCTGGCGN AANGTTTCTT 240
GCATNCTGAG CATAAAAATA NTAAAACCNA CTGATANTTG CTTGAAA 287

配列番号:1041 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01180

配列:

GATCTGCACA CGCATAATAA TCAGCATTGA GGGCAACAAA ATGCCATTGT GACCTTGCCT 60
GGAATGTGTC CCCATCTCTA CTCTAAGAAA TGCGCAATGG ACTCTTTGGA GAAAGAAGAT 120
ATTTTAAAAC ATTTTTAGTG TGTCTGTAAA TGGTTCAGCG TGTATCAGAT GTTGTCATAG 180
GACTCACATT TCTCTCAGTT ATATTTAAAA CCGTTGTGTA CTTTGTACAA NGGAATACTA 240
GTCATACTTC TATAAACTTT NCACAATAAA ATTNTCATTC TGGGTTAAA

配列番号:1042 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01181

配列:

GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGNAA CACAGTGAGA CCCTCTCTCA AAATAAATAC 60

AGNCAGGCAT AGTGGCTCAT GCCTGTAATC CCNGCATTTT GGGNGGTAGA GGTGGGTGAA 120
TCACCTGAGG TCAGGAGTTC ANGCCCAGCC TGGCCAACAT GGCGAAACCC CATCTCTACT 180
AANTATACAN AANTTAGCCA GGTGTGGTGG CCTGCACCTG TAATCCCAGC TACTCAGGAG 240
GCTGAGGTAG CTTGANCCCN GGAGGCANAN NTTGCAGTTA NGCCAAN 287

配列番号:1043 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01182

配列:

GATCTCTCCT GGAGTATGAA GACCTCCAAG GACTCACTTT CCCTCCCTTC TGATGCCAGA 60
GCAGACCAAG CTGTCACACT CCAGTCTCAT GCTGAAGTCT CCAGCTTCTC AAGCTTAGAA 120
GAGTTTTTNG AAGAGTCACT TTCAGCTCAT GCAGCTCTCA CAAGTGTGAA GGGAGTGGAT 180
TGGGGGTGTT TTCCTTGCCA TTTTCGAAAA GAAAAAAATT ACCTGGTGAT TGGTGGAAAG 240
ATACAACTGT CAAAAATGCA TGATTGAAGC AATTTAGGTT GGGAAA 286

配列番号:1044 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01183

配列:

GATCAATAAA TNATACCAAA TATATGTTTA CAGTATGATT TAAAGTCTGA TTCAGACCAG 60
GGACTCTATT TTAAGTTCAA CTGAAATAAC ACTGGGTTTT AATTATATCA CAGGAAAAAA 120
AAAGTGCATT TAAGTATTGT NATCGTGGAC TTTATAAAAG CAAAGGAAAT TGAAAGTAAC 180
TTTNGATTCT GTATCANGAA TCATATTTNC ATACAGTCAT AACTGTCTTN CTGTGACCCT 240
TTCACAGGGC ACTGTAGGAT GGATTAAAGG TGGCAATTTA CTGAAA 286

配列番号:1045 配列の長さ:439 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01184

配列:

GATCATACCG GTAAAGCAGG AATNACAAAG CTTGCTTTTC TGGTATGTC TAGGTGTATT 60
GTGACTTTAA CTGTTATATT AATTGCCAAT ATAAGTAAAT ATAGATTATA TATGTATAGT 120
GTTTCACAAA GCTTAGACCT TTACCTTCCA GCCACCCCAC AGTGCTTGAT ATTTCAGAGT 180
CAGTCATTGG TTATACATGT GTAGTTCCAA AGCACATAAG CTAGAAGAAG AAATATTTCT 240
NGGNGCACTA CCATCTGTTT TCAACATGAA ATGCCACCAC CATAGANCTC CANCAGCATC 300
ANTTNCATTG CACAGACTGA CTGTNGTTAA TTTNGTCACA GNGTCTATGG ACTGANTCTA 360
ATGCTTCCNA AANTGTTGGT TTGTTTGCAN GTTTTCGANC CGTTGTTATG GCANGANGTT 420
NGTTTAGTTT CNGNTTGTN 439

配列番号:1046

配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01186

配列:

GATCTGGAAA CAGTTGAAAA CGAGACAATA TAGCCGGAGA CGCCTTATAT GATGATGCAG 60
TATCGACTAC ATTAATGAAA GTAATGCCAA ATNCAACAAG AAAGCTGAAG ATTCTATGGG 120
AATACACAGC TGAATTAACA GATTTGGAAG AGAACANCTG NTAATCCTTC AGGACTGTTA 180
TAGAGTTNAG ATGGGTAAAT TCTCCTANAA ATCAAGTCTT TTGAATTTNC AGAATCAGAN 240
TTAGAGCCNG CTCTACTAGA TTGNATAANT GNGGTCTAAC GGAAA 285

配列番号:1047 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01187

配列:

配列番号:1048 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01188

配列:

GATCGAAGTG ACAAAGTGTG TTTTCANTCA CAGTGGAGGC TACATCAAGC AAGGGGAGGT 60
CCAGCCCTCT TGCAAGTGTG GTGAGAGGCT CTACTAGCAA AGACATGGGC ACCGGAGTAG 120
GTCCCGTGTA GCATGCGGGT GCTGTAGAGA AAATTCAGTG ACGTACATGG CTCTGGTTCT 180
GGACACAAAA TCTGTACTGG AGAGGAAATG ACTGCTGAAA TAAGGCGATT GTATGAATAT 240
TTAAAATGCC TGGAACACTA AAGTAAAGTA ATGATATTTC AAA 283

配列番号:1049 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01189

配列:

GATCCTCGCA GCTTCCTNCG AGCGGGGTGT CGCAGTCTTG TGCACAGAGT AAACTTNCT 60
AGCTGCCCCT TTCTGTAATA GTGAAAGTTG GTATTTAACA TTTATNCATT TTTAAAATAT 120
TTGGAAGGTC TGANCTTGTG AAAAGAAAGT GGTTGGNCTG AGGTTGGAGG NAGCTGAATG 180
GAATCTNACG GTTGGNAGTG GTGGAAATTG GAAGGATACC AGGAGGTATT TGGGAAGGCC 240

AATGGCGTGG CTCCTTTGAG GAAATAAAAC ACTAAGCATG AAA

283

配列番号:1050 配列の長さ:281 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名: HUMGSC1191

配列:

GATCCTTTTC ATACCTNATT TGGAATTGCT GGATTGTAAC TTTTGGNAGA AGAACAGATT 60 AAACCTGTTA ATCCTGTCTT TTGCATGCCT GAAGAAGTGC TTCAAAGAGT GAATGTTCAG 120 CCTGAGCTAG TGAGCTAGAT TCATTGAATT GAAAGTTGCA TAGTATAGTT TTGCCATTTT 180 AACATTTCTG TATTTNAAGT GCTTATCGAA TCTAAAAGTG ACTACTGTNA ATATTNNGTA 240 TATNGTGTNA AATTAATTNN ANTAAATNAT ATAATTNTAA A 281

配列番号:1051 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01192

配列:

GATCAATGAC AGAGCCTTCT GGAGGACATT CCAAGACAGT ATACAGTCCT GTGGTCTCCT 60 TGGAAATCCG TCTAGTTAAC ATTTCAAGGG CAATACCGTG TTGGTTTTGA CTGGATATTC 120 ATATAAACTT TTTAAAGAGT TGAGTGATAG AGCTAACCCT TATCTGTAAG TTTTGAATTT 180 226 ATATTGTTTC ATCCCATGTA CAAAACCATT TTTNCCTACA AATAAA

配列番号:1052 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01193

配列:

GATCACAGCA TAAAAGAATC ATAAGATAAA ACATCAAACT ACCCAGCAAC CTGAGAAGCA 60 CAGAGTGTTA AAGCCTCCAC CGTGTGAGAA ACTAAATTAG GGTAACTAGC TATTGAGTAT 120 ATTGAGTACC TTCAAAGCAC TCAACTGACA GGTTTTACAG ACTGGAAATT ATAATACTTA 180 TGACATTTCT ACCTTTTATA TAACCAATAA TCTACCATAG AATGTAGTAT TTTTANAGCT 240 277 ATTAGCANGC AATATATTAN NNTANTANTG NATTAAA

配列番号:1053 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01194

配列:

GATCCAACCC GAATAAGATT AGAAGCTTTC CATCAGTAAA AGGATGTTTT CTTTTTTCAC 60 ACAGTAAAAA TTCTTATCAT TCAAGGATAT TGGAACCACA GGACTATTTG GATAAAAAAC 120

ATTATTTGCA AATTAATGCG CATAGGCCAT CTTACTTTTA TTGCAAAATG GCATGTGCTG 180 CCATCTATTA TTCATTTTTA AATGGTCATT TCTTATTCAG TGAGTGCTTT AGTGTTTTAA 240 ACTATATGGA TAAGAATGCA GGTAGGATAA TATTCTN 277

配列番号:1054 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01195

配列:

GATCCTGAGG ATTACAGCTG TGGAATTTTT GTCCATGCTT CAAATAATTT TGAAAGAAAT 60
TTTCCCATAT NAAAAAAGGA GAGAACACTN GCATCTGTTG AAATTTGGAA NTTCTGAAAT 120
NATAGTATTT TTAAAAATTG CACTGAAGTG TATACACATA AAGCAGGTCT TTTATCCAGT 180
GAACAGGATG TTTTGCTTTA GCAGCAGTGA CATAAANTTC CATGTTAGAT AAGCATNTGT 240
TNACTTACCT NGTTATTAAA TATTTNTTGG AAAAGCAGTG AAA 283

配列番号:1055 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01196

配列:

GATCTGTGTA TGCTGTTGGG TCGGAGTGCC AGTNACTGCT TTGGAAGTCT GNGTTCTGGG 60 GCTGCAGAAT GACAAACGTG TCATGGGATT AAAACCAATC AACTGTGAAT TGTGAAATTG 120 AAGCTACTCT TTCGGTTTTA TTTTCTTTAG CATATTGAGT ATAGAAATCT GAAACTTATT 180 TAAAATTTAT ACTGCTTTG TTGATGGCTC ATTTTGGCTG TGTATCCTCA CTTATGTACT 240 GATTTCTGAT AAAGGCTTGA CATTATTATA ACANAAA 277

配列番号:1056 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01197

配列:

GATCGACCTT NTCTGTTTTN TTTTGTTTTN NTTTCTNTTT CCTGGCCATG AGGACAAAAA 60 TTACTGAGTG GCCCTTAAAG AGGGAAGTTT GTTTTCAGCT GTN 103

配列番号:1057 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01198

配列:

GATCGACCAC ATCCTGGATG CCCTGTAGCC CCTGCCCGCA TCCTCCAGGG GGCCCAGGGT 60 GCCTGCACTT TNCTGTGGCA GGCAGATTGG GTGGTAGTGG GAGGTTGTGC ATGGAGGCCA 120 GTNAAAGCTG ACATCTGTAA AAGGCCTTCA AGGAAGAGA ACCAGGCCCT GCGTCAGGCA 180 GTGTGAGTTT GCCGTTTGTC CTTAACTTC TTTTTTTTT TTTAAAAAAAN GGAAANNTTT 240 AAAAAAANCTC CCTTTAAAAC CAAANCATNT TTGNNTTTNN NCCAAGGGAA A 291

配列番号:1058 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01199

配列:

GATCCCGCTC TGTNTTTCC AGGTTTGTGC TATTCTNATT ACATTATCGA CTAGTCTGAA 60
GCAGAGCTGA TATCTCTTTA CCTGGGGAGT CAGCTTCACC AGCCACAGCT GCTGAAAGAA 120
TAGCTTGGAG ATTTCACCCA CTGCAFTTCT GTNGCTCAAA CTTTTTGACC TTTGTGCTAT 180
TTGAGAAATC TTTGAAATGC TGAAGGTATG ATTCTCCTTC AGGGGGAACA TGCTTTGGGA 240
AAAACGCCCA CTTAATAAAA TGTATTTCNT TTCAAA 276

配列番号:1059 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01200

配列:

GATCTGTATA TGGTAAACAG GGGTTTAACC ACATGTGGTT AACATGGATT AATGTGGGAN 60
TTTGGCTTCA AGAACACAAC CTTAGGACCT TGGNCCCCAA AAGCTGGTGG TGAAATGAGA 120
GGNGCCAATT TAAGAAGACC CTTATGGAGA CCTGAGGCTG CAGAAACTGG TAGGTTTCAT 180
CAGGTGGTTA AAGTCGTCAA AGTTGTAAGT GACTAACCAA GATTATTTCA TTTTAAAACC 240
ACAGAATAAA AATGACACCT GAGCTTCTCT NTNAAA 276

配列番号:1060 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01201

配列:

GATCTAGTTC CCCTGGAAAA GCTGCTGTAT TTTTAATTTT TAATGGAATG TAGCTTTTNN 60
AATCCTGTCA CTGGCATCAA CAAAAGGAAT TATACCATGA GACCTTATAG CTGTACTTAA 120
AAGCCATTCA GTTCAGCTAT TGGGAGTTCA TGATGAATTA GCATATGCCA GAAAGGTTGC 180
TAACCTTAAC ATCTGAGAGC AGTAACACTG ATTTTATCTG CTGTATGAGA CTTTGTGCAT 240
TTTACTTTGA AATAAAGATT TTTTTCCACA CTGAAA 276

配列番号:1061 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01202

配列:	
GATCCTGTTT CINGCICIGA GINCIAGCIA GCCAGCIGIA TICACACTGT INDICATED	
CAAGCTGTAC ATTTGGTGCA CTTTTCTGTG TCATACCACA ATAAAAAAAA NCCTATCATC 120	
TTACAAAAAC AAGACACCCA AGTCCAGGCC CAAGGAGTAA GTACAAATAT TCCTGTTTCT 180	
GANCCATTAC TGTAATTGGC TCTNAAGNCT TGAGGTANCC TTATAGGTTA CTCATAGGGC 240	
ATATACAAAT AAACTNGTTT GTTTTCTTTT TNCAAA 276	
配列番号:1062	
配列の長さ:275	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローシ名:HUMGS01203	
配列:	
GATCTTCAAC GGATACTAGA AAATGAAAAA GACTTGGAAG AAGCTGAGGA ATATAAAGAA 60	•
GCACGTTTAG TACTGGATTC AGTGAAGTTA GAAGCCTGAA ACTTTTCTCG TATGGGGTGG 120	
TTTTTGCATT AAATCCTGGG GTCCATTTTA CAATCCATTA TTTTTGACCA CTGCTATGTG 180	
TTCAAGTAGT ATGAGAATGT GATTGTTTTT ATCTGGTTAC ATATATATTT CTTTGTCTAA 240	
TTTAATATGT CAAATAAATG AGTTCATCTA ATAAA 275	
配列番号:1063	
配列の長さ:274	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01204	
配列:	
GATCTCACCT CTTCCTCAGG ATGGGGAGCT CACTCCGAGA ACAGGAGAAA TCAACATTGC 60	-
AGTAACAAGG TAGAATGGTT TTGAAGAAGA AAAAACCTGC TTTCTGACTG ATTTTGCCTT 120)
GAAGGAAAAA AGAACCTATT TTTGTGCATC ATTTACCAAT CATGCCACAC ANGCATTTAT 180)
TTTTAGTACA TTTTATTTTT TCATAAAATT GCTAATGCCA AAGCTTTGTA TTAAAAGAAA 24	
TANATANTAN AATAAAAAGT CTGTGCTGTT GAAA 27	4
配列番号:1064	
配列の長さ:274	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HTMGSC1205	
配列:	_
GATCCAAGTT CCTAGACCTC ATGGCTGTCC CCTCCCACCA GTCACCTCCA CTGCACAACT 6	0
CGGGCGGGGG TGTGACACCT CTCCCCCACC NCCGACTCCG TGGTTTCCGT ATCGTCAACC 12	0
CTTCAGCCGC CGACCCGGGA GGGGTCTGGC CTACACTGGT CTTCCCCTTC CCATCAACTC 18	0
TTTCTGCTTG ACAATGTAGC AACCCAGGCC CCCCACCCAC GGTCCTCCCC TTTTTCCTCT 24	0,
CCCTGACAAT AAAGTCTGAA TTTGTTCTGC NAAA 27	4

配列番号:1065 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01207

配列:

GATCTATCCA TCCAATGTTG TCATTATATT TGACTGTGGT TCAACAGTAT TGCGTTGTCA 60
GACTAGGAAA GTTAAACGAA CAAAATGGTT TTAGTTTTGC TGAAGACTGG CCTTATTAAT 120
GGACAGCTTT CCTAACAAGA GATTATTAAC TTTTATCAGG TGTTAACATC TGTTTCAGGA 180
ACATGGCAGT ATGTTTACAT GTCAGAAGTT TTGTTTAATT CTATGGTATT TCTAAATTGA 240
CTTGTTTAAA TAAATTCAGC AAATGGAAA 269

配列番号:1066 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01208

配列:

GATCTGGTTG GCATTTCTC CCTGATGATG GGAGCGTCAT TCTTTTGTCT TCATGGTTAC 60
TTGTGTGATA TAACATACAT CTGTNAAAGA AAATCACTTC TTTCTAGGGG AGGGAGGTAG 120
AAAAGTATCT TTCAAACTTG GTTTTTNAGT TTGTNTCTTG TCTTAACTTT GTGTNGGCTC 180
TAACTNAAAC ATGCTGATAT GTGTTTNCAN GANTTTTGGT TTAAGGANGT ATTGTATGGA 240
NGTCCACANA TTGGNAGGTN GTTCATCTN 269

配列番号:1067 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01209

配列:

GATCGATTAA GGAAGGTGGT TATGGCTGGG TGGTTCAGGG GTTTTTTTGG GTTTNTTTTT 60
TTTTTTCTTT GTCTTTTNAA CCTAAAGCTG TTTAAGTTGA AGCATTCTNA GATGTTTGGG 120
GGGAAACATC CTCTNAAAAT GGGNCCTTGT GCTTGCNTTC TGGGGAGGCG GTCCTGAGCA 180
GGTGANTCAT ANGGCATTTA TGCATATGTN ATATGNGGAC TGNACCCACC TTTCCCCCCN 240
AGCCTTTGCC TCTTGGGTTG TTGTNCTGN 269

配列番号:1068 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01210

配列:

GATCCTCTTT GTTTGTNCAA AGGACCAGTT TTCCTAGGCC AAAGAAGTCT CTNCCCCATG 60
TAAGNCCTAT GCCTTNAAAT ATCATGCACC ATGACCCACA GCCATCTGGT TATGTCTTAT 120
TTTTTTCCTA AAAGATAATG TTTATNNTTA AAAAGGAAGG ANGGAGCAAG TGAAGTTTCA 180
TTCTGCTCCA GCGGTGGGGG ANGCCGCTGA ATCCACCTGN TTCTCCTTTT GCAACCGNCA 240
GCANGCAGCT TTTCTCCGGG CNNCAGGN 268

配列番号:1069 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01211

配列:

GATCTAGAAG GTGAAGAATT TTTTNATGTA TATATAGACA TATCTATATA AATNGTCTGG 60
CTGAGGCAGG GCCTTCANCT ATCATTTGGT TAATAAATAC ATTTNAGTAT TTNCATTTCC 120
TACTGCCTGC AGAGTTTCAG GTGCTTGTNG TGTGAAAGTC CTGTAGATGT GTGCAAATTT 180
AACGAAATGA AATTGTATGT GTAAAANTGT ACGATTTTCC ACTGTGCAAC TGTAAATNAT 240
AAATAANANA TATTTTTNCT ATTCAAA 267

配列番号:1070 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01212

配列:

GATCCTAGTG ATTTCAGCCC ATGCATTAAA CAGGAAACAA TAATAAATTT GTAGAATTCA 60
TATTTTTCTA AAGGGAACTT AAAAACTGCT GCTACATGTT ATGTACAAAA CTGGTTTATG 120
CCACATGGAC AGAGAATCAC ANGTTTGGTT TTGGTACTTT NNGTTCCTCT TTGTATTCAG 180
TTGTATAGAC CTNCCAAATT CAGAATGAGA NGAAAGCTGT CTGTATCAAA CCATTTANGC 240
ANTAATTGTT ATATNTNANA GCTAAA 266

配列番号:1071 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01213

配列:

GATCCAAGTT ATACATGAAT AGAAAAAGAT GGTGTTAAAT TTGTGTGTAG GCTGGGAATT 60
CTTGCTGAAG GAATTGGAGA AAACCTGTTG CTGCAAAAATT TTACATGTTC CAGATGGAAA 120
GGGAAGTCTA AGCNCTTTTT AAAACCAATTT TTTTTTGTAT TTAATTAAGC AATTNCAGTT 180
AATCCGGGATT TTTGGGTCAG AATTTTAAAT TCTGTTTGAT TCTCCATATT CCAGTNAATA 240
AAATACAAAA GCATTGTNTT TTTAAA

配列番号:1072 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01214

配列:

GATCTTCAAT TCCTTGAGTC TGAGCTTGTG GGTGGAATTC TAAATTTGTA TCATAATCTG 60 TCTTTTGTGA AACATTTTGA AAATATGTAT ATATAATATT GTATATGCAA ATTGTGTTGT 120

TTCACTTGTA AAGGGAAAAG GCTTATTTTN CTTTATATTT CTGATAACTT GTTTTGCATA 180
TGACCAGCAC TGACTGAAAG GCATGTGTAG CTGCAAACAC TGTTGCTTTT TTTGTGAAAT 240
GNAAATAAAA GTATTTAAAT ACAAA 265

配列番号:1073 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01215

配列:

GATCGTGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCCATCCC CCCTGCCCAA 60
AAAAAAAATN AATTTCACA GAAAATTAAT AGCATAGGTA TTATNATCCT CATTTACAG 120
AGAAAGAAAC AGCCATAGAG AAAAATGACT TGCTCACAAC ACAGGCAACT TTGACTCTAG 180
AGATANCACT TATTACAGTA AAATCCCTCT TCAGNCACAA AATACATGAT TATCTTAAAC 240
ACATTCTTAA TAAAANTTTA NCAAA 265

配列番号:1074 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01216

配列:

配列番号:1075 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS01217

配列:

GATCTCCATG TAGTCCATAT GAAACCTGCA GAGTGATTTT CCAGAGTGCT CGATACTGTT 60
AATTACATCT CCATTAGGGC TGAAAAGAAT GACCTACGTT TCTGTATACA GCTGTGTTGC 120
TTTTGATGTT GTGTTACTGT ACACAGAAGT GTGTGCACTG AGGCTCTGCG TGTGGTCCGT 180
ATGGAAAGCC TGGTAGCCCT GCGAGTTAAG TACTGCTTCC ATTCATTGTT TACGCTGGAA 240
TTTTTCTCCC CATGGAATGT AAGTAAAACT TAAGTGTTTG TCATCAATAA ATGGTAATTC 300
CTAAA 305

配列番号:1076 配列の長さ:263 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01218 配列: GATCCTGTAA GTTGTCATCA AAATATGATT TAGAAATATT GGCCAAGGTG TTGCTTTAAC 60 TGAGGAGAAA AGAAAGCACA CTGCCTAAAT GTGTAAAAGA AAAATGCAGA GGTTATTAAA 120 ATGTAAAGAA GTAACAATCT TTGGATTTGT CTATACATAT ATATATATA ATATNGNTTT 180 GCCTTAATAT ACCCCCTTTT TTGTTTGTGA CTTTCAACTG TAATCAGTTA ATAAAGTATT 240 263 TATTCTCTGC ATTCAGGTTC AAA 配列番号:1077 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01219 配列: GATCGACAGC AAGCAATCCT TAAGGGACTT TCAGAACTGA GACAGGGCCT TCTCCAGAAG 60 CAAAAGGAGT TGGAAAGTAG TCTCCTGCCT TTAGCTGAAA ATCAAGAAGA GAGTTTTGGT 120 TCTTCATTTT AAATGTAGAA AATCAAATCC TTCACATTTG ATTTGTGTCT TCCAAATTAT 180 AAAATGTGCT CACTGGCTCA ACTGTATTTT TCAAATAGCC TAGATTTACT TATTTTTTTA 240 ANNGNNCATT AAAAACTTGT ATACTATGTA GTAAAATGCT GTACTTGTNC TATACAATAA 300 ANCAGATACT TCTTTTGTAA AAGCTTAGTA GTAAAACNCC ACCNNNNNN NNTN 配列番号:1078 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01220 GATCGTGCCT GTGAATAACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ACATAGTAAG TAAGACCTTG 60 TCTCTTAAAA AAAATACATT CTGAAGAAAG TTCTACTTAT GANTACATTT TATTTATAAC 120 AAACTGGTGA AAATTTTAGA CCAAACCATG TCTTTCTGGG TTGTAGTGAT TAAAAAATGG 180 TTAAGAGAAT GTTCCCTATA CAAGGCATAT GTTATTAANC ATGAAATTTA GGNTTAGTTT 240 260 TCTCTTTGAA NNTCCTTTTN 配列番号:1079 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01221 配列: GATCCCGAGA CTTGTGTTCT CTTGGCTGAA NACACTNAGG TGCTCCCATC TGTNCGTGGC 60 CCATGANCTG GGATGGTCCT CCAGCTGCCC ACAAGGTCCG CCCCTCTNTC TCTGCACCAC 120 CTGTTTGCAT AAACACACTT TGCTACAATC TTGCTAGTNC GTTTTCTTAA AAGATAATCT 180 ATTTACTGTA AAAATAAATT GGACTTTGCA AAAGCTTTTA GAAGGAAAAG AAAGAGGATT 240

AAAGAGAATT GCTGGTGAAA

260

配列番号:1080 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01222

配列:

GATCCAAATT TCCTTTTGAT ATTATTTTAC TTCTGCCTGA AACATTTCT TTAACATTTT 60
TTATAGTGTT GTTTTACTGG TGATGATTC TTTCAGGTTC TAAGTGCCTG AACAAAATCT 120
TTATTTCACC TACATCTTGA AAGATAGTTT CTCTGAGTCT ACAATTCCCA GCTGACAATG 180
TTAACTTCC AGTACTTTAA AGATGTTGCT TCATTATCTG CTAATTTNNT TTGTTTCCAA 240
TAAAATGTTT GCTGGCAAA 259

配列番号:1081 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01223

配列:

GATCTGCGGT GAAGCCAAGC CGCAAGGTTA CAAGGCATCC TCACCAGGGA TACCCGCCTG 60
CTGCTCCCAG GTGGCCTGCG GCATNGCTAT GCTCAAGGAC CTGGAAACCC ATGCTTCGAG 120
ACAACGTGAC TTTAATGGGA GGGTGGGTGG GCCGCAGACA GGCTGGCAGG GCAGGTGCTG 180
CGTGGGGCCC TCTCCAGCCC GTCCTACCCT GGGCTCACAT GGGGCCTGTG CCCACCCCTC 240
TTGAGTGTCT TGGGGACAGC TCTTTCCACC CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG 300
GTGGAGTGTT AGGAAA 316

配列番号:1082 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01224

配列:

配列番号:1083 配列の長さ:258 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 . クローン名:HDMGS01225

配列:

GATCGCTTCA CATNTATAAA AAAAATAANA ATACCCGGGC AAGCTTTCTT TGAAGNTGCT 60 ACAGCATTAA ATATCGAGAA TTTTGGGTGG GAGAGAGCAG TTCAATTTTC TTTACCAGCT 120

GAAGTTCATT TATGATACAA AAGAGATGAA ATGGAAGTGG CAATATAAGG GGATGAGGAG 180
GCATGCTGGC AACCCTTCTT TTAAGATGTG CTCAATTTGT ATAANTGGTG TTTCATGNAA 240
TAATCATCTT GGAGGAAA 258

配列番号:1084 配列の長さ:342 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01226

配列:

GATCGCCGCC CAGGGTTTCA CGGTCGCAGC CATCTTGCTG ACGTCTGNCT GNCACTGCTA 60
TGAAGTCTCG ACCCTAAGCC CAGGGTCTGG CCTTGAAAGC TCCGCAGAAA TGATTCCANA 120
ACCCAGGGAG CAACCACTGG CCCTACCGTG GGACTTACTC CCTCCTCTCC TTTGAGAGGC 180
CCATGTGTCG CTGGGGAGGA AGTGACCNTT TGTGTAACTG TAACCGAAAG TTTTTTCAAA 240
AATCCTAGAT GCTGTTGTTT GAATGTTACA TACTTCTATT NNNGCCACAT CTCCCNTCCA 300
CTCCCNTGCT TAATAAACTC TAAAAAATCCA CTTGTATTTA AA 342

配列番号:1085 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01227

配列:

GATCTAAGAA GANACTAGCC TTGTGGAGTA TATAGATGCT TTTCATTATA CACACAAAAA 60
TCCCTGAGGG ACATTTTGAG GCATGAATAT AAAACATTTT TATTTCAGTA ACTTTTCCCC 120
CTGTGTAAGT TACTATGGTT TGTGGTACAA CTTCATTCTA TAGAATATTA AGTGGAAGTG 180
GGTGAATTCT ACTTTTTATG TTGGAGTGGA CCAATGTCTA TCAAGAGTGA CAAATAAAGT 240
TAATGATGAT TCCAAATAAA 260

配列番号:1086 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01228

配列:

GATCCTTAAT GTTTTGATTN TTGTTTTCTG AAATTGGATT TTATTTTATT TTATCTTATA 60
ATNNCAGTTC ATCTAAATTG TGTGTTCTGT ACATGTGATG TTTGACTGTA CCATTGACTG 120
TTATGGAAGT TCAGCGTTGT ATGTCTCTCT CTACACTGTG GTGCACTTAA CTTGTGGNNT 180
TTTTATACTA AAAATGTAGA NTAAAGACTA TTTTGAAGAT TTGANTAAAG TGNNGNNGTT 240
TGCATTACAC CTCAAA 256

配列番号:1087 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01229

配列:

GATCTTTAAA CTCTGGCTTC TTCCTCCTCA ATCTTGACAG AAAAAGGGTG CAGACGTCTG 60
GTTCAAAGAG TTGGATATCA ACACTGATGG TGCAGTTAAC TTCCAGGAGT TCCTCATTCT 120
GGTGATAAAG ATGGGCGTGG CAGCCCACAA AAAAAGCCAT GAAGAANGCC ACAAAGAGTA 180
GCTGAGTTAC TGGGCCCAGA GGCTGGGCCC CTGGACATGT ACCTGCAGAN TAATAAAGTC 240
ATCAATACCT CAAA 254

配列番号:1088 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01230

配列:

GATCCATCCC ATTCACCCAG TGACTTCTTT TTGCCCAGGC CGGGACTTTT TGCATCAGTN 60
ACGTTAACCA GATGACTTG CCTGTAACCA AACCTCATGC ATCCACGTTT GCGTCTGGGG 120
AGGAATAAAA AGACATCGTT CCCGCTTCTN CGTTTTGTNA TTCCTACTGC CGCCATAGGA 180
ATTATTTCGT TGGCTGANCG TTACCAGCAC CCCGAGANCA CATTTTGATN GANTCAGAGT 240
AGAGGNCATG GCTGTNTTCT NAAAANGCCN CGCCATGNAA NTGCCAATCC CCTTTTN 297

配列番号:1089 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01231

配列:

GATCGCATTT TTGTAAAAGA ACCATGTGTG TTTATATGTG TTTATATATA TACTTGTGTA 60
TGCAAAGGTA AAAGTCTGAA AGGATATATG CTAACTGTTC ACAATGATAA CCCCCAGGA 120
ATGGGATTGG AGGGGAGGGG GCTTCTGTGT TTGTNATGTA TGCTGGGTGG GANNTTGTGC 180
TTTTATTTCT ATATTGTTTG AATTTTTTA CAGTATGTAT TATTTTTGTA ATAAAAATTT 240
TAAAAAAATTC AAA

配列番号:1090 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01232

配列

GATCTGCCTT GAAATTTAAA AATCTAAATA GCTCTTAGTT GAACAGGGGA GATATAAACA 60
AAGTTTGCAA AATTCCTAAA ACACGATGAT AATAAACATC ATACATCAGA NTTTTGAGAT 120
ATAATTAAAG CAGTACTTAG AAGAAAATGT ATAGCCTTAA ATATTTAACA TCAGTAAAAN 180
TGANAGGNTG AAAATTGGGA TTTAAATTCC CAACTCAAAG AGCTAGAAAN NGANTTACAA 240
AGCAAGNNGA AA

配列番号:1091

配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01233

配列:

GATCTCATGG GCTTTCCTGG AGGAAAGTTT TTTTTGTTCG TTTTTTTTA AGACTTGAAA 60 CTTGTAACTG AGATGCTGTA GTTTTTTGCC ATCTGTAGTG ATGTAAAGAT TTAAACCTGA 120 GAGACTTTTN CTTTGTTAGA TTATGAGAAG NACTAGATGC TTTAGGTTTC ATTTTCCCTT 180 AATTGCNATT CTTGTGCGCT NGTTGGGNGG GAACTGTTAT TTTCCNCAAT AAAAAGTAAG 240 TCTTATCGAA A 251

配列番号:1092 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01235

配列:

GATCATTAAA ATCAACGTTA TCTAAGACAG CTGTATCACA TTTTTGGGAT ACATCATGGT 60
ACAGTCAGAA GCATATAAAA TTATGGTTCT GCTTGTCAGN CNCATACAGA ATCCAATACA 120
TTTTGACAAA CTGCCCATTC CTGCAAGTTA ATGCCCTTTT TGAAGCTTCA TTTCCTCTTG 180
TAAAGTACAG ATAGGAATCA TTATTTTGTG GAGTTGCTGT AAAGATTAAN TAAAGGTGAA 240
TGAAAATAAA 250

配列番号:1093 配列の長さ:248 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01236

配列:

GATCCCAACA AAGATACAAG TGAAAACGCA GAAGGTCAAA GNGATGAGAA CAAGGACGAC 60
TATACAATCC CAGATGAGTA TAGAATTGGA CCATATCAGC CCAATGTTCC TGTTGGTATA 120
GACTATGTGA TACCTAAAAC AGGGTTTTAC TGTAAGCTGT GTTCACTCTT TTATACANNN 180
CNAAGAAGTT GCAAAGANTA CTCATTGCAG CAGCCTTCCT CATTATCAGA AATTAAAGAA 240
ATTTCTGN 248

配列番号:1094 配列の長さ:248 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01237

配列:

GATCACTGNC AAAGTGGGAG CACTAAGGGG TGGGTGGGGA AGTGAAATGT TAGGCGATGA 60
ATTCCTGAGC ACCTTGTTTT TNTNCCAAGG TTCGTAGCTC CTCTNTGCCC TTCCAAGCCT 120
GTAACCTCGG AGGACTATCT TTTGTCCTTN ATCCTTTGTN TTGTTTGAGT GGGNCAGCCC 180
CAGAGGAACT GATAAGCAAA TGGCAAGTTT TTAAAGGAAG AGTGGAAAGN NCTGCAANTA 240

AAANNCCN 248

配列番号:1095 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01238

配列:

GATCTCCATG CGGTCCCTGG AAGTACCCAT TGAAACATGC GTATTTGTGT ATAGCAGAAC 60
TCTGAAATAA TATTCTGACA GCAGTTATCT CTGAGGAATT GGGTTATAGG TGATTTTCCC 120
TTTCCGCATG ATAAATTTAT GTAATATTTG ACTGACTTGA CCGTAAGTAT GTTACTTGTA 180
TAATAAAAGG AAAAAAGGTA CTTCTATTTT GAAAAAATAA AAATAAAAGC CTTTGGGTTC 240
TTGAAA

配列番号:1096 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01239

配列:

GATCCTGTCA GGGNGTCCCC CATGCCTGGA AGAGGAGCTG GTGGCTGCCA GCCCTNGGGC 60
CCGGCACAGG CCTGGNCCTT CCCCTTCCCT CAAGCCAGGG CTCCTCCTC TGTCGTGGGC 120
TCATTGTGAC CACTGGCCTC TCTACAGCAC GGCCTGTGGC CTGTTCAAGG CAGAACCACG 180
ACCCTTGACT CCCGGGTNNN NNNGTGGCCA AGGATGCTGG AGCTGAATCA GACGCTGACA 240
GTTCTTCAGG CATTTCTATT TCACAATCGA ATTGAACACA TTGGNCAAAT AAAGTTGAAA 300
TTTTACCACN TGAAA 315

配列番号:1097 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HOMGS01240

配列:

GATCCCGGGA GCCTTGCCGC ACTGCCTTGT GGGTGGCTTG GCGCTCGTAA TTGCTTCCTG 60
TGAACGCCTC CCAAGGACGA GCCCAGTGTA GTTGTGTGGC GTGAACTCTG CCCGTGTGTT 120
CTCAAATTCC CCAGCTTGGG AAATAGCCCT TGGTGTGGGT TTTATCTCTG GTTTGTGTTC 180
TCCGTGGTGG AATTGACCGA AAGCTCTATG TTTTCGTTAA TAAAGGGCAA CTTAGCCAAG 240
TTAAA 245

配列番号:1098 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01241

配列:

GATCTGCAGC AGCCGAAAAT GCGTTNTGGT AAACCTGGCC TCAAATTCAT ACTACCATAA 60 CTGTTTTTAT ATATTGCCAC TAATTTTGAC TGGATTTAAT AGCACTTTAT TGTACANCTA 120 CAAAAAAAAA TATATNCCTA GAATNGTNNC CAGTGTAATT CCTCTAATGT CCTGGTGCCT 180 TTTCATATAT TTCCAGNATT TTNATACTAT ATNGGTATTT CCTTTGTATA AATNGATNGA 240

配列番号:1099 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01242

配列:

GATCTTAGGC TTTTCACTTT TTTTGTJTTTG TTTTGTTTTT GAAAGAAAGA AAAAAATACA 60
ATTAACAAGC CTCTTTTGTA AATGGGTTTC CTTTCTATGT ATAAAATCGT GGTGGTCCCT 120
TGTTTTTACA TGTTCATGCT GTGTAATTTT GAGATGTTAC TGAGATATGT TCTGAACATA 180
ATGTGCATTT TTTNCTGTAC AGATGAAATG GGAGANTTTA ATAAAGAGTT TGCAGGTTTT 240
TNCTTGTTAA A 251

配列番号:1100 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01243

配列:

GATCCAGCCC TGAGCATCAC CCAAGTGCCT GATGCCTCAG GTGACAGAAG GCAGGACGTT 60
CCATGCCGAG GCTGCCCCCT CACCCAGAAG TCTGAGCCCA GCCTCAGGAG GGGCCAAGAA 120
CCAGGGGGCC ATCAAAAGCA TCGGGATTTG GCATTGGTTC CAGATGAGCT TTTAAAGCAA 180
ACATAGCAGT TGTTTGCCAT TTCTTGCACT CAGACCTGTG TAATATATGC TCCTGGAAAC 240
CATCAAA

配列番号:1101 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01244

配列:

GATCTTCCCT AAAGAGCAGN GGACCANATA NGAAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTCGGG AAAGAAAAGA AAGAGAAGAA TGGGCAAAGA AGTAATCATG 120
TAGTTGAAGT CTGTGGATGC AGCTGTTATG AAGATGGTTA AACTTGAANC AAACAATTTT 180
AAGANTTATT TNGTCTGAAN GATGTTTTAC TTTAAATAAA TGTCTCNTTG NAATGGCTGG 240
AGGTTTTTGG GNGCCAAACC NTTAAA

配列番号:1102 配列の長さ:256 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01245

配列:

GATCCCAGGT CCCAAGGAGT GACAGGGGCT TCCTCCCACC TTCTGTCCTT GTCCAGTNAT 60
GTAAATAATG TGCTTTTCCT CTCCCCGAGT CTTTTTTTT AAAACCTACC GTGGTTCCTN 120
AGCTAACTGC ATTCCCTACC CAGGCAGAGA CTGTCCTATG CCTCGNGCTT CCAAACGAGA 180
CTCAGACCGC GACANAGCCA CCGTATTTAT GGATTGCCAA ANTAANTAAN GCCCAAANCC 240
ATCGGTCTCT GTGAAA 256

配列番号:1103 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01246

配列:

GATCCTGGTG CTGGACAACG CTGCCATTGT CTGCAACTTT GGCAGTGAGC TCAGCCTGGT 60 GTATGTGCCC TCTGTGCTGG AGAAGCTGGA CTGAGCGCAG GGCCTCCTTG CCCAGGCAGG 120 AGGCTGGGGT GCTGTGTGGG GGCCAATGCA CTGAACCTGG ACTTGGGGGA AAGAGCCGAG 180 TATCTTCCAG CCGCTGCCTC CTGACTGTAA TAATATTAAA CTTTTTTAAA AAACCATAAA 240

配列番号:1104 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01247

配列:

GATCTGGGCA GTNAGATAGT GCTCTATGCC TAAGGTGAAG CCACACTAGG NTGAAGCCTC 60
ACTTCCCTGT TTAAGCAATG CAGTGCCTGC TGCCCGTGTG CANGAAGGTA CAGCCATTCA 120
GATAAGTGGA ACTATTGAGT TACATAAAGA AAGTAGATTT GCANTNNTCN GGCAGACGTT 180
TATACANCAC CACGGTGCTT TTATACATTG TNCTNATTTT AATAAAACTG ANGTTCTATG 240
TGAAA 245

配列番号:1105 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01248

配列

GATCTGGCTT CCATTTGGCC CCCTCATTTC CCAAATGTTT AAATGTATTG GATTTGGATT 60 CTCAATGTAT AAGTTGCCTT ATCTGTTAAT GTCTATCTC TGTCTCTTTA ATTTTGTATA 120 TCTGCTGTTT TGCTTTTGGA TACATTTTCT AATTAGAAGT CACATGATAA ATATAATCAG 180 TATAGTAATA ATACCATAAT GTGCACATAC TCAATAAATA AATGACTGCA TTGTTGTAAA 240

配列番号:1106 配列の長さ:240

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01249

配列:

GATCCATTIN TCCNTGTAAC TNGGAGAAAG GCCAGTCCCT GTAACGGGGC AGCCCTCTCT 60
TTCCCTCGGT CAGCTCGTGT NAATCCTGGN ACCTCTTCCG GTCGGCTCTG CCCGCTGTTC 120
TGGGGTCGAC TGCCACGACT TTNNATTCAA GAAGCTTCCT CCAGGCGGNA GCGGCTATTT 180
TCCCTAAATN AGAATTGTTA CATTGCAAAT NGTTGAATAA AATATTTNGC GGTCCTTAAA 240

配列番号:1107 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01250

配列:

GATCTGAAGA AATGATGGAA TGGGGAGTGT AGAGAAATGA GAGTCTGTAT GATTCTGGAA 60 CAGAGGACATC AGAAGGAAAG ACTGGTGAAA AGATGTATCT TTGTATATTA ATAGCTGTAA 120 TGTAGCTTCC TGATGCTTGA CTAATTGAGG TGTTAATTCT GACTTGAGAA TCTTTTTCAT 180 GAATGATTT AAAGAAAAAT TTGGATTTTA AAGGTATTAA AATATTTTNG TTTTGTAAA 239

配列番号:1108 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01251

配列:

GATCCGCAGT CGAAAAAGAA CAAGCCACAG AAACGGGCTC GTCGTGCCAG GACACAGCAG 60
TGTCTTTCAA AAAATCAAAA CCAGAAGNTT TATCANCAGC AGGAAGNATG TGGGCTCTGT 120
CAAGTTCACC GTCACCATCA AGCCACTGCT GTGGAAGAGT TTGNCAACAG GNCAGTGTCA 180
CAGCACANCT TCAGANGCAG CATCCGNGTG TCGTCCAACA GANGNCCTNG TCCGGTCAN 239

配列番号:1109 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:HUMGS01252

配列: *

GATCTATGTC CGGTGTGGGT TTTTGTCCTC TCGAGTTTTG TCTCTAATAA AGGCCTTTTT 60
TGTTTCAAAT TACATACGCT TTTTACTGCA CAATTTTTGT ATTGACCTTA TTTCAACTGA 120
AGCGATTATT TCCAGCAGGT TTAATTTCGA CAATAAGATA TATTTNAATA GTTTTACCTT 180
TCGCTAGAAT TTTGTATTGT TTAAAACAGT AAATGAATAA NTTTGCTGAT GATTCAAA 238

配列番号:1110 配列の長さ:238 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01253

配列:

GATCAATGAA ATGCACATAA ATNAACTGGT TCCATCAAGA CTGTGCACCC AGGCCTTACA 60 GTCCAACCTT TTTCTGTGTC TGGCTAATAT TTAAAACTAG AAAAACTATT CCTAATCAAC 120 ATGGAGTGGA GAGTTTATTC ACTGTCTAT CTGCAGAAAT TTGCTGTCAA TATATAACCC 180 GCCTGCAGTG GAAAGTGTAT AGTGTTTTGT AATAAATGGC CTGATGCTAA TGTGTAAA 238

配列番号:1111 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01254

配列:

GATCTACCGG GGGCTATTAG TTTCAATGTA GTGATGAACA CAAACTATAT TTTGAGTTCT 60 CTGCAGCAAG TGGAATGTGG TATGAAAATA TCTGATATTT ACAAAGATGA TACTGCTAAG 120 TCAGAGTCAC GTTTATTGCT AATATGATGG TGGAGTGTTG TCTTCATTCA TAATGAAGGG 180 AAATGTTATT TTTAATAGNG GTTAGTGAAA TAAAANTAAN CCTATTTTCT AANCAAA 237

配列番号:1112 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01256

配列:

GATCTGGAGC ATTTGAGCAA GTTTATAGAA GAACATGCCA CAAAACTGAG CAGGACCAAG 60
GAAGAGCTTT GAAGGCCTGA GGTCTGCGNA AGGTGGGAGG AGGCAGACGC CCTGCGTGGC 120
CCATGGTCGG GGCGTCCACG CCGAGGCCGG CAACAAACGA CAGTATCTCG GATTCCTNTT 180
TTTTTTTTTT AAATTTTTNA AACTNNGGGG TTNCACTNCA NGNTCTGAAT ACTGANTANC 240
CATGAATNCC TGAATAGTTT AGNCCAGN 268

配列番号:1113 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:HUMGS01257

配列:

GATCAGCGCT GAGGACGGNC TCAAGCATGA GTATTTCCGC NAGACCCGNN NCCCCATCGA 60 CCCCTCCATG TTCCCCACGT GGCCCGCCAA GAGCGAGCAG CAGCGTGTGA AGCGGGGCAC 120 CANCCCGAGG CCCCTGAGGG AGGCCTGGGC TACAGCCAGC TGGGTGACGA CGACCTGAAG 180 NAGACGGGCT TCCACCTTAC CACCACGAAC CAGGGGCCTC TNCNGCGGGN CCNGGN 236

配列番号:1114 配列の長さ:235 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01258

配列:

配列番号:1115 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01259

配列

配列番号:1116 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01260

配列:

GATCACAATT NGCTTCATGA ATCAAGGTGT GGAAATGGTT ATATATGGAT TGATTTAGAN 60
AATGGTTACC AGTACAGTCA AAAAAGAGAA AATGAAAAAA ATACAACTAA AAGGAAGAAA 120
CACAACTTCA AAGATTTTTC AGTGATGAGA ATCCACATTT GTATTTCAAG ATAATGTAGT 180
TTAAAAAAAA AAAANGGNAA AAACNTTGTT GNAANTNCCN CCTTTNCCTC NGGN 234

配列番号:1117 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01261

配列:

GATCCCCCGN TCAGCNCCNA AAGTGCTGGG ATACAGGCAT GAGCACCACG TCCGNCTAGA 60 CTTTACCTTT CTAAAGAAAT TGTTTACTGG ATTTATAAGA AGTTAATTTT TGAAAATNAC 120 ATATTTTTGT NTGATAGAAA GAATGGAGCA AGTNGTGCCT ATTTCCTCCA AGTCAGATAA 180 GGTTTCTAAA ATAAATAAAT TTCTAGCATA TAAAGGGTAG AGATAAACTC NNNN 234

配列番号:1118 配列の長さ:233 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUNGS01262

配列:

GATCACAGGT CTTCCCTGTG AACTTTGGTT TCTTTCTATA AATGTGTGTG GTTTTCAGCG 60 CTCAACTCCT GTCTTCAAAT GGTAGTAAGT NCTACTTCTA CTTCTGTCAT TCAGAACATT 120 TTATGTCAAA TGATGTAATG CAGAAATNCT TGTGCATATT TGTAACTGAA GGAAGCTTTT 180 TAGATTTATT TNNGTTTTTA ATAAAATTCA GATTCCTATT CTAAACTGGT AAA 233

配列番号:1119 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01263

配列:

GATCTNCTAT GCAGTTCTGC CATGCNTCCT GTTGGTCTCT CTGTGTTCTT TGTTACTTGG 60
GTGCAATAGC AACTTCCCTA CCCCGTGCAT TCCATCTTN ATGTTGTGTA AAGTTCTTCA 120
CTTTTTNNTC TGAGGGCTGG GGGTTGGGGG AGTCAGCATG ATTATATTN AATGTAGAAA 180
ATGTGACATC TGGATATAAA ATGAAAATAA ATGTTAAATT AAATGGAAAA 230

配列番号:1120 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01264

配列:

GATCTAAGTT AGTCCAAAAG CTAAATGATT TAAAGTCAAG TTGTAATGCT AGGCATAAGC 60 ACTCTATAAT ACATTAAATT ATAGGCCGAG CAATTAGGGA ATGTTTCTGA AACATTAAAC 120 TTGTATNTAT GTCACTAAAN TTCTAACACA AACTTAAAAA ATGTGTCTCA TACATATGCT 180 GTACTAGGCT TCATCATGCA TTNGTAAATT TGTGTATGAT TTGCNNNTNT GNNNGNN 237

配列番号:1121 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01265

配列:

配列番号:1122 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01266

配列: GATCCTCAGG ACGCAGGTCA CATTCACCTG TGGGCAGAGG GACAGGTCAG ACACCCAGGC 60 CCACCCCAGA GACCCTCCAT GAACTGTGCT CCCAGCCTTC CCGGCAGGTC TGGGAGTAGG 120 GAAGGGCTGA AGCCTTGTTT CCCTTGCAGG GGGGCCAGCC ATTGTCTCCC ACTTGGGGAG 180 TTTCTTCCTG GCATCATGCC TTCTGAATAA ATGCCGATTT TATCCATGGA AA 232 配列番号:1123 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01267 配列: GATCAGGAGG CATCATTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCGTAA CCTGTATCCC ACGTACTCTA 60 TCTTCCATTC CTCGCCCTGC CCCCAGAGGC CAGGAGCTCT GCCCTTGACC TGTATTCCAC 120 TTACTCCACC TTCCATTCCT CGCCCTGTCC CCACAGCCGA GTCCTGCATC AGCCCTTTAT 180 CCTCACACGC TTTTCTACAA TGGCATTCAA TAAAGTGTAT ATGTTTCTGG TGAAA 配列番号:1124 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01268 配列: GATCGATGCC ACGTTCGTAA GGTTCTAAGT CCTTCTTGGC TCCTNATGTG GTCCCTCTCC 60 TCGGAAGAAC TGCCCAGCCA CGGGTTTTNA ACCCACCTGT TGCTCCTNAG GTCGTCACTA 120 TATCAACAGT CACAAACCCA ATGGCAATAA AGGCACTGAC GATAGCTGGC GCGCGCNACG 180 CCACACACCA TTTTNAGATG CCGTTGCAAT TAAATCTTGC CACACTGTCC TCCTGAAA 238 配列番号:1125 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01269 配列: GATCCCTGGC TGGAATGTCA TACCATTGAC CCATTTGAAG AGTTAAAGCT GGATTTGACT 60 GCTCTATTCT ACCAGGAATA TTGTTAGGGT AGCCTTTTAC CAGTTTCTAA ACANTNGTAA 120 TCATTTATTG ACTCAGCAAT TCCTCAGATA ACAGGTCAAA AGATGTACAG ATACATTCNN 180 NAGTITICIT GCTATTAAAG GCACAAGAGT TTCCTTGTAT TTTGACTGAA A 231 配列番号:1126 配列の長さ:230

配列番号:1120 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01270

配列:

GATCTACAGT CATGCTTTAG CATGGCTATG GAGCTAATTA TCAAGCTTAA AGGGTAACTT 60
TGGGAGGACT CCTCCCTTCA CTCCTAGTCT CCCTTGGAAG AGCAGTCCAG GCTCAGGGAA 120
GGGAATGGAT AGGATGACAC AGTAAGTACA GAAACTGAAG CTGTCAATAG TGAAGGAAAA 180
AGGGGAATTC TTCGTTGCTT TGGCATTNAC ACATAAGTAC TTTGATTAAA 230

配列番号:1127 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01272

配列:

GATCCAAAAT TTATAGCATT CTTCTACCAC CACAGGGGCT CATATGACAT TAACAGACAA 60
GACACTTTTC AGAAAGACAG GTTGTTCTTT TGGGCCACAT CTAAGAAATC TTTGTCTAGC 120
CAAAAGCCAC AAATAATTTC TCATTTTTTG GCTTCTGGAA GATGTACAGT TAAATGTTAT 180
ATTTGGGACT GTTATCTAAT TTGATTAAAT TGCACTCTAC AATATGAAA 229

配列番号:1128 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01273

配列:

GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60
TGTTTGTNTT TCCTGGAGAT GCAGAACTGG GCCCGTGGAG CAGCAGTTTC AGCATCAGGG 120
CGGAAGCTTA AAGCAGCAGC GGGTGTGCCC AGGCACCCAG ATGATTCCTA TGGCACCAGC 180
CAGGAAAAAT GGCAGCTCTT AAAGGAGAAA ATGTTTNAGC CCAGTCAAA 229

配列番号:1129 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01274

配列:

配列番号:1130 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01276

配列:

GATCCGCTTG GTGACGGGCG TCTTCCCAGA TGCTGGCGTC ACCGCTAGAC CAAGGAGCCC 60

TCTGGTGGCC CTGTCCAGGC ATAACAGAAG GCTCGCACTC CTGTCTTCTG GTCACTTCTC 120
ACTATGTCCC CTCAGCTCCT ATCTCTGTAT GGCCTGGTTT TTCCTAGGCT ATGATTATTG 180
AGTGAGGATT ATCATAATAT TGGAATAAAA AGTAATTGCT ACCCAAA 227

配列番号:1131 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01277

配列:

GATCAGGATT GTCCTACAGT TGTAAATAAG ANTAGGTCCT GTTTATTTTG ACATCTNTTT 60
ACAAATGCAT TGTATTAGGG TGTGAATATT CTGAACCATC CTCTTGTTTA AAGTTTGGAA 120
ATTTTTATTG TTAAATGTAA CATTTTAATG GTTGTAATAA TTATTTGTAT AGATATGAAT 180
ATAGTATTTN ATTTAAGANA ATAAACTTTG CATTTTTGCA TNGTAAA 227

配列番号:1132 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01278

配列:

GATCTGAAAT TTGTGTATNC TAAAGTAATT TNGTTTTATG TATTGGAAGT TCACTTAAAA 60
ACTGGAAATA TTTTCTAGAA GGGTACCACA CAAAAGGAAT CATCTTTAAG CTGTTTAATT 120
AACCTAATAA AATAATNTGA TGGGGAAGGC ATTCTAATTG TTTCTGATTT TNNGAGTGGT 180
TCCTGCTAAN TCATCANTAT CANTACAGCT TGATTTGATT TAAGAAA 227

配列番号:1133 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01279

配列:

GATCTTAAAT GTTATATTGA TAACCATGCT CAGCAATGAG CTATTAGATT CATTTTGGGA 60
AATCTCCATA ATTTCAATTT GTAAACTTTG TTAAGACCTG TCTACATTGT TATATGTGTG 120
TGACTTGAGT AATGTTATCA ACGTTTTTGT AAATATTTAC TATGTTTTC TATTAGCTAA 180
ATTCCAACAA TTTTGTACTT TAATAAAATG TTCTAAACAT TGCAAA 226

配列番号:1134 配列の長さ:225 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01280

配列:

GATCTTTACC AAATTCCTGA CTCAGAGTTC CTCCCATTTN CTTCTGACTC TCATTTTATT 60 CTTACCTCTC ATTTTATTCT TATGATGTTT ACCATTTCTN TTCTCCTCAG TGTCCCTCTC 120

TGAGTGGTAA GAGTATGTTA ATAAGCCAGT NCTGAGACCG GAGCACGAGG CAACTGCTCA 180
ATGTTGGTCA TTGTCACTGT TATTAAATGT AACTTAAGGG NNAAA 225
配列番号:1135
配列の長さ:224
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01281
配列:
GATCTGACTT AAAAACCCAC CAGCATGCTC AATCCCTTGT NATCCTTATG GAATCTGTAT 60
GTTAACTCTC TGGGTGTTCA GGCTTCTATT TGACTGCTGT TGTNACCCTG TTTGCAAAAT 120
GAATATGACA CTCTGTGGAT TATTTNCTCT GTAAGGCACA AGTNCTTCTN ATGATTANTT 180
TGACGTTTCA NGAGCAAAAG CAAATTNANA CTCTCTTCAG CAAA 224
\cdot
配列番号:1136
配列の長さ:223
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01282
配列:
GATCCAATAG GAGACACCAG TTCCTTGACT GANCCATGCC CCCACCTAAG TNACAAAATG 60
AGGGAAGTGG GGAGTTAGAT TTCAGAGTCC AGGCCCCTAG GTTGGGACCC ACTCCAAATA 120
ATCTCCTCGG TGTGGGTNGT GGTTCTATAG AGGNATANAT GAATAATAAA CATTGTTAAA 180
NTATACGATA ATGNATAAAG TAATCCTTTC ATCANNTGTG AAA 223
配列番号:1137
配列の長さ:222
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01283
配列: GATCCATCCG ATGGCCTACC AGCTGCAGCT CCAAGCCGCC AGCAACTTCA AGAGCCCAGT 60
CAAGACGATT CGCTGATTCC CTCCCCCACC TGTCCTGCAG TCTTTGACTT TTCCTTTCTT 120
TTTTGCCACC CTTTCAGGAA CCCTGTATGG TTTTNAGTTT AAATTAAAGG AGTCGTTATC 180
GTGGTGGGAA TATGAAATAA AGTAGAAGAA AAGGCCATGA AA 222
Gladiaday Internative valuatara (Transcripe)
配列番号:1138
配列の長さ:432
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01284
ア の ・

GATCGCACAT CCCTGCGCCC CCATGCCCCC ATGCCCCTCT GAGTCACACA GGACAGAGGA 60 GGCAGAGCTT CTGCCCACTG TTATCTTCAC TTTCTTTGTC CAGTCTTTTG TTTTTAATAA 120 GCAGTGACCC TCCCTACTCT TCTTTTTAAT GATTTTNGTA GTTGATTTGT CTGAACTGTG 180

GCNACTGTGC ATTCCTTGAA TAATCACTTG TAAAAAATTGT CAGTGCTTGA NGCTGTTTCC 240
TTTACTCACA TTGAAGGGAC TTCGTTGGTT TTTNGGAGTC TTGGTTGTGA CNNCAAGAGC 300
AGAGTGAGGA AGACCCCCAA GCATAGACTC GGGTACTGTG ATGATGGCTG CAGTCCAGTT 360
TTTATGATTC TGCTTTTTAT GTGTCCCTTG ATACCAGTGG NCTTANCAAT TATACATTNC 420
CTCATANTTA AA 432

配列番号:1139 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01285

配列:

GATCAGACCC AGAGAAAAGT AGTTGTCAGT CATAGCACAC ATCGGACATT TGGAAAACAG 60 CAGTGGCAAC AACTGTATGA CACACTTAAT GCCTGGAAAC AAAATCTGAA CAAAGTGAAA 120 AACAGCCTTT TGAGTCTTTC TGATACCTGA GTTTTTATGC TTATAATTTT TGTTCTTTGA 180 AAAAAAAAGCC CTAAATCATA GTAAAACATT ATANNCTAAA 220

配列番号:1140 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01286

配列:

GATCTTGGGG CCTGTTTTCC CATGGGATTC AAGAGGGACA GCCCCAGCTT TTTTTGTTTT 60
TAAGCTTAGG AATCGCCTTT ATGGAAAGGG CTATGTGGGA GANTCAGCTA TCTTGTNTGG 120
TTTTTTTGAG ACCTCAGATG TGTNTTCAGC AGGNCTGAAA NCTTTTNTNC TTTAATAATG 180
AGAAATGTAT ATTTTACTAA TAAATTATTN ACCGAGAAA 219

配列番号:1141 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01287

配列:

GATCTAGAGA CAAAGGATAC TCAATGAGGA GCTTTTTTCC CCTCTTGGAA CAGGTAAAAT 60
GCTTTTCCTT ATTAATATAA TTATAAAACA GTATTTTATG TAACAGCTAT TCCCATATTC 120
TAGGAGTGGC CTAAGAAATG CGTGTTTCAG TGACTAGATT ATAAATATNC TCTATTGTGA 180
ATAGTTGAAT AAAACAGCTG TTTTTTTCTG CTTCCTAAA 219

配列番号:1142 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01288

配列:

GATCTGTGAA ATGCTATCTC TCCTGANGCA ATACTGTTGA CCAGAAAGGA CACTCCATAT 60
TGTGAAACCG GCCTAATTTT TCTGACTGAT ATGGAAACGA TTGCCAACAC ATACTTCTAC 120
TTTTAAATAA ACAACTTTGA TGATGTAACT TGACCTTCCA GAGTTATGGA AATTTTGTCC 180
CCATGTAATG AATAAATTGT ATGTATTTTT CTCTATAAA 219

配列番号:1143 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01289

配列:

GATCCCTGGA CACTTACGTA CAATGCTTCG TNCTGCCTGA TGACAGCCGG GCCAGCCGCC 60
AGCNTACAAG GNTTGTNCGA CGCAGCCTCA GCCCTGTNTT CAATCACACC ATGGTGTACG 120
ATGGCTTTGG GCCTGCTGAC CTGCGCCAGG CTTGTNCCGA GCTCTCCCTC TGGGACCATG 180
GGGCCCTGGG CAACCGNCAG NTNGGGAGGC ACACGCNTN 219

配列番号:1144 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01290

配列

GATCTCGGTG CTTCTTCCTG TGCTGTGGTT TACCCCAAAC CTTTAGGTTG TTTATTCATT 60
CAGATTAGAT AGACTGGAGC CATAAAGTTA ATTTGCACCT AGCTTTTTGG AGAATAGCCA 120
TGATTAACTG CTATTCGTGG TGGGGGTGGG GGGGAACCCT ATGATTTACT ATGCAGATGA 180
AGAGGGTAGG AACTAAATAA AGGACTTTGT AAGCCAAA 218

配列番号:1145 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01291

阿利

GATCAAGAGG GAGTTCATGC AACACCTGAG AATCTGATTA ATGCACTGAA TAAGTCTGGA 60
TTAAGTGACC TTGCAGAAAG TCTAACTAAT GACAATGAGA CAAATAGTTA GCTTCTTTT 120
TTTTCTTTT TATTAAANCT GNGATAGATT TTNTTACCAA GCAGCATTTG ATAAGAGGTC 180
CACTGGTTTT GGTAANCAAT AANCATTTTT ATACCAAA 218

配列番号:1146 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01292

配列:

GATCCCCAGC TGTTTATGCA TAGATAATCT CTCCATTCCC GTGGAACGTT TTTCCTGTTC 60

TTAAGACGTG ATTTTGCTGT AGAAGATGGC ACTTATAACC AAAGCCCAAA GTGGTATAGA 120
AATGCTGGTT TTTCAGTTTT CAGGAGTGGG TTGATTTCAG CACCTACAGT GTACAGTCTT 180
GTATTAAGTT GTTAATAAAA GTACATGTTA AACTTAAA 218

配列番号:1147 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01293

配列:

GATCCTATCC AGTTGAGGAA TGCTTGCAAT GCTCATTGAA GGGATTTGCT TTGGGACTTT 60
GTCATCTTCC AGAAAGGAAA CATATTGTAT ATTTGGCCCA GTGTGATTGA TTGCTTTATC 120
TTTGGTAACT TTTACTTGAA TGGGATTTGC TGAATTAATG ACTATTGAAT TTAAAACTAA 180
TTATGAGTTG ACAAATAAAT AAAAGGTAGT GTTTAAA

配列番号:1148 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01294

配列:

GATCATAGTC AGAAAGTACT GCAGTTAACA GGAACCTTCT TGTTCAGGCT GTCATAGCCA 60
CAGTTGCAAA AAGTGCAGTA TTGATTAATG CAATNAGTGC AATNAGTGAC ATCCTGAGTC 120
TTTTATCTGT TNAGCTTGCT NTNCTNTTCT NTCATACATC AGGATATTGC CTGTAATGTG 180
GAGTGGACAG GATAAAAATA AGNATTTTAC TTTCAAA 217

配列番号:1149 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01295

配列:

GATCTGAAGA AAGCTTTTGG TGCTTGTCCT CACAACCACC TCAGTCCTCC CTCCCTGTCC 60
TCCCCTGTCT CCTTCCTCC TCCTGGGTTC ATGTTGTAAT AAAAGAAGAT TGTTGGTGTG 120
TAAA 124

配列番号:1150 配列の長さ:215 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01296

配列:

GATCATAGCT TGTTTTATTT TGTGCTATAA AATTAACAGT ATTAAATGAC TTATATTCTT 60 AGAATACATC GAGTGTCTTT TCTTAACAGA TTAGTGCCTT TTNATTTTTG TATTCCGTTT 120 TACGTTACTG GTCCCAGCAT CAAAACCCTT GTTTCCATGG CCTGTTTGTA TATTGTCTCA 180

ATAAAACTTG CATCAGCCGG TGGTGGCGGC AGAAA

215

配列番号:1151 配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01297

配列:

GATCATAGTG TTTTGTAATC ATTTAATGTC TGCAGCCAAA TTTTTAAGGG TAATTTAGAC 60 CTAATACTGC TCTTGCTGTG TCTTATTAAG TTAAAAATTAA TGAATGANTN CTGGTAAAAA 120 TTCANNNNGG CACTCTGTGA GTAGAGAGTA TCATTTAAGC TTATTTNAGT CACATGTAGT 180 ATATATCTCC TTAAAGCTGT CACTCTCACT TTNCTTACCA TTCTCTTGAT TTNNTCAGAA 240 NCCATCTAGT CATCATCTTT ATACTCTACC TGCTTCTGCA ATTGTATATC ANATNGNGN 299

配列番号:1152 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01298

配列:

配列番号:1153 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01299

配列:

GATCCCTCTC CTCGCCTGCC TTCTGGAAGA CTTCAGAAGA TTGAGCCTCA CTGGTGCCAG 60
GAAGCCAAAG CTTACTTTGT AGAACTGACA CTAAACTACC CGAAGACTTA GGTGCTTTGT 120
GTACTTAACC CCAGGACCTN CTTACTTTTT AATATAAAGA GTGATGTTGT ATTTCGTGTT 180
CTGCACTTTT TAATATAAAG AGTGATGTTG TAAA 214

配列番号:1154 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01300

配列:

GATCCCAAAG CCACGCTCAT CCAATCCTGG NGAATCATTT ATTTTGAATA TAGACCATTG 60 AATAGGTGAA AAATGGAAAA GTCACTTTTT GTACATTTGC ATTCCTTCAA TAATGATTAC 120 CATTTGTNCA CATATTTGTT GACCATTGGA ATTGATTTTA GCACAGTGCC TAAAATATAG 180

212

214 TAGGTGCTCA ATAAATATTT GTTAATTGAA TAAA 配列番号:1155 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:EDMGS01301 配列: GATCCAAACT AATAAGAATA AGCTGTACAG GAACTAGTGC TCAATATACA TTGTATAAAT 60 TTGTGGAAAT CTCTTGGATG TNAATTGTTA CTTCAAGTGG CTTTTATTAA GATTTNCTCA 120 GACTTACTTG GAGGTTAAAG CAAACCCAAA TGTGTATTAT TTTGTTACAG AGCTCTGCTT 180 TATAATTTTG TAATAAAGTT TCAATACAGA CAAA 配列番号:1156 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01302 配列: GATCGCAGTG GAAGAAGATT AGTGCATCAT TGAGAGAGGA GAAGTGGAGT GTGGGGTGAG 60 CAAAAGCCAA AATACTAATC ACTAGTACAC CAGAGATGCT CCACAAGGTA TGCTCCCCAC 120 GGTTTCTTCT CAATTTCAAA GGTNAAGATG TTTTTTTGTG GTGATATAAA ATTTATTGTG 180 213 AATACTTGGT CCATNAAATT GGTACTTGCT AAA 配列番号:1157 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01303 配列: GATCTTGTTG AGGCATTTAG CTGCCATGCA CCTGTCCCCC TTTAATACTG GGCATTTTAA 60 AGCCATCTCA AGAGGCATCT TCTACATGTT TTGTACGCAT TAAAATAATT TCAAAGATAT 120 CTGAGAAAAG CCGATATTTG CCATTCTTCC TATATCCTGG AATATATCTT GCATCCTGAG 180 213 TTTATAATAA TAAATAATAT TCTACCTTGG AAA 配列番号:1158 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01304

GATCTCATTT CAATTTCTTT ATTAGAGGGC CTTATTGATG TGTTCTAAGT CTTTCCAGAA 60
AAAAACTATC CAGTGATTTA TATCCTGATT TCAACCAGTC ACTTAGCTGA TAATCACAGT 120
AAGAAGACTT CTGGTATTAT CTCTCTATCA GATAAGATTT TGTTAATGTA CTATTTTACT 180

CTTCAATAAA TAAAACAGTT TATTATCTCA AA

配列番号:1159 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01305

配列:

GATCTGGTCT GTTCCTGCGT CTGCGGANGG CCCTTGTCTC CCAGCTATCT ATAACCTTAG 60 CTAGAGTGTC GCCTTGTGGG TTCCTGTTGC TGAGACTTCC TGGATGGAGC CGCCTCACCG 120 CCGGGCCCGT GGCCTGCNCG GANTGTGTCC AATAAAGTTC TTGGATGTGA AAACTTAACA 180 ATTTTGTGTA ATAAAAATGG AGAAGCTCTA AA 212

配列番号:1160 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01306

配列:

GATCCTTGGT GTGTAGTTCA GTCTTGCAGT ATACAAGCTT TTGTGTATAA ATGTTTTATG 60
ATATGATTCC CTGTATTTTG CAGGGGTTTT TTTCTCTTTT NCTTTTTAGA TAAATATGTA 120
TATCAATATT TTAAATNCAT CTTTGCTTTT TTTAGAGGAG TTTGTAATCA CCTTATAACA 180
TGAAAAATAAA CATTTCCTTT TTAACATCAA A 211

配列番号:1161 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01307

配列:

GATCCTGTAT ATGTGTGTTT TGGGGGGAGCT ATGATAAGTT TTATGGCAAA CGGTTGGTAT 60
TGTTAACTTT TTATTGTCAT CAAAAGTTCA TAAAAGTCCT ATTAATCCCC ATATTCTNNN 120
NCTGCCCTTA ACTCTGGTAT ACACCAAAAA GAAATCTTTA CTTTCCTTGT TTTATCATTA 180
TAAAAAATAAA GTATTTTGCT AGTATGGAAA 210

配列番号:1162 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01308

配列:

GATCCGCCCA TGTNAGCCTC CCAAAGTGCT AGGGTTACAG GCATGAGCTA CCATGCCTGG 60
CAACAGCTTT CATATTTGTA AGTTTTTTT CCTAGGTAAC CCAAGGTCTA TTGAAATTNC 120
ATATAGCTTT CTTTNCTATT ACATATTTAA ATAGATTTNN CCTGATTTNA GAAAAGCTGT 180
AGATTTTNAT ATGTNAATCT TGTNTCCNTN 210

配列番号:1163 配列の長さ:209 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01309

配列:

GATCTNGGAC TCTNCCTCTC ACGACTGCGC CTTAGTCACT CAGACATACG GCGCANTGCA 60
GGAAAAGCCT ACACAGACGA CCTGGGTGCT GTGGGTGGCG CCTGCNTGGA GGACGAGCCA 120
GCNTCCTGCN CTGGATGAGG ACAGCGAGCA CCCGCCATNA TTCTNCGGAC TGACTGAACT 180
TNACCTGTGA CCTCTTACCN GTGGAGCAN 209

配列番号:1164 配列の長さ:209 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01310

配列:

GATCACTNCA GGCCAGGNGT CCAAGACCAG CACGNCCAAC ATGGCAAAAC CCAGTCTGTA 60 CTAAAAATAG AAAAATTAGC TGGGCGTGGT GGCGTGTGCC TGCAATACCA GCTACTCAGA 120 AGGCTGNAGC AGGNTAATTG CTTGANCCTG GTAGGTGGAG GTTNCAGTGA GCTGANATCA 180 TGCCACTGNA CTCCAGCCTG GGTNACAGN 209

配列番号:1165 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01311

配列:

GATCCTTACC GTCCTAGAGA GCAGACGCTT TCTGAAAACT ACTTGCTCCA AAAGACCCTC 60
TGAGTTAACG TTTCAGCTGT ATCATTAGAC TTGTATTTAG AGCGTGTCAC TTCCTCTGAA 120
CTGTTACTGC CTGAATGGAG TCCTGGACGA CATTGGGTTT TTCCTCTAGG AGAATACAAG 180
CCTTAATAAA CAATACTATT TAGCAAA 207

配列番号:1166 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01312

配列:

GATCTGAACA AAGTCTGCAT TTNGTTAATA GTGTGGTACC AATGTTGGTT TCATAGTTTT 60
GGCCATTGTG CTGTGTATTT ATAAGATGCT AACATTAGGG ATAGCTGAAT GTGGTATATA 120
TAGGAACTCT GTGCTGAGTT TATAACTCCT CTGTATGTCT AAAACTATTT CAAAATAAAA 180
NGTTTAAAGG TAAAANAAAA GATTAAA 207

配列番号:1167

配列の長さ:206	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01313	
配列:	
GATCCAGCCA CCACTCTGAA ACTCATCACA TCTTCATTGA CAGGGAGGGA GCCCAGGACA	60
TATGTTTGGC TCATTGACCA GAAGGCTTTC TTAGTCCCAA CAGCCATGAA CCATGCACTT	120
ATGGATACCC AGCCTTTTAG GGCTACGTGA AATGCATCCT TGTANCATCA TTGTATTCTT	
TCAATAAATA GCCTTCTGAG TTGAAA	206
配列番号:1168	
配列の長さ:213	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01314	•
配列:	
GATCTGCCTG CCTATNAGAG CTTTGAGAAG CTCCGCCACA TGCTACTGTT GGCTATCCAG	60
GAGTGCTCTG AAGGCTTTGG GCTGGCCTAA TAAGGCCCTG CCCAACTCCG TGGGGTTTTT	120
TTAACCATTG TTGGACCTGG GGAGGGGGGA GTTAAAAAAA GAACCAGAAA GAAATTGTCA	1 180
AAAACCAATA AATGAAATCC ACCAACTCAC AAA	213
配列番号:1169	
配列の長さ:215	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01315	
配列:	C 60
GATCTAAAGT GACCTTGATG GACAGTGGAA GAAATCACAA CATGGAATTC CTCGAATAA	6 00 A 190
AATTTATTGA CTTTAAATAA TTTTGTCTAA TGCTACATAT ACACAATTAA AAAACCTTT	T 180
CACTATTTCT AGAAAGTCAG CATGTATTTT TGGCTCGNNG TTTCNCCNCG TGTTTTCTG	215
GGAAGGAATA AAAATTTGAG TTTCAGTTGT GTAAA	210
配列番号: 1170	
配列の長さ:349	
配列の型:核酸	*
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01316	
配列:	.m ^^
GATCTGTGAC AGCAGCAGCT TCATGTTGTA TTTTTTTTAC TGAAATTGTA AAATATCCA	VI 60
CTTAAAGACA TCAACTATTC TAAAANTTGT TTACAGGATA TTCCTTTAGT GGTGGAAT	IA 120

AAATNTACGA NTACTTGCTT TTTCAAAAAA ATGTATTTTN TGTTAAAAGT TTAAAGATTT 180 TTGCTATATA TTATGGAAGA AAAATGTAAT CGTAAATATT AATTTTNTAC CTATATTGTG 240 CAATACTTGA AAAAAACGGT ATNGAAAGTA TTTTGAGTCA GTGTCTTACA TGTTAAGAGG 300

GACTGAAATA GTTTATATTA AGTTTGTATT AAANTTCTTT AAAATTAAA

配列番号:1171 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01317

配列:

GATCCAAGCT GTATATACCA TATATAAACA TTTTACATGA ATCATTTAGT TTTTTAATTC 60
ATTTACTAAT GCTATAAAAT TTCCTATATT ACCCCAGTAA TTTGCATCAG CTGGTTTATA 120
TACTAAAGCA ACATGTTTTG ATGAGTTTCT TACATCCTTA TCGAGGAATT GGGTTAGGAA 180
AAAATACATA ATTGTAAAAC TGAAA 205

配列番号:1172 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01318

配列:

GATCTTCAGG NTTCTACAAA TAGGGTAATT GTAAATTTAA AGCATTAGCA TTTATTGGTG 60
AATAATGTAT ATATCCCCAT TCCAAGAAAT ATAAGTNAGT NANGTTGAAA TAAAATCTTT 120
AAAAATTTACT ATATTGCCAG TGGTTTCACA NCAGTTCTCT TGTATTTATT TATCAATTAA 180
ATCAAATAAA AATGATTATG TCAAA 205

配列番号:1173 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01319

配列:

配列番号:1174 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUHGS01320

配列:

GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGN GNGTGGTTAG GGTAGCTTCT TACATGGATG 60
TCAGGAGAGC TGCTGCCCTT GGCGTGAGTG CGTATTCAGG TGTTTTGCTG CTTTGGCAGA 120
GAGTGGTTGA GTGTNGAATC GTTCAGCTCT NAGGTTCTGT NCCCTGTGGT GGAGAGGACG 180
CAGCAGCNAN NTCTGGGNTC TNAN 204

配列番号:1175

配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01321 配列:

GATCAGTGCT CTCTATTGAT GTTCTTGCTG GTCTCCAGNC ACATTCCTGT TGCATTAAGN 60 CTTGAAAGAC TTGTAGATGT GTGATGTTCA GGCACAGGAT GCTGNAAGTA TGTTACTATT 120 CTNAGTTTGT AAATTGTCCT TTTGATACCA TCATCTNGTT TTCTTTTTGT AGGTATAAAT 180 205 AAAANCACTG TTGNCANTAA GGAAA

配列番号:1176 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS01322

配列:

GATCTCAGCC ATAAAGTGCC AGTTTGCTTA GTTCTCACTG TCTCCTGGTC TGTGCTGCCC 60 TGCTCTGGGG ATGCACGGCG GCAGGGTGGG GGAGGGAGGT TCCTCGCAGG TCTCAGCCCG 120 GGACAGGGTC TTGCAAGCAG CCTCCTGGGC AGTCGTAAGG GTTGCGGCGT GATGTCTTCA 180 203 ATAAATTAAG TTTTATTTGG AAA

配列番号:1177 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01323

配列:

GATCAAAATG AAACAAATAT ACCTTATCCT AAAGAGCTCA TAACAAATAA GTTACCTCCA 60 CTCTATAAAC TCAGACCTAC TTTTTGAAGA TAACTGCTTT TAACCTCTCC TTACAAGATT 120 TTTGTTGTTG ATGTATTTAA TTTTAGCCCA TGTCTCAATT CTCATTTTCA AAGAATCAAT 180 203 ATATTAATAT ACCTTTGGTC AAA

配列番号:1178 配列の長さ:202 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01324

配列:

GATCGCTCTT GTGTTTTTGC ACTATTAATT AACTTCAAGT GCAATTTTGG CAGGCAGGCC 60 AAGGGTCTCA ACAGGCTATT TGGAATGAGT TCTCTTTTAA GGCCTTCAAC GTAGTNNGAC 120 ATTTTCAAAT CAAAAAGTAC AGCAGGAGCC AGCCTTTATT TTGTCTGTGT ACACAATAAA 180 202 ATATTCCGCT TCTATAGGCA AA

配列番号:1179 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01325 配列:

GATCAGCTGA AGGTTCATGG GTTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTTAGGAT 60
TTCNTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTT TCCCTTGTCA CAGGTTTAAA AACCTCACAG 120
CTTGTATAAT GTAACCATTT GGGGTCCGCT TTTAACTTGG ACTAGTGTAA CTCCTTCATG 180
CAATAAACTG AAAAGAGCCA TGCTGTCTAA A 211

配列番号:1180 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01326

配列:

GATCCCAGGG TGCAAAGTGG CATTGAGACA GCAGCAACAG CTCAAGAGAT ATCTCCTGCC 60
TACTTGCCCC TCCTTCCAGG CCGGCTCTAA GAGAAAGGCC CATCTACTCA GGAAGAGGGC 120
CAGGNCCTTG GGTTCTGGGG ATTGGCCCCT GAGAGGGCTA GTCCTGTGGC TGAAAATAAA 180
GCATGTCCCG CCCNNTAAA 199

配列番号:1181 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01327

配列:

GATCTTTTTT TGGATATTTA TACTTTTAGA TATATAGTAC CTTTAAGTAG CAGTATGGGA 60
CAAGGCTTGT AAATGTTTTG TCTAATGTTC TATTGTCACC TTTTATGCAT TTATCACTTC 120
CAAATCTAAC TTTGCACAAG TAACCCATGT AAAAAAAAAT GTACATTTTT CAAAAGTTGT 180
AAATAAAAAAT AACCTTAAA 199

配列番号:1182 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WUXGSC1328

配列:

GATCTGGACA GCTGTCCCTC CACTACAGAA ACCTCACAGA ACACAGCAAA GNATAAGTGC 60
ANGAAGGCTG CTTCCAGCTC CAAAGCACCT ANGAATGGAG GTAAAGCGAA GGATTCAGCA 120
ANGACAGCAG AGGAAACTTC CANGCCAAAA GNTGACTAAA GNAGTACAGG TTANGGTATC 180
TGGTATCTGC ATGTAGANTC TTCAGCTGGT GGATGGTGAC TTTTGAAGTA CNAAAGGCTT 240
TGGCAACNGN AN 252

配列番号:1183 配列の長さ:197

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01329 配列: GATCTAGGGA GTTACCTAGC AGACCTTCCG GACTGACGTG ATGCTACAGG GGTCCCATCT 60 TTCCTTGTCA TTGAGCTATT TTACAGTTCT GTGAATTGTA AAGAACTGAG GGTAATGCGA 120 ATMACTCTTG TTCATAGAGG CAAATGAATT TTGTCCCATG GAGATTTAAT TGATATTACT 180 197 CTGTGGATGT TGACAAA 配列番号:1184 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01330 配列: GATCATAGCT ACTACTTCAT TGCAACCTTT ATTAACTGAC CACATCAGAC ATCATGCTAA 60 ATACCTGAAT GCATGAAAAA ACTCCAAATA AGAGAATCTC TTCAGGATTA TAAAAGTTGT 120 146 AAAATGCAAC TGTATTGCTG AGCAAA 配列番号:1185 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01331 GATCCGGCTG CACACCAGGT GCGGAGGCTG AGCCATCCCT GCTGGACTCC CTACCGCAGA 60 CGGAGTCANG NACGCAGCCG CAGCCNCNTT CCTTCACACC CCCTCACAGA CTCCTTGTGT 120 CCAACGGGAA TAGGAAGAAT TAGTTACTGA CTTCACCTGA GAAAAAAATA AATNCTCTAT 180

配列番号:1186 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01332

GGTGGTTTCA CAGGAAA

配列:

GATCTCTTTG TGAACTCTGT GTTCTCTATA TTAGATTGCT GTTTATATGT AAGAATTTTA 60
TTGCTTATGT GGCATACAAT ATTTATAACT ATAAACTTTA TAGAAGTACA GTATTAAAGT 120
CAGTGGTACA CAGACATTCT GTACATATCC TGTGAAACGT GCTGTCATAT GAAATAAATA 180
TATCTGTCTT TACAAA 196

配列番号:1187 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 197

クローン名:HUNGS01333 配列: GATCTTCCCC ATTGTCCACT CAAGTCGTGG CCTGGGGAAC ACAGACGGAG CTGTCCCCAG 60 TGTCCTCCGT CCCTCAGCCC CTGGCCTGGC TGAGTTTGGC AGGGCCTGGG CCATCCCTGG 120 GACAAAGGTG CGTCCCTTCA GCTCTTCTCC GTGGAGCTCG GGGCTTTCTG TATTTATGTA 180 196 TTTGTACGAA TGTAAA 配列番号:1188 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01334 配列: GATCTTCGGC CTCATTCTGA ATACCTNTTC TTTGGACAGT NTTTTTCCTT TGGTGCTCTC 60 TTGCCTTTAG CTACCTTCTC TAATATGTAT GCTACCATCA CTAATAAAGT GATGGGAATG 120 GGTTTGAGAG TCGTAATTTA TATTAAAAAG TTGTTGGACT TTTAAATACA TTTTTNCAAA 180 196 TAAAAAATTA AGCAAA 配列番号:1189 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01335 . 配列: GATCATGTGT GCACAATACT TGTGGCCCAC AAAATTTCAC AATGACTGCT GAGGAATCAT 60 TCTTTTTGCC TGTAAAATAT AACAAAGGGC ATCATTAAGT AGACCAGGTA ATTACTGCTT 120 GTNTCTCAAG GCTGCTGTCT TTATCAGCAC TAACTAAATA AATTTGTTGG TTCAGTTGTA 180 CTTGTCCTGC AAA 配列番号:1190 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01336 配列: GATCCTGTGT CCTAAATTAA TATACACCAG TGGTTCCTCC TCCCTGGTAA AGACTAATGC 60 TCAGATGCTG TTTACGGATA TTTATATTCT AGTCTCACTC TCTTGTCCCA CCCTTCTTCT 120 CTTCCCCATT CCCAACTCCA GCTAAAATAT GGGAAGGGAG AACCCCCAAT AAAACTGCCA 180 192 TGGNCTTTTA AA

配列番号:1191 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01337

配列: GATCAGTGCC TTGATGCCAA CTAAGGAAAT TTGTTTAGCA TTGAATCTCT GAAGGCTCTA 60 TGAAAGGAAT AGCATGATGT GCTGTTAGAA TCAGATGTTA CTGCTAAAAT TTACATGTTG 120 TGATGTAAAT TGTGTAGAAA ACCATTAAAT CATTCAAAAT AATAAACTAT TTTTATTAGA 180 GAATGTAAA 配列番号:1192 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01338 配列 :: GATCAAATTT TTGTAAAATT TTTTAAGAAG AGATGGCTTA TTAACAGGGA AGAAGCTTGT 60 NATATTCCAG TTGTAAGAAT AGCCTTAGTG TTTAGATTTT TTNATGATAG GNNAGATGCG 120 GNCATCACTG GGATATTTNC AAATCCCAAG GNCATCAGAG TGAAGTGTCA GTTGTCAGAT 180 189 GATTTNNAN 配列番号:1193 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01339 GATCCCAGCC AGGCCCTGGA GGTCTGACAG CCCCTCCCTC CCAGAGCTGG TTCCTCCCTG 60 GGAGGGCAAC TTCAGGGCTG GCCACCCCC GTGTTCCCCA TCCTCAGTTG AAGTTTGATG 120 AATTNANGTC GGGCCTCTAT GCCAACTGGT TCCTTTTGTT CTCAATAAAT GTTGGGTTTG 180 188 GTAATAAA 配列番号:1194 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01340 配列: GATCTGAATG ATACTGTCTG CTGTGTCTTT TTTCCATGAG AAATCACTGT TGCAAAATTGC 60 CTATAAATTS ACTOTACTAA AATAACAATG TTTCAGTCTG AAAATTTGAA TTGAAAAAAA 120 TGTATAATAT AAAATTGTAA TACACTCAAA TGATTATAAA AGTAAAAGTT GGTAATTTAG 180 187 GCAGAAA 配列番号:1195 配列の長さ:187 配列の型:核酸

配列:

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01341 GATCAGGGGG GAAATGGAAT GAGTGAGGCG GGCCAGGGAG CCGCTCAGCT CCAATCTTTG 60
TCACTGTGTG AAATGTGGAC TTGGTATGAC CTGACTGTCC AATTTTCAAG ATGAACCAGA 120
AATCCAGACC NTTATATAAA ATCTCCTGGA TTTTTAAATG TTGGCAATTA ATCAGAATGT 180
TTTTTAAA 187

配列番号:1196 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01342

配列:

GATGACTTAA TTCCTTTCTT ATCTTCCCCC TCACTTCCCT TTCTCCCACC CTCTTTTCCA 60
AGCTGTTTCG TTTGAATATA TTACTGGAAT GAGTTGCAGG NAATGCAGCA NACTTGTTTC 120
NCCTAGATTT GAGTCAAACT CCTGNTCAAA GAATCGGTNG GGCATANAAG AAATNTTCTT 180
NTTAAA 186

配列番号:1197 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01343

配列:

GATCTTTTTA ATGACAGTAC AGACTGAGAT TTGAAGGAAA CATGCACAAA TCTGTAAAAC 60 ATAGACCTTC GCTTTATTTT TGTAAGTATC ACCTGCCACC ATGTTTTGTA ATTTGAGGGT 120 CTTGATTTCA CCATTGTCGG TGAAGAAAAT TTTCAATAAA TATGTATTAC CCGTCTGAAG 180 CTTAAA 186

配列番号:1198 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01344

配列:

GATCTTCAGG TATTTTAAAT TTTAGTTACA TCAATTAATG TAAATNAATC CAAATGCTAA 60 TTTTTGTGGT GCAAGAAGTT TCTTATGTAA ATNCAGGGTA TGGATAAGCT AATTAAGATA 120 TCCATCTTTG GTGGCTCTAA GTGTATTATT TGTNTTTAAA TAAAGTGTAC AAATATAGAT 180 AACAAA 186

配列番号:1199 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01345

配列:

GATCTAAACA CGAGGAAACA TTATTCATTG GAAAAGTGCA TGGTGTGTAT TTNAGGGATT 60

ATNAGCTTCT TTCAAGGGCT AAGGCTGCAG AGATATTTCC TCCAGGAATC GTGTTTCAAT 120
TGTAACCAAG AAATTTCCAT TTGTNCTTCA TGAAAAAAAA CTTCTGGTTT TTTTCATGTG 180
GAAA 184

配列番号:1200 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01346

配列:

配列番号:1201 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01347

配列:

GATCTCTGCT CAGCTTCCCT TGCGTTTTAA GGCCTGCCCT AGCCAGGGTT CCCTCCTGCT 60
TCCAGTACCC TCTCATGGCA TAGGNTGCAA CCCAGCAGAG GGCAGCTAGA TGGACATTC 120
CCCTGCTCGG AAGGGTTNGC CTGCCTGGCT GGGGNGGTCA GTAAACTTTG AATAGTAAGC 180
CAAA 184

配列番号:1202 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01348

配列:

GATCCCCTTT GGTTTTACTA CCCAAATCTA AATAGATACT TTTGATAATA GATAACTGCT 60 CTTTTACTAA GACATAGTCT CTACCTATAG AAATGTATTT TGAAAACACT TATTTTACAC 120 AGCAATTTTG TATCCATTTA AACTAACCTT TTATCAATAA AGCACTATTG TTTAGATATT 180 AAA 183

配列番号:1203 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01349

配列:

GATCTCATTC TCCCTTTTTA TCCTGAGTTA CCATCAGTGC TAATGTTCCT CTTTTGGGTA 60
TAGTTCTCCA GGAGAACTTG TCCTATATTT NTTTGTGTGT GTTTTTTTCC TTCCAGCTTA 120

AACAAATTAA AACTAAATAT CTAAACCTTG TATACAGACA TTAAAATTAG TGAGAGAAAC 180 AAA 配列番号:1204 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01350 配列: GATCTGCTTT TNCTATTTCT CCCAACCAAA TCCTCTTAAA GACCCTTTGC TATGTAGTCT 60 CATGGTCTAG CATGCATCTT GTAGAAACAA GGCATNCTGG CAGATTGCAG GGTTGAGATG 120 TGTTTTATCT GTTTTATATT TTAAAAGATT CTGCCAGAAA ATAAAACCAG ACCTTGTTCT 180 183 AAA 配列番号:1205 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01351 配列: GATCTGAATA GAGAAATGCT TACAGATAAT CATTAGCCCA CATACCAGTA ACTTATACTT 60 AAAGATGGGA TGGAGTTGTA AAGTGCTTTT ATAATACAAT ATAATTGTTA AAGGCAAGGG 120 TTGACTCTTT GTTTTATTTT GACATGGCAT GTCCTGAAAT AAATATTGAT TCAATATGGC 180 183 配列番号:1206 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01352 配列: GATCCTTGGG GGCCAGGGTG AAGGGTATTT TACGGGAACT CTATAAAGCA GGAAGAAGCA 60 AGTITATICT TTAGACCAGT AGCTCTCAAC CATGATGTGG TCGTATATIT ATGGGTCAAC 120 182 AA 配列番号:1207 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01353 配列:

GATCAAAATT GAAGACACAT TCAGAGGTTT GATTGGTTGA GATTAACTGG TGTGGTGGTT 60 GGTGTATGTA TGTTTNATTT TNATGTCTTT GTATGTAGTT CTACATAATG CAAATTGTGC 120 TTTCTGATGG ACAAGACCTC ATAACTGTGA TTAATATCAA TAAAAAGGGG ATGTTGTGGA 180 AA

182

配列番号:1208 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WTMGSC1354

配列:

GATCCGTCAA TCTTGGGTGG AATNATTGTN CGCATTGGCG AGAAATATGT TGACATGTCT 60 GTCAAGACCA AGATTCAGAA GCTGGGCAGG GCTATGCGGG AGATTGTCTA AAAGTGTTGG 120 TTTTCTGCCA TCAGTGAAAA TTCTTAAACT TGGAGCAACA ATAAANAGCT TCCAGAACAG 180 AAA 183

配列番号:1209 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01355

配列:

GATCATGTTA TATTCTATAT CAGACAAACT ATTTTNTTTT GACCTTCTT CCCCTCCATC 60 CAGTATTTCG GTTGATTTCA TTTTCTCCCC TCTCTTCCCC TTCCACGAAC TGCAATACCA 120 GTAACCTTGG TATATATTTT TTGATACTGT ACACATGGAT GTNTTGTTTC TATGTGCAAA 180

配列番号:1210 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01356

配列:

GATCAAAGAT TCTCCCCATC TCACAGACAA GGAAACTNAG GCCAGAGGGA GGAGAGAATT 60 GCTCATGGCT CCANAACTGG TGGCAAGTTT CTCTGGACTC TTAGGTTTAT TTTNAATATG 120 AAATATAAAA NCAGTTTCAA ATATCTNATT GAGGGAGANG TAAAACCTTA TTTAANCAAA 180

配列番号:1211 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01357

配列:

GATCTATAAA ATGGAAGGTG ACCAATGTCA CTGCTTCTAA AATACTGTCC TAAACAACCC 60 AGAAGATTT ATTTCAGCTC ATGAATAGCT GTTCTAAATC TGTTGTATGT TAGACATACT 120 ATGAACTACC TCTTCACTTA TTATGGGGAA GTTTCCTTAA TAAAAGTGTG ACGATTAAA 179

配列番号:1212 配列の長さ:179

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01358

配列:

GATCCAAGAC CAGGGGGTT GGGACGCCT CCTNTCCTAC TTTGGGACGC CCACGTGGCA 60 GACCGTGACC ATCTTTTGG CGGGAGTNCT CACCGCCTCA TTCACCATCT GGAAGAAGAT 120 GGGCTGAGGC CCCCAGCTGC NTTGGACTGT TTTTTNCCNC CATAAATNAN GGCATTTTN 179

配列番号:1213 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01359

配列:

GATCTGAGAT GTTCCTTAAC ATGTAGCCAT GTAATTAGAA CTCACAAGGG GCATTGAAAT 60 NTTTTCCTTT TTCANATAGT CTGGGGCTAT TTACTTATTT NAAGTAAGCC AAGTCTACCA 120 TTTGAAAAAT GGTGCTTTAT TTCCATATCT GANGCCTGAN GTTATTTNNN AGTTTGTN 178

配列番号:1214 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01360

配列:

GATCTGGCAT CCNCAGGCTG CAGCTTTATT AGCTTATAAC TTACTCATCT CTATCTTAC 60
CAGCAGGCTC TGTATTGTTG ATATTTGCAA CTNGNTTTGC TTTCCCATTG GTGGAATTGA 120
AATAATTAGT TTTNAATNAC ATAAGANGCC TGTTTGCTAT TNGGNGGAAG ATAGATGN 178

配列番号:1215 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01361

配列:

GATCAAAGAG GTTATCTCTG CCAGTCACAA GTGTGGCTGG TGTCATTCTG GGTCTGACTG 60 GAGCCCTCCT GGACTGTTTC TTTAATTTCA AAAGCCCTGC AGACATAGTA CCTGGTCAGA 120 ACTATGCCTC GGTTTATTTA TCATTTTGAA ATAAAATCAA AATTTCAACC TGTAAA 176

配列番号:1216 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01362

配列:

GATCAAAACA ATTACCTAAT TGCAAAAGAG AAACTGAAAT GGAACATAGT CTCANATTCT 60

NCTAATGTGT ATCTCACAAT GTCATGTAAT GTAAAGNAAA CCCTTTTGGA ATTAGAATTC 120 TTGTNCTGAA TGCTGAACTA TTTGGTAATA AAGTGCTTAT NTGCAGATAA CAGAAA 176

配列番号:1217 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01363

配列:

GATCTGTGCT GGGGAACAAA GCTTTTGCAG TACCTTATAT TGTAGTTAAA ATTTTATTTA 60 ACATATCCTT CAGTGAGCTC ATTTCACACT GTAGCCTCTT CCTTAAAATT TGTGGTGCTC 120 CTGTAACAGT AAGANCTAAT TCTGAAATAA AAGACATCTC CTAATGCTGT GCAAA 175

配列番号:1218 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01364

配列:

GATCAGGATA ATAATCTGCT TAGTAAGAGA AACAATTTGA ATTTTAGAAG GAAATTGCCT 60
TACCATTTGC AAATTAAGGT AATTAAAATA CAGTGAATTT CAAAATGCCT TTTTAATGAC 120
AATGTGTGAA CTTAATTTGT TTTAATAAAC CAAAATTGTT GTTATTGTGT TAAA 174

配列番号:1219 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01365

配列:

GATCTGAGCA GGCAAAGCTC AAAAGAGAGT TTGGAGGTTA AAAATAATTT ATTTTTGCAG 60
TAGTGTGCTT TGAAATGTGT AAATCTTATT TCTAATGTAT ACAACCACAT TTCACATAAA 120
AATATGCAAT TTATATGCCA GATAAAAATA AAACAAGTGA ATTTGCAAGT GAAA 174

配列番号:1220 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01366

配列:

GATCAACATG ATGGTGACTG GGAAAAAATT ACTTCAAGTA ACATGCTTAG CTTTCCCTCC 60
TTAATGTGAA AAATCAAGGG CTTACTGACA TAGGAACAAC AGAAATGCTC CTGGAACTTC 120
AAGTTGCTGA ATTATAAGTT TATTTTTNAT CAATAAATAT NNNNATACTN AAA 173

配列番号:1221 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01367

配列:

配列番号:1222 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状

クローン名:HUMGS01368

配列:

GATCGNCTCT GAACCATCCC NTTTCTGCTG CCCGGAGCTG GGGAAGCTCG CTGTGGAGCG 60
TCTCGCACGT GGCAGGCAGG CAGAGAACTT GCTGCACCTT CTAGGAAATT GCAATCGATT 120
TGTAATGCAC TTTCGCTAAT TGGGAGTTCA AAATTAAACT TTAATAAAGC AAA 173

配列番号:1223 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01369

配列:

GATCTTAAGA GCAGACTTAA AGTAGCTTTG TACGCCTTAA TGTTCATTTT GATTTATTTT 60
AAATCTTTAC ATTCAGAAAT NAGATACTGT ATTATCAGAC CAGGAGGCAT TGCTGTGAAA 120
GATAATNTCC TATTCTAAAA TATCAAATTT AAAATAAAGA TAATGAAAGA AAACATAAA 179

配列番号:1224 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01370

配列:

GACCCAAAAA TGGTAGCCAC TCACCCTTCA CAAACTGAAG TCCATGGACC ACGGAAGTCG 60
AGAATTAATG TACACCTGTA TCATGTGTAG GAAACCAGAA ATGTGTTCCT TATTTNTTGT 120
TCCCAAACAG GATTAACTGT GAAGACTAAT TTATAAATGT GAACCTAAGA AA 172

配列番号:1225 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01371

配列:

GATCAGCATG AGGACAGAAG GCAGGAGACT TTGGTCAGTT ACCTGGGAAT TCTGGGCTGC 60 CAGGAAACGA TTTGGGCCTC TGTCAGTTTC TTTTCCATGT ATGAGGAGGG GGAAATTTGT 120 ATATTAGAAA CTTATTCATC CCACTCAGGA CAATAAAAAC GAATGTACAA AAAGCCAAA 179

配列番号:1226 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01372

配列:

GATCACAGTG GCCACGNCCA GGCCACAGTC ATGGTGGCCA CGTCCACAGC CACTAATCAG 60
NAGNCCAGGC CACCCTGCCT CTACCCAACC AGGGCCCCGN GGCCTGTTAT GTCAAACTNT 120
CTTGGCTGTG GGNCTAGGGA CTGGGGCCAA ATAAAGTCTC TTCCTCCAAG TNAAA 175

配列番号:1227 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01373

配列:

GATCTTTAAT CTCATGAAGT ACGACAGCTA CAGCCGCTTC TTAAAGTCTG ACTTGTTTTT 60
AAAACACAAG CGAACCGAGG AAGAGGAAGA AGATTTGCCT GATGCTCAAA CTGCAGCTAA 120
AAGAGCTTCC AGAATTTATA ACACATGAGC CCCCAAAAAG CCGGGACTGG CAGCTTTAAG 180
AAGCAAAGGA ATTTCCTCTC AGGACCGTGC CGGGTTTATC ATTGCTTTGT TATTTGTAAG 240
GACTGAAATG TACAAAACCC TTCAATGGGA TGTGTGTTTT ATTAACTGCT TCACCAGTAA 300
ATTTTGCATG ATGGGCTN 318

配列番号:1228 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01374

配列:

GATCTGGAAG AGGCTTGTNA CCTGAACTTC TGTGTGGTGG CAGTACTGTG GCCCACCAGT 60
GTAATCTCCC TGGATTAAGG CATTCTNAAA ANCTTAGGCT TGGCCTCTTT CACAAATNAG 120
GCCACGGCCT AAATAGGAAT NCCCTGGATT GTGGGNANGT GGGCGNAAGT N 171

配列番号:1229 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01375

配列:

GATCTGATGG TTTTAAAAAG AGGAGTTTCC CTGCTCAAGC TCTCTCTT TGCCTGCTGC 60 CATCCATGTA AGATGTGACT TGCTCCTCCT TGCCATCTGC CATGATGTGA GGCTTCCCCA 120 CCCACGTGGA ACTGTAAGTC CAATTAAACC TCTTTCTTT GTAAATTAAA 170 配列番号: 1230 配列の長さ: 170 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS01377 配列: GATCCATGGT GTTAGAAGCC AGGGGAACAG TTAACAGGGG AGGGATACTG GGGAGGGCA 60 TCCTGGAGTG CTGGTCTACC TCATCTGGGT GTTGATTTCA TGAGTATTGT CAGTTTGTTT 120 CCAGACTCCC TGTTGGAGAT GTGGAAATAA AAACCACCTA ANCANGNAAA 170 配列番号: 1231

配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01378

配列:

GATCCATCAC AAAGCGAAGT CATGGGAGAG CCACACTTGA TGGTGGAATA TAAACTTGGT 60
TTACTGTAAT AGTGTGCTGT TCATGGAAAC CGAGGGCTGC ATCTTGTTTA TAGTCATCTT 120
TGTACTGTAA TTTGATGTAC ACAACATTAA AAGTACTGAC ACCTGAGAAA 170

配列番号:1232 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01379

表 新

GATCTGGGAT GGAATATGGT TTTCTTGATT CCCTTTCAGC CTTCATTTCT CTCTCTCAGG 60
ACTACTACTT TTTAATTACT TTTCACTTAA TTTCCCAATA CTGATGAAAT AAAGAAAAAT 120
GAGGGTTATT TATATACATT TCAATAAAAT CCAATTTGAT TTTTCAAA

配列番号:1233 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01380

配列:

GATCTAGAGA ACATAACAAA TGAAACTCTA GAAATTTGAA AGAAAAAAA ACACTTAGCT 60
GTAAGTGCTT TGACCATATT TTTTTAAAAA AAAAAAAACC TGTNTTAATT CTGTGACTGN 120
ATTGNACCCT TCACCAGCAC TANGNGAAGT NGGANTGGAN GAAATTN 167

配列番号:1234 配列の長さ:167 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01381

配列:

GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGAGTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA GTATTCCCTT 60
TTGCTGCCTC TAAAAGGCCT GTCCCTGCAG ACATGAGAGA CAGCAGGTCT CATGGGGGTG 120
ACAAGCTTTT TTTTTTTTN TAAANGATTT TCNAAANNNA ANTNCCN 167

配列番号:1235 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01382

配列:

GATCTTTTGT CTTCCAGTCT TCTCTTAGTG TCCTGCTCCT AGGTTTCCCT CTCTTCTGGT 60
TCTTCTCCCA GGTATTCTCT TCCCAGGCCT CTCTGGCCAC TGCTTTGTAT CAGGGTTTTT 120
CACGCTTTTG TAGAACTGAG GTTTCAATAA ACAGTTTCAG TTGCAAA 167

配列番号:1236 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01383

配列:

GATCCTCCAG CCCACCACCA CATAGTAATC ACTGACACTG TGGGGTGTCT CAGCTGGGGT 60
TCTGCTGTGT GTGTGTGTAT TTNACAAAAT ATGTATGGTT TCTGTTCAGC TCTTTTCAGT 120
TAACAGATGA ACTGNNNNTA TCATTAAATA TTTTTGAAAA CATGAAA 167

配列番号:1237 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01384

配列:

GATCCATCAG TAATGTAGCT AGCTGTAGAG CTTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
GCCATGTNAA GTAACAAACT GGTTTTTGGT TTTTTTTTC CCCTTCAGTT TAAATGTNAT 120
GTGXAATGTA TTAAAACCCT TATTTAAATA AANCTTGTTT TCAGAAATAA A 171

配列番号:1238 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01385

配列:

GATCTGGGGT TGGGTCATGA CACCAGCTAC CAATTTNAGA ATATTATTCC TNGGTTTCTT 60
TATGAAAAAT GGGTGCTAGT GGTAATTCCT TNGTGGCTTA GTAAACTACT CTNTGGATGA 120

166 TTTCCAAACA TTCAAAGCCA ATAGCCTNGT NATNAACAAG ANATTN 配列番号:1239 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:HUNGSC1385 GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGGTCTACCT TCTGCTTCCC 60 TGGAAAGGAT GAATTTACAT CATTTGACAA GCCTATTTTC AAGTTATTTG TTGTTTGTTT 120 GCTTGTTTTT GTTTTTGCAG CTAAAATAAA AATTTCAAAT ACAAA 配列番号:1240 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS01387 配列: GATCTGTCTG TGTTGTTATA TATTCTTTTA TGCATACTTA AAGTTAAAGG GTTTTATCCA 60 CTGTCATTTC AATTGGATAA CATTTTGTCA AGTTTTTTTT TCCTGATTAT TTGATGTAGC 120 165 TGGATTCAAG AATGGATTGC CTNATCAATA AAGAATATTT AGAAA 配列番号:1241 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01388 GATCCTATTT TGGGCCTGGG GTGGGTATAC CTGNGGCTGG TCTTAGGAGG GTGCTAGGCT 60 GCAGACTGCC TTGTACTCCC TGGACACCCT CAAATGGGGT TTTCTGTGTT ATTTCATAAA 120 ATTCTTTGAA GTCCAATAAA GCATGTAGGA GATTTTAACC ACTAAA 配列番号:1242 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01389 配列: GATCAAAGGN CAAAAGACCA AAAATCAGCG GGCTGAGGAT GGAGCACAGC CATGAACCTG 60

配列番号:1243 配列の長さ:163 配列の型:核酸

CTCACGACAA GACGCACCCA TGCTTCTCAG GGTCAAGGCT TTATGTTAAA GCTTCCTGTC 120

GGGGCTGCTA GGTCAGCATT AAAGTAAGGC AACCAACAGT NAAA

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01390

配列:

GATCTGCTCA GTAATATAAT TTGCCATTTT TATTAGAAAT TTAATTTCTT CATGTGATGT 60 CATGAAACTG TACATACTGC AGTGTGAATT TTTTTGTTTT GTTTTTAAT CTTTTAGTGT 120 TTACTTCCTG CAGTGAATTT GAATAAATGA GAAAAAATGC AAA 163

配列番号:1244 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01391

配列:

GATCTGGATT TGCTTTACCT TGTTAATATT ATCTAGGGGA AAAAGTGCAA ATTGCTCCAT 60 GTTCTTCTCT CCCTTATGTA ACATCTCCTG AGGGTGTTTA GTTGCATGGC TGTTCAGAAA 120 GGTATTAAGG GCTTAGGCCA AATCTTACTT TGAGTATGTT AAA 163

配列番号:1245 配列の長さ:162 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01392

配列·

GATCGTCAAA AAGAGAACCA AGAAATTCAT CCGGCACCAG TCAGACCGAT ATGTCAAAAT 60 CAAGCGTAAC TGGTGGAAAC CCAGAGGCAT TGACAACAGG GTTCATAGAA GGTTCAAGGG 120 CCAGGTCTTG ATATGATGCC CAGCATTGGT TATAGGNGCA AA 162

配列番号:1246 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01393

配列:

GATCTGGAAG TGAACACAGT TTATGTACAG GGAAAAGGAT TTTATTATCC TTAGGAATGT 60 CATCCAAGAC GTAGAGCTTG AATGTGACGT TATTTAAAAA CAACAACAAA GAAGGCAGAG 120 CCAJGATATA ACTAGAAAAA GGATGTCTTT TTTTTTTTT TNNCNCCCCC TNTAANCNCT 180 GNTGCTGCCT NANTTTN 197

配列番号:1247 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01394

配列:

GATCTCAATG CCAATCCTCC ATTCTTCCTC TCCAGATATT TTTGGGAGTG ACAAACATTC 60

TCTCATCCTA CTTAGCCTAC CTAGATTTCT CATGACGAGT TAATGCATGT CCGTGGTTGG 120 GTGCACCTGT AGTTCTGTTT ATTGGTCAGT GGAAATGAAA 160 配列番号:1248

配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01395

配列:

GATCTGAAAA TCGACCTCAA CTCAAGGGTG GTCAGCTCAA TGCTACACAG AGCACGGACT 60
TTTGGATTCT TTGCAGTACT TTGAATTTAT TTTTCTACCT ATATATGTTT TATATGCTGC 120
TGGTGCTCCA TTAAAGTTTT ACTCTGTGTT GCACTATAAA 160

配列番号:1249 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01396

配列:

GATCTGCATG ACCTATAATC TTTGAACCAC TTTCGTACCT CATGTTTTTA TCCAGCACTC 60
TTATTGTAAT ATGTACTAGT CTGTGAACAA TGTCAAATAA AAGAGAACGA ACAGGTAGTT 120
TGGTGGAGCT GAGCTAGTGT ACAATACACT AGTTGTAAA 159

配列番号:1250 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01397

配列:

GATCTTGGAA TTCTTGTNTG GATTTNCACA GTTTTTAAAA TTAATCATGT CAGCCCAATG 60 CAGCTGTGTC ATTGCCACCT AGTGGTAAAA CTAACATTAC TGTTAAGCTG TGTGATTTTA 120 AACTTGAATC CCCAGTAAAN GGTTCACTGT TCTGTGAAA 159

配列番号:1251 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01398

配列:

GATCCCTCTG AGAGTTGATG AGGATGTGTA ACAAGTATTT NCTTCTATNG TGCCTGCCAG 60 GGCTGAAGCT GCCTGGTATC CAGGAGGGGA ATGCTGGTAT CCCCATATGN CTGTNTTTGT 120 TTGAGATTTT TAATAAAA TAATAAAATTT TTGAAGAAA 159

配列番号:1252 配列の長さ:158

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01400

配列:

GATCCTATTC TTGTAAAAAT ATTTGTATGT ATGCACAGAA ATCTGCAAAG ATGTACACTT 60
AGTGAACTGG TTACCAACGA ATGGTGGGAC TAACTAAAAT GGTCTTTTTA CTTATATGTG 120
CATTCTTT TATAATAAAA ATGGGTTATA TGCCTAAA 158

配列番号: 1253 配列の長さ: 158 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01401

配列:

GATCTGCCCT GTGTTATCCA GTTATGAGAT AAAAAATGAA TATAAGAGTG CTTGTCATTA 60
TAAAAGTTTC CTTTTTATT CTCTCAAGCC ACCAGCTGCC AGCCACCAGC AGCCAGCTGC 120
CAGCCTAGCT TTTNCCCNTT TTTTTTTTT NNNCNNTN 158

配列番号:1254 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01402

配列:

GATCTCAATC TTCGGGGTGT GATGAATAGC GAATCATCTC AAATCCTTGA GCACTCAGTC 60
TAGTGAAGAT GTTGTCATTA TGTACAATAC ATAACTAGTT TAATTAACTA TGTGATGTTA 120
ACTATTATTA ATAAATTTTA ACATTTTCCA AAATAAA 157

配列番号:1255 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01403

配列:

GATCCGGATG NGGGGAGCTC TGTACAGAGG GCTGGTGATT GTAAAAATTT CTTTTGTAAA 60 GTAGAAGTTG GGGGTGGGGT GGGTGCTGGC TGCAAAAATT TCTGGCTTCT CTTACCCCTA 120 TTGCCCCCGG CAATAAATTG TTTCTATATG CCAGAAA 157

配列番号:1256 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:EUMGS01404

配列:

GATCTTATTT GGAATTGACA TTCTCTATTG TAATTTTNTT CCTGTTTATT TTTAAATTTN 60

CTTTTTGTTT CACTGGAAAG GAAAGATGAT GCTCAGTTTT AAACGTTAAA AGTGTACAAG 120 TTGCTTTGTT ACAATAAAAC TAAATGTGTA CACAAAGAAA 配列番号:1257 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS01405 配列: GATCTTTGTN CTTGACCTCT AGACCCCAAG ATGTGAACAG TGCACGTTTT AATGTCATCT 60 TTNCTCATGT GTTATAAGCC CCAAGTTGCT GTATATTTNC ACAAGTATGT CTACACACTG 120 GTCATGATTT TNATAATAAA TAACGATAAA TCGAAA 156 配列番号:1258 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01406 配列: GATCTTGCTC TGATTATAAT GCCAGTGAAT GTTGCTGAAC TCTTTGTATA TGCAAATTGC 60 AAGATTTAAA CCATTCTGAT GCAAGGATAA ACCTTTACTT TGACTACCAG CCTGTGTTTT 120 155 TGTCTTTAAA TCTCTTAATT TCATTCCTCT GCAAA 配列番号:1259 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01407 配列: GATCTGCACT CCCACTCCCC CCACACTTCC CAAAGTGCTG GGATTACAGG CATAAGCCAC 60 AAGCCACCTC ACCCAGCCAA CATGTTACAT CTTAATTCTT GGATTTTCTT CACTGCAGGG 120 155 CTTTGGGTGG AGAAATAAAA CTCTTCAAAT GCAAA 配列番号:1260 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01408 配列: GATCTGGGAG TGCTGGACGT CATCTTCCAC CNCACCCAGC CGTGGGTCTT CTCCTCGGGG 60

配列番号:1261 配列の長さ:158

GTGCTGAAGT CAACAGAGCC TTTACCCTGT GCAAA

155

GCAGACGGGA CTGTCCGCCT CTTCACCTAG CTGTTCTGCC TGCCTGGGGC TGGGGTGGTC 120

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01409

配列:

GATCTTGGAG GCCAGCCAGC TGAAGGAGAC ACTGCAGGCG GTGCCCAAGC CAGGGGCCTT 60
TGACCTGGAG CAGGTGAAGC GTTCCACCTA CTTNTTCAGC TGACACCCCG TGAGCCTTGT 120
CAGTGTGTAA ATAAAGCTCT TTTGCCACCC CCAGGAAA 158

配列番号:1262 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01410

配列:

GATCCATCAT NGATGTAAAA GTTCACAATC ATGGTTCAAA TGTAACAGTG CAGAATTGAA 60 TATGGAGGCA TGCATAACCT TCCTCTTAGA AAATGGCAGG TGTTGTAATT TCAAATTTTT 120 GTGCAATTAG ATTAAATCAT AATGCAACAA A 151

配列番号:1263 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01411

配列:

GATCTGATGG GTTTATCAGG GGTTTCCACT TTTGTTTCTT CATTTTCTCT TGCCACCAGC 60
ATGTAAGAAG TGCCTTTGGT CTCCTACCAT GATTCTGAGG CCTCCCTAGC CATGTGGAAC 120
TGTAAGGCCA ATTAAACCTC TTTTTCTTCC CAAA 154

配列番号:1264 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01412

配列:

GATCAGCACC TTGTATAGGA ATTCCCATGA ATTATGACTT CTCATTCTGT TTTATCAGAG 60
TGCATATATG TCCTACTTCA GGAAAAGTAA AACAGTCATT TACGAAAGAA AGTCAATCTG 120
TATCCTAAGC ATTTTAATAA AAAGTTAAAA CAAA 154

配列番号:1265 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01413

配列:

GATCCTGGCC TGAGAATTGA GGGGAGGTGG CCAGCCCGCA GAGGTGGGGT GCTGGGGCTG 60

•			
CATGATTTIN GCCCTGCGTC CCTTCTCTTT GGGGCTCCTTCGCTTCAAA TTAAAATCGC TGTTTTCTGG AAA	TCCCCTCTCA	TACATAAAAT	120 153
配列番号: 1266			
配列の長さ:163			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS01414			
のローン名:NondSVI4I4 配列:			
	T CCACATCCTA		60
GATCCGAGTG AAGCCCCCAGG TCTCANAGAG CAAGCTGTA			
CTGGGGCTTC AAGAACCTCC CATCTATCCC CATTCCTGA		ACAGICCCII	
TTTGGCCCTC ACATNCAATA AANGTGACTG ATANCACTG	J, AAA		163
配列番号:1267			
配列の長さ:153		•	
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS01415			
配列:			
GATCTGGCAA CACGTTTTNN TTGGAATATT TGTGTTTTC	T TGAGGAGGTA	TAATTACTGT	60
ATCCTAGGTG TGAATTTTTG AGTGCAGATG CACATTTTA			
TAATGTTTTT NGGCTGAAAA TATAAAANNA AAN			153
			•
配列番号:1268		•	
配列の長さ:152			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			•
クローン名: HUMGS01416			
配列:			
GATCATAAAT CAAGGAATGC TGACAGCCAC TAAAGCTGG			
CAATCCTCCC GTAGAAGTAC AGCCCTGCTA ATGCATTGA	T TTTGGACTTC	TGGCCTCAGA	
ACTGTAAGAG AATAAATTTC TATTGTTTTA AA			152
配列番号:1269			
配列の長さ:152			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS01417			
配列:		•	
GATCAGACCA ACAGTGCTGT TTCCCGGGAG GAACACTTT	T TNATTNTTAC	CCTTTGCAGC	60
TCCCACCTTT AATCTGTTTT ATACCTTGCT TATTAAATN			

配列番号:1270 配列の長さ:156

ATGCTGNCTT AGTAGCAACT AAAATGTGNC TN

152

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01418

配列:

GATCCCCCCT ACCCACCCCA GTCCCAAATC CAGTCCTCTG GCCCTTGCCT AGCCCTGAAT 60
TGCTTCTCTA AGCTGGTGTT CCCATGCACA GGGCCATTCA GGAAGGGCTG GGGGAGTGTG 120
TGTGGCAATA AAGCTTGAAG GCACCGTGGG AGCAAA 156

配列番号:1271 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS01419

配列:

GATCCTCTTC TCTCCAAATG TTAGCCATCC TGAAGTAGCC GAACAGTAGA AACTTTGGTG 60 GGGATTAACC GGGAGCTTGA AAATTTGTNT TTGGTAACCT GATACTGGAC AGCTGAACTG 120 AATGGCTGCA AAATAAATAC CTCACATGAA A 151

配列番号:1272 配列の長さ:93 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01420

配列:

GATCCTGGAG GACCCTGGGC CCCAGGCCAG CTCCCATCGC TGGGGGACGG TGAACGGCCA 60
TGTGTTAATG TTACGATGTT TTTAAAAGAC AAA 93

配列番号:1273 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01421

配列:

GATCCCCTTT GTCAGTGGGG AAACCAAGGC AGAGCTGAGG GGACAGGAG GAGCAGAAGC 60 CATCAAGATG GTCAAAGGGC CTGCAGAGGG AGATGTGGCC CTTCCTCCCC CTCATTGAGG 120 ACTTAATAAA TTGGATTNAT GACACCAAA 149

配列番号:1274 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01422

配列:

GATCTCAACG TGCTGATATG GAAAGTGCTT CAGAATGTAT TAAGGACATA AATTAAGTGT 60 ACAATAATGT GTGTGTGTT ATATATGTAT ATGCTTACGT GTGTATGGAA AGTATCTCAG 120

CAGATACAAT AAAAACTTAA	TTGTGATTAA	A			151
配列番号:1275		•			
配列の長さ:149					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0142	3				
配列:					
GATCCTCCCT CTATTTTGCA	AACAGTCTGT	AAGTAACTNA	TAAAACTTTA	AAATATGCAA	60
ATTTTAAAAT TATATAGTTT					
ATGAATAAAG GCTTTTTTAA					149
配列番号:1276			-		
配列の長さ:254					-
配列の型:核酸			·		•
トポロジー:直鎖状	•				
クローン名:HUMGS0142	24				
配列:					
GATCCTACTC CTTTGGAGTA					
GTTGGAATTT GAAAAAAAA					
TTCCCTGACT ATTCAGGTG					
ACTGATGTTA CTGGTCACC	r tagagaatta	TTTCATAGTC	TGTGGCTAAA	TAGTAAATTC	
AGANGAAAAA TAAA					254
配列番号:1277		·			
配列の長さ:148	•				
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS014	26				
配列:					
GATCCTACTG TTGAGTTAG	G AAAATATGGT	TAGACAGACT	CACATTACTI	TITTICAGAG	60
GTAAACTCTA GATTACTGT		ACTATTTGGC	CATAGATGTA	AAAAUTACCA	
AATAAAAGTG GATTTTGTG	G TCTACAAA				148
配列番号:1278					
配列の長さ:148					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS014	.27				
配列:		- maamma.pm		1 ብሊተምሞሊመስስው <i>1</i>	
GATCCACAGT GGAGTCTCA	G TAATTATAT	C TCCTTGATT	r cticatitne	JULIUTGUTA	1 60
TAAAAGTAGA GATAATGTO		r catitagtg	A ACCAATTUT!	N ATANTICITE	1 120
AAATCTNTTN TCTTTAAGT	'G TAAATANN				148

配列番号:1279

配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01428

配列:

GATCCCAATC AGATTCCCGC TAATGGAAGA AGTTTAGAAT CTTTCAGGTG GAATAAAGTC 60
ACATGAAAAC AAAACACAAC TATATATATT TCCAGTTTTT TTGCCTTATT GATTTTTNC 120
CAAA 124

配列番号:1280 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01429

配列:

GATCTTTGGG GAGATACATC TTATAGAGTT AGAAATAGAA TCTGAATTTC TAAAGGGAGA 60
TTCTGGCTTG GGAAGTACAT GTAGGAGTTA ATCCCTGTGT AGACTGTTGT AAAGAAACTG 120
TTGAAAATAA AGAGAAGCAA TGTGAAA 147

配列番号:1281 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01430

配列:

GATCCTGACA CTAAGGAATG CTGAAGCTTT GGACTTCGGC AGTCTTCCAC CTTCAGTCAT 60 CAGCTACAGT TGGAATGAAT TTNAAAAACGC TCGGGACCTG TTAATNTNTC CTGTAGNCTG 120 TATTATNTNA AAAATCTGGG CAACAAA 147

配列番号:1282 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01431

配列:

GATCTCGCTC CCCCCTTCGG TTCTTTCGAC CGGTCCCCCC TCCCTTTTTT GTTCTGTTTT 60
GTTTTGTTTT GCTACGAGTC CACATTCCTG TTTGTAATCC TTGGTTCGCC CGGTTTTCTG 120
TTTTCAGTAA AGTCTCGTTA CGCCAAA 147

配列番号:1283 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01432

145

GATCTCAGTT CCTGGCTTTC CCCCCAGCCT TCTCACCCTT TGTGTCTGTG TAGTGATTTG 60
GTGAGAAATC GTTGCTGACC CTTCCCCAGA CCATTTATGA GTCNAAGTTT ATTATTCAAT 120
AAAAGTGCTN TATGCGCTTT CTCAAA 146
配列番号:1284
配列の長さ:146
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUNGS01433
配列: GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60
GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60 TTGAAGÂTTC ACTCATGTTG CATGCATCTN TAGCTTGTNC CTTTTTAATT CCTAGTAGAT 120
TCTGTCATAT GCCTATCTNC AATTNN 4 146
TOTAL GOOD ACTION 140
配列番号:1285
配列の長さ:167
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01434
配列:
GATCCCCATG CTAAGAAAAT GCCCAAAAAA ATAGGCAAAA CACGAGAAGA GCTAGGGTAA 60
GAGAAGGACG TAAACAGAAC CTGACACCAG CTCCTTTTCC TTCTATACAT TATTTAATAC 120
CTATTAAATA AAATNATTTT TGGAATAAAG CTTGTGGGAA CATTAAA 167
配列番号:1286
配列の長さ:179
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01435
配列:
GATCAAAAAG GCTTATAAAA CAGAGTAATC TTGTTGGTTC ACNCTTGNGA CCGTGAAGAT 60
ACTITICIANT GICCIATIAG IGITATATON ACAINCAAAI GCAICITNCA IGIGIIGITC 120 TIGGCAACAA ATTITIGAAAA GIAATATITA ITAAAINTIT ITGIAIGCAA ACAIGCAAA 179
TTGGCAACAA ATTTTGAAAA GTAATATTTA TTAAATNTTT TTGTATGCAA ACATGCAAA 179
配列番号:1287
配列の長さ:145
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01436
配列:
GATCCGATGG GAGTGTAAAT GTGAGACACA ATGTCTTGAT TATACCTGTT TGTGGTTTAG 60

配列番号: 1288

ATNAAAATAT TTATTGCCAG GCAAA

CTTTGTATTT AAATAAGGAA ATAAACTTGA AAATNATTTG TCATCATAAA AATGAAACAA 120

配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01437

配列:

GATCAGGGCA TGCAACCAAA AGCAGCTTAA ATGAAATATT TTAAAATAAA ATATCAGGAA 60 GCTATTTTA GATTTCTNCT GGCTTATGTT TCTACTTTAG GACCCTCATT GTNCTCTTAT 120 TAAAAAAAAT TATTTCCTGT GCAAA 145

配列番号:1289 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01438

配列:

GATCAGATTT TTTTTGTACC TACGTAAGAG TACTTGAAGT TTTATTTAAA ATAAAATGTT 60 GTGGAAAAGG TAGCATTCTT TTTTTAGGAG TGTTATTTTT CACTATGTGT GGCACGGATA 120 CAATAAAAGA CTTTTACAAA CTAAA 145

配列番号:1290 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01439

配列:

GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60 GCCATTTTT TTTTTGTNCA AATGATTAA ATNATTGGAA TNCACAATTT TTTAAATATN 120 CAAATAAAAN GTTTAAAACC TTAAA 145

配列番号:1291 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:RUMGS01440

配列:

GATCAGGAAT TCTAAATAAA TTTCCCAGTT AAAGATTATT GTGACTTCAC TGTATATAAA 60 CATATTTTTA TACTTTATTG AAAGGGGACA CCTGTACATT CTTCCATCAT CACTGTAAAG 120 ACAAATAAAT GATTATATTN ACAAA 145

配列番号:1292 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01441

GATCTGCCAG CACCCTGTGG GGCCCAGACT ACAGGCTGAT GGCGGAGGCT TCGAGTGACC 60 CGGGTGCCGA GGAGCGGGAA GAGTTGCTGG GGTAAGGGTC TGCGGCGACG CCGGCGCCCT 120 GTGCCGTGTC CACGGGTGCA TAAA 144 配列番号:1293 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01442 GATCTAAATA TTTTNNAGCT GAGTTATTAG GGAGTCATTA TTCTGTGGTA CAATGCTGCA 60 AAAAGCATCA TGTGGAAGAA TGGGAACTAT GCTTACTTTA TGAAGTGATG TATAACACAA 120 TGAAATCTGT TTTACAACTA CAAA 配列番号:1294 配列の長さ:372 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01443 GATCTTGGTA GTATCCCTGG CTGCTAAGCC TATGGCAGGG GTGGTCCTTT CTACATTCCC 60 ATTCACTTAA CAGCTCTTTT GGGATTGGGT GTTTCATTCC ATTTCTGCCC ACTCCCTCTC 120 CTCTCCTCTC TGGTAGGTTT AATTTTATGC TTTCCCTGAT TCCAGCTTTC TGCTTCCTGA 180 GGACTCCCGC TCCCNCCACC CCAAAGTTTG TCTGTGGGTG TTATAGTGGT AACTGCAGTT 240 CCCTCCTCTG GGAATNGTAG GCTGTAATAG GNTTAATAAA CTCNACNTNC TCTAATCNTT 300 GCTNAAAANG TGGGGGTAAN GGGGATGGCN TTGNCCCNGG GTGGGAAANT TAAANNTGGT 360 372 GTTTANGGNA AA 配列番号:1295 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS01444 配列: GATCTTCTCT GTGGGGGAAA AGGAAGAGG GGGTCTTGTT CTCCCANTNT GTTTATTCTT 60 TGGGCTCTGG GAACAGGGGA CTACTTTGGG GCTTTCTCCA ATNCTNTTGT ATGNTGTTAT 120 145 TAAAAGCGAG CTATTGCATT TCAAA 配列番号:1296 配列の長さ:141

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01445

配列:

GATCTTATAT CCTGTGACCT GTCTAAATTC AATCTGTTAG TTTTATCATT TTTTAAAAAA 60

ATGTCCGTGT GTGTCTTCCT TGAGATTTTC TACATTATCA TGTCATCTGC ANATAAAGAC 120 ATTTACTTCT TTCTTTCCAA A 141	
配列番号:1297	
配列の長さ:141	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01446	
配列:	n
GATCCAGTTG TACTAAGGTG TACAGGATAT TTGCAGATAT AGGTTAACTG AATGAAGCAT 60 ATTAATAACT GCATTTNCCT AACTTTGAAA AATTTTNCAA ATGTCTAGGT GATTTAAAAA 120	_
ATTAATAACT GCATTINCCT AACTIIGAAA AATTIINCAA AIGICIAGGI GATTIAAAAA 141 ATGAGATTGG GCTATTGCAA A 141	
AIUAUAIIUU UCIAIIUCAA A	
配列番号:1298	
配列の長さ:140	•
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01447	
配列:	_
GATCTAAAAT AGATATGTTG GATTGATATT CTCACGTGTT CGGTGTGGAA AACAAAACAA	-
GTACATGCTT TAGAAGCAAC AACAATGAAA TCCTTTTGAA ATNTGTGTTA ATATCGTTTA 120	
NTAAAATACC TAGTTTGAAA 14	u
配列番号:1299	
配列の長さ:140	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01448	
配列:	
UNICOMINAN AUGUSTOCC ARACCITATI II GOMENTO COMBETTATO TOMOSTOCCE	0
GGAAGGCCTT TATCAGATTC ATAGATGAGC TTTCATTGTA AAAATAAATG TACTTTGCAC 12	
CACTTCATGA TGGAGGGAAA 14	tU
配列番号:1300	
配列の長さ:140	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01449	
配列:	
GATCTGAGGT TTTTAGATTT TAAATATTTA TGTGGAATTA ATTAAAGGTA GTTGGCTATA	60

配列番号:1301 配列の長さ:139

AATTGTTAAA AGTTTTTAAA

TCGCTATCAT TTCATTCTTT TGACATTATT TGAATATTTT ACTGGAAAAT AAGACTAATA 120

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01450

配列:

GATCTTCACA AAGTTGTCTT TTCACTGTGT TTTGTCAACG TGAAATTAAA TTGTAGTTAT 60 AAGCAAAAGT TGGTTGCCTA GGGAACAATT GTATATNCAG TTTAACAGAA ATAAAAGAAT 120 ATTTGTCTTA AGATGCAAA 139

配列番号:1302 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01451

配列:

GATCGNCACA TTTCCCAAAA ATAATAAAAA AATCACTAAC CTTTTTTAAG GAAAATATTT 60 AAAAGTTTTAC AAAATTCAAT ATTGCAATNA TCAATGTAAA GTACATTNA NTGCCTTATN 120 AAAACTTTCC CAATTAAA 138

配列番号:1303 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01452

配列:

GATCATTTTT TCGGTCTCCG AGGTGAAATG ACTTATTAAT TAAAATTTGT AAACTCACAT 60 ATGCATATTG TATATGTGTA GAAATGTAAT CACACTTTGT CTTGGAATTA CATTAAACTG 120 TTTGAAATCA CTGTAAA 137

配列番号:1304 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01453

配列:

GATCTTTTTG TGATTGCTTT CCCGTCTCTA AGTAGTATTC TGTTGTGTCT AGAGAACTGA 60 TTTTTTCCTA CATACGCAAA TTGTACATTT GTAAGTGAAA ATNTCAATAC ATTAAAAGCA 120 TTANCCTAAA ANCAAA 136

配列番号:1305 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01454

配列:

GATCAGCTGG GTTTTGGCCA GGAAGTTGTC TTTGTGGACT CTGCCTGCAT GGCTTAGTAG 60

TTGAAGGAAA TTTATTGACT	TTTTTTTTG GTTAAA	GTTTTGTTTT	TTATAATTCA	GTTTAATCAA	TAAACATGTA	120 136
配列番号:	1306					
配列の長さ					•	
配列の型:	核酸					
トポロジー	: 直鎖状	•				
クローン名	: HUNGS01455	5				
配列:						
GATCCCTTTA	TGAGTTTTGC	TATTTTGGCA	TGCTACATGT	AAGTTTTGCT	TAATGTTTTT	6 0
ATGTAAAGCA	TCTTCCTCCT	TTTACTTCTT	TTATTGTGAT	AAAACTCATA	TAAAATTGAC	120
CGTTTTGAAG	TGTAAA					136
		>	-			
配列番号:						:
配列の長さ						
配列の型:						,
トポロジー	:	2				
シローノ石 配列:	: nunusu1450	0				
	CGACCCTCAC	TACCCCTGAG	ልጥልጥጥል ሮሞጥር	ሮሮል ፎሮሮሮፕሮፕ	ተተተ ዮሮር ልር ልር	60
	TCTCTGCTTC					
AATGATGAAT		OII MUI OUGH	MULATITION	normironani		136
配列番号:	1308					
配列の長さ	: 135					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
	: HUMGS0145	7				
配列:		<u>.</u>				
	ATATTAAATA					
	GACCCAAGCA	TTTCAGATAA	GGGACCAGAA	TTATTAGATT	AAATAAGGTA	
TATTATTAAG	TTAAA					135
配列番号:	1309					
配列の長さ						
配列の型:		•				
トポロジー					•	
クローン名	: HUMGS0145	8				
配列:			•			
GATCAGGCCA	AGAGGTTGCA	CAGGGCATGA	TACTGCACCC	TGCCTGACCC	AGCTGGGCTC	60
ACAGGTCAGG	GGAGAGTTGG	GGCAGGTGAA	TGTCAGCATC	AGGCTTCTNN	TTTTAAACTT	120

配列番号:1310 配列の長さ:135

TTAAANAAAT ACAAA

135

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01459

配列:

GATCCTGCCT CAAAAAAAAC AAAAAAATTC TTTATTTTCT CCATAAACTA CAGTTTATAT 60
AAGCAAAAGT TTCAGTACTA AGCAATTTNA GTCTCTGCAG TCTCTNGTNT TGANTTAATA 120
CAACTTTNGT NAATN 135

配列番号:1311 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01460

配列:

GATCTACCTG TGGCCCGGCC TCCCTAATGT NATTCACATT GAATGGGGAT GAGGTCGGAC 60
AGTGGCTCAT AGAGCGAGTA TGAGCCCTAG CTGTGGGCTA GAAATNTCCT TAATAAACAT 120
CCTTATTTTC NTNTTTAAA 139

配列番号:1312 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01461

配列:

GATCCTAGTA TGTTGATAGC TTTNATTTTG TGAGTGGTTT ACTAGTCATT TATTATGATT 60 CCCATGANCT CTGATATGAT TCATTGTGGT TTTAACTCAG GTTGAATAAA AGCATCCATT 120 TCTTTTATAG GAAA 134

配列番号:1313 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01462

配列:

GATCTCAAGG TTGATAGTGG TGTTCACTAG GAGACGTGGA ATTGAGACTA ATAACTTGGA 60
TGTTAACACT GTTTACTGTT TTTTCACATG TAGAAATGTT CTTTGTGTAT TTTTCTACA 120
GAGGATTTTC TCTGATTTA TTTTCTTTGT TTCTGACTCT AATAATTAGT TGGAAACTCA 180
TATAAAATGA GCTTTCCTAA ATTAAATCTA TTTTAAATAA AGGTTATTAC TATTAAA 237

配列番号:1314 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01463

GATCTATAGG TTTATTAGAA	NCCTNACCAC	AGNATCCAGA	TTATCTTCAG	TATTCTNTCA	60
GTACAGCTCT CTGCAGCTTA					120
TGGNCACTGT ATAN					134
•					
配列番号:1315					
配列の長さ:133					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS01464	ł				
配列: GATCAGAAAA TCCCTCTGAC	ለ ጥ ጥጥር ለርጥር	CCCCAAAGA	ሶስፕዮ ዮሮ፻ፕሮል	Δ C ΔΤΤ C Τ G TΔ	60
TGGAAAAGAG CCCTGGAGCA					
TGGCTCTCCC AAA	JONGGITOCC		O COM LITTURE.	4.100.4101	133
Iddo to tooo taat					
配列番号:1316					•
配列の長さ:132					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS01460	6				
配列:	CONTROL D	• mmmmmmm.	7777 A A 7777 A 7	OWA 1 W 1 W 1 W 1	60
GATCTAGCTG GCTGTAGTAT					60 120
TAAGGAAGGG GTTTGGATAT CATCTCTTTA AA	ATTAAAATAG	GIGITAATTI	INICIALLIA	CCANTAAATT	132
CRICICITIA AA					102
配列番号:1317					
配列の長さ:130					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0146	7				
配列:					
GATCCAGCCA TTCCTGAAGC					60
CCACAGAGTG CCATCCCTGA	GAGACCAGAC	CUTTUCCCAA	TACTUTUUTA	AAAIAAACAI	130
GAAGCACAAA					130
配列番号:1318					•
配列の長さ:139					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0146	8				
配列:					
GATCTAAAAG CCAACTTTTT					
TTATNTTTTT AAATNTAAGC	TATTTAAAA :	TCTGTNCTNT	BATAAATAA	AAAATGTGGT	
CCACTGCAAA					130

配列番号:1319

配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01469

配列:

GATCCCCTGC TCCTGTTGTG TTCTGTTGTA AATCATTTGG CGAGACTGTA TTTTAGTAAC 60
TGCTGCCTAA CTTCCCTGTG TTCTATTTGA GAGGCGCCTG TCTGGATAAA GTTGTCTTGA 120
AATTTCAAA 129

配列番号:1320 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01470

配列:

GATCAGAATT TTTAAAGCAG AATTTTGTCA AAAGGGTCAT TTTTTTGTCT ACCCCTTTTA 60 CACTTTTCAG ATTCTCAAAG TGTCTCATCT CAACTTTTAA AAGAATAAAG AATATCTTGC 120 TGGGCAAA 128

配列番号:1321 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01471

配列:

GATCCTTGTC AGATGAAAAT GGATTCACAG CTCTGGCAGT TCCCAATGTC TGGGGAGGGG 60
TATAGGTTTG AAAGGCTGTT TGAAAGAGGA ATGTTTAATA AAGGCTTTGA TTTAATCTTG 120
AAAAGAAA 128

配列番号:1322 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01472

配列:

GATCTCGAAG TNACTCCGGG CTGAGCAGTG GGGCGGCTGG GGGAGGGGTG ACGATTCTCC 60
TCAGGCTTTG GCCCTGCAAG CAAACCCACA TATCTNCTCT GTATGTAATA AATNTNTTAA 120
CGTCGAAA 128

GATCCTGAAG CNGCACTTAC CTNTGAANAG TCTTCAAACT TTTAAACCTT GCCAGTNAGG 60 ACTITINCTA TIGCAAATAG AAAACCCAAC TCAACCIGCI TAAGCAGAAA ATAAATITAT 120 TGATTCAAA 配列番号:1324 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01474 GATCTGTGAA GTTATTTTGT AAGGACATAC ATTTGGTAAG TAAGTTTGTG TCCCAGGAAA 60 TGTATGTNTT TTTAAACCCT TTCTAAATAT GCAGGCCATT AATAAATAAG ATTGTTTCTT 120 CCCTAAA 配列番号:1325 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01475 GATCAGAGAG ATTTTTNTTT TAAACTACCA TGGTCCCAGG ATTCCATCCT GAAATNAATT 60 TTCCTTTGTA TGAATATGTG TAAATAATTT AAAAATAAAA CTGTAAAANA TTTGTNCGAA 120 127 GAATAAA 配列番号:1326 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01476 GATCCCCCTT CATTTGATGT TTGGAAAATN CCAGTAATTA TCATTTTTGC AACGAATATG 60 GATACCACAT AGTACTTTGG TGTTACCTGC TTTTGAAAAA TAAAGTCTTT GGTTCACCCG 120 137 GTGAACTATT TATGAAA 配列番号:1327 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01477 配列: GATCCTCAGC CTCCCAGTGG TCTTTGTAGA CTGCCTGATG GAGTCTCATG GCACAAGAAG 60

配列番号:1328

TGTAAA

126

ATTAAAACAG TGTCTCCAAT TTTAATAAAT TTTTGCCCAT TTCTTATTAA AAAAACTTGT 120

配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01478

配列:

GATCCATCTG TGTAGTTTCT GAACAGTCAG CGATTCCAGG TTTTAAATAG TTTGTAAATT 60
TTCAGTTTCT ACACACTTTA TCATCCNCTC GTGATTTTTT AATTAAAGCG TTTTAATTCC 120
TTTCTCAAA 129

配列番号:1329 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01479

配列:

GATCCATGCT TTACTGTGTT TAATGGGGGT AACAGGGGTC CCTACAGCCC TCCCAGCTAA 60 ACATTTGGAA CAAAACACCA GCCCTTTTGT AGTGGATGCA GAATAAAATT GTTAATCCAA 120 TCAAA 125

配列番号:1330 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01481

配列

GATCTGTGTT GAAAGTNGTA TATTTTTATC TGTNCGGTGC TGAGTGCAGG CCACCAGCTC 60 CTAAATAGAG GTTCCCTATA TGCGCGTATG ACATGGTGAA TAAACACAAC TCTCTCCACT 120 CAAA 124

配列番号:1331 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01482

配列:

GATCGTTGTA ATTNNTTGAC ATTCCTTTNA GAAGTTGTGA AATGTTACAA CTTGTNCTTA 60 TGTAGACACA ATCTCCTGTC TCAGTACAGA GGCACTGACT TCAATAAAGT CTATTTATAC 120 TAAA 124

配列番号:1332 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01483

GATCAAAAAA TGGAAATGTA TAATTAAATC ATACTTAGCA AATCTAACAC ATGAAATGTA 60 ACATCTGCAT ATGGAGAATC GTGTTACTTT ATTGAAAAAC ATTAAANGTT TGAGANCTTA 120 AGTTGGAAA 129

配列番号:1333 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01484

配列:

GATCTGCCAA GATTCTTTGA ATACAGATAA TTAATGTAAA CAATTATCAT AAGTATACTA 60 ACATGTTATN CTTTTTAAAT AAGAAGGTAT AATAAAATAT CCCATTGGTT TNATGTATTA 120 AA 122

配列番号:1334 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01485

配列

GATCGGGCCN TTGGCTGTAA GACCCGACCC TTCGAGAACC CGANACGAAA CGCTCCATTA 60 CCACTGCNCA GTGAGATGAG GGACTCACAG TTCCAAGAGG NTTCTTTCCC GTGGNCCCCT 120 NN 122

配列番号:1335 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01486

配列:

GATCCAACCC TGTACTGATA GTACTTCCCA GTATGATATT GTGATGTTTC ATACAATGCA 60 GTGAACATAA CCAACTTGTT ACCTAAATAA AGANTTGATA AAAACAGTGT GACATATTAA 120 A 121

配列番号:1336 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01487

配列:

GATCAAGGTC TGCAAGGGAA TTCTTGTGTG CTGCTTTCCA TTTGACACCG CAGTTCTGTT 60 CAGCCATCAG AAGAGAGACA AGGNATTAAA AATTTCTTTT TAATCNNGTT ACCAAATAAA 120

配列番号:1337 配列の長さ:119

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01488

配列:

GATCTAGTAG GCACGTCTGT CAACAGGACA CATGCCTCCT CTGACTATAA CCTCTTAATA 60 GTTGTGTATA ATGAAAACTG TAAACTTTTT TAAATAAACN GTGTATATAC CTTGGCAAA 119

配列番号:1338 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01489

配列:

GATCCTGAAG CCATGGTTTC TTCCCTGCCA GAAATGAAAG GTTCAGTTAT GAGGCAACCC 60 TCTAGTAAGG CATTGTAAAA GTTACTGGAT TTGGTTTAAT AAAAGTTGAA ATAAAGTAAA 120

配列番号:1339 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01490

配列:

GATCTTCCGA GTGCTTGGGG CCCACAGAGA CATCATCCTG GAGAGCATTC CCACTGACAA 60
CCCAGAGGCG CACAGCAACC TCTACATCCT CACGGGCCAC CAGAGCACCT ACTAAGAGCA 120
GCGGGCCTGT CCAGGGGCTC CCCGNCCCAC CCCACGCCTT AGCTGCAGGC CCTTTTGGGC 180
AAAGGGGCCC ATCCTGGGCC ATCCATTCCA TTTTGTTCCA CATTTCCTTT CTACTCTTTC 240
TGCCAAGAGN CTGCCCCTGC ATTTGTCCTG GGAAACACGG TATTTAAGAG AGAACTATAT 300
TGGTATTAAA GNTGGTTTGT TN 322

配列番号:1340 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01491

配列:

GATCTTTGGA GCAAAAGCCA ACGGCAGGAA AAAATAGTTT GTACCAGTTT CATGAAGTAT 60 GTCTTTGGGT TTTTGTAAAT AATTTTAACT CAAATAAAAT TGCTACTTTC AATACAAA 118

配列番号:1341 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01492

配列:

GATCAGAATN AAATNTGTAT AGAGCAGAGT TTTAAAATGA ATGTAAATAG CACTAAACGT 60

NTNCTTTCTG CAACCTGTAC TTACAGATTC TCCCTGTAAA CTAAATAAAA AAAAANTN 118

配列番号:1342 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01493

配列:

GATCACAAAA TGTGCATGAG NGTTATTNAC TTTATTCTNG TACAGTACTA GGATTCCTGT 60
AACCACTCTT TTTTTTCTTC GNNGTATTGA AAACTGGTTC AGTGTTAACC AGGCAAGN 118

配列番号:1343 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01494

配列:

GATCAATTCA CTTAAAAGNA TGGCCCANAT AGCACNNATA GGACCAAGGG ACACATGTAG 60
TCANTTTTTA AAAACATGTA CTTGGTCTTT TGTGTGTGTC TGTTATATTC CATTAGAN 118

配列番号:1344 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01495

配列:

GATCCCAGGA GAGCTGGGCT ATGACTGCAA TAAGGAGTTG TTCCTTCACC TGAGATGTGC 60
TTCTTTTGGT TCATTTCTGG CTTGACAACA AGAAATAAAC GTGGTATGTT CCTGAAA 117

配列番号:1345 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01496

配列:

GATCTTGAGG GACCCAACAT TTGTAGGGGC ACTAATCCAG CCCTTAAATC CCCCAGCTTC 60
CAAACTTGAG GCCCACCATC TCCACCATCT GGTAATAAAC TCATGTTTTC TCTGCTAAA 119

配列番号:1346 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:KUMGS01497

配列:

GATCAGATTT GGGTGGGAGA AAGAAGTGGG TATCAAGGGT GATTTGAATT TTCTGCAGCA 60

TTAAAGTGGC GTTAATAAGA TAAGTAATAA TAAAGAATTC TAACATCCAT GTCAAA 116

配列番号:1347 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01498

配列:

GATCCGGTGG AAATCCAAGC TCTGGGCTGG TAATTTTTAT GAGCATTTTC AGCTTTTGCA 60
AATACAAAAT ATAATNCTTT ACAAAAATAA ATTTTTATNC TAATCTAAAT CTGAAA 116

配列番号:1348 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01499

配列:

GATCTTCTCT ATGATTGATA CATGGCACAG TGAGAGATTA ATGGGCATTG TGTACAAATT 60 GCTTCTCACC ATCCCCATTA GACCTACGAA TAAAGCATCC GGTTCTAAAA TTAAA 115

配列番号:1349 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01500

配列:

GATCTTTTG TAAAAGGACC AAATGTTCTT TTATAAATGT AATAAGGAAT ATCTTGCTCT 60
TTAAAATTTA TTAGGNNTTT AATGAGTAAT TTTNATTAAA AGATTTCTTT TTTTGAAA 118

配列番号:1350 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01501

配列

GATECTATTT GTTTCATTTT ATTGTAAATN CCCATTTGCA TCAAAACCTA ATNATAGTGA 60
TNGGTAAGTA AAAACAAATG GTGTATTGCT TTTCATACAA GTGTTTTCAC AAAAGCCATT 120
TGCCTAGGCA GCAAAAAATA TTAATTTGTT AAAAAAAATT TTCCTTCGTG TCCATCCNCA 180
NAAANTNGNG NN 192

配列番号:1351 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01502

GATCTGTGGA CTTTCATCAN ATTATGAGAC TNNCTCAATT TCATGACTGT ACTACCTGAA 60

ACAAAGTGAG AAAGGACAGG	TGTATTTTNN	TAAGTCATCA	AGATAAATCC	TTAAN	115
配列番号:1352					
配列の長さ:150	,				
配列の型:核酸		•			
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS01503	3				
配列:					
GATCTTAGTT TGTAGCTTAT					60
GGCGCCCAAA GCATTGTGGA		GTTTTGTCTT	TTTTTTTTT	TTTTTTNAAG	
CCATGNCANC CCNGANGGGG	CCAGNGANTN				150
配列番号:1353				•	•
配列の長さ:113					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0150	5				
配列:					
GATCGNNAAG AGGTTACCCA					60
TCTAGCAAAG AGGCACCCTA	AGTGGTCCAT	GAAGAGTTTA	ATTTTATNTT	AAN	113
配列番号:1354					
配列の長さ:113					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0150	6				
配列:	d				
GATCGGGTTT AGACGNNAGN					60
TTAGGTCTTC TTAAAATGGT	ATCTGTAAAC	ATGTGTCCAA	TATAAAANCT	ATN	113
配列番号:1355					
配列の長さ:411		•			
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	_				
クローン名:HUMGS0150	7				
配列:					•
GATCCTCCCT GCCCGCGAAG					
AAGTTAGGTT AAAAACCAAA					
CCAGACAAAT GGAAAAAAAA	•				
TGCGACATAG GAAAATAACC					
TTCTTCTATC TGTTCCATCT					
GGAGTCGGGG TAGGGGGTAC					
TCACTTGTCC ATGANAATAT	ITIMUUMIAI	IAANUUUNAAI	CITTIGAWWW	Λ	411

クローン名:HUMGS01512

配列:

配列番号:1356			
配列の長さ:112			
一配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS01508			
配列:			
GATCATGGTG TAATAAGACA TAACGTTTTT CCTTTAAAAA A	AATTTAAGTG	CGTGTGTAGA	60
GTTAAGAAGC TGTTGTACAT TTATGATTTA ATAAAATAAT T			112
•			
配列番号:1357			
配列の長さ:112			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUMGS01509			•
配列:			
GATCAAGTGC ATTTGACAGA AAAGTTCAGT TTCTTGGGAA G	GAAACACCTT :	TTAAGCTGAA	60
TGGAGAAAAT NCCAAAATAA ATTATATCAC CACAATGGTG T	TATACTCAGA	AA .	112
配列番号:1358	•		
配列の長さ:112			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUMGS01510		•	
配列:			
GATCTGGGAA AAAAACAAGA GACTCAATGG AGACAGAAGA A			
CTNCNTTCTN AAAAANTATC TACCCCATTT GGTGAAGTGA A	AAANCAGAAA	AN	112
配列番号:1359			
配列の長さ:112			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUNGS01511			
配列:			
GATCCTGGTT GGAGTAAACA TTCCATGGGA ACTCGGGCTG T	FNAGAATNTC	CTAACCACCT	60
GANTGCAGAA ACATCCTTAT CACATCCTNC TGGGAAAGNC C	CAACAGCCTG	AN	112
配列番号: 1360			
配列の長さ:112			
配列の型:核酸			
トポロジー・直鎖状			

112

GATCCATCAC CTGNGCAGCA TAACTGGCTT CNNCTCAGTC ATCCACACAA CACCAGGACT 60

TAAGACAAAT GGGACTCCCT GTCATCTNGA GCTATNCATT TATTTAAACT GN

配列番号:1361 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUHGS01513

配列:

GATCCCTTCA TTGATGTTTG GAAATTCCAT ATTACATTTT GCACGATATG GTACACATAG 60
TACTTTGGTG TACCTGCTTT TGAAAAATAA AGCTTTGGTC ACCCGGTGAA A 111

配列番号:1362 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01514

配列:

GATCAGAGAA TGCAGCAGCA GTTTTTTCC TNGTTTNCTT ACCACTTTAT TCTTTCANAG 60 TTTAAAGAAA ATGGACTCAT GCACAGAACA CTATGCATTT NAAAACTNGT N 111

配列番号:1363 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01515

配列·

GATCGGGGGC GTANATNCAT AGTAGTTTTT ACAGCTGTGT TATTCTTTGC GTGTAGCTAT 60
GGAAGTTGCA TAATTATTAT TATNATTATN ATAACANGTG TGTCTTACGT N 111

配列番号:1364 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01516

配列:

GATCTCAAAA CAGTGCTAAA ATCAAAGNTG TNGACTGTAA AGAAAAACAT GTATATATAT 60 TGCACCTNAA AGTTGTCAGA AGNTAGAAAC TNAAATAAAC TAACTTTAAA 110

配列番号:1365 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS01517

配列:

GATCCCACGC CACAGCCTTT TGNTNTGCAA CTGCCTTCTT CGGAAAGAAG AAGTGGGAGG 60 ATGTGAATTT TAGTTCTGAG TTTACCAAAT AAAGAGATAT AAGACGAAA 109

配列番号:1366 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01518

配列:

GATCATGTAC TGAAGTAGTT TAAGCAGGCT GGCTAACTTA GACTNATTGA TTCTGCNTTT 60 GTACTNNAAT AGGGGTTATA ATTGTAAGAT AAAAATGTGT GTGTNCAAN 109

配列番号:1367 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01519

配列:

GATCTGGGGG TTTCTTCATA TTCCTGCTGT TGGAAGCAGT TGACCAGAAA TGCTTGNCAG 60
NACTGCCAAA GCACTGCTGT GAAATGTGAA GTACTTTGTT TTTTTATTTT TAATNATTTT 120
CTTTTTGTTA TTAATATTTT TCTCTGTTCC TTTGTTATTA CTTGCATGGT TTGGCGTCAG 180
AAGTCCTTAC CTCTTTATAT TGTTTGCAGG TTTAAATAAA ACAGTGTGGT GCCAAA 236

配列番号:1368 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01520

配列:

GATCTTGAAG TTATTTTAA GACATACATT TGGTAAGTAA GTTGGTCCCA GGAATGTATG 60
TNNTTNAAAC CCTTTCTAAA TATGCAGNCA TTAATAAATA ANATTGTN 108

配列番号:1369 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01521

配列:

GATCCAACCC AAATCAAATT GTTAAATGCC CTCTTGAATT TTTTTGTCTG TTATTTAATT 60 ATATGGTGGA ATTAATAATA AAATAAACTT CATGTCTCTG ATTCAAA 107

配列番号:1370 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01522

GATCTNGAGC TCTGTCTTCA GCAGATTTCA GGTGTAACAT TTGTTAACTC GTACTNGAAG 60 GTGTGTCCTC AAGAAGAAG TNTTCAAATT AAAAAAGCTG CTGCAAA 107

配列番号:1371 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01523

配列:

GATCATGTAC ATTGTAACGT GTGTCGTCAG TACTGCAGTT CCTCAACTTT NTTTGTCTNT 60
NATTACCATG ACATTTTTAA AGATACAGCT ATTTTNTCGA TGTNAAA 107

配列番号:1372 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01524

配列:

GATCACATCT AAAGCTTTAT CTTTGTGTAA TCTAAGTATA TGTGAGAAAT CAGAATTGGC 60
ATAATTTGTC TTAGTTGATA TTCAAGGCTT TAAAAGTCAT TATTCCTGGG CTTGGTAAGT 120
GAATTTATGA GATTTACTGC TCTAGAAAGT ATAGATGGCG AAAGGACCGT TTTGTATTGC 180
TCCTGATTA CCAGTCTGAT TATACCATGT GTGCTAATAT ACTTTTTTTG TTATAGATTG 240
TCTTAATGGT AGGTCAAGTA ATAAAAAAGA GATGAAATAA TTTAAA 286

配列番号:1373 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01525

配列:

GATCCGCGCA CCTAAGCCTC CCAAAGTNCT GGAATTACAG GCATGANCTA CCATNCCTGG 60 CCTTCTAATG TTTTTCNTAA TTAAGGCTCT NAACTTCCAA GACTGTN 107

配列番号:1374 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01526

配列:

GATCTAGAGG NGAGAAAAAG ATGANTTGCT CCTTACATTC GATAATCAGT GACCACGAAA 60 CACTCAGACC AGAGCCTGGC TTATCAAAAA CCTTNAGTGA GNNCTN 106

配列番号:1375 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01527

配列:

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGCAGAGAAA AGAGAAAGGN TTTATATACG GTACTTATTT 60
AATATCCCTT TTTAATTAGA AATTAAAACA GTTAATNCNC TTCAAA 106

配列番号:1376 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01528

配列:

GATCCTGAGC TCCCTTTGCA GTCTGAAAAA GGTATTGCAG TCAGAACTGT GTACTGATGA 60
TAAANGCCTC TGGTAGCAAT AAAAAGTTGT CCCTAACAAA AGAGGCAAAA AAATAAA 117

配列番号:1377 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01529

配列:

GATCCAGCAA ACAGGTTCTN TTTAAGAAAA ATAATTTATA CTAAATTNAG TAAAATGGAC 60 TTCTTATTCA AAGCATCAAT AATTAAAAGA NTTATTTNAA TGAAA 105

配列番号:1378 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01530

配列:

GATCAGCAAA ATGAGATAAA TGTTTCTNTT TTCCTTTCTG ACTGCATTAA ATCAGATACA 60 ACTCAGCATT AAAAAGCTAT CTNTGTAAAT NTNGTNACTA ATAAN 105

配列番号:1379 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01531

配列:

GATCTAACAC GAGGAACATA TCATGGAAAG TGCATNGTAT NTATTTTAGG GTTATGAGTT 60 CTTTCAAGGG CTAAGNTGCA GAGNATTTCC TCCANGAATC GTGTN 105

配列番号:1380 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01532

配列:

GATCAGGTTA CATGAGGGNT CACTCTTCTT GTTGTACANN CTGTGAGTTC GGGCAAATNT 60
GTAATGGCAT ATCTCCACTA TTACAGTNTC ACACAGAATT ATTTN 105

配列番号:1381 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01533

配列

GATCGGTGCG TTCTCCTGAT GTTTTNCCNT GGCTTGGGGA TTGTACACGG GACCAGCTCA 60
CGTAATGCAT TGCCTGTAAC AATGTAATAA AAAGCCTCTT TCTTTTTGGG GTGGNNNTTG 120
TCCTTCTGTC AGCTAAAATG GGAGCTCATG AGAGAAGGAC GTCAGGGAAA CGGGGTTGAG 180
GGTGGTCTCG GTGCAGAGAG AAGGGTGTCA GGGAAACGGG GGGTGAGGGT GGTCTTGGTG 240
CCAGACGTAG GGAATGGTGT TGGGAGTGGC CCGAGTGCCT GGCACAGTTG TCTNGTTCAT 300
TCATGTAACA TGATAATTT TAAATCATTA AA 332

配列番号:1382 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01534

配列:

GATCCTGCTG CTGTAATGGG AACCCCTCCC CCATTTACTT CTCCACCTCC CGTCCTCCCC 60 ATCATTGGTT TTTTTTTGTG TGTCAACTGT GCCGTTTTTA TTTTATTCCT TTTATTTTCC 120 CCCTTTTCAC AGAGAAATAA AGGTCTAGAA GTAGAAA 157

配列番号:1383 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01535

配列。

GATCTACTGT TTGTTGAAGT GTGGGAAAAT AGCCTCTCTA AGGCAGCCCA GATGGGACCA 60
AAATCAGTAC AAACATATTT AAGTAAATTT TAAAATGCGT AAA 103

配列番号:1384 配列の長さ:284 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS01537

配列:

GATCCCCTTG TCCCTGGAGT AGGGACTAAC TATAGCACAA AGTAATATGT GCCAATGCTA 60